



Full wwPDB EM Validation Report (i)

Nov 19, 2022 – 03:47 pm GMT

PDB ID : 5NP0
EMDB ID : EMD-3669
Title : Closed dimer of human ATM (Ataxia telangiectasia mutated)
Authors : Baretic, D.; Pollard, H.K.; Fisher, D.I.; Johnson, C.M.; Santhanam, B.; Truman, C.M.; Kouba, T.; Fersht, A.R.; Phillips, C.; Williams, R.L.
Deposited on : 2017-04-13
Resolution : 5.70 Å(reported)
Based on initial model : 4JSP

This is a Full wwPDB EM Validation Report for a publicly released PDB entry.

We welcome your comments at validation@mail.wwpdb.org
A user guide is available at
<https://www.wwpdb.org/validation/2017/EMValidationReportHelp>
with specific help available everywhere you see the (i) symbol.

The types of validation reports are described at
<http://www.wwpdb.org/validation/2017/FAQs#types>.

The following versions of software and data (see [references \(i\)](#)) were used in the production of this report:

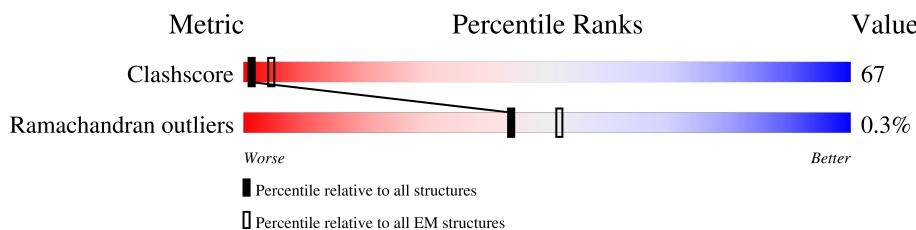
EMDB validation analysis : 0.0.1.dev43
MolProbity : 4.02b-467
Percentile statistics : 20191225.v01 (using entries in the PDB archive December 25th 2019)
MapQ : 1.9.9
Ideal geometry (proteins) : Engh & Huber (2001)
Ideal geometry (DNA, RNA) : Parkinson et al. (1996)
Validation Pipeline (wwPDB-VP) : 2.31.2

1 Overall quality at a glance

The following experimental techniques were used to determine the structure:
ELECTRON MICROSCOPY

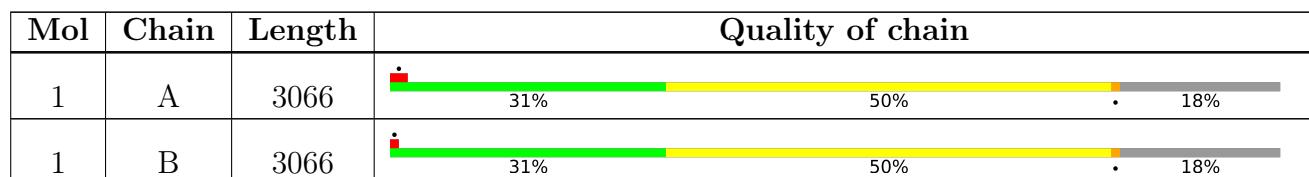
The reported resolution of this entry is 5.70 Å.

Percentile scores (ranging between 0-100) for global validation metrics of the entry are shown in the following graphic. The table shows the number of entries on which the scores are based.



Metric	Whole archive (#Entries)	EM structures (#Entries)
Clashscore	158937	4297
Ramachandran outliers	154571	4023

The table below summarises the geometric issues observed across the polymeric chains and their fit to the map. The red, orange, yellow and green segments of the bar indicate the fraction of residues that contain outliers for >=3, 2, 1 and 0 types of geometric quality criteria respectively. A grey segment represents the fraction of residues that are not modelled. The numeric value for each fraction is indicated below the corresponding segment, with a dot representing fractions <=5%. The upper red bar (where present) indicates the fraction of residues that have poor fit to the EM map (all-atom inclusion < 40%). The numeric value is given above the bar.



2 Entry composition (i)

There is only 1 type of molecule in this entry. The entry contains 25074 atoms, of which 0 are hydrogens and 0 are deuteriums.

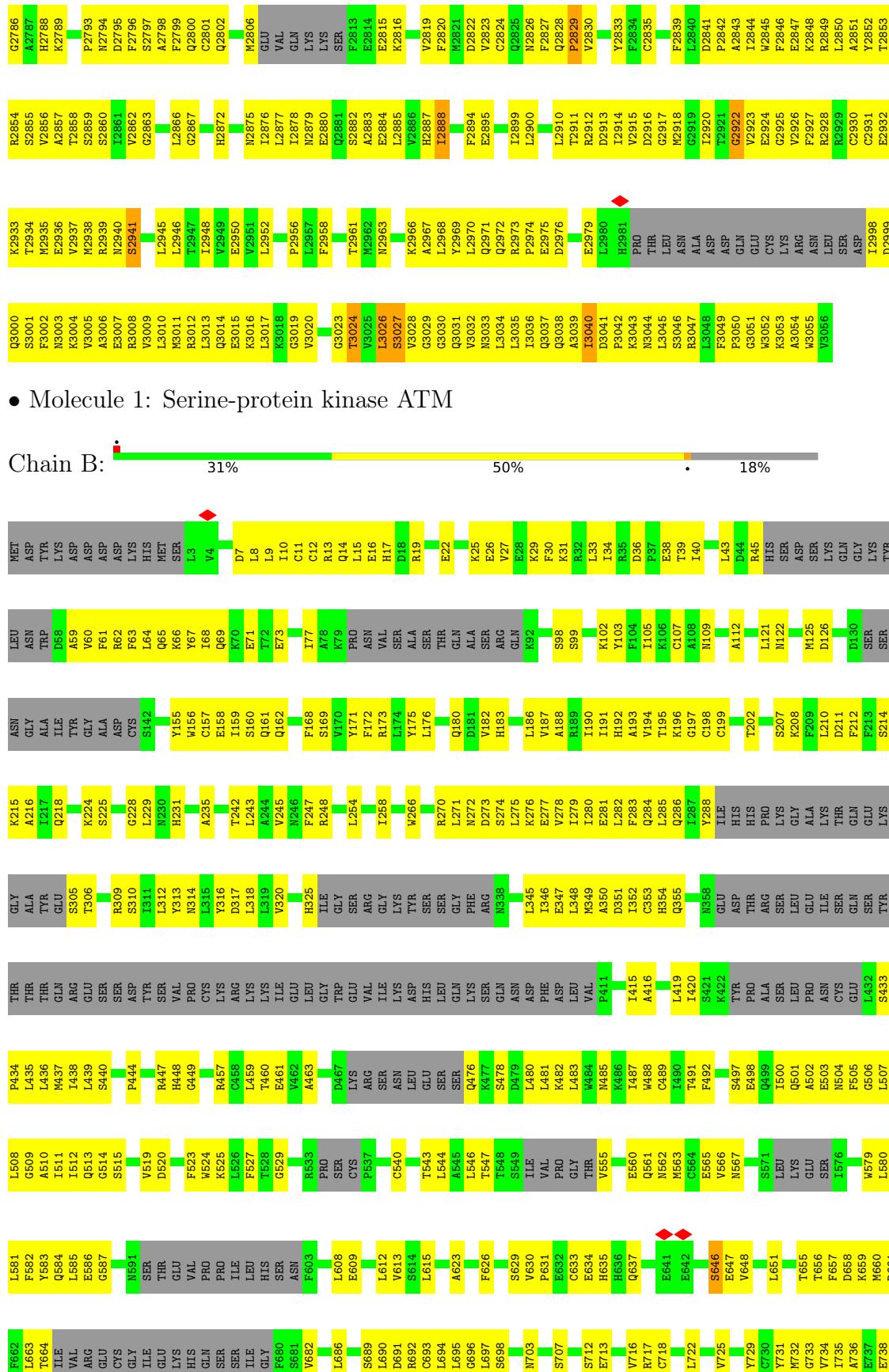
In the tables below, the AltConf column contains the number of residues with at least one atom in alternate conformation and the Trace column contains the number of residues modelled with at most 2 atoms.

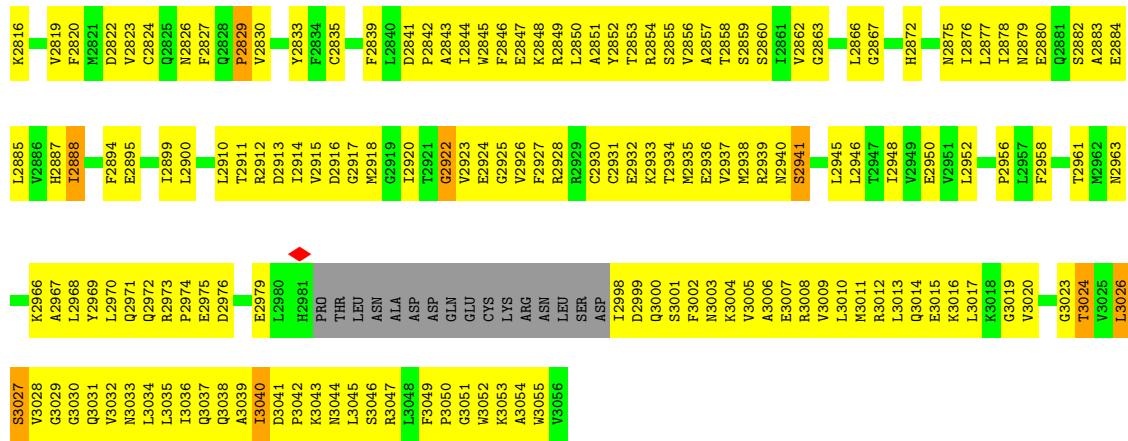
- Molecule 1 is a protein called Serine-protein kinase ATM.

Mol	Chain	Residues	Atoms				AltConf	Trace
1	A	2528	Total	C	N	O	0	0
			12537	7481	2528	2528		
1	B	2528	Total	C	N	O	0	0
			12537	7481	2528	2528		

There are 20 discrepancies between the modelled and reference sequences:

Chain	Residue	Modelled	Actual	Comment	Reference
A	-9	MET	-	initiating methionine	UNP Q13315
A	-8	ASP	-	expression tag	UNP Q13315
A	-7	TYR	-	expression tag	UNP Q13315
A	-6	LYS	-	expression tag	UNP Q13315
A	-5	ASP	-	expression tag	UNP Q13315
A	-4	ASP	-	expression tag	UNP Q13315
A	-3	ASP	-	expression tag	UNP Q13315
A	-2	ASP	-	expression tag	UNP Q13315
A	-1	LYS	-	expression tag	UNP Q13315
A	0	HIS	-	expression tag	UNP Q13315
B	-9	MET	-	initiating methionine	UNP Q13315
B	-8	ASP	-	expression tag	UNP Q13315
B	-7	TYR	-	expression tag	UNP Q13315
B	-6	LYS	-	expression tag	UNP Q13315
B	-5	ASP	-	expression tag	UNP Q13315
B	-4	ASP	-	expression tag	UNP Q13315
B	-3	ASP	-	expression tag	UNP Q13315
B	-2	ASP	-	expression tag	UNP Q13315
B	-1	LYS	-	expression tag	UNP Q13315
B	0	HIS	-	expression tag	UNP Q13315





4 Experimental information (i)

Property	Value	Source
EM reconstruction method	SINGLE PARTICLE	Depositor
Imposed symmetry	POINT, C1	Depositor
Number of particles used	25315	Depositor
Resolution determination method	FSC 0.143 CUT-OFF	Depositor
CTF correction method	PHASE FLIPPING ONLY	Depositor
Microscope	FEI TITAN KRIOS	Depositor
Voltage (kV)	300	Depositor
Electron dose ($e^-/\text{\AA}^2$)	2.1	Depositor
Minimum defocus (nm)	2500	Depositor
Maximum defocus (nm)	4000	Depositor
Magnification	35714	Depositor
Image detector	GATAN K2 SUMMIT (4k x 4k)	Depositor
Maximum map value	0.099	Depositor
Minimum map value	-0.029	Depositor
Average map value	-0.000	Depositor
Map value standard deviation	0.004	Depositor
Recommended contour level	0.03	Depositor
Map size (Å)	428.99997, 428.99997, 428.99997	wwPDB
Map dimensions	300, 300, 300	wwPDB
Map angles (°)	90.0, 90.0, 90.0	wwPDB
Pixel spacing (Å)	1.43, 1.43, 1.43	Depositor

5 Model quality [\(i\)](#)

5.1 Standard geometry [\(i\)](#)

The Z score for a bond length (or angle) is the number of standard deviations the observed value is removed from the expected value. A bond length (or angle) with $|Z| > 5$ is considered an outlier worth inspection. RMSZ is the root-mean-square of all Z scores of the bond lengths (or angles).

Mol	Chain	Bond lengths		Bond angles	
		RMSZ	# $ Z > 5$	RMSZ	# $ Z > 5$
1	A	0.48	0/12490	0.62	6/17349 (0.0%)
1	B	0.48	0/12490	0.62	6/17349 (0.0%)
All	All	0.48	0/24980	0.62	12/34698 (0.0%)

Chiral center outliers are detected by calculating the chiral volume of a chiral center and verifying if the center is modelled as a planar moiety or with the opposite hand. A planarity outlier is detected by checking planarity of atoms in a peptide group, atoms in a mainchain group or atoms of a sidechain that are expected to be planar.

Mol	Chain	#Chirality outliers	#Planarity outliers
1	A	0	53
1	B	0	53
All	All	0	106

There are no bond length outliers.

All (12) bond angle outliers are listed below:

Mol	Chain	Res	Type	Atoms	Z	Observed($^{\circ}$)	Ideal($^{\circ}$)
1	A	2765	GLY	N-CA-C	9.33	136.44	113.10
1	B	2765	GLY	N-CA-C	9.31	136.38	113.10
1	A	1925	GLY	N-CA-C	-7.59	94.13	113.10
1	B	1925	GLY	N-CA-C	-7.58	94.15	113.10
1	B	2307	LEU	N-CA-C	-6.09	94.56	111.00
1	A	2307	LEU	N-CA-C	-6.08	94.59	111.00
1	A	1053	ASP	C-N-CA	-5.76	97.81	122.00
1	B	1053	ASP	C-N-CA	-5.76	97.82	122.00
1	A	1924	SER	C-N-CA	-5.53	110.68	122.30
1	B	1924	SER	C-N-CA	-5.53	110.70	122.30
1	B	1353	GLU	C-N-CA	5.39	144.63	122.00
1	A	1353	GLU	C-N-CA	5.38	144.61	122.00

There are no chirality outliers.

All (106) planarity outliers are listed below:

Mol	Chain	Res	Type	Group
1	A	1001	LEU	Peptide
1	A	1053	ASP	Peptide
1	A	1054	PRO	Peptide
1	A	1254	VAL	Peptide
1	A	1303	THR	Peptide
1	A	1315	ALA	Peptide
1	A	1354	PRO	Peptide
1	A	1447	SER	Peptide
1	A	1454	LYS	Peptide
1	A	1456	GLY	Peptide
1	A	1482	CYS	Peptide
1	A	1512	ALA	Peptide
1	A	1591	LEU	Peptide
1	A	1624	HIS	Peptide
1	A	1629	VAL	Peptide
1	A	1687	ALA	Peptide
1	A	1727	VAL	Peptide
1	A	1728	LYS	Peptide
1	A	1758	ASP	Peptide
1	A	1839	GLN	Peptide
1	A	1900	CYS	Peptide
1	A	1901	LEU	Peptide
1	A	1934	LEU	Peptide
1	A	1935	ASP	Peptide
1	A	1936	LEU	Peptide
1	A	1997	THR	Peptide
1	A	2028	GLN	Peptide
1	A	2085	ASP	Peptide
1	A	2168	SER	Peptide
1	A	2268	THR	Peptide
1	A	2283	SER	Peptide
1	A	2301	ALA	Peptide
1	A	2357	MET	Peptide
1	A	2569	ASP	Peptide
1	A	2665	PRO	Peptide
1	A	2669	ILE	Peptide
1	A	2683	ILE	Peptide
1	A	2696	VAL	Peptide
1	A	2699	PRO	Peptide
1	A	2764	SER	Peptide
1	A	2774	VAL	Peptide
1	A	2888	ILE	Peptide

Continued on next page...

Continued from previous page...

Mol	Chain	Res	Type	Group
1	A	2900	LEU	Peptide
1	A	2922	GLY	Peptide
1	A	2941	SER	Peptide
1	A	2963	ASN	Peptide
1	A	3024	THR	Peptide
1	A	3026	LEU	Peptide
1	A	3027	SER	Peptide
1	A	3040	ILE	Peptide
1	A	39	THR	Peptide
1	A	497	SER	Peptide
1	A	646	SER	Peptide
1	B	1001	LEU	Peptide
1	B	1053	ASP	Peptide
1	B	1054	PRO	Peptide
1	B	1254	VAL	Peptide
1	B	1303	THR	Peptide
1	B	1315	ALA	Peptide
1	B	1354	PRO	Peptide
1	B	1447	SER	Peptide
1	B	1454	LYS	Peptide
1	B	1456	GLY	Peptide
1	B	1482	CYS	Peptide
1	B	1512	ALA	Peptide
1	B	1591	LEU	Peptide
1	B	1624	HIS	Peptide
1	B	1629	VAL	Peptide
1	B	1687	ALA	Peptide
1	B	1727	VAL	Peptide
1	B	1728	LYS	Peptide
1	B	1758	ASP	Peptide
1	B	1839	GLN	Peptide
1	B	1900	CYS	Peptide
1	B	1901	LEU	Peptide
1	B	1934	LEU	Peptide
1	B	1935	ASP	Peptide
1	B	1936	LEU	Peptide
1	B	1997	THR	Peptide
1	B	2028	GLN	Peptide
1	B	2085	ASP	Peptide
1	B	2168	SER	Peptide
1	B	2268	THR	Peptide
1	B	2283	SER	Peptide

Continued on next page...

Continued from previous page...

Mol	Chain	Res	Type	Group
1	B	2301	ALA	Peptide
1	B	2357	MET	Peptide
1	B	2569	ASP	Peptide
1	B	2665	PRO	Peptide
1	B	2669	ILE	Peptide
1	B	2683	ILE	Peptide
1	B	2696	VAL	Peptide
1	B	2699	PRO	Peptide
1	B	2764	SER	Peptide
1	B	2774	VAL	Peptide
1	B	2888	ILE	Peptide
1	B	2900	LEU	Peptide
1	B	2922	GLY	Peptide
1	B	2941	SER	Peptide
1	B	2963	ASN	Peptide
1	B	3024	THR	Peptide
1	B	3026	LEU	Peptide
1	B	3027	SER	Peptide
1	B	3040	ILE	Peptide
1	B	39	THR	Peptide
1	B	497	SER	Peptide
1	B	646	SER	Peptide

5.2 Too-close contacts [\(i\)](#)

In the following table, the Non-H and H(model) columns list the number of non-hydrogen atoms and hydrogen atoms in the chain respectively. The H(added) column lists the number of hydrogen atoms added and optimized by MolProbity. The Clashes column lists the number of clashes within the asymmetric unit, whereas Symm-Clashes lists symmetry-related clashes.

Mol	Chain	Non-H	H(model)	H(added)	Clashes	Symm-Clashes
1	A	12537	0	5446	1207	0
1	B	12537	0	5446	1207	0
All	All	25074	0	10892	2413	0

The all-atom clashscore is defined as the number of clashes found per 1000 atoms (including hydrogen atoms). The all-atom clashscore for this structure is 67.

All (2413) close contacts within the same asymmetric unit are listed below, sorted by their clash magnitude.

Atom-1	Atom-2	Interatomic distance (Å)	Clash overlap (Å)
1:B:2095:LEU:O	1:B:2099:HIS:N	1.93	1.02
1:B:3013:LEU:O	1:B:3017:LEU:N	1.92	1.02
1:A:2068:LEU:O	1:A:2072:GLY:N	1.93	1.01
1:A:3013:LEU:O	1:A:3017:LEU:N	1.92	1.01
1:A:1955:LEU:O	1:A:1959:GLU:N	1.94	1.01
1:A:2095:LEU:O	1:A:2099:HIS:N	1.93	1.00
1:B:1856:GLU:O	1:B:1860:ASN:N	1.93	1.00
1:A:1856:GLU:O	1:A:1860:ASN:N	1.93	1.00
1:A:2398:TYR:O	1:A:2402:GLU:N	1.95	0.99
1:B:2068:LEU:O	1:B:2072:GLY:N	1.93	0.99
1:B:1955:LEU:O	1:B:1959:GLU:N	1.94	0.98
1:B:2200:GLU:O	1:B:2204:LYS:N	1.95	0.98
1:B:2401:ILE:O	1:B:2405:MET:N	1.97	0.98
1:B:2398:TYR:O	1:B:2402:GLU:N	1.95	0.98
1:B:1596:HIS:O	1:B:1600:VAL:N	1.97	0.98
1:B:2337:CYS:O	1:B:2341:CYS:N	1.97	0.98
1:A:2401:ILE:O	1:A:2405:MET:N	1.97	0.97
1:A:2200:GLU:O	1:A:2204:LYS:N	1.95	0.97
1:A:1596:HIS:O	1:A:1600:VAL:N	1.97	0.97
1:A:3009:VAL:O	1:A:3013:LEU:N	1.97	0.97
1:B:1927:ILE:O	1:B:1931:ALA:N	1.97	0.97
1:A:1823:ILE:O	1:A:1827:LEU:N	1.96	0.97
1:A:1633:ARG:O	1:A:1637:ASP:N	1.96	0.97
1:B:2317:LYS:O	1:B:2321:ALA:N	1.98	0.97
1:A:2337:CYS:O	1:A:2341:CYS:N	1.97	0.97
1:A:2312:LEU:O	1:A:2316:ILE:N	1.97	0.96
1:B:1823:ILE:O	1:B:1827:LEU:N	1.96	0.96
1:B:3009:VAL:O	1:B:3013:LEU:N	1.97	0.96
1:B:1633:ARG:O	1:B:1637:ASP:N	1.96	0.96
1:B:1812:ALA:O	1:B:1816:SER:N	1.98	0.96
1:A:2045:ALA:O	1:A:2049:TYR:N	1.98	0.96
1:A:2170:TYR:O	1:A:2174:SER:N	1.98	0.96
1:A:3028:VAL:O	1:A:3032:VAL:N	1.99	0.96
1:B:1611:LEU:O	1:B:1615:LYS:N	1.99	0.96
1:B:2006:LEU:O	1:B:2010:ARG:N	1.98	0.96
1:A:1611:LEU:O	1:A:1615:LYS:N	1.99	0.95
1:A:2317:LYS:O	1:A:2321:ALA:N	1.98	0.95
1:B:1600:VAL:O	1:B:1604:ASP:N	1.97	0.95
1:B:2170:TYR:O	1:B:2174:SER:N	1.99	0.95
1:B:2312:LEU:O	1:B:2316:ILE:N	1.97	0.95
1:A:1343:ILE:O	1:A:1347:LEU:N	1.99	0.95
1:A:1600:VAL:O	1:A:1604:ASP:N	1.97	0.95

Continued on next page...

Continued from previous page...

Atom-1	Atom-2	Interatomic distance (Å)	Clash overlap (Å)
1:B:1615:LYS:O	1:B:1619:ARG:N	2.00	0.95
1:B:3032:VAL:O	1:B:3036:ILE:N	1.99	0.95
1:A:2008:ILE:O	1:A:2012:ILE:N	1.99	0.95
1:A:1927:ILE:O	1:A:1931:ALA:N	1.97	0.95
1:A:2006:LEU:O	1:A:2010:ARG:N	1.98	0.95
1:B:2005:LEU:O	1:B:2009:TYR:N	1.98	0.95
1:B:2967:ALA:O	1:B:2971:GLN:N	1.99	0.95
1:A:1812:ALA:O	1:A:1816:SER:N	1.98	0.95
1:A:2005:LEU:O	1:A:2009:TYR:N	1.98	0.95
1:A:2033:LEU:O	1:A:2037:GLU:N	1.99	0.95
1:A:3032:VAL:O	1:A:3036:ILE:N	1.99	0.95
1:A:2967:ALA:O	1:A:2971:GLN:N	1.99	0.94
1:A:2276:PHE:O	1:A:2280:GLN:N	2.00	0.94
1:A:1958:ALA:O	1:A:1962:ALA:N	2.00	0.94
1:A:2298:VAL:HA	1:A:2301:ALA:HB3	1.49	0.94
1:A:2306:SER:H	1:A:2309:LEU:H	1.16	0.94
1:A:2627:TYR:O	1:A:2631:ALA:N	2.00	0.94
1:A:1368:PHE:O	1:A:1372:LEU:N	2.01	0.94
1:A:1712:PHE:O	1:A:1715:LEU:N	2.00	0.94
1:B:1712:PHE:O	1:B:1715:LEU:N	2.00	0.94
1:B:1343:ILE:O	1:B:1347:LEU:N	1.99	0.94
1:B:2033:LEU:O	1:B:2037:GLU:N	1.99	0.94
1:B:1863:SER:O	1:B:1867:GLN:N	2.01	0.94
1:B:2045:ALA:O	1:B:2049:TYR:N	1.98	0.94
1:B:2202:TYR:O	1:B:2206:GLN:N	2.01	0.94
1:B:2306:SER:H	1:B:2309:LEU:H	1.16	0.94
1:B:2310:SER:O	1:B:2314:GLN:N	2.00	0.94
1:B:3028:VAL:O	1:B:3032:VAL:N	1.99	0.94
1:A:1863:SER:O	1:A:1867:GLN:N	2.01	0.93
1:B:2627:TYR:O	1:B:2631:ALA:N	2.00	0.93
1:A:2077:LEU:O	1:A:2081:LEU:N	2.00	0.93
1:B:1722:LEU:O	1:B:1726:CYS:N	2.01	0.93
1:B:2008:ILE:O	1:B:2012:ILE:N	1.99	0.93
1:A:2310:SER:O	1:A:2314:GLN:N	2.00	0.93
1:A:2042:TRP:O	1:A:2046:LEU:N	2.01	0.93
1:A:2743:THR:O	1:A:2747:LYS:N	2.02	0.93
1:B:1822:GLU:O	1:B:1825:GLN:N	2.01	0.93
1:B:1866:VAL:O	1:B:1870:PHE:N	2.02	0.93
1:B:2077:LEU:O	1:B:2081:LEU:N	2.00	0.93
1:B:1368:PHE:O	1:B:1372:LEU:N	2.01	0.93
1:B:1749:PHE:O	1:B:1753:TYR:N	2.01	0.93

Continued on next page...

Continued from previous page...

Atom-1	Atom-2	Interatomic distance (Å)	Clash overlap (Å)
1:B:2298:VAL:HA	1:B:2301:ALA:HB3	1.49	0.93
1:B:2851:ALA:O	1:B:2855:SER:N	2.02	0.93
1:B:2001:LEU:O	1:B:2005:LEU:N	2.01	0.93
1:A:274:SER:O	1:A:279:ILE:N	2.03	0.92
1:A:1615:LYS:O	1:A:1619:ARG:N	2.00	0.92
1:A:1866:VAL:O	1:A:1870:PHE:N	2.02	0.92
1:A:2318:LYS:O	1:A:2322:SER:N	2.01	0.92
1:B:1867:GLN:O	1:B:1871:THR:N	2.02	0.92
1:A:2355:VAL:O	1:A:2359:THR:N	2.02	0.92
1:B:2276:PHE:O	1:B:2280:GLN:N	2.00	0.92
1:B:2998:ILE:O	1:B:3002:PHE:N	2.02	0.92
1:A:2001:LEU:O	1:A:2005:LEU:N	2.01	0.92
1:B:2743:THR:O	1:B:2747:LYS:N	2.02	0.92
1:A:2354:ALA:O	1:A:2358:GLN:N	2.02	0.92
1:B:2355:VAL:O	1:B:2359:THR:N	2.02	0.92
1:A:1822:GLU:O	1:A:1825:GLN:N	2.01	0.92
1:B:1958:ALA:O	1:B:1962:ALA:N	2.00	0.92
1:B:2042:TRP:O	1:B:2046:LEU:N	2.01	0.92
1:A:1717:TYR:O	1:A:1721:THR:N	2.01	0.92
1:A:2202:TYR:O	1:A:2206:GLN:N	2.01	0.92
1:B:2358:GLN:O	1:B:2362:GLU:N	2.01	0.92
1:B:3031:GLN:O	1:B:3035:LEU:N	2.03	0.92
1:A:1960:ILE:O	1:A:1964:LYS:N	2.02	0.92
1:A:2998:ILE:O	1:A:3002:PHE:N	2.03	0.92
1:A:1749:PHE:O	1:A:1753:TYR:N	2.01	0.92
1:A:1867:GLN:O	1:A:1871:THR:N	2.02	0.92
1:B:2252:THR:O	1:B:2256:VAL:N	2.03	0.92
1:B:2354:ALA:O	1:B:2358:GLN:N	2.02	0.92
1:B:2924:GLU:HA	1:B:2928:ARG:H	1.34	0.92
1:B:274:SER:O	1:B:279:ILE:N	2.03	0.91
1:B:2309:LEU:O	1:B:2313:LYS:N	2.03	0.91
1:B:2318:LYS:O	1:B:2322:SER:N	2.01	0.91
1:B:2395:ASP:O	1:B:2399:GLN:N	2.02	0.91
1:A:1412:PRO:O	1:A:1416:GLN:N	2.03	0.91
1:A:1722:LEU:O	1:A:1726:CYS:N	2.01	0.91
1:A:2927:PHE:O	1:A:2931:CYS:N	2.03	0.91
1:B:1491:PHE:O	1:B:1495:CYS:N	2.03	0.91
1:A:2924:GLU:HA	1:A:2928:ARG:H	1.34	0.91
1:B:1717:TYR:O	1:B:1721:THR:N	2.01	0.91
1:B:1960:ILE:O	1:B:1964:LYS:N	2.03	0.91
1:A:1910:LEU:O	1:A:1914:ASP:N	2.02	0.91

Continued on next page...

Continued from previous page...

Atom-1	Atom-2	Interatomic distance (Å)	Clash overlap (Å)
1:A:2358:GLN:O	1:A:2362:GLU:N	2.01	0.91
1:A:2395:ASP:O	1:A:2399:GLN:N	2.02	0.91
1:A:2912:ARG:O	1:A:2916:ASP:N	2.03	0.91
1:A:2309:LEU:O	1:A:2313:LYS:N	2.03	0.91
1:B:2843:ALA:O	1:B:2847:GLU:N	2.04	0.91
1:B:2927:PHE:O	1:B:2931:CYS:N	2.03	0.91
1:B:3034:LEU:O	1:B:3038:GLN:N	2.03	0.91
1:A:1491:PHE:O	1:A:1495:CYS:N	2.03	0.91
1:A:2843:ALA:O	1:A:2847:GLU:N	2.04	0.91
1:A:3031:GLN:O	1:A:3035:LEU:N	2.03	0.91
1:A:2004:LEU:O	1:A:2008:ILE:N	2.04	0.91
1:A:2458:ASP:O	1:A:2462:PHE:N	2.04	0.91
1:A:2851:ALA:O	1:A:2855:SER:N	2.02	0.91
1:B:2004:LEU:O	1:B:2008:ILE:N	2.04	0.91
1:B:2816:LYS:O	1:B:2820:PHE:N	2.04	0.91
1:A:2500:VAL:O	1:A:2504:MET:N	2.04	0.91
1:A:3011:MET:O	1:A:3015:GLU:N	2.03	0.91
1:B:3012:ARG:O	1:B:3016:LYS:N	2.04	0.91
1:B:2203:ILE:O	1:B:2207:LYS:N	2.03	0.91
1:B:2969:TYR:O	1:B:2973:ARG:N	2.04	0.91
1:A:2097:GLU:O	1:A:2101:GLN:N	2.04	0.91
1:A:2252:THR:O	1:A:2256:VAL:N	2.03	0.91
1:B:2500:VAL:O	1:B:2504:MET:N	2.04	0.91
1:B:3011:MET:O	1:B:3015:GLU:N	2.03	0.91
1:A:2314:GLN:O	1:A:2318:LYS:N	2.04	0.90
1:B:1412:PRO:O	1:B:1416:GLN:N	2.03	0.90
1:B:1661:HIS:O	1:B:1665:LYS:N	2.04	0.90
1:B:2412:ASN:O	1:B:2416:LEU:N	2.04	0.90
1:B:2912:ARG:O	1:B:2916:ASP:N	2.03	0.90
1:A:1458:GLY:O	1:A:1462:ALA:N	2.05	0.90
1:A:1864:THR:O	1:A:1868:GLY:N	2.04	0.90
1:A:1612:GLU:O	1:A:1616:ASP:N	2.04	0.90
1:A:2816:LYS:O	1:A:2820:PHE:N	2.04	0.90
1:A:2203:ILE:O	1:A:2207:LYS:N	2.03	0.90
1:B:1465:LEU:O	1:B:1469:ILE:N	2.05	0.90
1:B:1910:LEU:O	1:B:1914:ASP:N	2.02	0.90
1:B:2714:GLN:HA	1:B:2768:GLU:HA	1.54	0.90
1:A:2714:GLN:HA	1:A:2768:GLU:HA	1.54	0.90
1:A:3034:LEU:O	1:A:3038:GLN:N	2.03	0.90
1:A:1465:LEU:O	1:A:1469:ILE:N	2.05	0.90
1:B:1609:THR:O	1:B:1613:GLY:N	2.03	0.90

Continued on next page...

Continued from previous page...

Atom-1	Atom-2	Interatomic distance (Å)	Clash overlap (Å)
1:A:278:VAL:O	1:A:282:LEU:N	2.04	0.90
1:A:1609:THR:O	1:A:1613:GLY:N	2.03	0.90
1:A:3012:ARG:O	1:A:3016:LYS:N	2.04	0.90
1:B:1864:THR:O	1:B:1868:GLY:N	2.04	0.90
1:B:2484:VAL:O	1:B:2488:CYS:N	2.04	0.90
1:B:2852:TYR:O	1:B:2856:VAL:N	2.04	0.90
1:A:1371:ASP:O	1:A:1375:ALA:N	2.05	0.90
1:A:1467:ASP:O	1:A:1471:THR:N	2.05	0.90
1:B:2201:VAL:O	1:B:2205:TRP:N	2.04	0.90
1:B:2458:ASP:O	1:B:2462:PHE:N	2.04	0.90
1:A:1661:HIS:O	1:A:1665:LYS:N	2.04	0.90
1:A:2852:TYR:O	1:A:2856:VAL:N	2.04	0.90
1:B:278:VAL:O	1:B:282:LEU:N	2.04	0.90
1:B:1458:GLY:O	1:B:1462:ALA:N	2.05	0.90
1:B:2968:LEU:O	1:B:2972:GLN:N	2.05	0.90
1:A:2412:ASN:O	1:A:2416:LEU:N	2.04	0.90
1:B:1612:GLU:O	1:B:1616:ASP:N	2.04	0.90
1:B:2966:LYS:O	1:B:2970:LEU:N	2.05	0.90
1:A:2101:GLN:O	1:A:2105:ARG:N	2.05	0.89
1:A:2923:VAL:O	1:A:2927:PHE:N	2.05	0.89
1:B:2249:ASP:O	1:B:2253:LYS:N	2.05	0.89
1:B:2314:GLN:O	1:B:2318:LYS:N	2.04	0.89
1:B:2466:ALA:O	1:B:2470:TYR:N	2.05	0.89
1:B:2923:VAL:O	1:B:2927:PHE:N	2.05	0.89
1:A:2030:ILE:O	1:A:2034:ARG:N	2.05	0.89
1:A:2201:VAL:O	1:A:2205:TRP:N	2.04	0.89
1:A:2628:ILE:O	1:A:2632:ASN:N	2.05	0.89
1:B:2340:VAL:O	1:B:2344:TRP:N	2.05	0.89
1:A:2313:LYS:O	1:A:2317:LYS:N	2.05	0.89
1:A:2969:TYR:O	1:A:2973:ARG:N	2.04	0.89
1:A:2098:LEU:O	1:A:2102:ALA:N	2.06	0.89
1:A:2100:TYR:O	1:A:2104:TRP:N	2.06	0.89
1:B:2031:THR:O	1:B:2035:THR:N	2.04	0.89
1:A:1133:GLU:O	1:A:1137:SER:N	2.05	0.89
1:B:2313:LYS:O	1:B:2317:LYS:N	2.05	0.89
1:B:2457:GLU:O	1:B:2461:ARG:N	2.06	0.89
1:B:2775:PRO:O	1:B:2779:PHE:N	2.04	0.89
1:A:1262:ARG:O	1:A:1266:ASP:N	2.06	0.89
1:A:2031:THR:O	1:A:2035:THR:N	2.05	0.89
1:A:2966:LYS:O	1:A:2970:LEU:N	2.05	0.89
1:B:1262:ARG:O	1:B:1266:ASP:N	2.06	0.89

Continued on next page...

Continued from previous page...

Atom-1	Atom-2	Interatomic distance (Å)	Clash overlap (Å)
1:B:1467:ASP:O	1:B:1471:THR:N	2.05	0.89
1:B:2030:ILE:O	1:B:2034:ARG:N	2.05	0.89
1:A:2457:GLU:O	1:A:2461:ARG:N	2.06	0.89
1:A:2466:ALA:O	1:A:2470:TYR:N	2.05	0.89
1:A:2775:PRO:O	1:A:2779:PHE:N	2.04	0.89
1:B:2014:GLU:O	1:B:2018:LEU:N	2.06	0.89
1:B:2101:GLN:O	1:B:2105:ARG:N	2.05	0.89
1:B:2625:ASP:O	1:B:2629:ILE:N	2.06	0.89
1:B:2913:ASP:O	1:B:2917:GLY:N	2.05	0.89
1:A:1495:CYS:O	1:A:1499:SER:N	2.05	0.89
1:A:2913:ASP:O	1:A:2917:GLY:N	2.05	0.89
1:B:2624:CYS:O	1:B:2628:ILE:N	2.05	0.89
1:A:2484:VAL:O	1:A:2488:CYS:N	2.04	0.88
1:A:2777:GLY:O	1:A:2781:VAL:N	2.06	0.88
1:B:2628:ILE:O	1:B:2632:ASN:N	2.05	0.88
1:A:2173:LEU:O	1:A:2177:GLN:N	2.07	0.88
1:B:1133:GLU:O	1:B:1137:SER:N	2.05	0.88
1:A:2340:VAL:O	1:A:2344:TRP:N	2.05	0.88
1:A:2408:SER:O	1:A:2412:ASN:N	2.07	0.88
1:A:1630:ASP:O	1:A:1634:ALA:N	2.07	0.88
1:A:2014:GLU:O	1:A:2018:LEU:N	2.06	0.88
1:B:188:ALA:O	1:B:192:HIS:N	2.07	0.88
1:B:1371:ASP:O	1:B:1375:ALA:N	2.05	0.88
1:B:2097:GLU:O	1:B:2101:GLN:N	2.04	0.88
1:A:2624:CYS:O	1:A:2628:ILE:N	2.05	0.88
1:A:1911:ALA:O	1:A:1915:TYR:N	2.07	0.88
1:A:2003:ASP:O	1:A:2007:GLU:N	2.07	0.88
1:A:2625:ASP:O	1:A:2629:ILE:N	2.06	0.88
1:B:1495:CYS:O	1:B:1499:SER:N	2.05	0.88
1:B:2737:THR:O	1:B:2741:ARG:N	2.07	0.88
1:A:2968:LEU:O	1:A:2972:GLN:N	2.05	0.88
1:A:2975:GLU:O	1:A:2979:GLU:N	2.07	0.88
1:B:2003:ASP:O	1:B:2007:GLU:N	2.06	0.88
1:B:2341:CYS:O	1:B:2345:LEU:N	2.06	0.88
1:B:2076:ILE:O	1:B:2080:TYR:N	2.07	0.88
1:A:1999:ILE:O	1:A:2003:ASP:N	2.06	0.88
1:A:2076:ILE:O	1:A:2080:TYR:N	2.07	0.88
1:B:2100:TYR:O	1:B:2104:TRP:N	2.06	0.88
1:B:2204:LYS:O	1:B:2208:HIS:N	2.07	0.88
1:B:2379:LEU:O	1:B:2383:LYS:N	2.07	0.88
1:B:2382:GLY:O	1:B:2386:ALA:N	2.06	0.88

Continued on next page...

Continued from previous page...

Atom-1	Atom-2	Interatomic distance (Å)	Clash overlap (Å)
1:B:2848:LYS:O	1:B:2852:TYR:N	2.07	0.88
1:A:1494:CYS:O	1:A:1498:LEU:N	2.07	0.87
1:A:1746:GLY:O	1:A:1750:TRP:N	2.07	0.87
1:A:2498:SER:O	1:A:2501:ASN:N	2.07	0.87
1:A:2545:ILE:O	1:A:2549:SER:N	2.07	0.87
1:A:247:PHE:HA	1:A:278:VAL:HA	1.56	0.87
1:A:2204:LYS:O	1:A:2208:HIS:N	2.07	0.87
1:A:2341:CYS:O	1:A:2345:LEU:N	2.06	0.87
1:A:2397:GLN:O	1:A:2401:ILE:N	2.07	0.87
1:B:2397:GLN:O	1:B:2401:ILE:N	2.07	0.87
1:B:2777:GLY:O	1:B:2781:VAL:N	2.06	0.87
1:A:1490:SER:O	1:A:1494:CYS:N	2.07	0.87
1:A:2848:LYS:O	1:A:2852:TYR:N	2.07	0.87
1:B:1911:ALA:O	1:B:1915:TYR:N	2.07	0.87
1:B:1999:ILE:O	1:B:2003:ASP:N	2.06	0.87
1:B:2074:CYS:O	1:B:2078:SER:N	2.07	0.87
1:B:2096:GLU:O	1:B:2100:TYR:N	2.08	0.87
1:B:2408:SER:O	1:B:2412:ASN:N	2.07	0.87
1:B:2780:LEU:O	1:B:2784:GLU:N	2.07	0.87
1:A:2780:LEU:O	1:A:2784:GLU:N	2.08	0.87
1:B:1366:CYS:O	1:B:1370:GLY:N	2.07	0.87
1:B:1462:ALA:O	1:B:1466:ARG:N	2.07	0.87
1:B:2468:GLU:O	1:B:2472:ASN:N	2.07	0.87
1:A:1462:ALA:O	1:A:1466:ARG:N	2.07	0.87
1:A:3006:ALA:O	1:A:3010:LEU:N	2.07	0.87
1:B:3006:ALA:O	1:B:3010:LEU:N	2.07	0.87
1:A:2382:GLY:O	1:A:2386:ALA:N	2.06	0.87
1:B:2079:VAL:O	1:B:2083:GLY:N	2.08	0.87
1:B:2333:THR:O	1:B:2337:CYS:N	2.08	0.87
1:B:2558:PHE:O	1:B:2562:ALA:N	2.08	0.87
1:B:1824:LEU:O	1:B:1828:LYS:N	2.07	0.87
1:B:2098:LEU:O	1:B:2102:ALA:N	2.06	0.87
1:B:2216:ASP:O	1:B:2220:GLN:N	2.07	0.87
1:B:2545:ILE:O	1:B:2549:SER:N	2.07	0.87
1:A:2125:HIS:O	1:A:2129:TYR:N	2.08	0.87
1:A:2333:THR:O	1:A:2337:CYS:N	2.08	0.87
1:A:2379:LEU:O	1:A:2383:LYS:N	2.07	0.87
1:B:247:PHE:HA	1:B:278:VAL:HA	1.56	0.87
1:B:2353:PRO:O	1:B:2357:MET:N	2.07	0.87
1:B:2498:SER:O	1:B:2501:ASN:N	2.07	0.87
1:A:2353:PRO:O	1:A:2357:MET:N	2.07	0.86

Continued on next page...

Continued from previous page...

Atom-1	Atom-2	Interatomic distance (Å)	Clash overlap (Å)
1:B:2034:ARG:O	1:B:2038:HIS:N	2.08	0.86
1:B:2344:TRP:O	1:B:2348:THR:N	2.07	0.86
1:B:2394:SER:O	1:B:2398:TYR:N	2.08	0.86
1:A:2080:TYR:O	1:A:2084:LEU:N	2.08	0.86
1:A:2216:ASP:O	1:A:2220:GLN:N	2.07	0.86
1:A:2468:GLU:O	1:A:2472:ASN:N	2.06	0.86
1:A:1824:LEU:O	1:A:1828:LYS:N	2.07	0.86
1:A:2065:ILE:O	1:A:2069:GLN:N	2.08	0.86
1:A:2249:ASP:O	1:A:2253:LYS:N	2.05	0.86
1:A:2737:THR:O	1:A:2741:ARG:N	2.07	0.86
1:B:1494:CYS:O	1:B:1498:LEU:N	2.07	0.86
1:B:2975:GLU:O	1:B:2979:GLU:N	2.07	0.86
1:A:188:ALA:O	1:A:192:HIS:N	2.07	0.86
1:A:849:VAL:O	1:A:853:SER:N	2.08	0.86
1:A:2058:SER:O	1:A:2062:ALA:N	2.08	0.86
1:A:2091:TRP:O	1:A:2095:LEU:N	2.08	0.86
1:B:3007:GLU:O	1:B:3011:MET:N	2.07	0.86
1:A:1366:CYS:O	1:A:1370:GLY:N	2.07	0.86
1:A:1595:ASN:O	1:A:1599:SER:N	2.08	0.86
1:A:2451:ALA:O	1:A:2455:LEU:N	2.09	0.86
1:B:2080:TYR:O	1:B:2084:LEU:N	2.08	0.86
1:B:2125:HIS:O	1:B:2129:TYR:N	2.08	0.86
1:A:1492:SER:O	1:A:1496:ASP:N	2.08	0.86
1:A:2274:ALA:O	1:A:2278:ILE:N	2.09	0.86
1:B:1738:LYS:O	1:B:1742:ALA:N	2.09	0.86
1:A:2394:SER:O	1:A:2398:TYR:N	2.08	0.86
1:B:1887:ALA:O	1:B:1891:SER:N	2.08	0.86
1:B:2058:SER:O	1:B:2062:ALA:N	2.08	0.86
1:B:2065:ILE:O	1:B:2069:GLN:N	2.08	0.86
1:B:2102:ALA:O	1:B:2106:ASN:N	2.08	0.86
1:B:2173:LEU:O	1:B:2177:GLN:N	2.07	0.86
1:A:2344:TRP:O	1:A:2348:THR:N	2.07	0.86
1:A:2034:ARG:O	1:A:2038:HIS:N	2.08	0.86
1:A:2400:ARG:O	1:A:2404:TYR:N	2.08	0.86
1:A:2795:ASP:O	1:A:2799:PHE:N	2.09	0.86
1:A:211:ASP:O	1:A:215:LYS:N	2.09	0.86
1:A:3002:PHE:O	1:A:3006:ALA:N	2.08	0.86
1:A:3005:VAL:O	1:A:3009:VAL:N	2.08	0.86
1:B:1461:TRP:O	1:B:1465:LEU:N	2.07	0.86
1:B:1490:SER:O	1:B:1494:CYS:N	2.07	0.86
1:B:1630:ASP:O	1:B:1634:ALA:N	2.07	0.86

Continued on next page...

Continued from previous page...

Atom-1	Atom-2	Interatomic distance (Å)	Clash overlap (Å)
1:B:2537:PHE:O	1:B:2541:LEU:N	2.08	0.86
1:A:2602:ALA:O	1:A:2606:ILE:N	2.09	0.85
1:A:3000:GLN:O	1:A:3004:LYS:N	2.08	0.85
1:B:2094:GLU:O	1:B:2098:LEU:N	2.09	0.85
1:B:2451:ALA:O	1:B:2455:LEU:N	2.09	0.85
1:B:2729:GLN:O	1:B:2733:GLN:N	2.09	0.85
1:A:1715:LEU:O	1:A:1719:ASN:N	2.10	0.85
1:A:1902:ASP:O	1:A:1906:GLN:N	2.09	0.85
1:A:2537:PHE:O	1:A:2541:LEU:N	2.08	0.85
1:B:2131:ALA:O	1:B:2135:LEU:N	2.09	0.85
1:B:3005:VAL:O	1:B:3009:VAL:N	2.08	0.85
1:A:1461:TRP:O	1:A:1465:LEU:N	2.07	0.85
1:A:1703:PHE:O	1:A:1707:GLU:N	2.09	0.85
1:A:1887:ALA:O	1:A:1891:SER:N	2.08	0.85
1:A:2007:GLU:O	1:A:2011:SER:N	2.08	0.85
1:A:2388:LEU:O	1:A:2392:ARG:N	2.09	0.85
1:B:1746:GLY:O	1:B:1750:TRP:N	2.07	0.85
1:A:2096:GLU:O	1:A:2100:TYR:N	2.08	0.85
1:B:849:VAL:O	1:B:853:SER:N	2.08	0.85
1:B:2128:LEU:O	1:B:2132:LEU:N	2.08	0.85
1:A:2128:LEU:O	1:A:2132:LEU:N	2.08	0.85
1:B:1492:SER:O	1:B:1496:ASP:N	2.08	0.85
1:A:2794:ASN:O	1:A:2798:ALA:N	2.09	0.85
1:B:1702:LEU:O	1:B:1706:LYS:N	2.10	0.85
1:B:2388:LEU:O	1:B:2392:ARG:N	2.09	0.85
1:B:3000:GLN:O	1:B:3004:LYS:N	2.08	0.85
1:B:3002:PHE:O	1:B:3006:ALA:N	2.08	0.85
1:A:2319:LEU:O	1:A:2323:CYS:N	2.09	0.85
1:A:3007:GLU:O	1:A:3011:MET:N	2.07	0.85
1:B:1658:ALA:O	1:B:1662:THR:N	2.09	0.85
1:B:2794:ASN:O	1:B:2798:ALA:N	2.09	0.85
1:A:2607:CYS:O	1:A:2611:SER:N	2.10	0.85
1:B:1157:LEU:O	1:B:1161:VAL:N	2.09	0.85
1:B:1902:ASP:O	1:B:1906:GLN:N	2.09	0.85
1:B:1963:ASP:O	1:B:1967:MET:N	2.08	0.85
1:B:2091:TRP:O	1:B:2095:LEU:N	2.08	0.85
1:A:647:GLU:O	1:A:651:LEU:N	2.10	0.85
1:B:2454:ALA:O	1:B:2458:ASP:N	2.10	0.85
1:B:2607:CYS:O	1:B:2611:SER:N	2.10	0.85
1:B:2405:MET:O	1:B:2409:GLU:N	2.11	0.84
1:A:1956:LEU:O	1:A:1960:ILE:N	2.10	0.84

Continued on next page...

Continued from previous page...

Atom-1	Atom-2	Interatomic distance (Å)	Clash overlap (Å)
1:A:2102:ALA:O	1:A:2106:ASN:N	2.08	0.84
1:B:2007:GLU:O	1:B:2011:SER:N	2.08	0.84
1:A:2454:ALA:O	1:A:2458:ASP:N	2.10	0.84
1:B:1595:ASN:O	1:B:1599:SER:N	2.08	0.84
1:A:1658:ALA:O	1:A:1662:THR:N	2.09	0.84
1:A:2131:ALA:O	1:A:2135:LEU:N	2.10	0.84
1:A:2079:VAL:O	1:A:2083:GLY:N	2.08	0.84
1:A:2729:GLN:O	1:A:2733:GLN:N	2.09	0.84
1:B:211:ASP:O	1:B:215:LYS:N	2.09	0.84
1:B:647:GLU:O	1:B:651:LEU:N	2.10	0.84
1:B:1534:VAL:O	1:B:1538:VAL:N	2.10	0.84
1:B:2365:VAL:O	1:B:2369:GLY:N	2.10	0.84
1:B:2400:ARG:O	1:B:2404:TYR:N	2.08	0.84
1:A:2094:GLU:O	1:A:2098:LEU:N	2.09	0.84
1:A:2074:CYS:O	1:A:2078:SER:N	2.07	0.84
1:B:192:HIS:O	1:B:196:LYS:N	2.08	0.84
1:B:2360:TYR:O	1:B:2364:ALA:N	2.11	0.84
1:A:1720:ASN:O	1:A:1724:GLU:N	2.10	0.84
1:B:1715:LEU:O	1:B:1719:ASN:N	2.10	0.84
1:A:2225:ALA:O	1:A:2229:VAL:N	2.10	0.84
1:A:2835:CYS:O	1:A:2839:PHE:N	2.11	0.84
1:A:3043:LYS:O	1:A:3047:ARG:N	2.10	0.84
1:B:1663:GLY:O	1:B:1667:VAL:N	2.11	0.84
1:B:2319:LEU:O	1:B:2323:CYS:N	2.09	0.84
1:B:2602:ALA:O	1:B:2606:ILE:N	2.09	0.84
1:B:2795:ASP:O	1:B:2799:PHE:N	2.09	0.84
1:A:1157:LEU:O	1:A:1161:VAL:N	2.09	0.83
1:A:1963:ASP:O	1:A:1967:MET:N	2.08	0.83
1:A:2289:SER:O	1:A:2293:LEU:N	2.10	0.83
1:B:2206:GLN:O	1:B:2210:GLN:N	2.10	0.83
1:A:1665:LYS:O	1:A:1669:GLU:N	2.11	0.83
1:B:2274:ALA:O	1:B:2278:ILE:N	2.09	0.83
1:B:2782:ASN:O	1:B:2786:GLY:N	2.11	0.83
1:A:192:HIS:O	1:A:196:LYS:N	2.09	0.83
1:A:1369:SER:O	1:A:1373:ASP:N	2.12	0.83
1:A:1942:ALA:O	1:A:1946:GLN:N	2.10	0.83
1:A:2782:ASN:O	1:A:2786:GLY:N	2.12	0.83
1:B:436:LEU:O	1:B:440:SER:N	2.11	0.83
1:B:2745:THR:O	1:B:2749:LYS:N	2.11	0.83
1:A:2558:PHE:O	1:A:2562:ALA:N	2.08	0.83
1:B:2391:ALA:O	1:B:2395:ASP:N	2.08	0.83

Continued on next page...

Continued from previous page...

Atom-1	Atom-2	Interatomic distance (Å)	Clash overlap (Å)
1:A:1965:LYS:O	1:A:1969:ASP:N	2.10	0.83
1:A:2776:ILE:O	1:A:2780:LEU:N	2.11	0.83
1:B:2447:LEU:O	1:B:2451:ALA:N	2.10	0.83
1:B:1739:ASN:O	1:B:1743:THR:N	2.10	0.83
1:B:2935:MET:O	1:B:2939:ARG:N	2.11	0.83
1:A:2143:PHE:O	1:A:2147:LEU:N	2.10	0.83
1:A:2275:ILE:O	1:A:2279:LYS:N	2.11	0.83
1:A:2935:MET:O	1:A:2939:ARG:N	2.11	0.83
1:B:196:LYS:O	1:B:202:THR:N	2.11	0.83
1:A:843:ASN:O	1:A:847:MET:N	2.11	0.83
1:B:1665:LYS:O	1:B:1669:GLU:N	2.11	0.83
1:B:2002:GLN:O	1:B:2006:LEU:N	2.09	0.83
1:A:1739:ASN:O	1:A:1743:THR:N	2.10	0.83
1:A:2447:LEU:O	1:A:2451:ALA:N	2.10	0.83
1:A:2745:THR:O	1:A:2749:LYS:N	2.11	0.83
1:B:947:TYR:O	1:B:951:LEU:N	2.11	0.83
1:B:2835:CYS:O	1:B:2839:PHE:N	2.11	0.83
1:A:2360:TYR:O	1:A:2364:ALA:N	2.11	0.83
1:A:2365:VAL:O	1:A:2369:GLY:N	2.10	0.83
1:A:2846:PHE:O	1:A:2850:LEU:N	2.11	0.83
1:B:1380:HIS:O	1:B:1384:HIS:N	2.12	0.83
1:A:2779:PHE:O	1:A:2783:ASN:N	2.11	0.82
1:B:1870:PHE:O	1:B:1874:LEU:N	2.11	0.82
1:B:1962:ALA:O	1:B:1966:SER:N	2.11	0.82
1:B:2502:GLY:O	1:B:2506:ARG:N	2.12	0.82
1:A:1870:PHE:O	1:A:1874:LEU:N	2.11	0.82
1:A:2405:MET:O	1:A:2409:GLU:N	2.11	0.82
1:A:1702:LEU:O	1:A:1706:LYS:N	2.10	0.82
1:A:2409:GLU:O	1:A:2413:LYS:N	2.12	0.82
1:B:105:ILE:O	1:B:109:ASN:N	2.12	0.82
1:B:3043:LYS:O	1:B:3047:ARG:N	2.10	0.82
1:B:2275:ILE:O	1:B:2279:LYS:N	2.11	0.82
1:A:436:LEU:O	1:A:440:SER:N	2.11	0.82
1:A:1738:LYS:O	1:A:1742:ALA:N	2.09	0.82
1:A:2224:MET:O	1:A:2228:THR:N	2.11	0.82
1:A:2566:ALA:O	1:A:2762:GLN:N	2.12	0.82
1:B:2207:LYS:O	1:B:2211:LEU:N	2.12	0.82
1:A:1464:VAL:O	1:A:1468:VAL:N	2.10	0.82
1:A:1751:GLU:O	1:A:1755:MET:N	2.11	0.82
1:A:1752:ILE:O	1:A:1756:THR:N	2.13	0.82
1:A:2157:GLU:O	1:A:2161:ARG:N	2.12	0.82

Continued on next page...

Continued from previous page...

Atom-1	Atom-2	Interatomic distance (Å)	Clash overlap (Å)
1:B:1714:MET:O	1:B:1718:LEU:N	2.12	0.82
1:A:1599:SER:O	1:A:1603:TYR:N	2.11	0.82
1:B:1106:ARG:O	1:B:1110:ALA:N	2.13	0.82
1:A:105:ILE:O	1:A:109:ASN:N	2.12	0.82
1:A:196:LYS:O	1:A:202:THR:N	2.12	0.82
1:A:581:LEU:O	1:A:585:LEU:N	2.12	0.82
1:A:2486:ARG:O	1:A:2490:LEU:N	2.12	0.82
1:A:2502:GLY:O	1:A:2506:ARG:N	2.12	0.82
1:B:1703:PHE:O	1:B:1707:GLU:N	2.09	0.82
1:B:2143:PHE:O	1:B:2147:LEU:N	2.10	0.82
1:B:2486:ARG:O	1:B:2490:LEU:N	2.12	0.82
1:B:2910:LEU:O	1:B:2914:ILE:N	2.12	0.82
1:B:1369:SER:O	1:B:1373:ASP:N	2.12	0.82
1:B:1752:ILE:O	1:B:1756:THR:N	2.13	0.82
1:B:2936:GLU:O	1:B:2940:ASN:N	2.10	0.82
1:A:1380:HIS:O	1:A:1384:HIS:N	2.11	0.82
1:A:1663:GLY:O	1:A:1667:VAL:N	2.11	0.82
1:A:2206:GLN:O	1:A:2210:GLN:N	2.10	0.82
1:B:1971:GLU:O	1:B:1975:LEU:N	2.12	0.82
1:B:1716:THR:O	1:B:1720:ASN:N	2.12	0.81
1:B:1720:ASN:O	1:B:1724:GLU:N	2.10	0.81
1:B:2157:GLU:O	1:B:2161:ARG:N	2.12	0.81
1:B:2850:LEU:O	1:B:2854:ARG:N	2.12	0.81
1:A:2152:VAL:O	1:A:2156:GLU:N	2.12	0.81
1:A:2491:TRP:O	1:A:2495:SER:N	2.14	0.81
1:A:2910:LEU:O	1:A:2914:ILE:N	2.12	0.81
1:B:172:PHE:O	1:B:176:LEU:N	2.13	0.81
1:B:279:ILE:O	1:B:283:PHE:N	2.12	0.81
1:B:843:ASN:O	1:B:847:MET:N	2.11	0.81
1:B:3042:PRO:O	1:B:3046:SER:N	2.11	0.81
1:A:2850:LEU:O	1:A:2854:ARG:N	2.12	0.81
1:B:1109:LYS:O	1:B:1113:LEU:N	2.11	0.81
1:B:1645:VAL:O	1:B:1649:VAL:N	2.12	0.81
1:B:2736:ASN:O	1:B:2740:GLN:N	2.12	0.81
1:A:498:GLU:O	1:A:502:ALA:N	2.13	0.81
1:A:1570:VAL:O	1:A:1574:LEU:N	2.13	0.81
1:A:1645:VAL:O	1:A:1649:VAL:N	2.12	0.81
1:A:2736:ASN:O	1:A:2740:GLN:N	2.12	0.81
1:A:3010:LEU:O	1:A:3014:GLN:N	2.12	0.81
1:B:1265:PHE:O	1:B:1269:LYS:N	2.13	0.81
1:B:2152:VAL:O	1:B:2156:GLU:N	2.12	0.81

Continued on next page...

Continued from previous page...

Atom-1	Atom-2	Interatomic distance (Å)	Clash overlap (Å)
1:B:2169:LEU:O	1:B:2173:LEU:N	2.12	0.81
1:B:2222:PRO:HA	1:B:2225:ALA:HB3	1.63	0.81
1:B:2491:TRP:O	1:B:2495:SER:N	2.14	0.81
1:A:502:ALA:O	1:A:506:GLY:N	2.12	0.81
1:A:1106:ARG:O	1:A:1110:ALA:N	2.13	0.81
1:B:2048:THR:O	1:B:2052:GLU:N	2.14	0.81
1:A:947:TYR:O	1:A:951:LEU:N	2.11	0.81
1:B:498:GLU:O	1:B:502:ALA:N	2.13	0.81
1:B:1954:ALA:O	1:B:1958:ALA:N	2.12	0.81
1:B:2289:SER:O	1:B:2293:LEU:N	2.10	0.81
1:A:1150:ARG:O	1:A:1154:LEU:N	2.13	0.81
1:A:2720:ASP:N	1:A:2763:ARG:O	2.14	0.81
1:B:878:THR:O	1:B:882:ILE:N	2.14	0.81
1:B:2231:LEU:O	1:B:2235:MET:N	2.13	0.81
1:B:2409:GLU:O	1:B:2413:LYS:N	2.12	0.81
1:A:279:ILE:O	1:A:283:PHE:N	2.12	0.81
1:A:852:GLN:O	1:A:856:ASN:N	2.14	0.81
1:A:2169:LEU:O	1:A:2173:LEU:N	2.12	0.81
1:A:2207:LYS:O	1:A:2211:LEU:N	2.12	0.81
1:A:2336:GLU:O	1:A:2340:VAL:N	2.12	0.81
1:A:2936:GLU:O	1:A:2940:ASN:N	2.10	0.81
1:B:581:LEU:O	1:B:585:LEU:N	2.12	0.81
1:A:1951:HIS:O	1:A:1955:LEU:N	2.14	0.81
1:A:2231:LEU:O	1:A:2235:MET:N	2.13	0.81
1:B:1464:VAL:O	1:B:1468:VAL:N	2.10	0.81
1:A:1397:HIS:O	1:A:1512:ALA:N	2.14	0.80
1:A:2277:GLN:O	1:A:2281:TYR:N	2.13	0.80
1:A:2872:HIS:O	1:A:2876:ILE:N	2.14	0.80
1:B:1397:HIS:O	1:B:1512:ALA:N	2.15	0.80
1:B:1442:TYR:O	1:B:1446:VAL:N	2.13	0.80
1:B:1751:GLU:O	1:B:1755:MET:N	2.12	0.80
1:B:2248:LYS:O	1:B:2252:THR:N	2.12	0.80
1:B:3008:ARG:O	1:B:3012:ARG:N	2.13	0.80
1:B:1926:THR:O	1:B:1930:ASP:N	2.12	0.80
1:B:1956:LEU:O	1:B:1960:ILE:N	2.10	0.80
1:A:830:PHE:O	1:A:834:GLU:N	2.15	0.80
1:A:1265:PHE:O	1:A:1269:LYS:N	2.14	0.80
1:A:2222:PRO:HA	1:A:2225:ALA:HB3	1.63	0.80
1:A:2391:ALA:O	1:A:2395:ASP:N	2.08	0.80
1:B:502:ALA:O	1:B:506:GLY:N	2.12	0.80
1:B:1888:ASN:O	1:B:1892:GLU:N	2.15	0.80

Continued on next page...

Continued from previous page...

Atom-1	Atom-2	Interatomic distance (Å)	Clash overlap (Å)
1:B:1943:LYS:O	1:B:1947:SER:N	2.14	0.80
1:B:2174:SER:O	1:B:2178:ALA:N	2.11	0.80
1:B:2339:ARG:O	1:B:2343:ASN:N	2.12	0.80
1:B:2383:LYS:O	1:B:2387:PHE:N	2.14	0.80
1:B:2735:CYS:O	1:B:2739:LEU:N	2.12	0.80
1:B:2123:SER:O	1:B:2127:SER:N	2.12	0.80
1:B:2127:SER:O	1:B:2131:ALA:N	2.13	0.80
1:B:2330:LEU:O	1:B:2334:TYR:N	2.14	0.80
1:A:878:THR:O	1:A:882:ILE:N	2.14	0.80
1:A:1962:ALA:O	1:A:1966:SER:N	2.11	0.80
1:A:2626:ALA:O	1:A:2630:LEU:N	2.11	0.80
1:B:1599:SER:O	1:B:1603:TYR:N	2.11	0.80
1:B:1828:LYS:O	1:B:1832:GLU:N	2.14	0.80
1:B:2277:GLN:O	1:B:2281:TYR:N	2.13	0.80
1:A:509:GLY:O	1:A:513:GLN:N	2.14	0.80
1:B:2411:GLU:O	1:B:2415:ALA:N	2.14	0.80
1:B:2622:ALA:O	1:B:2626:ALA:N	2.12	0.80
1:A:2062:ALA:O	1:A:2066:GLN:N	2.13	0.80
1:A:2377:ASP:O	1:A:2381:ASN:N	2.11	0.80
1:A:2999:ASP:O	1:A:3003:ASN:N	2.12	0.80
1:B:282:LEU:O	1:B:286:GLN:N	2.14	0.80
1:B:1537:GLN:O	1:B:1541:LEU:N	2.15	0.80
1:A:2000:SER:O	1:A:2004:LEU:N	2.13	0.80
1:A:2295:GLU:O	1:A:2298:VAL:N	2.14	0.80
1:B:62:ARG:O	1:B:66:LYS:N	2.15	0.80
1:B:1593:GLU:O	1:B:1597:PHE:N	2.15	0.80
1:B:1662:THR:O	1:B:1666:GLU:N	2.13	0.80
1:A:1484:MET:O	1:A:1488:LEU:N	2.12	0.80
1:A:1559:ILE:O	1:A:1563:ASP:N	2.13	0.80
1:B:2295:GLU:O	1:B:2298:VAL:N	2.14	0.80
1:B:2377:ASP:O	1:B:2381:ASN:N	2.11	0.80
1:A:1457:LEU:O	1:A:1461:TRP:N	2.12	0.80
1:A:1469:ILE:O	1:A:1473:ILE:N	2.14	0.80
1:A:1534:VAL:O	1:A:1538:VAL:N	2.10	0.80
1:A:1593:GLU:O	1:A:1597:PHE:N	2.15	0.80
1:A:2557:LEU:O	1:A:2561:LEU:N	2.15	0.80
1:B:509:GLY:O	1:B:513:GLN:N	2.14	0.80
1:B:630:VAL:O	1:B:634:GLU:N	2.16	0.80
1:B:852:GLN:O	1:B:856:ASN:N	2.14	0.80
1:B:1264:HIS:O	1:B:1268:VAL:N	2.15	0.80
1:B:2172:THR:O	1:B:2176:LEU:N	2.14	0.80

Continued on next page...

Continued from previous page...

Atom-1	Atom-2	Interatomic distance (Å)	Clash overlap (Å)
1:B:2872:HIS:O	1:B:2876:ILE:N	2.14	0.80
1:A:282:LEU:O	1:A:286:GLN:N	2.14	0.79
1:A:1938:TYR:O	1:A:1942:ALA:N	2.15	0.79
1:A:2339:ARG:O	1:A:2343:ASN:N	2.12	0.79
1:B:1496:ASP:O	1:B:1500:GLN:N	2.16	0.79
1:B:1559:ILE:O	1:B:1563:ASP:N	2.13	0.79
1:B:2362:GLU:O	1:B:2366:GLU:N	2.14	0.79
1:B:2566:ALA:O	1:B:2762:GLN:N	2.12	0.79
1:A:172:PHE:O	1:A:176:LEU:N	2.13	0.79
1:A:444:PRO:O	1:A:448:HIS:N	2.14	0.79
1:A:1264:HIS:O	1:A:1268:VAL:N	2.15	0.79
1:A:2002:GLN:O	1:A:2006:LEU:N	2.09	0.79
1:A:2048:THR:O	1:A:2052:GLU:N	2.14	0.79
1:B:1938:TYR:O	1:B:1942:ALA:N	2.15	0.79
1:B:2224:MET:O	1:B:2228:THR:N	2.11	0.79
1:B:2776:ILE:O	1:B:2780:LEU:N	2.11	0.79
1:A:2107:MET:O	1:A:2111:HIS:N	2.16	0.79
1:A:2273:ARG:O	1:A:2277:GLN:N	2.14	0.79
1:A:2386:ALA:O	1:A:2390:LEU:N	2.15	0.79
1:A:2503:MET:O	1:A:2507:ASP:N	2.14	0.79
1:B:1965:LYS:O	1:B:1969:ASP:N	2.10	0.79
1:A:1660:ASN:O	1:A:1664:GLU:N	2.15	0.79
1:B:1570:VAL:O	1:B:1574:LEU:N	2.13	0.79
1:A:62:ARG:O	1:A:66:LYS:N	2.15	0.79
1:A:630:VAL:O	1:A:634:GLU:N	2.15	0.79
1:A:1862:LEU:O	1:A:1866:VAL:N	2.15	0.79
1:A:2735:CYS:O	1:A:2739:LEU:N	2.12	0.79
1:B:830:PHE:O	1:B:834:GLU:N	2.15	0.79
1:B:1110:ALA:O	1:B:1114:LYS:N	2.16	0.79
1:B:2225:ALA:O	1:B:2229:VAL:N	2.10	0.79
1:B:2720:ASP:N	1:B:2763:ARG:O	2.14	0.79
1:A:845:ASN:O	1:A:849:VAL:N	2.16	0.79
1:A:1954:ALA:O	1:A:1958:ALA:N	2.12	0.79
1:A:1971:GLU:O	1:A:1975:LEU:N	2.12	0.79
1:B:845:ASN:O	1:B:849:VAL:N	2.16	0.79
1:B:1469:ILE:O	1:B:1473:ILE:N	2.14	0.79
1:B:1550:LYS:O	1:B:1554:ASN:N	2.12	0.79
1:B:2798:ALA:O	1:B:2802:GLN:N	2.15	0.79
1:B:2999:ASP:O	1:B:3003:ASN:N	2.12	0.79
1:A:1613:GLY:O	1:A:1617:LEU:N	2.14	0.79
1:A:1888:ASN:O	1:A:1892:GLU:N	2.15	0.79

Continued on next page...

Continued from previous page...

Atom-1	Atom-2	Interatomic distance (Å)	Clash overlap (Å)
1:A:1998:GLY:O	1:A:2002:GLN:N	2.15	0.79
1:A:2123:SER:O	1:A:2127:SER:N	2.12	0.79
1:B:1150:ARG:O	1:B:1154:LEU:N	2.13	0.79
1:B:1517:LEU:O	1:B:1521:VAL:N	2.14	0.79
1:A:1258:HIS:O	1:A:1262:ARG:N	2.15	0.79
1:B:2948:ILE:O	1:B:2952:LEU:N	2.15	0.79
1:A:834:GLU:O	1:A:838:MET:N	2.16	0.78
1:A:1496:ASP:O	1:A:1500:GLN:N	2.15	0.78
1:A:1550:LYS:O	1:A:1554:ASN:N	2.12	0.78
1:A:3003:ASN:O	1:A:3007:GLU:N	2.10	0.78
1:B:1942:ALA:O	1:B:1946:GLN:N	2.10	0.78
1:B:2254:HIS:O	1:B:2258:LEU:N	2.14	0.78
1:A:1110:ALA:O	1:A:1114:LYS:N	2.16	0.78
1:A:2362:GLU:O	1:A:2366:GLU:N	2.14	0.78
1:A:2946:LEU:O	1:A:2950:GLU:N	2.16	0.78
1:B:1951:HIS:O	1:B:1955:LEU:N	2.14	0.78
1:B:2779:PHE:O	1:B:2783:ASN:N	2.11	0.78
1:A:2411:GLU:O	1:A:2415:ALA:N	2.15	0.78
1:A:1517:LEU:O	1:A:1521:VAL:N	2.14	0.78
1:B:1944:VAL:O	1:B:1948:CYS:N	2.15	0.78
1:B:1945:ALA:O	1:B:1949:ALA:N	2.16	0.78
1:A:1259:LEU:O	1:A:1263:SER:N	2.11	0.78
1:A:2383:LYS:O	1:A:2387:PHE:N	2.14	0.78
1:B:444:PRO:O	1:B:448:HIS:N	2.14	0.78
1:B:1660:ASN:O	1:B:1664:GLU:N	2.15	0.78
1:A:348:LEU:O	1:A:352:ILE:N	2.12	0.78
1:A:1828:LYS:O	1:A:1832:GLU:N	2.14	0.78
1:A:2692:LEU:HA	1:A:2700:LYS:HA	1.66	0.78
1:A:3008:ARG:O	1:A:3012:ARG:N	2.12	0.78
1:B:1484:MET:O	1:B:1488:LEU:N	2.12	0.78
1:B:2015:PRO:O	1:B:2019:TYR:N	2.17	0.78
1:B:2046:LEU:O	1:B:2050:ASP:N	2.14	0.78
1:A:1109:LYS:O	1:A:1113:LEU:N	2.12	0.78
1:A:2702:ILE:O	1:A:2714:GLN:N	2.16	0.78
1:A:2798:ALA:O	1:A:2802:GLN:N	2.15	0.78
1:B:1259:LEU:O	1:B:1263:SER:N	2.11	0.78
1:B:2000:SER:O	1:B:2004:LEU:N	2.13	0.78
1:B:3029:GLY:O	1:B:3033:ASN:N	2.13	0.78
1:A:2948:ILE:O	1:A:2952:LEU:N	2.15	0.78
1:B:348:LEU:O	1:B:352:ILE:N	2.12	0.78
1:B:2824:CYS:O	1:B:2827:PHE:O	2.02	0.78

Continued on next page...

Continued from previous page...

Atom-1	Atom-2	Interatomic distance (Å)	Clash overlap (Å)
1:A:1436:HIS:O	1:A:1440:LYS:N	2.13	0.78
1:A:2824:CYS:O	1:A:2827:PHE:O	2.01	0.78
1:B:853:SER:O	1:B:857:LEU:N	2.14	0.78
1:B:1353:GLU:O	1:B:1356:ASN:N	2.13	0.78
1:B:2503:MET:O	1:B:2507:ASP:N	2.14	0.78
1:B:2692:LEU:HA	1:B:2700:LYS:HA	1.66	0.78
1:A:1139:GLU:O	1:A:1143:THR:N	2.13	0.78
1:A:1944:VAL:O	1:A:1948:CYS:N	2.15	0.78
1:B:1826:LEU:O	1:B:1830:MET:N	2.17	0.78
1:B:1966:SER:O	1:B:1970:GLN:N	2.13	0.78
1:A:1353:GLU:O	1:A:1356:ASN:N	2.13	0.77
1:A:3035:LEU:O	1:A:3039:ALA:N	2.14	0.77
1:B:1436:HIS:O	1:B:1440:LYS:N	2.13	0.77
1:B:2557:LEU:O	1:B:2561:LEU:N	2.15	0.77
1:B:2702:ILE:O	1:B:2714:GLN:N	2.16	0.77
1:A:2015:PRO:O	1:A:2019:TYR:N	2.17	0.77
1:B:658:ASP:O	1:B:663:LEU:N	2.16	0.77
1:B:2336:GLU:O	1:B:2340:VAL:N	2.12	0.77
1:B:2485:PHE:O	1:B:2489:SER:N	2.15	0.77
1:A:1716:THR:O	1:A:1720:ASN:N	2.12	0.77
1:A:1826:LEU:O	1:A:1830:MET:N	2.17	0.77
1:A:1945:ALA:O	1:A:1949:ALA:N	2.16	0.77
1:A:2046:LEU:O	1:A:2050:ASP:N	2.14	0.77
1:A:2485:PHE:O	1:A:2489:SER:N	2.15	0.77
1:A:2847:GLU:O	1:A:2851:ALA:N	2.12	0.77
1:B:2361:LEU:O	1:B:2365:VAL:N	2.17	0.77
1:A:478:SER:O	1:A:482:LYS:N	2.16	0.77
1:A:853:SER:O	1:A:857:LEU:N	2.14	0.77
1:B:2315:MET:O	1:B:2319:LEU:N	2.18	0.77
1:A:224:LYS:O	1:A:228:GLY:N	2.17	0.77
1:A:1293:ASN:O	1:A:1297:TYR:N	2.17	0.77
1:A:1869:PHE:O	1:A:1873:CYS:N	2.16	0.77
1:B:1614:LEU:O	1:B:1618:ARG:N	2.16	0.77
1:A:346:ILE:O	1:A:350:ALA:N	2.13	0.77
1:A:501:GLN:O	1:A:505:PHE:N	2.17	0.77
1:B:2142:THR:O	1:B:2146:SER:N	2.14	0.77
1:B:2623:LEU:O	1:B:2627:TYR:N	2.14	0.77
1:A:1878:SER:O	1:A:1882:ARG:N	2.17	0.77
1:A:2174:SER:O	1:A:2178:ALA:N	2.11	0.77
1:B:191:ILE:O	1:B:195:THR:N	2.15	0.77
1:B:501:GLN:O	1:B:505:PHE:N	2.17	0.77

Continued on next page...

Continued from previous page...

Atom-1	Atom-2	Interatomic distance (Å)	Clash overlap (Å)
1:B:1646:LYS:O	1:B:1650:ASN:N	2.18	0.77
1:B:3004:LYS:O	1:B:3008:ARG:N	2.14	0.77
1:A:1140:ASN:O	1:A:1145:ASP:N	2.17	0.77
1:A:1535:GLN:O	1:A:1539:LEU:N	2.16	0.77
1:A:2315:MET:O	1:A:2319:LEU:N	2.18	0.77
1:B:2386:ALA:O	1:B:2390:LEU:N	2.15	0.77
1:B:2626:ALA:O	1:B:2630:LEU:N	2.11	0.77
1:A:1714:MET:O	1:A:1718:LEU:N	2.12	0.77
1:A:2330:LEU:O	1:A:2334:TYR:N	2.14	0.77
1:A:2361:LEU:O	1:A:2365:VAL:N	2.17	0.77
1:A:3042:PRO:O	1:A:3046:SER:N	2.11	0.77
1:B:1941:VAL:O	1:B:1945:ALA:N	2.14	0.77
1:B:2453:ARG:O	1:B:2457:GLU:N	2.13	0.77
1:A:519:VAL:O	1:A:523:PHE:N	2.15	0.76
1:A:1076:GLN:O	1:A:1080:ASP:N	2.17	0.76
1:A:3028:VAL:O	1:A:3031:GLN:N	2.18	0.76
1:B:1140:ASN:O	1:B:1145:ASP:N	2.17	0.76
1:B:2066:GLN:O	1:B:2070:ASN:N	2.14	0.76
1:B:2867:GLY:HA3	1:B:2894:PHE:HA	1.65	0.76
1:B:1139:GLU:O	1:B:1143:THR:N	2.13	0.76
1:A:2723:ARG:HA	1:A:2726:ALA:HB3	1.66	0.76
1:A:2867:GLY:HA3	1:A:2894:PHE:HA	1.65	0.76
1:B:3028:VAL:O	1:B:3031:GLN:N	2.18	0.76
1:A:1646:LYS:O	1:A:1650:ASN:N	2.18	0.76
1:B:1076:GLN:O	1:B:1080:ASP:N	2.17	0.76
1:B:1394:SER:O	1:B:1396:CYS:N	2.18	0.76
1:B:2863:GLY:O	1:B:2867:GLY:N	2.19	0.76
1:A:1394:SER:O	1:A:1396:CYS:N	2.18	0.76
1:A:2862:VAL:O	1:A:2866:LEU:N	2.14	0.76
1:B:834:GLU:O	1:B:838:MET:N	2.16	0.76
1:B:1713:ILE:O	1:B:1717:TYR:N	2.16	0.76
1:B:1869:PHE:O	1:B:1873:CYS:N	2.16	0.76
1:B:2208:HIS:O	1:B:2212:LEU:N	2.19	0.76
1:A:10:ILE:O	1:A:14:GLN:N	2.19	0.76
1:B:3003:ASN:O	1:B:3007:GLU:N	2.11	0.76
1:A:561:GLN:O	1:A:565:GLU:N	2.19	0.76
1:A:2194:THR:O	1:A:2198:LEU:N	2.16	0.76
1:A:2308:ALA:O	1:A:2312:LEU:N	2.17	0.76
1:A:2863:GLY:O	1:A:2867:GLY:N	2.19	0.76
1:B:851:ASP:O	1:B:855:MET:N	2.17	0.76
1:B:1293:ASN:O	1:B:1297:TYR:N	2.17	0.76

Continued on next page...

Continued from previous page...

Atom-1	Atom-2	Interatomic distance (Å)	Clash overlap (Å)
1:A:1634:ALA:O	1:A:1638:ASN:N	2.14	0.76
1:B:1457:LEU:O	1:B:1461:TRP:N	2.12	0.76
1:A:1926:THR:O	1:A:1930:ASP:N	2.12	0.76
1:A:2622:ALA:O	1:A:2626:ALA:N	2.12	0.76
1:B:10:ILE:O	1:B:14:GLN:N	2.19	0.76
1:B:1862:LEU:O	1:B:1866:VAL:N	2.15	0.76
1:A:155:TYR:O	1:A:159:ILE:N	2.17	0.76
1:A:3029:GLY:O	1:A:3033:ASN:N	2.14	0.76
1:A:1212:SER:O	1:A:1216:TYR:N	2.18	0.75
1:B:2846:PHE:O	1:B:2850:LEU:N	2.11	0.75
1:A:658:ASP:O	1:A:663:LEU:N	2.16	0.75
1:A:1943:LYS:O	1:A:1947:SER:N	2.14	0.75
1:A:2501:ASN:O	1:A:2505:LYS:N	2.17	0.75
1:B:224:LYS:O	1:B:228:GLY:N	2.17	0.75
1:B:2501:ASN:O	1:B:2505:LYS:N	2.17	0.75
1:B:2946:LEU:O	1:B:2950:GLU:N	2.16	0.75
1:B:3010:LEU:O	1:B:3014:GLN:N	2.12	0.75
1:A:1516:HIS:O	1:A:1520:ILE:N	2.15	0.75
1:A:1558:THR:O	1:A:1562:LEU:N	2.17	0.75
1:A:2069:GLN:O	1:A:2073:LEU:N	2.18	0.75
1:A:2606:ILE:O	1:A:2610:ARG:N	2.18	0.75
1:A:3049:PHE:O	1:A:3053:LYS:N	2.19	0.75
1:B:64:LEU:O	1:B:68:ILE:N	2.19	0.75
1:B:1878:SER:O	1:B:1882:ARG:N	2.17	0.75
1:B:2156:GLU:O	1:B:2160:LYS:N	2.15	0.75
1:A:2248:LYS:O	1:A:2252:THR:N	2.12	0.75
1:A:2254:HIS:O	1:A:2258:LEU:N	2.14	0.75
1:B:1258:HIS:O	1:B:1262:ARG:N	2.15	0.75
1:B:2797:SER:O	1:B:2801:CYS:N	2.16	0.75
1:B:2924:GLU:CA	1:B:2928:ARG:H	2.00	0.75
1:A:1003:GLN:O	1:A:1007:ASP:N	2.20	0.75
1:A:2331:LYS:O	1:A:2335:THR:N	2.12	0.75
1:B:1613:GLY:O	1:B:1617:LEU:N	2.14	0.75
1:B:2194:THR:O	1:B:2198:LEU:N	2.16	0.75
1:B:2847:GLU:O	1:B:2851:ALA:N	2.12	0.75
1:A:1644:MET:O	1:A:1648:VAL:N	2.15	0.75
1:A:2412:ASN:HA	1:A:2415:ALA:HB3	1.69	0.75
1:A:2453:ARG:O	1:A:2457:GLU:N	2.13	0.75
1:B:736:ALA:O	1:B:740:ALA:N	2.19	0.75
1:B:1260:VAL:O	1:B:1264:HIS:N	2.16	0.75
1:B:2062:ALA:O	1:B:2066:GLN:N	2.13	0.75

Continued on next page...

Continued from previous page...

Atom-1	Atom-2	Interatomic distance (Å)	Clash overlap (Å)
1:B:2107:MET:O	1:B:2111:HIS:N	2.16	0.75
1:B:2519:LEU:O	1:B:2523:LEU:N	2.20	0.75
1:B:2720:ASP:H	1:B:2763:ARG:C	1.90	0.75
1:B:2734:MET:O	1:B:2738:LEU:N	2.15	0.75
1:B:478:SER:O	1:B:482:LYS:N	2.16	0.75
1:B:1704:GLU:O	1:B:1708:LEU:N	2.20	0.75
1:B:2686:PHE:HA	1:B:2704:CYS:HA	1.69	0.75
1:B:2723:ARG:HA	1:B:2726:ALA:HB3	1.66	0.75
1:A:280:ILE:O	1:A:284:GLN:N	2.19	0.75
1:A:736:ALA:O	1:A:740:ALA:N	2.19	0.75
1:A:1941:VAL:O	1:A:1945:ALA:N	2.14	0.75
1:A:2066:GLN:O	1:A:2070:ASN:N	2.14	0.75
1:A:2691:ARG:O	1:A:2701:ILE:N	2.19	0.75
1:B:155:TYR:O	1:B:159:ILE:N	2.17	0.75
1:A:485:ASN:O	1:A:489:CYS:N	2.20	0.74
1:A:2172:THR:O	1:A:2176:LEU:N	2.14	0.74
1:B:629:SER:O	1:B:633:CYS:N	2.18	0.74
1:B:1598:LEU:O	1:B:1602:VAL:N	2.19	0.74
1:B:1721:THR:O	1:B:1725:ASP:N	2.17	0.74
1:B:2384:MET:O	1:B:2388:LEU:N	2.15	0.74
1:B:3035:LEU:O	1:B:3039:ALA:N	2.14	0.74
1:A:207:SER:O	1:A:211:ASP:N	2.19	0.74
1:A:1442:TYR:O	1:A:1446:VAL:N	2.13	0.74
1:A:2519:LEU:O	1:A:2523:LEU:N	2.20	0.74
1:B:1003:GLN:O	1:B:1007:ASP:N	2.20	0.74
1:B:1558:THR:O	1:B:1562:LEU:N	2.17	0.74
1:B:2862:VAL:O	1:B:2866:LEU:N	2.14	0.74
1:A:2208:HIS:O	1:A:2212:LEU:N	2.19	0.74
1:B:2273:ARG:O	1:B:2277:GLN:N	2.14	0.74
1:B:2621:GLU:O	1:B:2625:ASP:N	2.19	0.74
1:A:846:LEU:O	1:A:850:GLU:N	2.19	0.74
1:B:2487:LEU:O	1:B:2491:TRP:N	2.15	0.74
1:B:2412:ASN:HA	1:B:2415:ALA:HB3	1.69	0.74
1:B:3049:PHE:O	1:B:3053:LYS:N	2.19	0.74
1:A:2384:MET:O	1:A:2388:LEU:N	2.15	0.74
1:A:2541:LEU:O	1:A:2545:ILE:N	2.15	0.74
1:A:2720:ASP:H	1:A:2763:ARG:C	1.90	0.74
1:B:346:ILE:O	1:B:350:ALA:N	2.13	0.74
1:B:2222:PRO:O	1:B:2226:LEU:N	2.21	0.74
1:A:1904:LYS:O	1:A:1908:THR:N	2.20	0.74
1:A:2686:PHE:HA	1:A:2704:CYS:HA	1.70	0.74

Continued on next page...

Continued from previous page...

Atom-1	Atom-2	Interatomic distance (Å)	Clash overlap (Å)
1:B:2402:GLU:O	1:B:2406:LYS:N	2.16	0.74
1:B:2598:ARG:O	1:B:2602:ALA:N	2.15	0.74
1:A:64:LEU:O	1:A:68:ILE:N	2.19	0.74
1:A:1111:LEU:O	1:A:1116:GLN:N	2.19	0.74
1:A:2597:ASP:O	1:A:2601:ALA:N	2.19	0.74
1:A:2815:GLU:O	1:A:2819:VAL:N	2.16	0.74
1:B:1111:LEU:O	1:B:1116:GLN:N	2.19	0.74
1:B:1904:LYS:O	1:B:1908:THR:N	2.20	0.74
1:B:2933:LYS:O	1:B:2937:VAL:N	2.18	0.74
1:A:1342:GLU:O	1:A:1346:GLU:N	2.20	0.74
1:A:1704:GLU:O	1:A:1708:LEU:N	2.20	0.74
1:A:1831:CYS:O	1:A:1835:THR:N	2.17	0.74
1:A:1857:SER:O	1:A:1861:LEU:N	2.18	0.74
1:A:2156:GLU:O	1:A:2160:LYS:N	2.15	0.74
1:B:485:ASN:O	1:B:489:CYS:N	2.20	0.74
1:B:2147:LEU:O	1:B:2151:ARG:N	2.21	0.74
1:A:1107:LEU:O	1:A:1111:LEU:N	2.16	0.74
1:A:1614:LEU:O	1:A:1618:ARG:N	2.16	0.74
1:A:2402:GLU:O	1:A:2406:LYS:N	2.16	0.74
1:A:2598:ARG:O	1:A:2602:ALA:N	2.15	0.74
1:A:3004:LYS:O	1:A:3008:ARG:N	2.14	0.74
1:B:2363:LYS:O	1:B:2367:VAL:N	2.21	0.74
1:A:2009:TYR:O	1:A:2013:GLY:N	2.21	0.73
1:B:280:ILE:O	1:B:284:GLN:N	2.19	0.73
1:B:1342:GLU:O	1:B:1346:GLU:N	2.20	0.73
1:B:2043:GLY:O	1:B:2047:VAL:N	2.17	0.73
1:A:1537:GLN:O	1:A:1541:LEU:N	2.15	0.73
1:B:1535:GLN:O	1:B:1539:LEU:N	2.16	0.73
1:B:2308:ALA:O	1:B:2312:LEU:N	2.17	0.73
1:B:1456:GLY:O	1:B:1460:ALA:N	2.19	0.73
1:B:1998:GLY:O	1:B:2002:GLN:N	2.15	0.73
1:A:1966:SER:O	1:A:1970:GLN:N	2.13	0.73
1:A:2924:GLU:CA	1:A:2928:ARG:H	2.00	0.73
1:A:2933:LYS:O	1:A:2937:VAL:N	2.18	0.73
1:B:272:ASN:O	1:B:276:LYS:N	2.21	0.73
1:B:2815:GLU:O	1:B:2819:VAL:N	2.16	0.73
1:A:272:ASN:O	1:A:276:LYS:N	2.21	0.73
1:A:2147:LEU:O	1:A:2151:ARG:N	2.21	0.73
1:A:2623:LEU:O	1:A:2627:TYR:N	2.14	0.73
1:A:2844:ILE:HA	1:A:2848:LYS:H	1.53	0.73
1:A:1945:ALA:HB1	1:A:1954:ALA:HA	1.70	0.73

Continued on next page...

Continued from previous page...

Atom-1	Atom-2	Interatomic distance (Å)	Clash overlap (Å)
1:B:692:ARG:O	1:B:696:GLY:N	2.21	0.73
1:B:943:HIS:O	1:B:947:TYR:N	2.17	0.73
1:B:1516:HIS:O	1:B:1520:ILE:N	2.15	0.73
1:A:1117:GLN:O	1:A:1121:GLU:N	2.18	0.73
1:A:2142:THR:O	1:A:2146:SER:N	2.14	0.73
1:B:2075:HIS:O	1:B:2079:VAL:N	2.17	0.73
1:B:2534:GLY:O	1:B:2538:HIS:N	2.21	0.73
1:A:1957:TYR:O	1:A:1961:TYR:N	2.17	0.73
1:A:2256:VAL:O	1:A:2260:ILE:N	2.20	0.73
1:A:2335:THR:O	1:A:2339:ARG:N	2.18	0.73
1:B:1679:GLY:O	1:B:1683:PHE:N	2.22	0.73
1:B:2844:ILE:HA	1:B:2848:LYS:H	1.53	0.73
1:A:629:SER:O	1:A:633:CYS:N	2.19	0.73
1:A:633:CYS:O	1:A:637:GLN:N	2.22	0.73
1:A:1260:VAL:O	1:A:1264:HIS:N	2.16	0.73
1:A:2539:GLU:O	1:A:2543:ASN:N	2.19	0.73
1:A:2733:GLN:O	1:A:2737:THR:N	2.17	0.73
1:A:2757:VAL:HA	1:A:2767:LEU:HA	1.70	0.73
1:B:171:TYR:O	1:B:175:TYR:N	2.22	0.73
1:B:633:CYS:O	1:B:637:GLN:N	2.22	0.73
1:B:2334:TYR:O	1:B:2338:LEU:N	2.16	0.73
1:B:2796:PHE:O	1:B:2800:GLN:N	2.19	0.73
1:A:1765:GLN:O	1:A:1769:THR:N	2.22	0.72
1:A:2654:THR:O	1:A:2658:ASN:N	2.22	0.72
1:B:1945:ALA:HB1	1:B:1954:ALA:HA	1.70	0.72
1:B:1964:LYS:O	1:B:1968:ASP:N	2.13	0.72
1:B:2597:ASP:O	1:B:2601:ALA:N	2.19	0.72
1:A:191:ILE:O	1:A:195:THR:N	2.15	0.72
1:A:1395:ASN:O	1:A:1399:THR:N	2.19	0.72
1:A:1398:LYS:HA	1:A:1513:LEU:H	1.54	0.72
1:A:1678:VAL:O	1:A:1682:ASP:N	2.17	0.72
1:B:1831:CYS:O	1:B:1835:THR:N	2.17	0.72
1:B:2332:LEU:O	1:B:2336:GLU:N	2.16	0.72
1:A:563:MET:O	1:A:567:ASN:N	2.22	0.72
1:A:2621:GLU:O	1:A:2625:ASP:N	2.19	0.72
1:B:158:GLU:O	1:B:162:GLN:N	2.22	0.72
1:A:828:LYS:O	1:A:832:ARG:N	2.20	0.72
1:A:1001:LEU:O	1:A:1005:ASN:N	2.21	0.72
1:A:1679:GLY:O	1:A:1683:PHE:N	2.22	0.72
1:A:2534:GLY:O	1:A:2538:HIS:N	2.21	0.72
1:A:2619:SER:O	1:A:2623:LEU:N	2.16	0.72

Continued on next page...

Continued from previous page...

Atom-1	Atom-2	Interatomic distance (Å)	Clash overlap (Å)
1:B:1001:LEU:O	1:B:1005:ASN:N	2.21	0.72
1:B:1354:PRO:O	1:B:1358:SER:N	2.23	0.72
1:B:1678:VAL:O	1:B:1682:ASP:N	2.17	0.72
1:B:1765:GLN:O	1:B:1769:THR:N	2.22	0.72
1:B:2331:LYS:O	1:B:2335:THR:N	2.12	0.72
1:B:2342:GLY:O	1:B:2346:ALA:N	2.18	0.72
1:A:156:TRP:O	1:A:160:SER:N	2.22	0.72
1:A:2544:LEU:O	1:A:2548:ILE:N	2.16	0.72
1:B:190:ILE:O	1:B:194:VAL:N	2.22	0.72
1:B:276:LYS:O	1:B:281:GLU:N	2.23	0.72
1:B:1398:LYS:HA	1:B:1513:LEU:H	1.54	0.72
1:B:1857:SER:O	1:B:1861:LEU:N	2.18	0.72
1:B:2691:ARG:O	1:B:2701:ILE:N	2.19	0.72
1:A:2342:GLY:O	1:A:2346:ALA:N	2.18	0.72
1:A:2559:ILE:O	1:A:2563:LEU:N	2.22	0.72
1:B:582:PHE:O	1:B:586:GLU:N	2.20	0.72
1:B:846:LEU:O	1:B:850:GLU:N	2.19	0.72
1:B:1957:TYR:O	1:B:1961:TYR:N	2.17	0.72
1:B:2539:GLU:O	1:B:2543:ASN:N	2.19	0.72
1:B:2733:GLN:O	1:B:2737:THR:N	2.17	0.72
1:A:171:TYR:O	1:A:175:TYR:N	2.22	0.72
1:B:345:LEU:O	1:B:349:MET:N	2.16	0.72
1:B:2654:THR:O	1:B:2658:ASN:N	2.22	0.72
1:A:1662:THR:O	1:A:1666:GLU:N	2.13	0.72
1:A:2035:THR:O	1:A:2039:GLU:N	2.18	0.72
1:A:2487:LEU:O	1:A:2491:TRP:N	2.15	0.72
1:A:2734:MET:O	1:A:2738:LEU:N	2.15	0.72
1:A:2911:THR:O	1:A:2915:VAL:N	2.17	0.72
1:B:1597:PHE:O	1:B:1601:SER:N	2.18	0.72
1:B:1644:MET:O	1:B:1648:VAL:N	2.15	0.72
1:B:2559:ILE:O	1:B:2563:LEU:N	2.22	0.72
1:A:2043:GLY:O	1:A:2047:VAL:N	2.17	0.72
1:B:9:LEU:O	1:B:13:ARG:N	2.18	0.72
1:B:3030:GLY:O	1:B:3034:LEU:N	2.16	0.72
1:A:481:LEU:O	1:A:485:ASN:N	2.17	0.72
1:A:2797:SER:O	1:A:2801:CYS:N	2.16	0.72
1:B:60:VAL:O	1:B:64:LEU:N	2.17	0.72
1:B:2009:TYR:O	1:B:2013:GLY:N	2.21	0.72
1:A:158:GLU:O	1:A:162:GLN:N	2.22	0.71
1:B:2256:VAL:O	1:B:2260:ILE:N	2.20	0.71
1:B:2619:SER:O	1:B:2623:LEU:N	2.16	0.71

Continued on next page...

Continued from previous page...

Atom-1	Atom-2	Interatomic distance (Å)	Clash overlap (Å)
1:A:2222:PRO:O	1:A:2226:LEU:N	2.21	0.71
1:B:182:VAL:O	1:B:186:LEU:N	2.22	0.71
1:B:563:MET:O	1:B:567:ASN:N	2.22	0.71
1:B:1213:HIS:O	1:B:1217:LEU:N	2.23	0.71
1:B:2335:THR:O	1:B:2339:ARG:N	2.18	0.71
1:B:2606:ILE:O	1:B:2610:ARG:N	2.18	0.71
1:A:190:ILE:O	1:A:194:VAL:N	2.22	0.71
1:A:2064:ILE:O	1:A:2068:LEU:N	2.17	0.71
1:A:1912:VAL:O	1:A:1916:MET:N	2.24	0.71
1:A:2603:ASN:O	1:A:2607:CYS:N	2.23	0.71
1:A:2878:ILE:HA	1:A:2885:LEU:HA	1.73	0.71
1:B:519:VAL:O	1:B:523:PHE:N	2.15	0.71
1:A:1213:HIS:O	1:A:1217:LEU:N	2.23	0.71
1:A:2127:SER:O	1:A:2131:ALA:N	2.12	0.71
1:A:2399:GLN:O	1:A:2403:ASN:N	2.18	0.71
1:B:207:SER:O	1:B:211:ASP:N	2.19	0.71
1:A:851:ASP:O	1:A:855:MET:N	2.18	0.71
1:A:1354:PRO:O	1:A:1358:SER:N	2.23	0.71
1:B:1395:ASN:O	1:B:1399:THR:N	2.19	0.71
1:B:1912:VAL:O	1:B:1916:MET:N	2.24	0.71
1:B:2617:VAL:O	1:B:2620:VAL:N	2.18	0.71
1:A:1676:GLY:O	1:A:1679:GLY:N	2.23	0.71
1:B:61:PHE:O	1:B:65:GLN:N	2.19	0.71
1:B:1117:GLN:O	1:B:1121:GLU:N	2.18	0.71
1:B:2449:GLU:O	1:B:2453:ARG:N	2.17	0.71
1:A:243:LEU:O	1:A:247:PHE:N	2.24	0.71
1:B:2757:VAL:HA	1:B:2767:LEU:HA	1.70	0.71
1:A:579:TRP:O	1:A:583:TYR:N	2.19	0.71
1:A:582:PHE:O	1:A:586:GLU:N	2.20	0.71
1:A:978:SER:O	1:A:982:ARG:N	2.20	0.71
1:A:1263:SER:O	1:A:1267:GLU:N	2.17	0.71
1:A:1964:LYS:O	1:A:1968:ASP:N	2.13	0.71
1:A:2297:GLN:O	1:A:2301:ALA:N	2.22	0.71
1:B:156:TRP:O	1:B:160:SER:N	2.22	0.71
1:B:243:LEU:O	1:B:247:PHE:N	2.24	0.71
1:B:2292:GLN:O	1:B:2295:GLU:N	2.24	0.71
1:B:2364:ALA:O	1:B:2368:ALA:N	2.20	0.71
1:A:2194:THR:N	1:A:2197:GLN:H	1.89	0.70
1:A:2819:VAL:O	1:A:2823:VAL:N	2.19	0.70
1:B:313:TYR:O	1:B:317:ASP:N	2.20	0.70
1:B:579:TRP:O	1:B:583:TYR:N	2.19	0.70

Continued on next page...

Continued from previous page...

Atom-1	Atom-2	Interatomic distance (Å)	Clash overlap (Å)
1:B:656:THR:O	1:B:660:MET:N	2.20	0.70
1:B:1736:CYS:O	1:B:1740:ILE:N	2.19	0.70
1:B:1847:HIS:O	1:B:1851:LEU:N	2.16	0.70
1:A:2334:TYR:O	1:A:2338:LEU:N	2.16	0.70
1:A:2841:ASP:O	1:A:2844:ILE:N	2.23	0.70
1:A:2928:ARG:O	1:A:2932:GLU:N	2.21	0.70
1:B:275:LEU:O	1:B:280:ILE:N	2.24	0.70
1:B:583:TYR:O	1:B:587:GLY:N	2.24	0.70
1:B:2541:LEU:O	1:B:2545:ILE:N	2.15	0.70
1:A:2359:THR:O	1:A:2363:LYS:N	2.20	0.70
1:B:1531:GLN:O	1:B:1534:VAL:N	2.19	0.70
1:B:2297:GLN:O	1:B:2301:ALA:N	2.22	0.70
1:B:2878:ILE:HA	1:B:2885:LEU:HA	1.73	0.70
1:A:1736:CYS:O	1:A:1740:ILE:N	2.19	0.70
1:A:2363:LYS:O	1:A:2367:VAL:N	2.21	0.70
1:B:1198:SER:O	1:B:1202:GLY:N	2.20	0.70
1:A:508:LEU:O	1:A:512:ILE:N	2.19	0.70
1:A:943:HIS:O	1:A:947:TYR:N	2.17	0.70
1:A:1557:ILE:O	1:A:1561:LEU:N	2.23	0.70
1:B:1136:HIS:O	1:B:1140:ASN:N	2.16	0.70
1:B:1634:ALA:O	1:B:1638:ASN:N	2.14	0.70
1:B:2261:LEU:O	1:B:2265:PHE:N	2.20	0.70
1:B:2841:ASP:O	1:B:2844:ILE:N	2.23	0.70
1:A:61:PHE:O	1:A:65:GLN:N	2.19	0.70
1:A:2772:GLY:O	1:A:2879:ASN:HA	1.92	0.70
1:B:2194:THR:N	1:B:2197:GLN:H	1.89	0.70
1:B:2306:SER:H	1:B:2309:LEU:N	1.89	0.70
1:B:2445:LEU:O	1:B:2449:GLU:N	2.18	0.70
1:A:2449:GLU:O	1:A:2453:ARG:N	2.17	0.70
1:A:2685:SER:N	1:A:2705:VAL:O	2.19	0.70
1:A:2926:VAL:O	1:A:2930:CYS:N	2.21	0.70
1:B:2343:ASN:O	1:B:2347:GLU:N	2.17	0.70
1:B:2413:LYS:O	1:B:2417:LEU:N	2.21	0.70
1:A:345:LEU:O	1:A:349:MET:N	2.16	0.70
1:A:1881:SER:O	1:A:1885:THR:N	2.18	0.70
1:B:2150:ALA:O	1:B:2154:GLU:N	2.21	0.70
1:B:2359:THR:O	1:B:2363:LYS:N	2.20	0.70
1:B:2603:ASN:O	1:B:2607:CYS:N	2.23	0.70
1:B:2926:VAL:O	1:B:2930:CYS:N	2.21	0.70
1:A:275:LEU:O	1:A:280:ILE:N	2.24	0.70
1:A:276:LYS:O	1:A:281:GLU:N	2.23	0.70

Continued on next page...

Continued from previous page...

Atom-1	Atom-2	Interatomic distance (Å)	Clash overlap (Å)
1:A:692:ARG:O	1:A:696:GLY:N	2.21	0.70
1:A:1713:ILE:O	1:A:1717:TYR:N	2.16	0.70
1:A:2251:LEU:O	1:A:2255:LEU:N	2.20	0.70
1:A:2292:GLN:O	1:A:2295:GLU:N	2.24	0.70
1:B:2512:PRO:O	1:B:2516:PHE:N	2.22	0.70
1:A:67:TYR:O	1:A:71:GLU:N	2.24	0.70
1:A:182:VAL:O	1:A:186:LEU:N	2.22	0.70
1:A:284:GLN:O	1:A:288:TYR:N	2.23	0.70
1:A:1552:ASN:O	1:A:1556:TYR:N	2.21	0.70
1:A:1724:GLU:O	1:A:1727:VAL:N	2.24	0.70
1:A:2617:VAL:O	1:A:2620:VAL:N	2.18	0.70
1:B:194:VAL:O	1:B:198:CYS:N	2.25	0.70
1:B:561:GLN:O	1:B:565:GLU:N	2.19	0.70
1:B:989:THR:O	1:B:993:HIS:N	2.19	0.70
1:B:1107:LEU:O	1:B:1111:LEU:N	2.16	0.70
1:B:1586:GLY:O	1:B:1591:LEU:N	2.25	0.70
1:B:1676:GLY:O	1:B:1679:GLY:N	2.23	0.70
1:B:1155:LEU:O	1:B:1159:ALA:N	2.23	0.69
1:B:2472:ASN:O	1:B:2476:SER:N	2.25	0.69
1:B:2544:LEU:O	1:B:2548:ILE:N	2.16	0.69
1:B:2731:VAL:O	1:B:2735:CYS:N	2.19	0.69
1:B:3036:ILE:O	1:B:3040:ILE:N	2.25	0.69
1:A:1170:LYS:O	1:A:1174:PHE:N	2.18	0.69
1:A:1456:GLY:O	1:A:1460:ALA:N	2.19	0.69
1:A:2075:HIS:O	1:A:2079:VAL:N	2.17	0.69
1:A:2257:GLU:O	1:A:2261:LEU:N	2.21	0.69
1:A:194:VAL:O	1:A:198:CYS:N	2.25	0.69
1:A:712:SER:O	1:A:716:VAL:N	2.20	0.69
1:A:2973:ARG:O	1:A:2975:GLU:N	2.25	0.69
1:B:993:HIS:O	1:B:997:VAL:N	2.24	0.69
1:B:2199:SER:O	1:B:2203:ILE:N	2.18	0.69
1:A:656:THR:O	1:A:660:MET:N	2.20	0.69
1:B:506:GLY:O	1:B:510:ALA:N	2.24	0.69
1:B:1912:VAL:O	1:B:1917:ARG:N	2.26	0.69
1:A:8:LEU:O	1:A:12:CYS:N	2.25	0.69
1:A:2258:LEU:O	1:A:2262:ALA:N	2.25	0.69
1:B:2258:LEU:O	1:B:2262:ALA:N	2.24	0.69
1:B:2973:ARG:O	1:B:2975:GLU:N	2.25	0.69
1:A:1439:LEU:O	1:A:1443:HIS:N	2.21	0.69
1:A:1586:GLY:O	1:A:1591:LEU:N	2.25	0.69
1:A:1271:ILE:O	1:A:1276:GLN:N	2.26	0.69

Continued on next page...

Continued from previous page...

Atom-1	Atom-2	Interatomic distance (Å)	Clash overlap (Å)
1:A:1531:GLN:O	1:A:1534:VAL:N	2.19	0.69
1:B:281:GLU:O	1:B:285:LEU:N	2.26	0.69
1:B:1557:ILE:O	1:B:1561:LEU:N	2.23	0.69
1:B:2911:THR:O	1:B:2915:VAL:N	2.17	0.69
1:A:457:ARG:O	1:A:461:GLU:N	2.23	0.69
1:A:2914:ILE:O	1:A:2918:MET:N	2.25	0.69
1:B:8:LEU:O	1:B:12:CYS:N	2.25	0.69
1:B:1485:ASP:O	1:B:1489:ARG:N	2.25	0.69
1:B:1724:GLU:O	1:B:1727:VAL:N	2.24	0.69
1:B:2270:LEU:O	1:B:2274:ALA:N	2.19	0.69
1:B:2682:THR:O	1:B:2707:SER:N	2.21	0.69
1:A:2294:GLU:O	1:A:2297:GLN:N	2.20	0.69
1:A:2306:SER:H	1:A:2309:LEU:N	1.89	0.69
1:B:1212:SER:O	1:B:1216:TYR:N	2.18	0.69
1:A:11:CYS:O	1:A:15:LEU:N	2.21	0.69
1:A:540:CYS:O	1:A:544:LEU:N	2.21	0.69
1:A:1151:LYS:O	1:A:1155:LEU:N	2.27	0.69
1:B:540:CYS:O	1:B:544:LEU:N	2.21	0.69
1:B:1271:ILE:O	1:B:1276:GLN:N	2.26	0.69
1:B:2728:MET:O	1:B:2732:PHE:N	2.18	0.69
1:A:506:GLY:O	1:A:510:ALA:N	2.24	0.68
1:A:3030:GLY:O	1:A:3034:LEU:N	2.16	0.68
1:B:748:LYS:O	1:B:752:LEU:N	2.23	0.68
1:A:3036:ILE:O	1:A:3040:ILE:N	2.24	0.68
1:B:435:LEU:O	1:B:439:LEU:N	2.26	0.68
1:B:2035:THR:O	1:B:2039:GLU:N	2.18	0.68
1:A:583:TYR:O	1:A:587:GLY:N	2.24	0.68
1:A:2793:PRO:O	1:A:2797:SER:N	2.23	0.68
1:B:2772:GLY:O	1:B:2879:ASN:HA	1.92	0.68
1:A:1136:HIS:O	1:A:1140:ASN:N	2.16	0.68
1:A:2311:ILE:O	1:A:2315:MET:N	2.22	0.68
1:A:2472:ASN:O	1:A:2476:SER:N	2.25	0.68
1:A:2859:SER:O	1:A:2862:VAL:N	2.27	0.68
1:B:7:ASP:O	1:B:11:CYS:N	2.24	0.68
1:B:312:LEU:O	1:B:316:TYR:N	2.26	0.68
1:B:828:LYS:O	1:B:832:ARG:N	2.20	0.68
1:B:2064:ILE:O	1:B:2068:LEU:N	2.17	0.68
1:A:921:ALA:O	1:A:925:ARG:N	2.23	0.68
1:A:949:MET:O	1:A:953:GLU:N	2.22	0.68
1:B:1664:GLU:O	1:B:1668:LEU:N	2.22	0.68
1:B:2047:VAL:O	1:B:2051:LEU:N	2.22	0.68

Continued on next page...

Continued from previous page...

Atom-1	Atom-2	Interatomic distance (Å)	Clash overlap (Å)
1:A:281:GLU:O	1:A:285:LEU:N	2.26	0.68
1:A:2261:LEU:O	1:A:2265:PHE:N	2.20	0.68
1:A:2513:THR:O	1:A:2517:LEU:N	2.27	0.68
1:B:2842:PRO:O	1:B:2846:PHE:N	2.27	0.68
1:A:312:LEU:O	1:A:316:TYR:N	2.26	0.68
1:A:993:HIS:O	1:A:997:VAL:N	2.24	0.68
1:A:1598:LEU:O	1:A:1602:VAL:N	2.19	0.68
1:A:2205:TRP:O	1:A:2209:SER:N	2.26	0.68
1:A:2450:LEU:O	1:A:2454:ALA:N	2.16	0.68
1:A:2620:VAL:O	1:A:2624:CYS:N	2.23	0.68
1:B:1170:LYS:O	1:B:1174:PHE:N	2.18	0.68
1:B:1881:SER:O	1:B:1885:THR:N	2.19	0.68
1:B:2243:GLN:O	1:B:2247:ILE:N	2.22	0.68
1:A:1173:LEU:O	1:A:1177:CYS:N	2.20	0.68
1:A:2150:ALA:O	1:A:2154:GLU:N	2.21	0.68
1:B:2311:ILE:O	1:B:2315:MET:N	2.22	0.68
1:B:2859:SER:O	1:B:2862:VAL:N	2.27	0.68
1:A:2396:THR:O	1:A:2400:ARG:N	2.20	0.68
1:B:1263:SER:O	1:B:1267:GLU:N	2.17	0.68
1:B:2069:GLN:O	1:B:2073:LEU:N	2.18	0.67
1:A:9:LEU:O	1:A:13:ARG:N	2.18	0.67
1:A:313:TYR:O	1:A:317:ASP:N	2.20	0.67
1:A:523:PHE:O	1:A:527:PHE:N	2.25	0.67
1:A:1309:ALA:HB1	1:A:1314:THR:HA	1.76	0.67
1:A:1764:LEU:O	1:A:1768:ARG:N	2.25	0.67
1:A:1912:VAL:O	1:A:1917:ARG:N	2.25	0.67
1:A:2199:SER:O	1:A:2203:ILE:N	2.18	0.67
1:A:2243:GLN:O	1:A:2247:ILE:N	2.22	0.67
1:B:508:LEU:O	1:B:512:ILE:N	2.19	0.67
1:B:2399:GLN:O	1:B:2403:ASN:N	2.18	0.67
1:A:1847:HIS:O	1:A:1851:LEU:N	2.16	0.67
1:A:2842:PRO:O	1:A:2846:PHE:N	2.27	0.67
1:B:284:GLN:O	1:B:288:TYR:N	2.23	0.67
1:B:885:LEU:O	1:B:889:TYR:N	2.25	0.67
1:B:1554:ASN:O	1:B:1558:THR:N	2.24	0.67
1:B:2854:ARG:O	1:B:2858:THR:N	2.28	0.67
1:A:43:LEU:HA	1:A:59:ALA:HB3	1.77	0.67
1:A:1721:THR:O	1:A:1725:ASP:N	2.17	0.67
1:A:2854:ARG:O	1:A:2858:THR:N	2.28	0.67
1:B:978:SER:O	1:B:982:ARG:N	2.20	0.67
1:B:1115:LEU:O	1:B:1119:ALA:N	2.22	0.67

Continued on next page...

Continued from previous page...

Atom-1	Atom-2	Interatomic distance (Å)	Clash overlap (Å)
1:B:1439:LEU:O	1:B:1443:HIS:N	2.21	0.67
1:B:2179:ILE:O	1:B:2183:GLU:N	2.22	0.67
1:B:3050:PRO:O	1:B:3054:ALA:N	2.27	0.67
1:B:1072:GLU:O	1:B:1076:GLN:N	2.20	0.67
1:A:944:LEU:O	1:A:948:LEU:N	2.23	0.67
1:A:992:ASN:O	1:A:996:HIS:N	2.22	0.67
1:A:1437:ARG:O	1:A:1441:ILE:N	2.18	0.67
1:A:2356:ILE:O	1:A:2361:LEU:N	2.24	0.67
1:B:659:LYS:O	1:B:664:THR:N	2.28	0.67
1:B:2513:THR:O	1:B:2517:LEU:N	2.27	0.67
1:B:2685:SER:N	1:B:2705:VAL:O	2.19	0.67
1:B:2895:GLU:O	1:B:2899:ILE:N	2.27	0.67
1:A:212:PHE:O	1:A:216:ALA:N	2.25	0.67
1:A:435:LEU:O	1:A:439:LEU:N	2.26	0.67
1:A:1155:LEU:O	1:A:1159:ALA:N	2.23	0.67
1:A:2332:LEU:O	1:A:2336:GLU:N	2.17	0.67
1:A:2512:PRO:O	1:A:2516:PHE:N	2.22	0.67
1:A:2599:THR:O	1:A:2603:ASN:N	2.26	0.67
1:B:43:LEU:HA	1:B:59:ALA:HB3	1.77	0.67
1:B:1173:LEU:O	1:B:1177:CYS:N	2.20	0.67
1:A:231:HIS:O	1:A:235:ALA:N	2.26	0.67
1:A:1664:GLU:O	1:A:1668:LEU:N	2.22	0.67
1:A:2488:CYS:O	1:A:2492:LEU:N	2.27	0.67
1:B:231:HIS:O	1:B:235:ALA:N	2.26	0.67
1:A:1739:ASN:HA	1:A:1742:ALA:HB3	1.76	0.67
1:A:2364:ALA:O	1:A:2368:ALA:N	2.20	0.67
1:B:30:PHE:O	1:B:34:ILE:N	2.28	0.67
1:B:1579:GLN:O	1:B:1583:TYR:N	2.19	0.67
1:B:2356:ILE:O	1:B:2361:LEU:N	2.24	0.67
1:B:457:ARG:O	1:B:461:GLU:N	2.23	0.66
1:B:954:LEU:O	1:B:958:GLU:N	2.24	0.66
1:B:1151:LYS:O	1:B:1155:LEU:N	2.27	0.66
1:B:2205:TRP:O	1:B:2209:SER:N	2.26	0.66
1:A:30:PHE:O	1:A:34:ILE:N	2.28	0.66
1:A:2895:GLU:O	1:A:2899:ILE:N	2.27	0.66
1:B:992:ASN:O	1:B:996:HIS:N	2.22	0.66
1:A:1518:HIS:O	1:A:1522:GLY:N	2.29	0.66
1:A:1868:GLY:O	1:A:1872:SER:N	2.18	0.66
1:A:2067:ALA:O	1:A:2071:LEU:N	2.18	0.66
1:B:2488:CYS:O	1:B:2492:LEU:N	2.27	0.66
1:A:885:LEU:O	1:A:889:TYR:N	2.25	0.66

Continued on next page...

Continued from previous page...

Atom-1	Atom-2	Interatomic distance (Å)	Clash overlap (Å)
1:B:974:SER:O	1:B:978:SER:N	2.21	0.66
1:B:1569:VAL:O	1:B:1573:ASP:N	2.18	0.66
1:B:1739:ASN:HA	1:B:1742:ALA:HB3	1.76	0.66
1:B:2251:LEU:O	1:B:2255:LEU:N	2.20	0.66
1:A:659:LYS:O	1:A:664:THR:N	2.28	0.66
1:A:1493:LEU:O	1:A:1497:LEU:N	2.19	0.66
1:A:2308:ALA:O	1:A:2311:ILE:N	2.29	0.66
1:A:2343:ASN:O	1:A:2347:GLU:N	2.17	0.66
1:A:2445:LEU:O	1:A:2449:GLU:N	2.18	0.66
1:B:67:TYR:O	1:B:71:GLU:N	2.24	0.66
1:B:991:LEU:O	1:B:995:LEU:N	2.23	0.66
1:B:1552:ASN:O	1:B:1556:TYR:N	2.21	0.66
1:B:212:PHE:O	1:B:216:ALA:N	2.25	0.66
1:B:350:ALA:O	1:B:354:HIS:N	2.29	0.66
1:B:655:THR:O	1:B:659:LYS:N	2.23	0.66
1:B:2376:SER:O	1:B:2380:ARG:N	2.21	0.66
1:A:2376:SER:O	1:A:2380:ARG:N	2.22	0.66
1:A:2413:LYS:O	1:A:2417:LEU:N	2.21	0.66
1:A:3050:PRO:O	1:A:3054:ALA:N	2.27	0.66
1:A:1054:PRO:O	1:A:1057:LYS:N	2.29	0.66
1:A:1930:ASP:O	1:A:1934:LEU:N	2.29	0.66
1:B:1518:HIS:O	1:B:1522:GLY:N	2.29	0.66
1:B:1657:MET:O	1:B:1660:ASN:N	2.29	0.66
1:A:45:ARG:O	1:A:60:VAL:N	2.28	0.66
1:B:1309:ALA:HB1	1:B:1314:THR:HA	1.76	0.66
1:B:1764:LEU:O	1:B:1768:ARG:N	2.25	0.66
1:B:2180:GLY:O	1:B:2184:SER:N	2.25	0.66
1:A:7:ASP:O	1:A:11:CYS:N	2.24	0.66
1:A:827:LYS:O	1:A:831:ASP:N	2.22	0.66
1:A:1632:MET:O	1:A:1636:GLN:N	2.19	0.66
1:B:523:PHE:O	1:B:527:PHE:N	2.25	0.66
1:B:1842:LEU:O	1:B:1846:ILE:N	2.29	0.66
1:B:3041:ASP:O	1:B:3045:LEU:N	2.24	0.66
1:A:1597:PHE:O	1:A:1601:SER:N	2.18	0.65
1:A:2731:VAL:O	1:A:2735:CYS:N	2.19	0.65
1:B:1054:PRO:O	1:B:1057:LYS:N	2.29	0.65
1:B:1969:ASP:O	1:B:1973:ARG:N	2.24	0.65
1:B:2744:GLU:O	1:B:2748:ARG:N	2.20	0.65
1:A:350:ALA:O	1:A:354:HIS:N	2.29	0.65
1:A:655:THR:O	1:A:659:LYS:N	2.23	0.65
1:A:2338:LEU:O	1:A:2342:GLY:N	2.21	0.65

Continued on next page...

Continued from previous page...

Atom-1	Atom-2	Interatomic distance (Å)	Clash overlap (Å)
1:B:2061:GLN:O	1:B:2065:ILE:N	2.22	0.65
1:B:2308:ALA:O	1:B:2311:ILE:N	2.29	0.65
1:A:2682:THR:O	1:A:2707:SER:N	2.21	0.65
1:B:1382:PRO:O	1:B:1386:ILE:N	2.23	0.65
1:A:169:SER:O	1:A:173:ARG:N	2.23	0.65
1:B:1354:PRO:HA	1:B:1357:SER:H	1.61	0.65
1:B:1632:MET:O	1:B:1636:GLN:N	2.19	0.65
1:A:2092:CYS:O	1:A:2096:GLU:N	2.30	0.65
1:A:160:SER:O	1:A:199:CYS:N	2.28	0.65
1:A:1211:ALA:O	1:A:1215:ASP:N	2.26	0.65
1:B:11:CYS:O	1:B:15:LEU:N	2.21	0.65
1:A:1354:PRO:HA	1:A:1357:SER:H	1.61	0.65
1:A:1382:PRO:O	1:A:1386:ILE:N	2.23	0.65
1:A:3033:ASN:O	1:A:3037:GLN:N	2.18	0.65
1:B:2444:GLU:O	1:B:2448:ASP:N	2.25	0.65
1:B:2450:LEU:O	1:B:2454:ALA:N	2.16	0.65
1:A:1579:GLN:O	1:A:1583:TYR:N	2.19	0.65
1:B:2793:PRO:O	1:B:2797:SER:N	2.22	0.65
1:A:60:VAL:O	1:A:64:LEU:N	2.17	0.65
1:A:2047:VAL:O	1:A:2051:LEU:N	2.22	0.65
1:A:2099:HIS:O	1:A:2103:ALA:N	2.24	0.65
1:B:2092:CYS:O	1:B:2096:GLU:N	2.30	0.65
1:A:2253:LYS:O	1:A:2257:GLU:N	2.18	0.65
1:B:944:LEU:O	1:B:948:LEU:N	2.23	0.65
1:A:1554:ASN:O	1:A:1558:THR:N	2.24	0.64
1:A:2187:GLU:O	1:A:2191:ARG:N	2.26	0.64
1:A:1082:HIS:O	1:A:1086:ARG:N	2.24	0.64
1:A:1913:VAL:O	1:A:1918:ARG:N	2.31	0.64
1:A:2060:ARG:O	1:A:2064:ILE:N	2.21	0.64
1:B:160:SER:O	1:B:199:CYS:N	2.28	0.64
1:B:511:ILE:O	1:B:515:SER:N	2.29	0.64
1:B:1166:PRO:O	1:B:1170:LYS:N	2.25	0.64
1:B:1397:HIS:C	1:B:1400:LYS:H	2.01	0.64
1:A:609:GLU:O	1:A:613:VAL:N	2.31	0.64
1:A:2796:PHE:O	1:A:2800:GLN:N	2.19	0.64
1:B:481:LEU:O	1:B:485:ASN:N	2.17	0.64
1:B:1900:CYS:O	1:B:1902:ASP:N	2.29	0.64
1:B:1913:VAL:O	1:B:1918:ARG:N	2.31	0.64
1:B:2819:VAL:O	1:B:2823:VAL:N	2.19	0.64
1:A:1072:GLU:O	1:A:1076:GLN:N	2.20	0.64
1:A:1900:CYS:O	1:A:1902:ASP:N	2.29	0.64

Continued on next page...

Continued from previous page...

Atom-1	Atom-2	Interatomic distance (Å)	Clash overlap (Å)
1:B:1930:ASP:O	1:B:1934:LEU:N	2.29	0.64
1:B:2250:ILE:O	1:B:2254:HIS:N	2.20	0.64
1:B:2538:HIS:O	1:B:2542:ASN:N	2.17	0.64
1:B:2727:VAL:O	1:B:2731:VAL:N	2.20	0.64
1:B:2914:ILE:O	1:B:2918:MET:N	2.25	0.64
1:A:271:LEU:O	1:A:275:LEU:N	2.25	0.64
1:A:2378:GLU:O	1:A:2382:GLY:N	2.23	0.64
1:A:2650:ASP:H	1:A:2689:GLU:HA	1.62	0.64
1:B:2778:GLU:O	1:B:2782:ASN:N	2.25	0.64
1:B:1951:HIS:HA	1:B:1954:ALA:HB3	1.80	0.64
1:B:2133:GLN:O	1:B:2136:ARG:N	2.31	0.64
1:A:1198:SER:O	1:A:1202:GLY:N	2.21	0.64
1:B:2879:ASN:N	1:B:2884:GLU:O	2.31	0.64
1:B:755:CYS:O	1:B:759:SER:N	2.30	0.64
1:B:2937:VAL:O	1:B:2941:SER:N	2.29	0.64
1:A:316:TYR:O	1:A:320:VAL:N	2.30	0.64
1:A:1115:LEU:O	1:A:1119:ALA:N	2.22	0.64
1:A:2728:MET:O	1:A:2732:PHE:N	2.18	0.64
1:B:2403:ASN:O	1:B:2407:SER:N	2.31	0.64
1:B:2528:GLY:O	1:B:2533:GLY:N	2.30	0.64
1:A:511:ILE:O	1:A:515:SER:N	2.29	0.64
1:A:1397:HIS:C	1:A:1400:LYS:H	2.01	0.64
1:A:2392:ARG:O	1:A:2396:THR:N	2.23	0.64
1:A:2528:GLY:O	1:A:2533:GLY:N	2.31	0.64
1:B:609:GLU:O	1:B:613:VAL:N	2.31	0.64
1:B:686:LEU:O	1:B:690:LEU:N	2.31	0.64
1:B:2294:GLU:O	1:B:2297:GLN:N	2.20	0.64
1:B:2620:VAL:O	1:B:2624:CYS:N	2.23	0.64
1:B:2650:ASP:H	1:B:2689:GLU:HA	1.63	0.64
1:B:2941:SER:O	1:B:2945:LEU:N	2.18	0.64
1:A:1745:THR:O	1:A:1749:PHE:N	2.27	0.63
1:A:1842:LEU:O	1:A:1846:ILE:N	2.29	0.63
1:A:2716:VAL:HA	1:A:2765:GLY:O	1.97	0.63
1:B:1437:ARG:O	1:B:1441:ILE:N	2.18	0.63
1:B:2298:VAL:CA	1:B:2301:ALA:HB3	2.27	0.63
1:B:921:ALA:O	1:B:925:ARG:N	2.23	0.63
1:B:1256:ILE:O	1:B:1260:VAL:N	2.26	0.63
1:B:2356:ILE:HA	1:B:2360:TYR:H	1.63	0.63
1:A:1532:VAL:O	1:A:1536:LYS:N	2.26	0.63
1:A:2403:ASN:O	1:A:2407:SER:N	2.31	0.63
1:B:1281:SER:O	1:B:1285:ASP:N	2.32	0.63

Continued on next page...

Continued from previous page...

Atom-1	Atom-2	Interatomic distance (Å)	Clash overlap (Å)
1:B:1813:PHE:O	1:B:1817:GLY:N	2.31	0.63
1:B:2396:THR:O	1:B:2400:ARG:N	2.20	0.63
1:B:2693:ALA:N	1:B:2699:PRO:O	2.32	0.63
1:B:2716:VAL:HA	1:B:2765:GLY:O	1.97	0.63
1:A:2693:ALA:N	1:A:2699:PRO:O	2.32	0.63
1:A:2879:ASN:N	1:A:2884:GLU:O	2.31	0.63
1:B:1877:PHE:O	1:B:1881:SER:N	2.25	0.63
1:B:2504:MET:O	1:B:2508:GLY:N	2.32	0.63
1:A:13:ARG:O	1:A:17:HIS:N	2.32	0.63
1:A:488:TRP:O	1:A:492:PHE:N	2.24	0.63
1:A:1398:LYS:HA	1:A:1513:LEU:N	2.13	0.63
1:A:1485:ASP:O	1:A:1489:ARG:N	2.25	0.63
1:B:1868:GLY:O	1:B:1872:SER:N	2.18	0.63
1:B:2155:VAL:O	1:B:2159:CYS:N	2.24	0.63
1:B:2226:LEU:O	1:B:2230:ILE:N	2.25	0.63
1:A:1463:PHE:O	1:A:1467:ASP:N	2.23	0.63
1:B:13:ARG:O	1:B:17:HIS:N	2.32	0.63
1:B:1398:LYS:HA	1:B:1513:LEU:N	2.13	0.63
1:B:1591:LEU:O	1:B:1594:ILE:N	2.30	0.63
1:A:1813:PHE:O	1:A:1817:GLY:N	2.31	0.63
1:A:1951:HIS:HA	1:A:1954:ALA:HB3	1.80	0.63
1:B:1341:PRO:O	1:B:1345:VAL:N	2.31	0.63
1:B:1493:LEU:O	1:B:1497:LEU:N	2.19	0.63
1:B:2599:THR:O	1:B:2603:ASN:N	2.26	0.63
1:B:2880:GLU:C	1:B:2883:ALA:H	2.02	0.63
1:A:755:CYS:O	1:A:759:SER:N	2.30	0.63
1:A:1279:TRP:O	1:A:1283:LEU:N	2.18	0.63
1:A:2744:GLU:O	1:A:2748:ARG:N	2.20	0.63
1:A:2880:GLU:C	1:A:2883:ALA:H	2.02	0.63
1:B:45:ARG:O	1:B:60:VAL:N	2.28	0.63
1:B:1532:VAL:O	1:B:1536:LYS:N	2.26	0.63
1:B:2822:ASP:O	1:B:2826:ASN:N	2.18	0.63
1:A:686:LEU:O	1:A:690:LEU:N	2.31	0.63
1:A:691:ASP:O	1:A:695:LEU:N	2.25	0.63
1:A:989:THR:O	1:A:993:HIS:N	2.19	0.63
1:B:488:TRP:O	1:B:492:PHE:N	2.24	0.63
1:A:1812:ALA:O	1:A:1815:ASP:N	2.32	0.62
1:A:2504:MET:O	1:A:2508:GLY:N	2.32	0.62
1:B:2830:VAL:O	1:B:2833:TYR:N	2.31	0.62
1:A:2155:VAL:O	1:A:2159:CYS:N	2.23	0.62
1:A:1341:PRO:O	1:A:1345:VAL:N	2.31	0.62

Continued on next page...

Continued from previous page...

Atom-1	Atom-2	Interatomic distance (Å)	Clash overlap (Å)
1:A:1750:TRP:O	1:A:1754:LYS:N	2.26	0.62
1:B:712:SER:O	1:B:716:VAL:N	2.20	0.62
1:A:1731:SER:C	1:A:1733:ALA:H	2.03	0.62
1:B:949:MET:O	1:B:953:GLU:N	2.22	0.62
1:B:2057:SER:O	1:B:2061:GLN:N	2.29	0.62
1:B:2480:HIS:O	1:B:2483:TRP:N	2.33	0.62
1:A:2298:VAL:CA	1:A:2301:ALA:HB3	2.27	0.62
1:A:2830:VAL:O	1:A:2833:TYR:N	2.31	0.62
1:A:2941:SER:O	1:A:2945:LEU:N	2.18	0.62
1:B:1082:HIS:O	1:B:1086:ARG:N	2.24	0.62
1:A:1955:LEU:HA	1:A:1958:ALA:HB3	1.81	0.62
1:A:2356:ILE:HA	1:A:2360:TYR:H	1.63	0.62
1:B:1812:ALA:O	1:B:1815:ASP:N	2.32	0.62
1:A:848:GLU:O	1:A:852:GLN:N	2.25	0.62
1:A:2061:GLN:O	1:A:2065:ILE:N	2.22	0.62
1:B:2067:ALA:O	1:B:2071:LEU:N	2.18	0.62
1:B:2257:GLU:O	1:B:2261:LEU:N	2.21	0.62
1:A:273:ASP:O	1:A:277:GLU:N	2.33	0.62
1:A:954:LEU:O	1:A:958:GLU:N	2.24	0.62
1:A:2538:HIS:O	1:A:2542:ASN:N	2.17	0.62
1:A:2958:PHE:O	1:A:2961:THR:N	2.32	0.62
1:B:1279:TRP:O	1:B:1283:LEU:N	2.18	0.62
1:B:2148:LYS:O	1:B:2151:ARG:N	2.33	0.62
1:A:2250:ILE:O	1:A:2254:HIS:N	2.20	0.62
1:A:2480:HIS:O	1:A:2483:TRP:N	2.33	0.62
1:B:827:LYS:O	1:B:831:ASP:N	2.22	0.62
1:B:1967:MET:O	1:B:1971:GLU:N	2.18	0.62
1:B:2660:GLU:O	1:B:2686:PHE:N	2.33	0.62
1:B:2958:PHE:O	1:B:2961:THR:N	2.32	0.62
1:A:1281:SER:O	1:A:1285:ASP:N	2.32	0.61
1:B:1487:SER:O	1:B:1490:SER:N	2.32	0.61
1:A:1569:VAL:O	1:A:1573:ASP:N	2.18	0.61
1:A:2133:GLN:O	1:A:2136:ARG:N	2.31	0.61
1:B:169:SER:O	1:B:173:ARG:N	2.23	0.61
1:B:1086:ARG:O	1:B:1090:ALA:N	2.31	0.61
1:B:2078:SER:O	1:B:2082:LYS:N	2.27	0.61
1:B:3041:ASP:CB	1:B:3044:ASN:H	2.14	0.61
1:A:459:LEU:O	1:A:463:ALA:N	2.25	0.61
1:A:2822:ASP:O	1:A:2826:ASN:N	2.18	0.61
1:A:751:SER:O	1:A:755:CYS:N	2.33	0.61
1:A:948:LEU:O	1:A:952:LYS:N	2.27	0.61

Continued on next page...

Continued from previous page...

Atom-1	Atom-2	Interatomic distance (Å)	Clash overlap (Å)
1:A:1237:ILE:O	1:A:1241:TYR:N	2.28	0.61
1:A:2148:LYS:O	1:A:2151:ARG:N	2.33	0.61
1:A:3041:ASP:CB	1:A:3044:ASN:H	2.14	0.61
1:B:1237:ILE:O	1:B:1241:TYR:N	2.28	0.61
1:A:27:VAL:O	1:A:31:LYS:N	2.33	0.61
1:A:500:ILE:O	1:A:504:ASN:N	2.23	0.61
1:A:1657:MET:O	1:A:1660:ASN:N	2.29	0.61
1:A:2180:GLY:O	1:A:2184:SER:N	2.25	0.61
1:A:2727:VAL:O	1:A:2731:VAL:N	2.20	0.61
1:A:2937:VAL:O	1:A:2941:SER:N	2.29	0.61
1:B:1243:ASN:O	1:B:1247:PHE:N	2.34	0.61
1:B:2253:LYS:O	1:B:2257:GLU:N	2.18	0.61
1:B:2378:GLU:O	1:B:2382:GLY:N	2.23	0.61
1:A:1107:LEU:HA	1:A:1110:ALA:HB3	1.83	0.61
1:A:1456:GLY:O	1:A:1459:GLY:N	2.34	0.61
1:B:459:LEU:O	1:B:463:ALA:N	2.25	0.61
1:B:487:ILE:O	1:B:491:THR:N	2.26	0.61
1:B:999:LYS:O	1:B:1002:GLY:N	2.26	0.61
1:B:2924:GLU:HA	1:B:2928:ARG:N	2.13	0.61
1:A:2167:TYR:C	1:A:2169:LEU:H	2.04	0.61
1:A:1591:LEU:O	1:A:1594:ILE:N	2.30	0.61
1:A:2786:GLY:O	1:A:2789:LYS:N	2.31	0.61
1:B:1731:SER:C	1:B:1733:ALA:H	2.03	0.61
1:A:991:LEU:O	1:A:995:LEU:N	2.23	0.61
1:A:1877:PHE:O	1:A:1881:SER:N	2.25	0.61
1:A:1959:GLU:O	1:A:1963:ASP:N	2.19	0.61
1:B:271:LEU:O	1:B:275:LEU:N	2.25	0.61
1:B:525:LYS:O	1:B:529:GLY:N	2.33	0.61
1:B:751:SER:O	1:B:755:CYS:N	2.33	0.61
1:B:1420:LEU:O	1:B:1425:GLN:N	2.30	0.61
1:A:999:LYS:O	1:A:1002:GLY:N	2.26	0.61
1:A:1256:ILE:O	1:A:1260:VAL:N	2.26	0.61
1:B:27:VAL:O	1:B:31:LYS:N	2.33	0.61
1:B:1827:LEU:O	1:B:1831:CYS:N	2.24	0.61
1:B:1961:TYR:O	1:B:1965:LYS:N	2.19	0.61
1:B:2099:HIS:O	1:B:2103:ALA:N	2.24	0.61
1:A:98:SER:O	1:A:102:LYS:N	2.32	0.60
1:A:1243:ASN:O	1:A:1247:PHE:N	2.34	0.60
1:A:2924:GLU:HA	1:A:2928:ARG:N	2.12	0.60
1:B:273:ASP:O	1:B:277:GLU:N	2.33	0.60
1:B:948:LEU:O	1:B:952:LYS:N	2.27	0.60

Continued on next page...

Continued from previous page...

Atom-1	Atom-2	Interatomic distance (Å)	Clash overlap (Å)
1:B:1107:LEU:HA	1:B:1110:ALA:HB3	1.83	0.60
1:B:1456:GLY:O	1:B:1459:GLY:N	2.34	0.60
1:B:1955:LEU:HA	1:B:1958:ALA:HB3	1.81	0.60
1:B:1959:GLU:O	1:B:1963:ASP:N	2.19	0.60
1:B:2167:TYR:C	1:B:2169:LEU:H	2.04	0.60
1:B:2732:PHE:O	1:B:2736:ASN:N	2.22	0.60
1:A:1166:PRO:O	1:A:1170:LYS:N	2.25	0.60
1:A:2444:GLU:O	1:A:2448:ASP:N	2.25	0.60
1:B:316:TYR:O	1:B:320:VAL:N	2.31	0.60
1:B:855:MET:O	1:B:859:ASN:N	2.34	0.60
1:B:2928:ARG:O	1:B:2932:GLU:N	2.21	0.60
1:A:1827:LEU:HA	1:A:1830:MET:CB	2.31	0.60
1:A:2179:ILE:O	1:A:2183:GLU:N	2.21	0.60
1:B:718:CYS:O	1:B:722:LEU:N	2.35	0.60
1:B:1827:LEU:HA	1:B:1830:MET:CB	2.31	0.60
1:B:2973:ARG:O	1:B:2976:ASP:N	2.33	0.60
1:A:2078:SER:O	1:A:2082:LYS:N	2.27	0.60
1:A:2660:GLU:O	1:A:2686:PHE:N	2.33	0.60
1:A:718:CYS:O	1:A:722:LEU:N	2.35	0.60
1:A:2684:GLN:H	1:A:2707:SER:N	2.00	0.60
1:B:193:ALA:O	1:B:197:GLY:N	2.35	0.60
1:B:1381:PHE:O	1:B:1385:VAL:N	2.22	0.60
1:B:2356:ILE:O	1:B:2360:TYR:N	2.34	0.60
1:A:210:LEU:O	1:A:214:SER:N	2.34	0.60
1:B:2719:ARG:N	1:B:2763:ARG:O	2.35	0.60
1:A:525:LYS:O	1:A:529:GLY:N	2.33	0.60
1:A:855:MET:O	1:A:859:ASN:N	2.34	0.60
1:A:1016:GLY:O	1:A:1020:THR:N	2.29	0.60
1:A:214:SER:O	1:A:218:GLN:N	2.35	0.60
1:A:314:ASN:O	1:A:318:LEU:N	2.27	0.60
1:B:2242:SER:O	1:B:2246:CYS:N	2.24	0.60
1:B:3001:SER:O	1:B:3005:VAL:N	2.22	0.60
1:A:1086:ARG:O	1:A:1090:ALA:N	2.31	0.59
1:A:2553:PRO:O	1:A:2557:LEU:N	2.35	0.59
1:A:193:ALA:O	1:A:197:GLY:N	2.35	0.59
1:A:1309:ALA:HA	1:A:1312:ARG:O	2.01	0.59
1:A:2057:SER:O	1:A:2061:GLN:N	2.29	0.59
1:A:2226:LEU:O	1:A:2230:ILE:N	2.25	0.59
1:B:1309:ALA:HA	1:B:1312:ARG:O	2.01	0.59
1:B:2553:PRO:O	1:B:2557:LEU:N	2.35	0.59
1:A:1487:SER:O	1:A:1490:SER:N	2.33	0.59

Continued on next page...

Continued from previous page...

Atom-1	Atom-2	Interatomic distance (Å)	Clash overlap (Å)
1:A:2778:GLU:O	1:A:2782:ASN:N	2.25	0.59
1:A:2719:ARG:N	1:A:2763:ARG:O	2.35	0.59
1:B:2175:ARG:O	1:B:2178:ALA:HB3	2.02	0.59
1:B:2684:GLN:H	1:B:2707:SER:N	2.00	0.59
1:A:2356:ILE:O	1:A:2360:TYR:N	2.34	0.59
1:A:2934:THR:O	1:A:2938:MET:N	2.19	0.59
1:B:2682:THR:C	1:B:2707:SER:H	2.05	0.59
1:B:3033:ASN:O	1:B:3037:GLN:N	2.18	0.59
1:B:214:SER:O	1:B:218:GLN:N	2.35	0.59
1:B:1616:ASP:O	1:B:1620:GLN:N	2.36	0.59
1:A:748:LYS:O	1:A:752:LEU:N	2.23	0.59
1:B:2392:ARG:O	1:B:2396:THR:N	2.23	0.59
1:A:1686:ILE:O	1:A:2177:GLN:HA	2.03	0.59
1:A:974:SER:O	1:A:978:SER:N	2.21	0.58
1:A:1967:MET:O	1:A:1971:GLU:N	2.18	0.58
1:A:2459:ARG:O	1:A:2464:CYS:N	2.32	0.58
1:A:2682:THR:C	1:A:2707:SER:H	2.05	0.58
1:B:623:ALA:O	1:B:626:PHE:N	2.36	0.58
1:B:1745:THR:O	1:B:1749:PHE:N	2.27	0.58
1:A:1616:ASP:O	1:A:1620:GLN:N	2.36	0.58
1:B:1556:TYR:O	1:B:1560:LYS:N	2.27	0.58
1:B:2786:GLY:O	1:B:2789:LYS:N	2.31	0.58
1:A:208:LYS:O	1:A:212:PHE:N	2.32	0.58
1:A:1815:ASP:O	1:A:1818:GLY:N	2.33	0.58
1:A:1928:PHE:O	1:A:1932:PHE:N	2.30	0.58
1:B:2060:ARG:O	1:B:2064:ILE:N	2.21	0.58
1:A:19:ARG:O	1:A:77:ILE:N	2.37	0.58
1:A:157:CYS:O	1:A:161:GLN:N	2.34	0.58
1:A:3020:VAL:CB	1:A:3024:THR:H	2.17	0.58
1:B:646:SER:O	1:B:648:VAL:N	2.37	0.58
1:B:1282:LEU:O	1:B:1286:CYS:N	2.33	0.58
1:B:2171:PRO:O	1:B:2175:ARG:N	2.22	0.58
1:B:2338:LEU:O	1:B:2342:GLY:N	2.21	0.58
1:A:487:ILE:O	1:A:491:THR:N	2.26	0.58
1:A:646:SER:O	1:A:648:VAL:N	2.37	0.58
1:A:1084:GLN:O	1:A:1088:LEU:N	2.25	0.58
1:B:848:GLU:O	1:B:852:GLN:N	2.25	0.58
1:B:1016:GLY:O	1:B:1020:THR:N	2.29	0.58
1:B:1211:ALA:O	1:B:1215:ASP:N	2.26	0.58
1:B:1583:TYR:O	1:B:1592:GLU:HA	2.03	0.58
1:B:1750:TRP:O	1:B:1754:LYS:N	2.26	0.58

Continued on next page...

Continued from previous page...

Atom-1	Atom-2	Interatomic distance (Å)	Clash overlap (Å)
1:A:1190:VAL:O	1:A:1194:LEU:N	2.21	0.58
1:A:1549:ASN:O	1:A:1553:GLU:N	2.24	0.58
1:B:1073:VAL:O	1:B:1077:PHE:N	2.22	0.58
1:B:2389:SER:O	1:B:2393:PHE:N	2.26	0.58
1:A:1420:LEU:O	1:A:1425:GLN:N	2.30	0.58
1:A:1583:TYR:O	1:A:1592:GLU:HA	2.03	0.58
1:B:2934:THR:O	1:B:2938:MET:N	2.19	0.58
1:A:623:ALA:O	1:A:626:PHE:N	2.36	0.58
1:A:1832:GLU:O	1:A:1836:ASP:N	2.32	0.58
1:B:157:CYS:O	1:B:161:GLN:N	2.34	0.58
1:A:2389:SER:O	1:A:2393:PHE:N	2.26	0.58
1:B:1832:GLU:O	1:B:1836:ASP:N	2.32	0.58
1:B:3020:VAL:CB	1:B:3024:THR:H	2.17	0.58
1:A:2270:LEU:O	1:A:2274:ALA:N	2.19	0.58
1:A:3001:SER:O	1:A:3005:VAL:N	2.22	0.58
1:B:2470:TYR:O	1:B:2474:LEU:N	2.21	0.58
1:B:2649:ALA:N	1:B:2689:GLU:HA	2.19	0.58
1:A:270:ARG:O	1:A:274:SER:N	2.27	0.57
1:A:682:VAL:HA	1:A:738:GLU:HA	1.86	0.57
1:A:1398:LYS:N	1:A:1512:ALA:HB3	2.19	0.57
1:B:433:SER:HA	1:B:437:MET:H	1.69	0.57
1:B:2298:VAL:HA	1:B:2302:LYS:H	1.69	0.57
1:A:433:SER:HA	1:A:437:MET:H	1.69	0.57
1:A:1823:ILE:HA	1:A:1826:LEU:H	1.70	0.57
1:A:2175:ARG:O	1:A:2178:ALA:HB3	2.02	0.57
1:A:2242:SER:O	1:A:2246:CYS:N	2.24	0.57
1:B:210:LEU:O	1:B:214:SER:N	2.34	0.57
1:B:276:LYS:HA	1:B:280:ILE:CB	2.35	0.57
1:B:1398:LYS:N	1:B:1512:ALA:HB3	2.19	0.57
1:B:2829:PRO:CB	1:B:2912:ARG:N	2.67	0.57
1:A:555:VAL:O	1:A:560:GLU:N	2.37	0.57
1:A:2246:CYS:O	1:A:2249:ASP:N	2.30	0.57
1:A:2649:ALA:N	1:A:2689:GLU:HA	2.19	0.57
1:B:19:ARG:O	1:B:77:ILE:N	2.36	0.57
1:B:98:SER:O	1:B:102:LYS:N	2.33	0.57
1:B:1686:ILE:O	1:B:2177:GLN:HA	2.03	0.57
1:A:3003:ASN:HA	1:A:3006:ALA:HB3	1.85	0.57
1:B:691:ASP:O	1:B:695:LEU:N	2.25	0.57
1:B:12:CYS:O	1:B:16:GLU:N	2.35	0.57
1:B:309:ARG:O	1:B:313:TYR:N	2.25	0.57
1:A:1969:ASP:O	1:A:1973:ARG:N	2.24	0.57

Continued on next page...

Continued from previous page...

Atom-1	Atom-2	Interatomic distance (Å)	Clash overlap (Å)
1:B:971:LYS:O	1:B:975:ASN:N	2.33	0.57
1:A:103:TYR:O	1:A:107:CYS:N	2.32	0.57
1:A:416:ALA:O	1:A:420:ILE:N	2.24	0.57
1:A:878:THR:HA	1:A:881:ALA:HB3	1.87	0.57
1:A:1631:ILE:O	1:A:1635:SER:N	2.29	0.57
1:A:2154:GLU:O	1:A:2157:GLU:N	2.38	0.57
1:A:121:LEU:O	1:A:125:MET:N	2.31	0.57
1:A:1580:LYS:HA	1:A:1596:HIS:HA	1.86	0.57
1:A:2780:LEU:O	1:A:2783:ASN:N	2.37	0.57
1:B:1551:ASP:O	1:B:1555:LEU:N	2.24	0.57
1:B:2780:LEU:O	1:B:2783:ASN:N	2.37	0.57
1:A:2128:LEU:HA	1:A:2131:ALA:HB3	1.86	0.57
1:A:2300:TRP:O	1:A:2303:LYS:HA	2.05	0.57
1:B:729:TYR:O	1:B:732:MET:N	2.38	0.57
1:B:1815:ASP:O	1:B:1818:GLY:N	2.33	0.57
1:B:2187:GLU:O	1:B:2191:ARG:N	2.25	0.57
1:B:2300:TRP:O	1:B:2303:LYS:HA	2.05	0.57
1:A:2365:VAL:HA	1:A:2368:ALA:HB3	1.87	0.57
1:B:270:ARG:O	1:B:274:SER:N	2.27	0.57
1:B:1190:VAL:O	1:B:1194:LEU:N	2.21	0.57
1:B:2246:CYS:O	1:B:2249:ASP:N	2.30	0.57
1:B:3003:ASN:HA	1:B:3006:ALA:HB3	1.86	0.57
1:A:1381:PHE:O	1:A:1385:VAL:N	2.22	0.56
1:A:2598:ARG:HA	1:A:2601:ALA:HB3	1.86	0.56
1:A:2829:PRO:CB	1:A:2912:ARG:N	2.68	0.56
1:A:2647:ILE:H	1:A:2691:ARG:HA	1.70	0.56
1:A:2848:LYS:HA	1:A:2851:ALA:HB3	1.87	0.56
1:B:682:VAL:HA	1:B:738:GLU:HA	1.86	0.56
1:B:2481:ASP:O	1:B:2485:PHE:N	2.34	0.56
1:B:2647:ILE:H	1:B:2691:ARG:HA	1.70	0.56
1:A:122:ASN:O	1:A:126:ASP:N	2.38	0.56
1:A:276:LYS:HA	1:A:280:ILE:CB	2.35	0.56
1:A:729:TYR:O	1:A:732:MET:N	2.38	0.56
1:A:1282:LEU:O	1:A:1286:CYS:N	2.33	0.56
1:A:1551:ASP:O	1:A:1555:LEU:N	2.24	0.56
1:B:555:VAL:O	1:B:560:GLU:N	2.37	0.56
1:B:844:GLY:O	1:B:848:GLU:N	2.28	0.56
1:B:1171:GLN:O	1:B:1175:ALA:N	2.17	0.56
1:B:2128:LEU:HA	1:B:2131:ALA:HB3	1.86	0.56
1:B:2598:ARG:HA	1:B:2601:ALA:HB3	1.86	0.56
1:A:2732:PHE:O	1:A:2736:ASN:N	2.22	0.56

Continued on next page...

Continued from previous page...

Atom-1	Atom-2	Interatomic distance (Å)	Clash overlap (Å)
1:B:254:LEU:O	1:B:258:ILE:N	2.38	0.56
1:A:309:ARG:O	1:A:313:TYR:N	2.25	0.56
1:A:854:SER:O	1:A:858:PHE:N	2.36	0.56
1:B:122:ASN:O	1:B:126:ASP:N	2.39	0.56
1:B:1928:PHE:O	1:B:1932:PHE:N	2.30	0.56
1:B:2848:LYS:HA	1:B:2851:ALA:HB3	1.88	0.56
1:A:254:LEU:O	1:A:258:ILE:N	2.38	0.56
1:A:1544:TYR:O	1:A:1548:ASP:N	2.39	0.56
1:A:3027:SER:O	1:A:3029:GLY:N	2.39	0.56
1:B:1544:TYR:O	1:B:1548:ASP:N	2.39	0.56
1:B:2262:ALA:O	1:B:2266:LYS:N	2.39	0.56
1:B:2365:VAL:HA	1:B:2368:ALA:HB3	1.87	0.56
1:A:3041:ASP:O	1:A:3045:LEU:N	2.24	0.56
1:B:314:ASN:O	1:B:318:LEU:N	2.27	0.56
1:B:1823:ILE:HA	1:B:1826:LEU:H	1.69	0.56
1:B:3015:GLU:O	1:B:3019:GLY:N	2.39	0.56
1:A:1827:LEU:O	1:A:1831:CYS:N	2.24	0.56
1:A:2152:VAL:O	1:A:2155:VAL:N	2.39	0.56
1:B:2306:SER:N	1:B:2309:LEU:H	1.97	0.56
1:A:2298:VAL:HA	1:A:2302:LYS:H	1.69	0.56
1:A:3015:GLU:O	1:A:3019:GLY:N	2.39	0.56
1:B:103:TYR:O	1:B:107:CYS:N	2.32	0.56
1:B:878:THR:HA	1:B:881:ALA:HB3	1.87	0.56
1:A:520:ASP:HA	1:A:524:TRP:H	1.70	0.55
1:A:1073:VAL:O	1:A:1077:PHE:N	2.22	0.55
1:A:2017:SER:HA	1:A:2021:CYS:CB	2.36	0.55
1:A:2176:LEU:O	1:A:2179:ILE:N	2.40	0.55
1:B:2255:LEU:O	1:B:2259:SER:N	2.30	0.55
1:A:1556:TYR:O	1:A:1560:LYS:N	2.27	0.55
1:A:3020:VAL:H	1:A:3023:GLY:HA2	1.72	0.55
1:B:1463:PHE:O	1:B:1467:ASP:N	2.23	0.55
1:B:1580:LYS:HA	1:B:1596:HIS:HA	1.86	0.55
1:A:99:SER:O	1:A:103:TYR:N	2.26	0.55
1:A:1171:GLN:O	1:A:1175:ALA:N	2.17	0.55
1:A:2262:ALA:O	1:A:2266:LYS:N	2.39	0.55
1:B:520:ASP:HA	1:B:524:TRP:H	1.70	0.55
1:B:854:SER:O	1:B:858:PHE:N	2.36	0.55
1:B:2154:GLU:O	1:B:2157:GLU:N	2.38	0.55
1:B:2685:SER:O	1:B:2705:VAL:N	2.40	0.55
1:B:3027:SER:O	1:B:3029:GLY:N	2.39	0.55
1:B:121:LEU:O	1:B:125:MET:N	2.31	0.55

Continued on next page...

Continued from previous page...

Atom-1	Atom-2	Interatomic distance (Å)	Clash overlap (Å)
1:B:1084:GLN:O	1:B:1088:LEU:N	2.25	0.55
1:B:1549:ASN:O	1:B:1553:GLU:N	2.24	0.55
1:B:500:ILE:O	1:B:504:ASN:N	2.23	0.55
1:B:1343:ILE:O	1:B:1346:GLU:N	2.39	0.55
1:A:703:ASN:O	1:A:707:SER:N	2.35	0.55
1:A:1343:ILE:O	1:A:1346:GLU:N	2.39	0.55
1:A:2973:ARG:O	1:A:2976:ASP:N	2.33	0.55
1:B:2017:SER:HA	1:B:2021:CYS:CB	2.36	0.55
1:B:2152:VAL:O	1:B:2155:VAL:N	2.39	0.55
1:A:2228:THR:O	1:A:2231:LEU:N	2.37	0.55
1:A:2922:GLY:O	1:A:2924:GLU:N	2.40	0.55
1:B:657:PHE:O	1:B:661:ASP:N	2.34	0.55
1:A:2685:SER:O	1:A:2705:VAL:N	2.40	0.55
1:B:33:LEU:HA	1:B:36:ASP:HA	1.89	0.55
1:B:1138:ALA:O	1:B:1142:GLU:N	2.28	0.55
1:B:2168:SER:HA	1:B:2171:PRO:N	2.22	0.55
1:A:14:GLN:HA	1:A:17:HIS:CB	2.38	0.54
1:A:1112:PRO:O	1:A:1117:GLN:N	2.37	0.54
1:A:2168:SER:HA	1:A:2171:PRO:N	2.22	0.54
1:A:2608:THR:O	1:A:2612:ARG:N	2.29	0.54
1:B:1643:ILE:O	1:B:1647:LEU:N	2.32	0.54
1:B:2018:LEU:O	1:B:2022:GLY:HA3	2.07	0.54
1:B:2608:THR:O	1:B:2612:ARG:N	2.29	0.54
1:A:689:SER:O	1:A:693:CYS:N	2.23	0.54
1:A:1237:ILE:HA	1:A:1240:ASN:CB	2.38	0.54
1:B:2922:GLY:O	1:B:2924:GLU:N	2.40	0.54
1:B:3020:VAL:H	1:B:3023:GLY:HA2	1.72	0.54
1:A:12:CYS:O	1:A:16:GLU:N	2.35	0.54
1:A:33:LEU:HA	1:A:36:ASP:HA	1.89	0.54
1:A:1901:LEU:HA	1:A:1904:LYS:CB	2.37	0.54
1:A:2018:LEU:O	1:A:2022:GLY:HA3	2.07	0.54
1:B:1901:LEU:HA	1:B:1904:LYS:CB	2.37	0.54
1:B:2176:LEU:O	1:B:2179:ILE:N	2.40	0.54
1:B:2542:ASN:O	1:B:2546:SER:N	2.24	0.54
1:B:2877:LEU:H	1:B:2887:HIS:HA	1.72	0.54
1:A:2470:TYR:O	1:A:2474:LEU:N	2.21	0.54
1:B:2376:SER:N	1:B:2379:LEU:H	2.06	0.54
1:A:2063:GLY:O	1:A:2067:ALA:N	2.29	0.54
1:A:2315:MET:HA	1:A:2319:LEU:H	1.72	0.54
1:B:1038:VAL:HA	1:B:1042:LEU:H	1.73	0.54
1:B:1237:ILE:HA	1:B:1240:ASN:CB	2.38	0.54

Continued on next page...

Continued from previous page...

Atom-1	Atom-2	Interatomic distance (Å)	Clash overlap (Å)
1:A:2722:LEU:O	1:A:2726:ALA:N	2.39	0.54
1:B:415:ILE:O	1:B:419:LEU:N	2.37	0.54
1:A:834:GLU:O	1:A:837:SER:N	2.41	0.54
1:A:2415:ALA:O	1:A:2419:ARG:N	2.41	0.54
1:A:2967:ALA:HB3	1:A:2970:LEU:HA	1.89	0.54
1:B:208:LYS:O	1:B:212:PHE:N	2.32	0.54
1:B:416:ALA:O	1:B:420:ILE:N	2.24	0.54
1:B:460:THR:HA	1:B:463:ALA:HB3	1.89	0.54
1:A:2167:TYR:C	1:A:2169:LEU:N	2.61	0.54
1:A:2699:PRO:HA	1:A:2716:VAL:O	2.07	0.54
1:B:2415:ALA:O	1:B:2419:ARG:N	2.41	0.54
1:A:1842:LEU:O	1:A:1845:LEU:N	2.41	0.54
1:B:1123:ALA:O	1:B:1127:ALA:N	2.41	0.54
1:A:1123:ALA:O	1:A:1127:ALA:N	2.41	0.54
1:A:1677:GLU:O	1:A:1681:ILE:N	2.27	0.54
1:A:1961:TYR:O	1:A:1965:LYS:N	2.19	0.54
1:A:2384:MET:HA	1:A:2473:CYS:HA	1.90	0.54
1:B:834:GLU:O	1:B:837:SER:N	2.41	0.54
1:B:2469:ASN:O	1:B:2473:CYS:N	2.26	0.54
1:B:2629:ILE:O	1:B:2633:LEU:N	2.41	0.54
1:B:14:GLN:HA	1:B:17:HIS:CB	2.37	0.53
1:B:40:ILE:C	1:B:112:ALA:HB3	2.28	0.53
1:B:1842:LEU:O	1:B:1845:LEU:N	2.41	0.53
1:A:40:ILE:C	1:A:112:ALA:HB3	2.28	0.53
1:A:460:THR:HA	1:A:463:ALA:HB3	1.89	0.53
1:A:1583:TYR:CB	1:A:1596:HIS:H	2.21	0.53
1:A:2877:LEU:H	1:A:2887:HIS:HA	1.72	0.53
1:B:703:ASN:O	1:B:707:SER:N	2.35	0.53
1:A:1138:ALA:O	1:A:1142:GLU:N	2.28	0.53
1:A:2629:ILE:O	1:A:2633:LEU:N	2.41	0.53
1:B:503:GLU:O	1:B:507:LEU:N	2.41	0.53
1:B:2010:ARG:O	1:B:2013:GLY:N	2.41	0.53
1:B:2315:MET:HA	1:B:2319:LEU:H	1.72	0.53
1:B:2520:MET:O	1:B:2523:LEU:N	2.42	0.53
1:A:1478:GLN:O	1:A:1482:CYS:N	2.42	0.53
1:B:1583:TYR:CB	1:B:1596:HIS:H	2.21	0.53
1:A:25:LYS:O	1:A:29:LYS:N	2.23	0.53
1:A:415:ILE:O	1:A:419:LEU:N	2.37	0.53
1:A:503:GLU:O	1:A:507:LEU:N	2.40	0.53
1:A:844:GLY:O	1:A:848:GLU:N	2.28	0.53
1:A:1643:ILE:O	1:A:1647:LEU:N	2.32	0.53

Continued on next page...

Continued from previous page...

Atom-1	Atom-2	Interatomic distance (Å)	Clash overlap (Å)
1:A:2520:MET:O	1:A:2523:LEU:N	2.42	0.53
1:A:2922:GLY:O	1:A:2925:GLY:N	2.26	0.53
1:B:1112:PRO:O	1:B:1117:GLN:N	2.37	0.53
1:B:2384:MET:HA	1:B:2473:CYS:HA	1.90	0.53
1:B:2726:ALA:O	1:B:2729:GLN:N	2.42	0.53
1:A:69:GLN:O	1:A:73:GLU:N	2.42	0.53
1:A:1997:THR:O	1:A:1999:ILE:N	2.42	0.53
1:A:3020:VAL:C	1:A:3023:GLY:H	2.12	0.53
1:A:2376:SER:N	1:A:2379:LEU:H	2.06	0.53
1:B:2381:ASN:O	1:B:2385:LYS:N	2.26	0.53
1:B:2967:ALA:HB3	1:B:2970:LEU:HA	1.89	0.53
1:A:1907:ARG:O	1:A:1910:LEU:N	2.35	0.53
1:A:2171:PRO:O	1:A:2175:ARG:N	2.22	0.53
1:A:2469:ASN:O	1:A:2473:CYS:N	2.26	0.53
1:A:2683:ILE:O	1:A:2685:SER:N	2.42	0.53
1:B:729:TYR:H	1:B:733:GLY:H	1.57	0.53
1:B:1631:ILE:O	1:B:1635:SER:N	2.29	0.53
1:B:2683:ILE:O	1:B:2685:SER:N	2.42	0.53
1:B:3020:VAL:C	1:B:3023:GLY:H	2.12	0.53
1:A:1063:VAL:O	1:A:1067:ASP:N	2.42	0.53
1:A:2682:THR:H	1:A:2707:SER:CB	2.21	0.53
1:B:1070:VAL:H	1:B:1073:VAL:CB	2.22	0.53
1:A:631:PRO:O	1:A:635:HIS:N	2.29	0.53
1:A:2010:ARG:O	1:A:2013:GLY:N	2.41	0.53
1:A:2306:SER:N	1:A:2309:LEU:H	1.97	0.53
1:A:2704:CYS:O	1:A:2711:GLU:HA	2.09	0.53
1:B:693:CYS:O	1:B:697:LEU:N	2.41	0.53
1:B:2228:THR:O	1:B:2231:LEU:N	2.37	0.53
1:B:2704:CYS:O	1:B:2711:GLU:HA	2.09	0.53
1:A:1038:VAL:HA	1:A:1042:LEU:H	1.73	0.52
1:B:1063:VAL:O	1:B:1067:ASP:N	2.42	0.52
1:B:1478:GLN:O	1:B:1482:CYS:N	2.42	0.52
1:B:2167:TYR:C	1:B:2169:LEU:N	2.61	0.52
1:B:2471:ILE:O	1:B:2475:LEU:N	2.32	0.52
1:B:2806:MET:O	1:B:2816:LYS:N	2.43	0.52
1:A:2706:GLY:C	1:A:2709:GLY:H	2.12	0.52
1:B:69:GLN:O	1:B:73:GLU:N	2.42	0.52
1:B:433:SER:O	1:B:437:MET:N	2.42	0.52
1:B:2217:PHE:O	1:B:2221:GLU:N	2.43	0.52
1:B:2699:PRO:HA	1:B:2716:VAL:O	2.08	0.52
1:A:693:CYS:O	1:A:697:LEU:N	2.41	0.52

Continued on next page...

Continued from previous page...

Atom-1	Atom-2	Interatomic distance (Å)	Clash overlap (Å)
1:A:2844:ILE:O	1:A:2848:LYS:N	2.43	0.52
1:B:1732:ALA:N	1:B:1734:VAL:H	2.07	0.52
1:B:1907:ARG:O	1:B:1910:LEU:N	2.35	0.52
1:B:2722:LEU:O	1:B:2726:ALA:N	2.39	0.52
1:A:729:TYR:H	1:A:733:GLY:H	1.57	0.52
1:A:2103:ALA:HA	1:A:2106:ASN:O	2.10	0.52
1:A:2217:PHE:O	1:A:2221:GLU:N	2.43	0.52
1:A:2255:LEU:O	1:A:2259:SER:N	2.30	0.52
1:A:2726:ALA:O	1:A:2729:GLN:N	2.42	0.52
1:A:2880:GLU:HA	1:A:2883:ALA:HA	1.92	0.52
1:A:433:SER:O	1:A:437:MET:N	2.42	0.52
1:A:2481:ASP:O	1:A:2485:PHE:N	2.34	0.52
1:B:2103:ALA:HA	1:B:2106:ASN:O	2.09	0.52
1:B:2703:ASP:HA	1:B:2712:ARG:O	2.10	0.52
1:B:2880:GLU:HA	1:B:2883:ALA:HA	1.92	0.52
1:B:2682:THR:H	1:B:2707:SER:CB	2.21	0.52
1:A:505:PHE:O	1:A:509:GLY:HA3	2.10	0.52
1:A:657:PHE:O	1:A:661:ASP:N	2.34	0.52
1:A:1732:ALA:N	1:A:1734:VAL:H	2.08	0.52
1:A:2247:ILE:O	1:A:2250:ILE:N	2.43	0.52
1:A:2648:PRO:HA	1:A:2689:GLU:O	2.10	0.52
1:B:2074:CYS:O	1:B:2077:LEU:N	2.43	0.52
1:B:2829:PRO:CB	1:B:2912:ARG:CA	2.88	0.52
1:B:2844:ILE:O	1:B:2848:LYS:N	2.43	0.52
1:A:977:CYS:O	1:A:981:ARG:N	2.39	0.52
1:A:1968:ASP:O	1:A:1972:LYS:N	2.23	0.52
1:A:2793:PRO:CB	1:A:2796:PHE:H	2.23	0.52
1:B:168:PHE:O	1:B:172:PHE:N	2.27	0.52
1:B:505:PHE:O	1:B:509:GLY:HA3	2.10	0.52
1:A:2074:CYS:O	1:A:2077:LEU:N	2.43	0.52
1:A:2604:ARG:O	1:A:2608:THR:N	2.42	0.52
1:B:2247:ILE:O	1:B:2250:ILE:N	2.43	0.52
1:A:1070:VAL:H	1:A:1073:VAL:CB	2.22	0.51
1:B:1637:ASP:O	1:B:1640:GLN:N	2.42	0.51
1:A:580:LEU:O	1:A:584:GLN:N	2.29	0.51
1:A:1825:GLN:O	1:A:1829:PRO:N	2.44	0.51
1:B:2298:VAL:HA	1:B:2301:ALA:CB	2.33	0.51
1:B:2628:ILE:HA	1:B:2631:ALA:HB3	1.92	0.51
1:A:971:LYS:O	1:A:975:ASN:N	2.34	0.51
1:A:483:LEU:HA	1:A:524:TRP:HA	1.92	0.51
1:A:2829:PRO:CB	1:A:2912:ARG:CA	2.88	0.51

Continued on next page...

Continued from previous page...

Atom-1	Atom-2	Interatomic distance (Å)	Clash overlap (Å)
1:B:1968:ASP:O	1:B:1972:LYS:N	2.23	0.51
1:B:2793:PRO:CB	1:B:2796:PHE:H	2.23	0.51
1:A:168:PHE:O	1:A:172:PHE:N	2.27	0.51
1:A:2290:GLU:HA	1:A:2293:LEU:CB	2.41	0.51
1:B:2459:ARG:O	1:B:2464:CYS:N	2.32	0.51
1:A:2924:GLU:O	1:A:2928:ARG:N	2.44	0.51
1:B:282:LEU:HA	1:B:285:LEU:CB	2.40	0.51
1:B:1997:THR:O	1:B:1999:ILE:N	2.42	0.51
1:A:749:ALA:O	1:A:753:MET:N	2.25	0.51
1:A:1637:ASP:O	1:A:1640:GLN:N	2.42	0.51
1:A:1908:THR:O	1:A:1911:ALA:N	2.43	0.51
1:A:282:LEU:HA	1:A:285:LEU:CB	2.40	0.51
1:A:608:LEU:O	1:A:612:LEU:N	2.33	0.51
1:A:1951:HIS:O	1:A:1954:ALA:N	2.44	0.51
1:A:2703:ASP:HA	1:A:2712:ARG:O	2.10	0.51
1:B:2693:ALA:H	1:B:2700:LYS:HA	1.76	0.51
1:A:1156:THR:O	1:A:1160:VAL:N	2.36	0.51
1:B:25:LYS:O	1:B:29:LYS:N	2.23	0.51
1:B:310:SER:O	1:B:314:ASN:N	2.30	0.51
1:B:1908:THR:O	1:B:1911:ALA:N	2.43	0.51
1:B:2648:PRO:HA	1:B:2689:GLU:O	2.10	0.51
1:A:1383:SER:O	1:A:1387:LYS:N	2.42	0.51
1:A:2628:ILE:HA	1:A:2631:ALA:HB3	1.92	0.51
1:A:2786:GLY:O	1:A:2788:HIS:N	2.44	0.51
1:A:2872:HIS:CB	1:A:2875:ASN:H	2.24	0.51
1:B:1383:SER:O	1:B:1387:LYS:N	2.42	0.51
1:A:1116:GLN:HA	1:A:1119:ALA:HB3	1.93	0.50
1:A:2879:ASN:CB	1:A:2882:SER:H	2.24	0.50
1:A:159:ILE:O	1:A:195:THR:HA	2.11	0.50
1:B:1951:HIS:O	1:B:1954:ALA:N	2.44	0.50
1:B:2706:GLY:C	1:B:2709:GLY:H	2.12	0.50
1:A:1198:SER:HA	1:A:1201:PHE:CB	2.41	0.50
1:A:2841:ASP:O	1:A:2843:ALA:N	2.45	0.50
1:B:689:SER:O	1:B:693:CYS:N	2.23	0.50
1:B:1825:GLN:O	1:B:1829:PRO:N	2.44	0.50
1:B:2924:GLU:O	1:B:2928:ARG:N	2.44	0.50
1:A:2092:CYS:HA	1:A:2095:LEU:CB	2.41	0.50
1:B:242:THR:H	1:B:1105:SER:CB	2.25	0.50
1:B:1677:GLU:O	1:B:1681:ILE:N	2.27	0.50
1:B:2290:GLU:HA	1:B:2293:LEU:CB	2.41	0.50
1:A:2016:ASP:O	1:A:2021:CYS:N	2.44	0.50

Continued on next page...

Continued from previous page...

Atom-1	Atom-2	Interatomic distance (Å)	Clash overlap (Å)
1:A:2783:ASN:C	1:A:2786:GLY:H	2.15	0.50
1:A:3028:VAL:C	1:A:3032:VAL:H	2.06	0.50
1:B:2092:CYS:HA	1:B:2095:LEU:CB	2.41	0.50
1:B:2604:ARG:O	1:B:2608:THR:N	2.42	0.50
1:B:2786:GLY:O	1:B:2788:HIS:N	2.44	0.50
1:B:1489:ARG:O	1:B:1493:LEU:N	2.33	0.50
1:B:1905:SER:O	1:B:1908:THR:N	2.45	0.50
1:A:1953:THR:O	1:A:1957:TYR:N	2.37	0.50
1:B:159:ILE:O	1:B:195:THR:HA	2.11	0.50
1:B:483:LEU:HA	1:B:524:TRP:HA	1.93	0.50
1:B:2783:ASN:C	1:B:2786:GLY:H	2.15	0.50
1:A:325:HIS:O	1:A:438:ILE:N	2.44	0.50
1:A:2387:PHE:O	1:A:2391:ALA:N	2.24	0.50
1:B:2306:SER:HA	1:B:2310:SER:H	1.77	0.50
1:B:1198:SER:HA	1:B:1201:PHE:CB	2.41	0.50
1:B:2394:SER:CB	1:B:2466:ALA:HB2	2.42	0.50
1:B:2841:ASP:O	1:B:2843:ALA:N	2.45	0.50
1:A:2082:LYS:CB	1:B:2083:GLY:HA2	2.42	0.49
1:B:608:LEU:O	1:B:612:LEU:N	2.33	0.49
1:B:2879:ASN:CB	1:B:2882:SER:H	2.24	0.49
1:A:1087:MET:O	1:A:1090:ALA:HB3	2.12	0.49
1:A:2305:GLN:C	1:A:2307:LEU:H	2.15	0.49
1:A:2391:ALA:HA	1:A:2466:ALA:HA	1.94	0.49
1:A:2394:SER:CB	1:A:2466:ALA:HB2	2.42	0.49
1:B:325:HIS:O	1:B:438:ILE:N	2.44	0.49
1:A:1453:ILE:HA	1:A:1456:GLY:C	2.32	0.49
1:A:1905:SER:O	1:A:1908:THR:N	2.45	0.49
1:A:2233:ILE:O	1:A:2236:GLU:N	2.45	0.49
1:A:2774:VAL:N	1:A:2878:ILE:H	2.09	0.49
1:B:977:CYS:O	1:B:981:ARG:N	2.40	0.49
1:B:1250:SER:O	1:B:1253:LYS:N	2.46	0.49
1:A:1250:SER:O	1:A:1253:LYS:N	2.46	0.49
1:A:1489:ARG:O	1:A:1493:LEU:N	2.33	0.49
1:A:2823:VAL:O	1:A:2827:PHE:N	2.45	0.49
1:B:1116:GLN:HA	1:B:1119:ALA:HB3	1.93	0.49
1:A:1452:ASP:O	1:A:1456:GLY:HA3	2.12	0.49
1:A:2318:LYS:HA	1:A:2321:ALA:HB3	1.95	0.49
1:A:347:GLU:O	1:A:351:ASP:N	2.35	0.49
1:A:2459:ARG:O	1:A:2463:LEU:N	2.46	0.49
1:B:1452:ASP:O	1:B:1456:GLY:HA3	2.12	0.49
1:B:2391:ALA:HA	1:B:2466:ALA:HA	1.94	0.49

Continued on next page...

Continued from previous page...

Atom-1	Atom-2	Interatomic distance (Å)	Clash overlap (Å)
1:B:2459:ARG:O	1:B:2463:LEU:N	2.46	0.49
1:B:2774:VAL:N	1:B:2878:ILE:H	2.09	0.49
1:A:2306:SER:HA	1:A:2310:SER:H	1.77	0.49
1:B:1112:PRO:HA	1:B:1116:GLN:CB	2.42	0.49
1:B:1586:GLY:O	1:B:1592:GLU:N	2.45	0.49
1:B:2318:LYS:HA	1:B:2321:ALA:HB3	1.94	0.49
1:A:510:ALA:O	1:A:514:GLY:N	2.37	0.49
1:A:2693:ALA:H	1:A:2700:LYS:HA	1.76	0.49
1:B:225:SER:O	1:B:229:LEU:N	2.46	0.49
1:B:1859:ARG:O	1:B:1862:LEU:N	2.46	0.49
1:A:1112:PRO:HA	1:A:1116:GLN:CB	2.42	0.49
1:A:2085:ASP:O	1:A:2087:GLU:N	2.43	0.49
1:A:2692:LEU:CA	1:A:2700:LYS:HA	2.40	0.49
1:B:1453:ILE:HA	1:B:1456:GLY:C	2.32	0.49
1:A:847:MET:O	1:A:851:ASP:N	2.32	0.49
1:A:242:THR:H	1:A:1105:SER:CB	2.25	0.48
1:A:2298:VAL:CA	1:A:2302:LYS:H	2.26	0.48
1:A:2607:CYS:HA	1:A:2610:ARG:CB	2.43	0.48
1:A:2867:GLY:HA3	1:A:2894:PHE:CA	2.41	0.48
1:B:1945:ALA:HB1	1:B:1954:ALA:CA	2.40	0.48
1:B:2233:ILE:O	1:B:2236:GLU:N	2.45	0.48
1:B:3020:VAL:H	1:B:3023:GLY:CA	2.26	0.48
1:A:228:GLY:HA3	1:A:266:TRP:CB	2.43	0.48
1:A:2806:MET:O	1:A:2816:LYS:N	2.43	0.48
1:B:228:GLY:HA3	1:B:266:TRP:CB	2.43	0.48
1:B:1156:THR:O	1:B:1160:VAL:N	2.36	0.48
1:B:2823:VAL:O	1:B:2827:PHE:N	2.45	0.48
1:B:2872:HIS:CB	1:B:2875:ASN:H	2.24	0.48
1:A:225:SER:O	1:A:229:LEU:N	2.46	0.48
1:A:351:ASP:O	1:A:355:GLN:N	2.47	0.48
1:A:2174:SER:O	1:A:2177:GLN:N	2.46	0.48
1:A:3020:VAL:H	1:A:3023:GLY:CA	2.26	0.48
1:B:1087:MET:O	1:B:1090:ALA:HB3	2.12	0.48
1:A:1586:GLY:O	1:A:1592:GLU:N	2.45	0.48
1:A:1192:LYS:O	1:A:1196:LYS:N	2.46	0.48
1:A:1859:ARG:O	1:A:1862:LEU:N	2.46	0.48
1:A:1942:ALA:HA	1:A:1945:ALA:HB3	1.95	0.48
1:B:1192:LYS:O	1:B:1196:LYS:N	2.46	0.48
1:A:254:LEU:HA	1:A:258:ILE:H	1.79	0.48
1:B:59:ALA:O	1:B:63:PHE:N	2.38	0.48
1:B:254:LEU:HA	1:B:258:ILE:H	1.79	0.48

Continued on next page...

Continued from previous page...

Atom-1	Atom-2	Interatomic distance (Å)	Clash overlap (Å)
1:B:1942:ALA:HA	1:B:1945:ALA:HB3	1.95	0.48
1:B:2174:SER:O	1:B:2177:GLN:N	2.46	0.48
1:B:2607:CYS:HA	1:B:2610:ARG:CB	2.43	0.48
1:B:2674:THR:H	1:B:2677:TYR:CB	2.27	0.48
1:B:2702:ILE:C	1:B:2714:GLN:H	2.16	0.48
1:A:2381:ASN:O	1:A:2385:LYS:N	2.26	0.48
1:A:2702:ILE:C	1:A:2714:GLN:H	2.16	0.48
1:B:159:ILE:HA	1:B:195:THR:CB	2.44	0.48
1:B:2305:GLN:C	1:B:2307:LEU:H	2.15	0.48
1:B:1156:THR:O	1:B:1159:ALA:HB3	2.14	0.48
1:B:1731:SER:C	1:B:1733:ALA:N	2.67	0.48
1:A:1156:THR:O	1:A:1159:ALA:HB3	2.14	0.48
1:A:2877:LEU:H	1:A:2888:ILE:H	1.62	0.48
1:B:351:ASP:O	1:B:355:GLN:N	2.47	0.48
1:B:543:THR:HA	1:B:546:LEU:CB	2.44	0.48
1:B:631:PRO:O	1:B:635:HIS:N	2.29	0.48
1:B:2044:LYS:O	1:B:2048:THR:N	2.26	0.48
1:B:2650:ASP:H	1:B:2689:GLU:CA	2.27	0.48
1:B:2780:LEU:C	1:B:2784:GLU:H	2.17	0.48
1:B:2877:LEU:H	1:B:2888:ILE:H	1.62	0.48
1:A:3024:THR:O	1:A:3026:LEU:N	2.47	0.48
1:B:1191:LYS:O	1:B:1195:GLU:N	2.46	0.48
1:B:2172:THR:O	1:B:2175:ARG:N	2.47	0.48
1:B:2298:VAL:CA	1:B:2302:LYS:H	2.26	0.48
1:A:713:GLU:O	1:A:717:ARG:N	2.47	0.47
1:A:1191:LYS:O	1:A:1195:GLU:N	2.46	0.47
1:A:1310:GLN:HA	1:A:1314:THR:CB	2.44	0.47
1:A:1945:ALA:HB1	1:A:1954:ALA:CA	2.40	0.47
1:B:2016:ASP:O	1:B:2021:CYS:N	2.44	0.47
1:B:3024:THR:O	1:B:3026:LEU:N	2.47	0.47
1:A:159:ILE:HA	1:A:195:THR:CB	2.44	0.47
1:A:310:SER:O	1:A:314:ASN:N	2.30	0.47
1:A:543:THR:HA	1:A:546:LEU:CB	2.44	0.47
1:A:2172:THR:O	1:A:2175:ARG:N	2.47	0.47
1:A:2928:ARG:O	1:A:2931:CYS:N	2.47	0.47
1:B:99:SER:O	1:B:103:TYR:N	2.27	0.47
1:B:1829:PRO:O	1:B:1833:VAL:N	2.47	0.47
1:B:2795:ASP:HA	1:B:2798:ALA:HB3	1.96	0.47
1:A:1719:ASN:O	1:A:1722:LEU:N	2.47	0.47
1:A:2320:ASP:O	1:A:2324:ALA:N	2.44	0.47
1:B:2692:LEU:CA	1:B:2700:LYS:HA	2.40	0.47

Continued on next page...

Continued from previous page...

Atom-1	Atom-2	Interatomic distance (Å)	Clash overlap (Å)
1:B:2857:ALA:O	1:B:2860:SER:N	2.47	0.47
1:A:1731:SER:C	1:A:1733:ALA:N	2.67	0.47
1:A:2298:VAL:HA	1:A:2301:ALA:CB	2.32	0.47
1:B:1122:ASN:O	1:B:1126:LYS:N	2.34	0.47
1:B:1553:GLU:O	1:B:1557:ILE:N	2.30	0.47
1:B:1719:ASN:O	1:B:1722:LEU:N	2.47	0.47
1:B:2761:SER:C	1:B:2764:SER:H	2.18	0.47
1:B:2829:PRO:CB	1:B:2912:ARG:CB	2.92	0.47
1:B:2855:SER:O	1:B:2858:THR:N	2.44	0.47
1:A:2674:THR:H	1:A:2677:TYR:CB	2.27	0.47
1:A:2739:LEU:O	1:A:2742:ASN:N	2.46	0.47
1:A:2761:SER:C	1:A:2764:SER:H	2.18	0.47
1:B:2739:LEU:O	1:B:2742:ASN:N	2.46	0.47
1:B:2928:ARG:O	1:B:2931:CYS:N	2.47	0.47
1:B:3028:VAL:O	1:B:3029:GLY:C	2.50	0.47
1:A:1420:LEU:C	1:A:1425:GLN:H	2.17	0.47
1:A:2650:ASP:H	1:A:2689:GLU:CA	2.27	0.47
1:A:2879:ASN:O	1:A:2884:GLU:N	2.28	0.47
1:A:3028:VAL:O	1:A:3029:GLY:C	2.50	0.47
1:A:3052:TRP:O	1:A:3055:TRP:N	2.48	0.47
1:B:17:HIS:HA	1:B:22:GLU:HA	1.97	0.47
1:B:176:LEU:HA	1:B:180:GLN:O	2.15	0.47
1:B:510:ALA:O	1:B:514:GLY:N	2.37	0.47
1:B:1214:LEU:O	1:B:1218:VAL:N	2.48	0.47
1:B:1421:ALA:C	1:B:1424:GLU:H	2.18	0.47
1:B:1958:ALA:O	1:B:1961:TYR:N	2.47	0.47
1:B:2524:ALA:O	1:B:2527:MET:N	2.36	0.47
1:B:3052:TRP:O	1:B:3055:TRP:N	2.47	0.47
1:A:45:ARG:O	1:A:59:ALA:N	2.48	0.47
1:A:1553:GLU:O	1:A:1557:ILE:N	2.30	0.47
1:A:1958:ALA:O	1:A:1961:TYR:N	2.47	0.47
1:A:2758:VAL:N	1:A:2766:VAL:O	2.27	0.47
1:B:713:GLU:O	1:B:717:ARG:N	2.47	0.47
1:B:1444:LEU:O	1:B:1447:SER:N	2.48	0.47
1:B:2879:ASN:O	1:B:2884:GLU:N	2.28	0.47
1:A:1421:ALA:C	1:A:1424:GLU:H	2.18	0.47
1:B:2626:ALA:HB1	1:B:2654:THR:HA	1.97	0.47
1:B:2867:GLY:HA3	1:B:2894:PHE:CA	2.41	0.47
1:A:1444:LEU:O	1:A:1447:SER:N	2.48	0.47
1:A:2091:TRP:O	1:A:2094:GLU:N	2.47	0.47
1:B:580:LEU:O	1:B:584:GLN:N	2.29	0.47

Continued on next page...

Continued from previous page...

Atom-1	Atom-2	Interatomic distance (Å)	Clash overlap (Å)
1:B:2091:TRP:O	1:B:2094:GLU:N	2.47	0.47
1:B:2320:ASP:O	1:B:2324:ALA:N	2.44	0.47
1:B:2380:ARG:O	1:B:2384:MET:N	2.31	0.47
1:A:2795:ASP:HA	1:A:2798:ALA:HB3	1.96	0.46
1:A:2829:PRO:CB	1:A:2912:ARG:CB	2.93	0.46
1:B:847:MET:O	1:B:851:ASP:N	2.32	0.46
1:B:2849:ARG:O	1:B:2853:THR:N	2.23	0.46
1:A:1609:THR:O	1:A:1612:GLU:N	2.48	0.46
1:A:2650:ASP:N	1:A:2689:GLU:HA	2.30	0.46
1:B:45:ARG:O	1:B:59:ALA:N	2.48	0.46
1:B:1609:THR:O	1:B:1612:GLU:N	2.48	0.46
1:B:1849:ILE:O	1:B:1852:GLN:N	2.48	0.46
1:A:1862:LEU:O	1:A:1865:HIS:N	2.49	0.46
1:A:2471:ILE:O	1:A:2475:LEU:N	2.32	0.46
1:A:2647:ILE:N	1:A:2691:ARG:HA	2.29	0.46
1:A:2857:ALA:O	1:A:2860:SER:N	2.47	0.46
1:A:59:ALA:O	1:A:63:PHE:N	2.38	0.46
1:A:1214:LEU:O	1:A:1218:VAL:N	2.48	0.46
1:B:1923:SER:H	1:B:1929:ASN:CB	2.29	0.46
1:A:1829:PRO:O	1:A:1833:VAL:N	2.47	0.46
1:B:1310:GLN:HA	1:B:1314:THR:CB	2.44	0.46
1:B:2647:ILE:H	1:B:2692:LEU:H	1.64	0.46
1:B:2914:ILE:O	1:B:2917:GLY:N	2.48	0.46
1:B:194:VAL:O	1:B:197:GLY:N	2.49	0.46
1:A:17:HIS:HA	1:A:22:GLU:HA	1.97	0.46
1:B:1583:TYR:O	1:B:1586:GLY:N	2.49	0.46
1:B:2085:ASP:O	1:B:2087:GLU:N	2.43	0.46
1:B:2126:GLU:O	1:B:2130:ASN:N	2.26	0.46
1:A:40:ILE:CB	1:A:112:ALA:H	2.29	0.46
1:A:176:LEU:HA	1:A:180:GLN:O	2.15	0.46
1:A:1583:TYR:O	1:A:1586:GLY:N	2.49	0.46
1:A:2855:SER:O	1:A:2858:THR:N	2.43	0.46
1:B:306:THR:N	1:B:310:SER:H	2.14	0.46
1:B:975:ASN:O	1:B:979:LEU:N	2.26	0.46
1:B:1124:TYR:C	1:B:1127:ALA:H	2.19	0.46
1:B:2535:LEU:HA	1:B:2539:GLU:CB	2.45	0.46
1:A:1124:TYR:C	1:A:1127:ALA:H	2.19	0.46
1:A:1849:ILE:O	1:A:1852:GLN:N	2.48	0.46
1:A:1999:ILE:HA	1:A:2002:GLN:CB	2.46	0.46
1:A:2626:ALA:HB1	1:A:2654:THR:HA	1.97	0.46
1:A:2647:ILE:H	1:A:2692:LEU:H	1.64	0.46

Continued on next page...

Continued from previous page...

Atom-1	Atom-2	Interatomic distance (Å)	Clash overlap (Å)
1:B:1862:LEU:O	1:B:1865:HIS:N	2.49	0.46
1:B:1999:ILE:HA	1:B:2002:GLN:CB	2.46	0.46
1:B:2008:ILE:HA	1:B:2011:SER:CB	2.46	0.46
1:B:2647:ILE:N	1:B:2691:ARG:HA	2.29	0.46
1:B:2922:GLY:O	1:B:2925:GLY:N	2.26	0.46
1:A:2914:ILE:O	1:A:2917:GLY:N	2.48	0.46
1:A:1480:PRO:HA	1:A:1484:MET:N	2.31	0.45
1:A:1923:SER:H	1:A:1929:ASN:CB	2.29	0.45
1:A:2224:MET:O	1:A:2227:ARG:N	2.49	0.45
1:B:694:LEU:O	1:B:698:SER:N	2.49	0.45
1:B:1044:ASN:O	1:B:1048:THR:N	2.28	0.45
1:B:1970:GLN:O	1:B:1974:SER:N	2.22	0.45
1:B:2758:VAL:N	1:B:2766:VAL:O	2.27	0.45
1:A:194:VAL:O	1:A:197:GLY:N	2.49	0.45
1:A:306:THR:N	1:A:310:SER:H	2.14	0.45
1:A:2017:SER:O	1:A:2022:GLY:N	2.49	0.45
1:A:2126:GLU:O	1:A:2130:ASN:N	2.26	0.45
1:A:2226:LEU:O	1:A:2229:VAL:N	2.50	0.45
1:A:2270:LEU:O	1:A:2273:ARG:N	2.50	0.45
1:B:2224:MET:O	1:B:2227:ARG:N	2.49	0.45
1:B:2226:LEU:O	1:B:2229:VAL:N	2.50	0.45
1:B:2270:LEU:O	1:B:2273:ARG:N	2.50	0.45
1:A:2505:LYS:O	1:A:2508:GLY:N	2.49	0.45
1:A:2535:LEU:HA	1:A:2539:GLU:CB	2.45	0.45
1:B:279:ILE:HA	1:B:282:LEU:CB	2.47	0.45
1:B:1643:ILE:O	1:B:1646:LYS:N	2.49	0.45
1:B:1696:TYR:HA	1:B:2164:GLU:O	2.16	0.45
1:B:2387:PHE:O	1:B:2391:ALA:N	2.24	0.45
1:B:2783:ASN:HA	1:B:2786:GLY:HA3	1.99	0.45
1:B:306:THR:O	1:B:310:SER:N	2.50	0.45
1:B:2305:GLN:O	1:B:2307:LEU:N	2.47	0.45
1:A:2524:ALA:O	1:A:2527:MET:N	2.36	0.45
1:A:3051:GLY:O	1:A:3054:ALA:HB3	2.17	0.45
1:B:659:LYS:HA	1:B:663:LEU:CB	2.47	0.45
1:B:2017:SER:O	1:B:2022:GLY:N	2.49	0.45
1:A:1533:GLU:O	1:A:1537:GLN:N	2.22	0.45
1:A:1643:ILE:O	1:A:1646:LYS:N	2.49	0.45
1:A:1696:TYR:HA	1:A:2164:GLU:O	2.16	0.45
1:A:2499:GLU:O	1:A:2502:GLY:N	2.50	0.45
1:A:2780:LEU:C	1:A:2784:GLU:H	2.17	0.45
1:A:2783:ASN:HA	1:A:2786:GLY:HA3	1.98	0.45

Continued on next page...

Continued from previous page...

Atom-1	Atom-2	Interatomic distance (Å)	Clash overlap (Å)
1:B:183:HIS:O	1:B:187:VAL:N	2.26	0.45
1:B:615:LEU:HA	1:B:1342:GLU:O	2.17	0.45
1:A:1044:ASN:O	1:A:1048:THR:N	2.28	0.45
1:A:1309:ALA:O	1:A:1312:ARG:N	2.50	0.45
1:A:2222:PRO:O	1:A:2225:ALA:N	2.49	0.45
1:B:40:ILE:CB	1:B:112:ALA:H	2.29	0.45
1:B:747:GLN:O	1:B:751:SER:N	2.35	0.45
1:B:2063:GLY:O	1:B:2067:ALA:N	2.29	0.45
1:B:2222:PRO:O	1:B:2225:ALA:N	2.50	0.45
1:A:2029:PRO:C	1:A:2031:THR:N	2.70	0.45
1:A:2294:GLU:O	1:A:2296:ALA:N	2.50	0.45
1:B:3051:GLY:O	1:B:3054:ALA:HB3	2.17	0.45
1:A:26:GLU:O	1:A:30:PHE:N	2.38	0.45
1:A:694:LEU:O	1:A:698:SER:N	2.49	0.45
1:A:1717:TYR:O	1:A:1720:ASN:N	2.50	0.45
1:A:2008:ILE:HA	1:A:2011:SER:CB	2.46	0.45
1:B:1309:ALA:O	1:B:1312:ARG:N	2.50	0.45
1:B:1468:VAL:O	1:B:1472:LEU:N	2.22	0.45
1:A:279:ILE:HA	1:A:282:LEU:CB	2.47	0.44
1:A:615:LEU:HA	1:A:1342:GLU:O	2.17	0.44
1:A:2057:SER:O	1:A:2060:ARG:N	2.50	0.44
1:A:562:ASN:O	1:A:566:VAL:N	2.32	0.44
1:A:2016:ASP:O	1:A:2019:TYR:N	2.50	0.44
1:A:2456:LYS:O	1:A:2460:LYS:N	2.29	0.44
1:B:1070:VAL:O	1:B:1074:PHE:N	2.23	0.44
1:B:1076:GLN:HA	1:B:1079:ALA:HB3	2.00	0.44
1:B:1124:TYR:O	1:B:1127:ALA:N	2.50	0.44
1:B:2057:SER:O	1:B:2060:ARG:N	2.50	0.44
1:B:2973:ARG:C	1:B:2976:ASP:H	2.19	0.44
1:B:1480:PRO:HA	1:B:1484:MET:N	2.32	0.44
1:B:1717:TYR:O	1:B:1720:ASN:N	2.50	0.44
1:B:3050:PRO:HA	1:B:3053:LYS:CB	2.47	0.44
1:A:1076:GLN:HA	1:A:1079:ALA:HB3	2.00	0.44
1:A:2044:LYS:O	1:A:2048:THR:N	2.26	0.44
1:B:2016:ASP:O	1:B:2019:TYR:N	2.50	0.44
1:B:2092:CYS:CA	1:B:2096:GLU:H	2.30	0.44
1:B:2499:GLU:O	1:B:2502:GLY:N	2.50	0.44
1:A:1578:GLN:O	1:A:1582:LYS:N	2.32	0.44
1:B:353:CYS:CB	1:B:449:GLY:HA3	2.48	0.44
1:B:1192:LYS:HA	1:B:1195:GLU:CB	2.48	0.44
1:B:1451:LYS:C	1:B:1453:ILE:H	2.21	0.44

Continued on next page...

Continued from previous page...

Atom-1	Atom-2	Interatomic distance (Å)	Clash overlap (Å)
1:B:2525:ALA:HB1	1:B:2956:PRO:CB	2.48	0.44
1:A:306:THR:O	1:A:310:SER:N	2.50	0.44
1:A:1124:TYR:O	1:A:1127:ALA:N	2.50	0.44
1:A:1192:LYS:HA	1:A:1195:GLU:CB	2.48	0.44
1:A:1453:ILE:C	1:A:1456:GLY:H	2.21	0.44
1:A:2305:GLN:O	1:A:2307:LEU:N	2.47	0.44
1:A:2784:GLU:HA	1:A:2788:HIS:CB	2.48	0.44
1:A:2973:ARG:C	1:A:2976:ASP:H	2.19	0.44
1:B:2131:ALA:HA	1:B:2134:SER:CB	2.48	0.44
1:B:2216:ASP:O	1:B:2219:PHE:N	2.51	0.44
1:B:729:TYR:C	1:B:732:MET:H	2.20	0.44
1:B:2209:SER:O	1:B:2213:LYS:N	2.51	0.44
1:B:2294:GLU:O	1:B:2296:ALA:N	2.50	0.44
1:B:2859:SER:O	1:B:2860:SER:C	2.57	0.44
1:A:1580:LYS:HA	1:A:1596:HIS:CA	2.47	0.44
1:A:2092:CYS:CA	1:A:2096:GLU:H	2.30	0.44
1:A:2131:ALA:HA	1:A:2134:SER:CB	2.48	0.44
1:A:2209:SER:O	1:A:2213:LYS:N	2.51	0.44
1:A:2216:ASP:O	1:A:2219:PHE:N	2.51	0.44
1:A:3050:PRO:HA	1:A:3053:LYS:CB	2.47	0.44
1:B:1467:ASP:O	1:B:1470:TYR:N	2.51	0.44
1:B:1580:LYS:HA	1:B:1596:HIS:CA	2.47	0.44
1:A:659:LYS:HA	1:A:663:LEU:CB	2.47	0.43
1:A:729:TYR:C	1:A:732:MET:H	2.20	0.43
1:A:1851:LEU:O	1:A:1854:THR:N	2.47	0.43
1:B:1453:ILE:C	1:B:1456:GLY:H	2.21	0.43
1:B:1580:LYS:O	1:B:1584:SER:N	2.20	0.43
1:B:2391:ALA:HB2	1:B:2470:TYR:N	2.33	0.43
1:A:734:VAL:O	1:A:738:GLU:N	2.32	0.43
1:A:1467:ASP:O	1:A:1470:TYR:N	2.51	0.43
1:A:2101:GLN:HA	1:A:2104:TRP:CB	2.48	0.43
1:A:2185:ILE:O	1:A:2188:LEU:N	2.39	0.43
1:A:2459:ARG:HA	1:A:2463:LEU:H	1.83	0.43
1:B:543:THR:O	1:B:547:THR:N	2.51	0.43
1:B:2459:ARG:HA	1:B:2463:LEU:H	1.83	0.43
1:B:2722:LEU:O	1:B:2725:ASP:N	2.51	0.43
1:A:1970:GLN:O	1:A:1974:SER:N	2.22	0.43
1:A:2513:THR:HA	1:A:2516:PHE:CB	2.48	0.43
1:A:2525:ALA:HB1	1:A:2956:PRO:CB	2.48	0.43
1:B:734:VAL:O	1:B:738:GLU:N	2.32	0.43
1:B:749:ALA:O	1:B:753:MET:N	2.25	0.43

Continued on next page...

Continued from previous page...

Atom-1	Atom-2	Interatomic distance (Å)	Clash overlap (Å)
1:B:2224:MET:O	1:B:2225:ALA:C	2.56	0.43
1:A:543:THR:O	1:A:547:THR:N	2.51	0.43
1:A:1955:LEU:O	1:A:1958:ALA:HB3	2.18	0.43
1:A:2722:LEU:O	1:A:2725:ASP:N	2.51	0.43
1:B:38:GLU:HA	1:B:43:LEU:N	2.33	0.43
1:B:1165:SER:O	1:B:1169:GLU:N	2.33	0.43
1:B:1953:THR:O	1:B:1957:TYR:N	2.37	0.43
1:B:2513:THR:HA	1:B:2516:PHE:CB	2.48	0.43
1:A:2099:HIS:O	1:A:2102:ALA:HB3	2.19	0.43
1:A:2391:ALA:HB2	1:A:2470:TYR:N	2.33	0.43
1:B:1477:ASN:O	1:B:1481:SER:N	2.43	0.43
1:A:353:CYS:CB	1:A:449:GLY:HA3	2.48	0.43
1:A:1370:GLY:HA2	1:A:1373:ASP:CB	2.49	0.43
1:A:2410:PHE:O	1:A:2414:GLN:N	2.35	0.43
1:B:1712:PHE:C	1:B:1714:MET:N	2.71	0.43
1:B:2092:CYS:HA	1:B:2096:GLU:H	1.84	0.43
1:B:2842:PRO:HA	1:B:2845:TRP:CB	2.48	0.43
1:B:280:ILE:HA	1:B:283:PHE:CB	2.49	0.43
1:B:1736:CYS:O	1:B:1739:ASN:N	2.52	0.43
1:B:2496:GLY:H	1:B:2537:PHE:CB	2.31	0.43
1:A:38:GLU:HA	1:A:43:LEU:N	2.33	0.43
1:A:280:ILE:HA	1:A:283:PHE:CB	2.49	0.43
1:A:1451:LYS:C	1:A:1453:ILE:H	2.21	0.43
1:A:1938:TYR:HA	1:A:1941:VAL:CB	2.49	0.43
1:A:2224:MET:O	1:A:2225:ALA:C	2.56	0.43
1:A:2496:GLY:H	1:A:2537:PHE:CB	2.31	0.43
1:B:347:GLU:O	1:B:351:ASP:N	2.35	0.43
1:B:1938:TYR:HA	1:B:1941:VAL:CB	2.49	0.43
1:B:2505:LYS:O	1:B:2508:GLY:N	2.49	0.43
1:B:3014:GLN:O	1:B:3017:LEU:O	2.37	0.43
1:A:1736:CYS:O	1:A:1739:ASN:N	2.52	0.43
1:A:2473:CYS:O	1:A:2476:SER:N	2.52	0.43
1:A:2842:PRO:HA	1:A:2845:TRP:CB	2.48	0.43
1:B:2029:PRO:C	1:B:2031:THR:N	2.71	0.43
1:B:2361:LEU:HA	1:B:2364:ALA:HB3	2.00	0.43
1:B:2784:GLU:HA	1:B:2788:HIS:CB	2.48	0.43
1:A:1414:SER:O	1:A:1418:ILE:N	2.52	0.43
1:A:2091:TRP:C	1:A:2093:PRO:N	2.71	0.43
1:A:2272:GLU:O	1:A:2275:ILE:N	2.51	0.43
1:A:2361:LEU:HA	1:A:2364:ALA:HB3	2.00	0.43
1:A:2844:ILE:O	1:A:2849:ARG:N	2.42	0.43

Continued on next page...

Continued from previous page...

Atom-1	Atom-2	Interatomic distance (Å)	Clash overlap (Å)
1:B:1370:GLY:HA2	1:B:1373:ASP:CB	2.49	0.43
1:B:1532:VAL:HA	1:B:1535:GLN:H	1.84	0.43
1:B:2298:VAL:O	1:B:2302:LYS:N	2.52	0.43
1:B:1043:VAL:O	1:B:1047:LYS:N	2.34	0.42
1:B:2099:HIS:O	1:B:2102:ALA:HB3	2.19	0.42
1:A:975:ASN:O	1:A:979:LEU:N	2.26	0.42
1:A:1244:ILE:HA	1:A:1248:TYR:N	2.34	0.42
1:A:2859:SER:O	1:A:2860:SER:C	2.57	0.42
1:B:1003:GLN:HA	1:B:1006:MET:CB	2.50	0.42
1:B:2101:GLN:HA	1:B:2104:TRP:CB	2.48	0.42
1:A:2867:GLY:CA	1:A:2894:PHE:HA	2.43	0.42
1:A:2970:LEU:O	1:A:2974:PRO:N	2.52	0.42
1:A:3014:GLN:O	1:A:3017:LEU:O	2.37	0.42
1:B:26:GLU:O	1:B:30:PHE:N	2.38	0.42
1:B:1414:SER:O	1:B:1418:ILE:N	2.52	0.42
1:B:2354:ALA:HA	1:B:2357:MET:CB	2.48	0.42
1:B:2410:PHE:O	1:B:2414:GLN:N	2.35	0.42
1:A:663:LEU:O	1:A:1341:PRO:HA	2.19	0.42
1:A:1050:LEU:O	1:A:1056:SER:HA	2.19	0.42
1:A:2298:VAL:O	1:A:2302:LYS:N	2.52	0.42
1:B:1054:PRO:O	1:B:1055:TYR:C	2.57	0.42
1:B:1244:ILE:HA	1:B:1248:TYR:N	2.34	0.42
1:B:1955:LEU:O	1:B:1958:ALA:HB3	2.18	0.42
1:B:2294:GLU:C	1:B:2296:ALA:N	2.73	0.42
1:B:2309:LEU:HA	1:B:2312:LEU:CB	2.50	0.42
1:B:3028:VAL:C	1:B:3032:VAL:H	2.06	0.42
1:A:731:TYR:O	1:A:735:ILE:N	2.53	0.42
1:A:923:ILE:O	1:A:927:LEU:N	2.29	0.42
1:A:1712:PHE:C	1:A:1714:MET:N	2.71	0.42
1:A:2150:ALA:O	1:A:2153:LYS:N	2.53	0.42
1:A:2309:LEU:HA	1:A:2312:LEU:CB	2.50	0.42
1:B:1050:LEU:O	1:B:1056:SER:HA	2.19	0.42
1:B:1295:LEU:O	1:B:1298:PHE:N	2.50	0.42
1:B:2297:GLN:O	1:B:2299:PHE:N	2.53	0.42
1:A:1070:VAL:O	1:A:1074:PHE:N	2.24	0.42
1:A:1532:VAL:HA	1:A:1535:GLN:H	1.84	0.42
1:A:2174:SER:O	1:A:2175:ARG:C	2.58	0.42
1:A:2294:GLU:C	1:A:2296:ALA:N	2.73	0.42
1:A:2386:ALA:O	1:A:2389:SER:N	2.53	0.42
1:B:325:HIS:CB	1:B:434:PRO:HA	2.50	0.42
1:B:1453:ILE:HA	1:B:1458:GLY:N	2.35	0.42

Continued on next page...

Continued from previous page...

Atom-1	Atom-2	Interatomic distance (Å)	Clash overlap (Å)
1:B:1465:LEU:O	1:B:1468:VAL:N	2.53	0.42
1:A:2092:CYS:HA	1:A:2096:GLU:H	1.84	0.42
1:B:923:ILE:O	1:B:927:LEU:N	2.29	0.42
1:B:1958:ALA:O	1:B:1959:GLU:C	2.58	0.42
1:A:1165:SER:O	1:A:1169:GLU:N	2.33	0.42
1:A:1453:ILE:HA	1:A:1458:GLY:N	2.35	0.42
1:A:1465:LEU:O	1:A:1468:VAL:N	2.53	0.42
1:A:1556:TYR:O	1:A:1559:ILE:N	2.53	0.42
1:A:1715:LEU:O	1:A:1718:LEU:N	2.53	0.42
1:A:2505:LYS:C	1:A:2508:GLY:H	2.23	0.42
1:B:731:TYR:O	1:B:735:ILE:N	2.53	0.42
1:B:1533:GLU:O	1:B:1537:GLN:N	2.23	0.42
1:B:1556:TYR:O	1:B:1559:ILE:N	2.53	0.42
1:B:2259:SER:O	1:B:2262:ALA:HB3	2.19	0.42
1:B:2272:GLU:O	1:B:2275:ILE:N	2.51	0.42
1:B:2970:LEU:O	1:B:2974:PRO:N	2.52	0.42
1:A:325:HIS:CB	1:A:434:PRO:HA	2.50	0.42
1:A:1054:PRO:O	1:A:1055:TYR:C	2.57	0.42
1:A:1088:LEU:HA	1:A:1114:LYS:HA	2.01	0.42
1:A:1765:GLN:O	1:A:1768:ARG:N	2.53	0.42
1:A:1913:VAL:HA	1:A:1917:ARG:CB	2.50	0.42
1:A:2297:GLN:O	1:A:2299:PHE:N	2.53	0.42
1:A:2354:ALA:HA	1:A:2357:MET:CB	2.48	0.42
1:A:2552:HIS:O	1:A:2556:THR:N	2.43	0.42
1:B:1578:GLN:O	1:B:1582:LYS:N	2.32	0.42
1:B:1420:LEU:C	1:B:1425:GLN:H	2.17	0.42
1:B:2473:CYS:O	1:B:2476:SER:N	2.52	0.42
1:B:3029:GLY:HA2	1:B:3032:VAL:CB	2.50	0.42
1:A:1003:GLN:HA	1:A:1006:MET:CB	2.50	0.41
1:A:1749:PHE:HA	1:A:1752:ILE:CB	2.50	0.41
1:A:1850:LEU:O	1:A:1854:THR:N	2.53	0.41
1:A:2209:SER:O	1:A:2212:LEU:N	2.53	0.41
1:B:1715:LEU:O	1:B:1718:LEU:N	2.53	0.41
1:B:2209:SER:O	1:B:2212:LEU:N	2.53	0.41
1:B:2386:ALA:O	1:B:2389:SER:N	2.53	0.41
1:B:2403:ASN:O	1:B:2408:SER:N	2.46	0.41
1:A:1091:GLU:O	1:A:1110:ALA:HB1	2.20	0.41
1:A:325:HIS:HA	1:A:434:PRO:HA	2.03	0.41
1:A:2259:SER:O	1:A:2262:ALA:HB3	2.19	0.41
1:A:2457:GLU:HA	1:A:2460:LYS:CB	2.50	0.41
1:B:1850:LEU:O	1:B:1854:THR:N	2.53	0.41

Continued on next page...

Continued from previous page...

Atom-1	Atom-2	Interatomic distance (Å)	Clash overlap (Å)
1:B:1913:VAL:HA	1:B:1917:ARG:CB	2.50	0.41
1:B:2647:ILE:O	1:B:2691:ARG:HA	2.21	0.41
1:B:2650:ASP:N	1:B:2689:GLU:HA	2.30	0.41
1:A:1939:LEU:O	1:A:1942:ALA:HB3	2.20	0.41
1:B:725:VAL:HA	1:B:733:GLY:HA2	2.01	0.41
1:B:1088:LEU:HA	1:B:1114:LYS:HA	2.01	0.41
1:B:1091:GLU:O	1:B:1110:ALA:HB1	2.20	0.41
1:B:1376:PRO:C	1:B:1379:PRO:N	2.74	0.41
1:B:2344:TRP:HA	1:B:2347:GLU:CB	2.50	0.41
1:B:2742:ASN:CB	1:B:2745:THR:H	2.34	0.41
1:A:725:VAL:HA	1:A:733:GLY:HA2	2.01	0.41
1:A:747:GLN:O	1:A:751:SER:N	2.35	0.41
1:A:1925:GLY:O	1:A:1928:PHE:N	2.53	0.41
1:A:1931:ALA:O	1:A:1934:LEU:N	2.54	0.41
1:A:2298:VAL:HA	1:A:2302:LYS:N	2.35	0.41
1:B:476:GLN:O	1:B:480:LEU:N	2.36	0.41
1:A:1453:ILE:HA	1:A:1458:GLY:H	1.86	0.41
1:A:1609:THR:O	1:A:1610:ARG:C	2.59	0.41
1:A:1730:ARG:O	1:A:1733:ALA:HB3	2.21	0.41
1:A:1951:HIS:O	1:A:1952:PHE:C	2.59	0.41
1:A:3029:GLY:HA2	1:A:3032:VAL:CB	2.50	0.41
1:B:161:GLN:HA	1:B:199:CYS:CB	2.50	0.41
1:B:325:HIS:HA	1:B:434:PRO:HA	2.02	0.41
1:B:1765:GLN:O	1:B:1768:ARG:N	2.53	0.41
1:B:1822:GLU:O	1:B:1824:LEU:N	2.54	0.41
1:B:1939:LEU:O	1:B:1942:ALA:HB3	2.20	0.41
1:B:2715:LEU:N	1:B:2767:LEU:O	2.54	0.41
1:A:242:THR:CB	1:A:245:VAL:H	2.33	0.41
1:A:1430:ASN:O	1:A:1434:LYS:N	2.54	0.41
1:A:1824:LEU:HA	1:A:1827:LEU:CB	2.51	0.41
1:A:2305:GLN:C	1:A:2307:LEU:N	2.74	0.41
1:A:2647:ILE:O	1:A:2691:ARG:HA	2.21	0.41
1:B:1925:GLY:O	1:B:1928:PHE:N	2.53	0.41
1:B:2505:LYS:C	1:B:2508:GLY:H	2.23	0.41
1:B:2878:ILE:CA	1:B:2885:LEU:HA	2.48	0.41
1:B:3042:PRO:HA	1:B:3045:LEU:CB	2.51	0.41
1:A:43:LEU:HA	1:A:59:ALA:CB	2.48	0.41
1:A:2738:LEU:O	1:A:2742:ASN:N	2.53	0.41
1:A:2742:ASN:CB	1:A:2745:THR:H	2.34	0.41
1:A:3042:PRO:HA	1:A:3045:LEU:CB	2.51	0.41
1:B:242:THR:CB	1:B:245:VAL:H	2.33	0.41

Continued on next page...

Continued from previous page...

Atom-1	Atom-2	Interatomic distance (Å)	Clash overlap (Å)
1:B:1456:GLY:O	1:B:1457:LEU:C	2.59	0.41
1:B:1458:GLY:O	1:B:1461:TRP:N	2.54	0.41
1:B:2305:GLN:C	1:B:2307:LEU:N	2.74	0.41
1:A:248:ARG:HA	1:A:305:SER:HA	2.03	0.41
1:A:444:PRO:HA	1:A:447:ARG:CB	2.51	0.41
1:A:1043:VAL:O	1:A:1047:LYS:N	2.34	0.41
1:A:1878:SER:O	1:A:1881:SER:N	2.54	0.41
1:A:1912:VAL:HA	1:A:1916:MET:H	1.86	0.41
1:A:2226:LEU:O	1:A:2227:ARG:C	2.58	0.41
1:A:2542:ASN:O	1:A:2546:SER:N	2.24	0.41
1:A:2746:ARG:C	1:A:2749:LYS:H	2.24	0.41
1:A:2878:ILE:CA	1:A:2885:LEU:HA	2.48	0.41
1:B:663:LEU:O	1:B:1341:PRO:HA	2.20	0.41
1:B:1309:ALA:C	1:B:1314:THR:HA	2.42	0.41
1:B:1878:SER:O	1:B:1881:SER:N	2.54	0.41
1:B:1912:VAL:HA	1:B:1916:MET:H	1.86	0.41
1:B:2150:ALA:O	1:B:2153:LYS:N	2.53	0.41
1:B:2657:LYS:O	1:B:2660:GLU:N	2.54	0.41
1:B:2867:GLY:CA	1:B:2894:PHE:HA	2.43	0.41
1:A:1376:PRO:C	1:A:1379:PRO:N	2.74	0.41
1:A:1458:GLY:O	1:A:1461:TRP:N	2.54	0.41
1:A:2380:ARG:O	1:A:2384:MET:N	2.31	0.41
1:A:2498:SER:O	1:A:2500:VAL:N	2.54	0.41
1:B:1421:ALA:HA	1:B:1424:GLU:HA	2.03	0.41
1:B:2188:LEU:O	1:B:2191:ARG:N	2.54	0.41
1:B:2482:MET:O	1:B:2485:PHE:N	2.54	0.41
1:A:1452:ASP:O	1:A:1454:LYS:N	2.54	0.40
1:A:1456:GLY:O	1:A:1457:LEU:C	2.59	0.40
1:A:1901:LEU:CA	1:A:1904:LYS:H	2.34	0.40
1:A:2344:TRP:HA	1:A:2347:GLU:CB	2.50	0.40
1:A:2849:ARG:O	1:A:2853:THR:N	2.23	0.40
1:B:562:ASN:O	1:B:566:VAL:N	2.32	0.40
1:B:1452:ASP:O	1:B:1454:LYS:N	2.54	0.40
1:B:2457:GLU:HA	1:B:2460:LYS:CB	2.50	0.40
1:B:2923:VAL:O	1:B:2926:VAL:N	2.54	0.40
1:A:1309:ALA:C	1:A:1314:THR:HA	2.42	0.40
1:B:248:ARG:HA	1:B:305:SER:HA	2.03	0.40
1:B:1430:ASN:O	1:B:1434:LYS:N	2.54	0.40
1:B:2226:LEU:O	1:B:2227:ARG:C	2.58	0.40
1:B:2647:ILE:H	1:B:2691:ARG:CA	2.33	0.40
1:B:2738:LEU:O	1:B:2742:ASN:N	2.53	0.40

Continued on next page...

Continued from previous page...

Atom-1	Atom-2	Interatomic distance (Å)	Clash overlap (Å)
1:A:208:LYS:HA	1:A:211:ASP:CB	2.51	0.40
1:A:1041:ALA:O	1:A:1043:VAL:N	2.54	0.40
1:A:1236:PHE:O	1:A:1239:LEU:N	2.55	0.40
1:A:1396:CYS:O	1:A:1400:LYS:N	2.55	0.40
1:A:1421:ALA:HA	1:A:1424:GLU:HA	2.03	0.40
1:A:1707:GLU:O	1:A:1710:TRP:N	2.51	0.40
1:A:2292:GLN:C	1:A:2295:GLU:H	2.24	0.40
1:A:2657:LYS:O	1:A:2660:GLU:N	2.54	0.40
1:A:2828:GLN:O	1:A:2830:VAL:N	2.55	0.40
1:B:1395:ASN:HA	1:B:1398:LYS:CB	2.52	0.40
1:B:1453:ILE:HA	1:B:1458:GLY:H	1.86	0.40
1:B:1749:PHE:HA	1:B:1752:ILE:CB	2.50	0.40
1:B:2150:ALA:O	1:B:2151:ARG:C	2.60	0.40
1:B:2216:ASP:O	1:B:2217:PHE:C	2.58	0.40
1:B:2877:LEU:N	1:B:2888:ILE:H	2.19	0.40
1:A:1017:GLN:O	1:A:1021:VAL:N	2.54	0.40
1:A:1822:GLU:O	1:A:1824:LEU:N	2.54	0.40
1:A:2036:TYR:O	1:A:2039:GLU:O	2.40	0.40
1:B:444:PRO:HA	1:B:447:ARG:CB	2.51	0.40
1:B:1862:LEU:O	1:B:1863:SER:C	2.60	0.40
1:B:1925:GLY:C	1:B:1927:ILE:N	2.75	0.40
1:B:2036:TYR:O	1:B:2039:GLU:O	2.40	0.40
1:B:2552:HIS:O	1:B:2555:HIS:N	2.54	0.40
1:A:161:GLN:HA	1:A:199:CYS:CB	2.51	0.40
1:A:1695:SER:O	1:A:2166:VAL:HA	2.22	0.40
1:A:1862:LEU:O	1:A:1863:SER:C	2.60	0.40
1:A:2923:VAL:O	1:A:2926:VAL:N	2.54	0.40
1:B:208:LYS:HA	1:B:211:ASP:CB	2.51	0.40
1:B:1041:ALA:O	1:B:1043:VAL:N	2.54	0.40
1:B:1396:CYS:O	1:B:1400:LYS:N	2.54	0.40
1:B:1746:GLY:HA2	1:B:1749:PHE:CB	2.52	0.40
1:B:1931:ALA:O	1:B:1934:LEU:N	2.54	0.40
1:B:2289:SER:O	1:B:2292:GLN:N	2.55	0.40
1:B:2456:LYS:O	1:B:2460:LYS:N	2.29	0.40

There are no symmetry-related clashes.

5.3 Torsion angles (i)

5.3.1 Protein backbone (i)

In the following table, the Percentiles column shows the percent Ramachandran outliers of the chain as a percentile score with respect to all PDB entries followed by that with respect to all EM entries.

The Analysed column shows the number of residues for which the backbone conformation was analysed, and the total number of residues.

Mol	Chain	Analysed	Favoured	Allowed	Outliers	Percentiles
1	A	2435/3066 (79%)	2231 (92%)	197 (8%)	7 (0%)	41 76
1	B	2435/3066 (79%)	2232 (92%)	196 (8%)	7 (0%)	41 76
All	All	4870/6132 (79%)	4463 (92%)	393 (8%)	14 (0%)	44 76

All (14) Ramachandran outliers are listed below:

Mol	Chain	Res	Type
1	A	1367	ASP
1	A	1376	PRO
1	A	1378	PRO
1	B	1367	ASP
1	B	1376	PRO
1	B	1378	PRO
1	A	2645	ILE
1	A	2829	PRO
1	B	2645	ILE
1	B	2829	PRO
1	A	1688	ILE
1	B	1688	ILE
1	A	2920	ILE
1	B	2920	ILE

5.3.2 Protein sidechains (i)

There are no protein residues with a non-rotameric sidechain to report in this entry.

5.3.3 RNA (i)

There are no RNA molecules in this entry.

5.4 Non-standard residues in protein, DNA, RNA chains [\(i\)](#)

There are no non-standard protein/DNA/RNA residues in this entry.

5.5 Carbohydrates [\(i\)](#)

There are no monosaccharides in this entry.

5.6 Ligand geometry [\(i\)](#)

There are no ligands in this entry.

5.7 Other polymers [\(i\)](#)

There are no such residues in this entry.

5.8 Polymer linkage issues [\(i\)](#)

The following chains have linkage breaks:

Mol	Chain	Number of breaks
1	A	3
1	B	3

All chain breaks are listed below:

Model	Chain	Residue-1	Atom-1	Residue-2	Atom-2	Distance (Å)
1	A	305:SER	C	306:THR	N	6.20
1	B	305:SER	C	306:THR	N	6.20
1	A	163:GLN	C	164:TRP	N	3.12
1	B	163:GLN	C	164:TRP	N	3.12
1	A	1394:SER	C	1395:ASN	N	2.99
1	B	1394:SER	C	1395:ASN	N	2.99

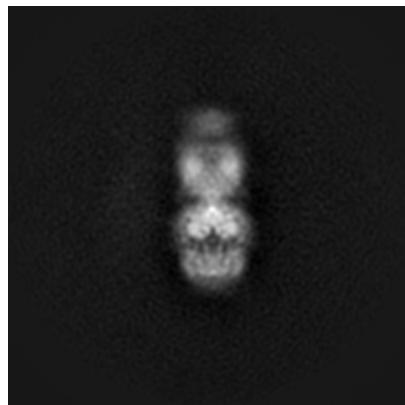
6 Map visualisation (i)

This section contains visualisations of the EMDB entry EMD-3669. These allow visual inspection of the internal detail of the map and identification of artifacts.

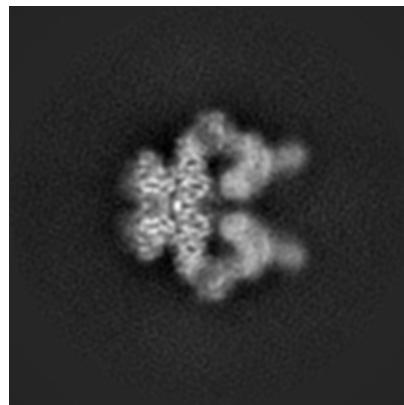
No raw map or half-maps were deposited for this entry and therefore no images, graphs, etc. pertaining to the raw map can be shown.

6.1 Orthogonal projections (i)

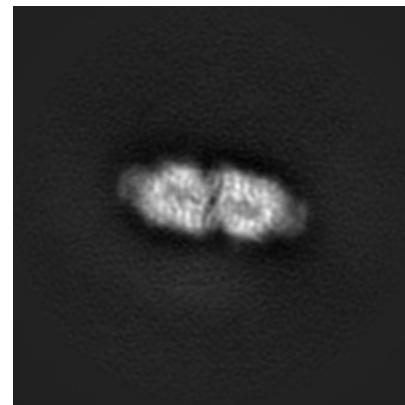
6.1.1 Primary map



X



Y

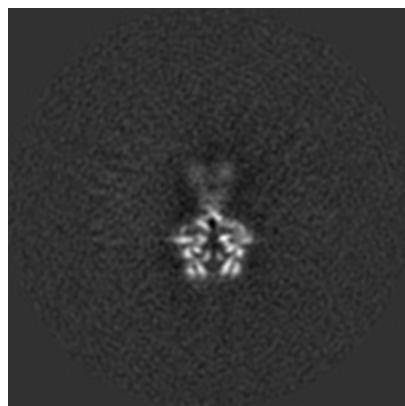


Z

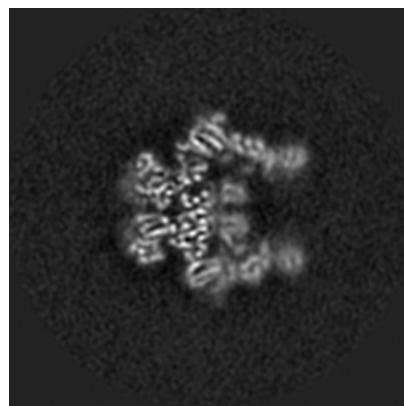
The images above show the map projected in three orthogonal directions.

6.2 Central slices (i)

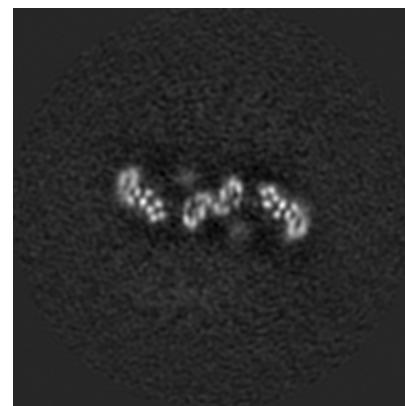
6.2.1 Primary map



X Index: 150



Y Index: 150

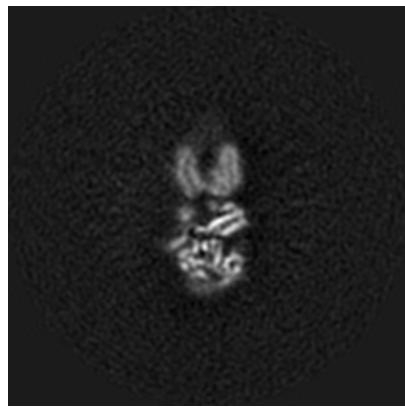


Z Index: 150

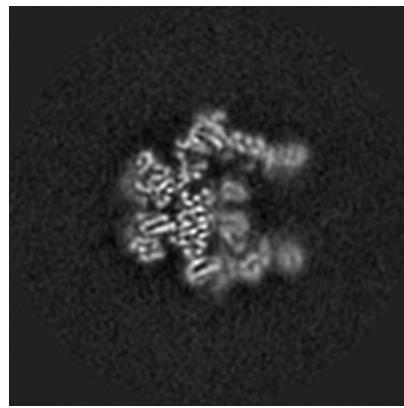
The images above show central slices of the map in three orthogonal directions.

6.3 Largest variance slices [\(i\)](#)

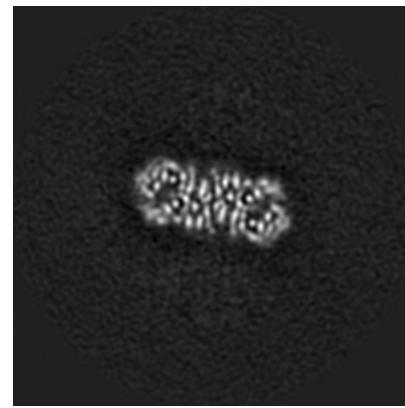
6.3.1 Primary map



X Index: 168



Y Index: 149



Z Index: 133

The images above show the largest variance slices of the map in three orthogonal directions.

6.4 Orthogonal surface views [\(i\)](#)

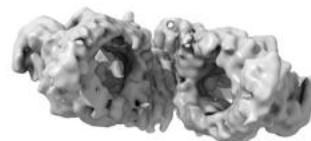
6.4.1 Primary map



X



Y



Z

The images above show the 3D surface view of the map at the recommended contour level 0.03. These images, in conjunction with the slice images, may facilitate assessment of whether an appropriate contour level has been provided.

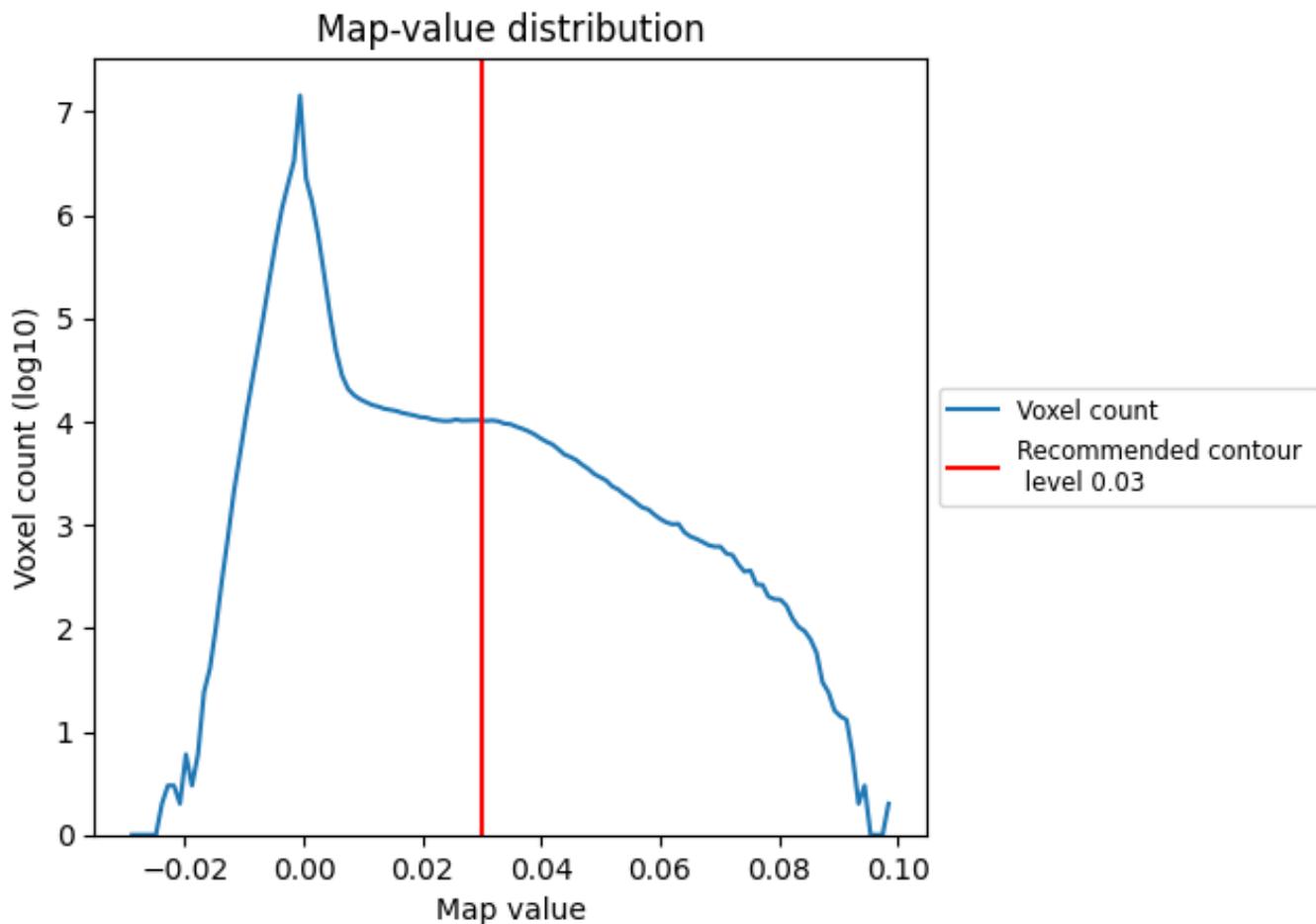
6.5 Mask visualisation

This section was not generated. No masks/segmentation were deposited.

7 Map analysis (i)

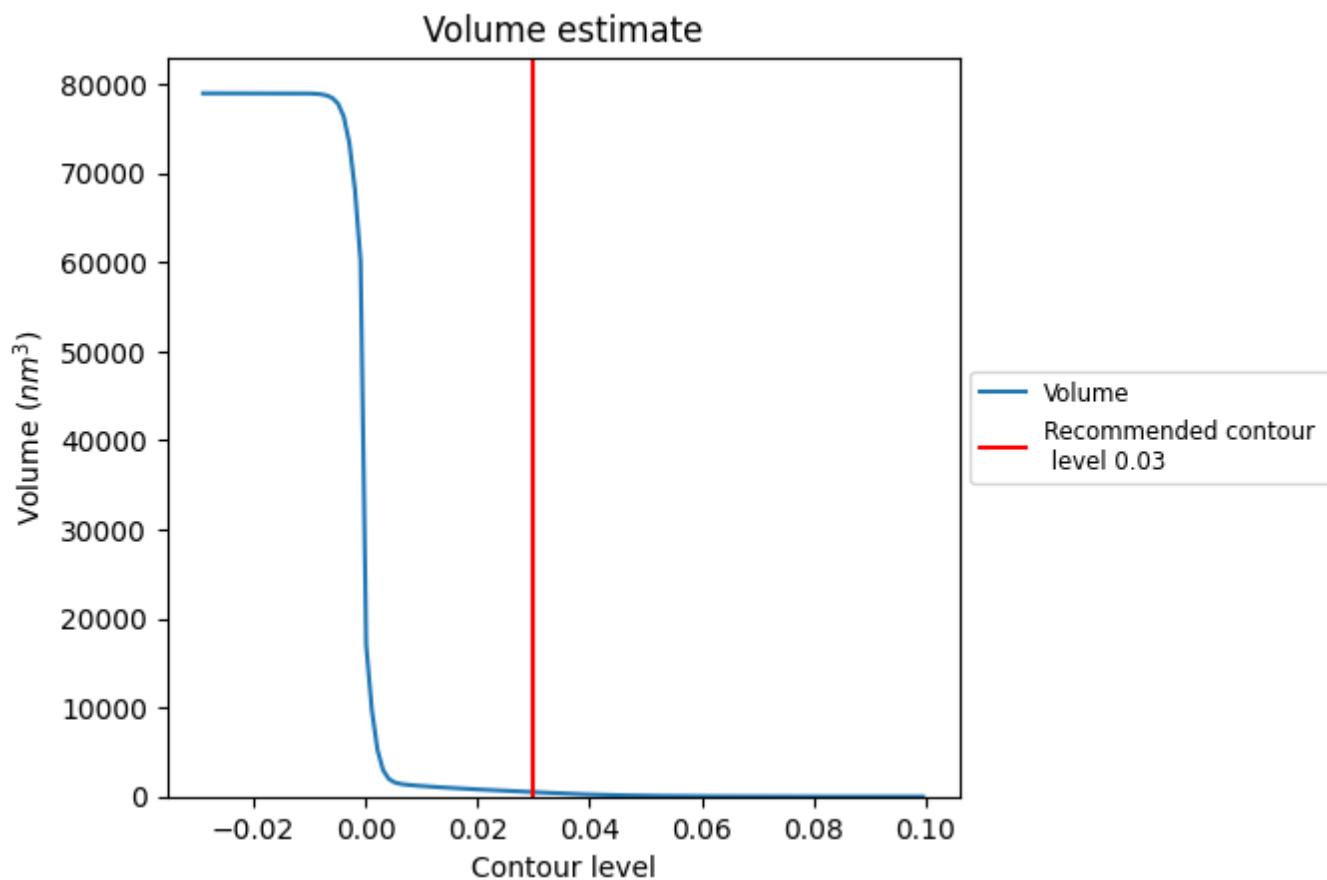
This section contains the results of statistical analysis of the map.

7.1 Map-value distribution (i)



The map-value distribution is plotted in 128 intervals along the x-axis. The y-axis is logarithmic. A spike in this graph at zero usually indicates that the volume has been masked.

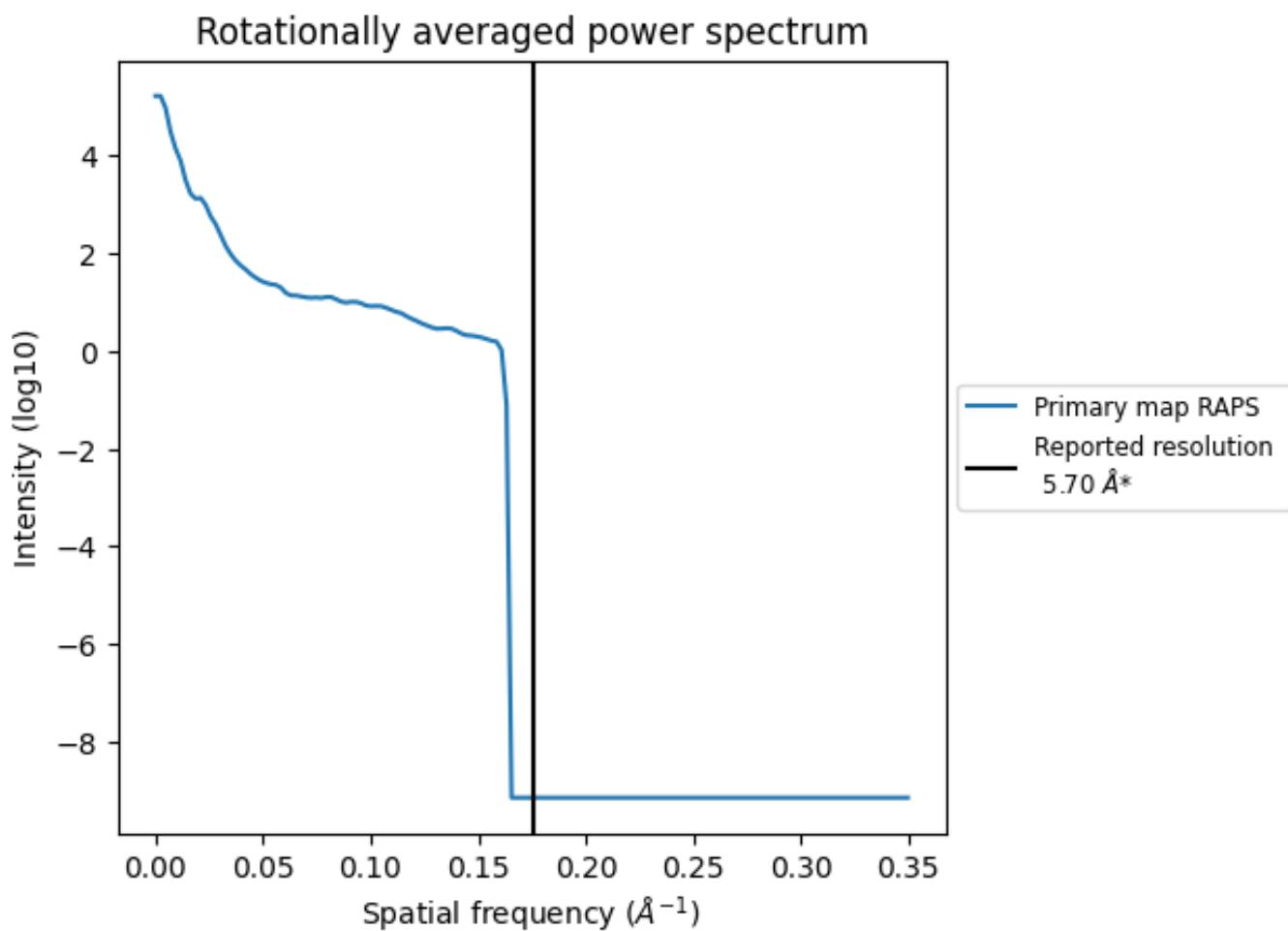
7.2 Volume estimate (i)



The volume at the recommended contour level is 502 nm^3 ; this corresponds to an approximate mass of 454 kDa.

The volume estimate graph shows how the enclosed volume varies with the contour level. The recommended contour level is shown as a vertical line and the intersection between the line and the curve gives the volume of the enclosed surface at the given level.

7.3 Rotationally averaged power spectrum [\(i\)](#)

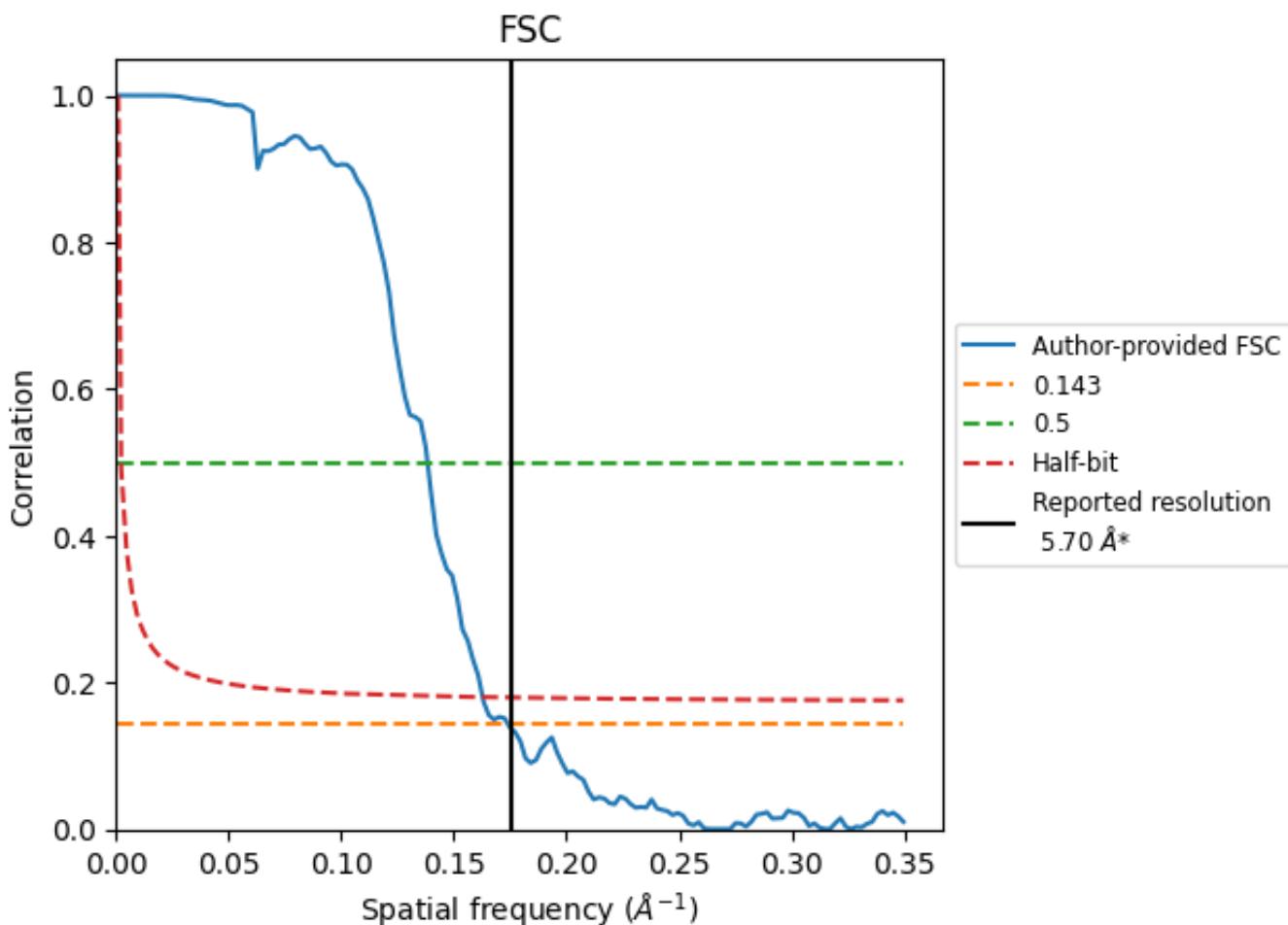


*Reported resolution corresponds to spatial frequency of 0.175 \AA^{-1}

8 Fourier-Shell correlation [\(i\)](#)

Fourier-Shell Correlation (FSC) is the most commonly used method to estimate the resolution of single-particle and subtomogram-averaged maps. The shape of the curve depends on the imposed symmetry, mask and whether or not the two 3D reconstructions used were processed from a common reference. The reported resolution is shown as a black line. A curve is displayed for the half-bit criterion in addition to lines showing the 0.143 gold standard cut-off and 0.5 cut-off.

8.1 FSC [\(i\)](#)



*Reported resolution corresponds to spatial frequency of 0.175 \AA^{-1}

8.2 Resolution estimates [\(i\)](#)

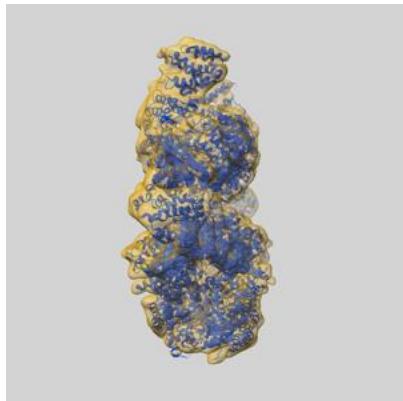
Resolution estimate (Å)	Estimation criterion (FSC cut-off)		
	0.143	0.5	Half-bit
Reported by author	5.70	-	-
Author-provided FSC curve	5.75	7.23	6.14
Unmasked-calculated*	-	-	-

*Resolution estimate based on FSC curve calculated by comparison of deposited half-maps.

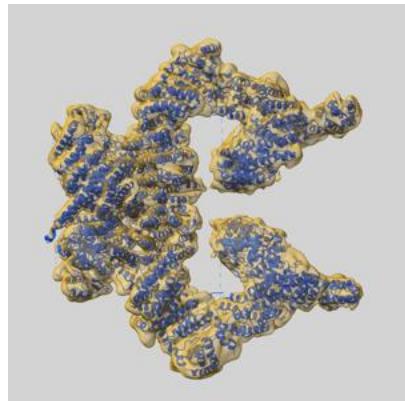
9 Map-model fit (i)

This section contains information regarding the fit between EMDB map EMD-3669 and PDB model 5NP0. Per-residue inclusion information can be found in section 3 on page 4.

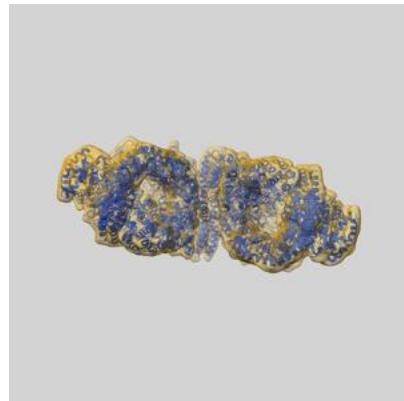
9.1 Map-model overlay (i)



X



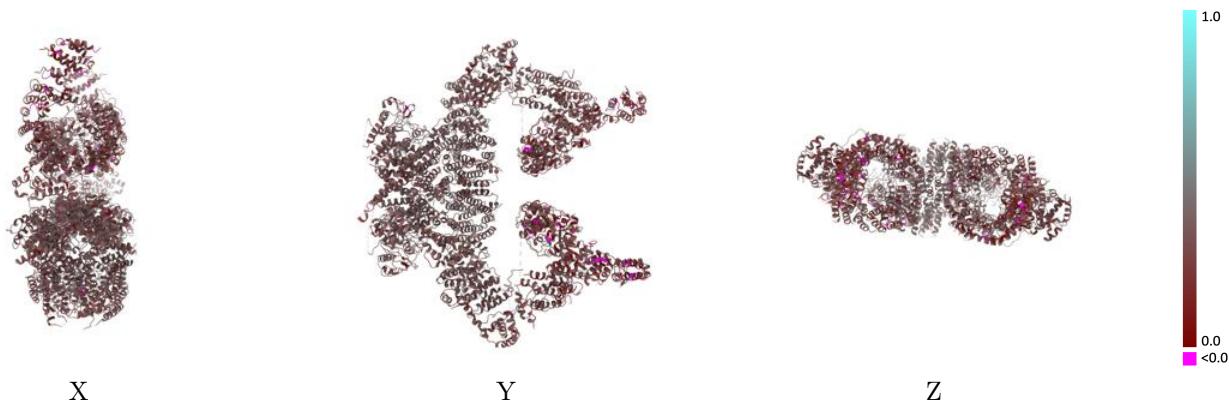
Y



Z

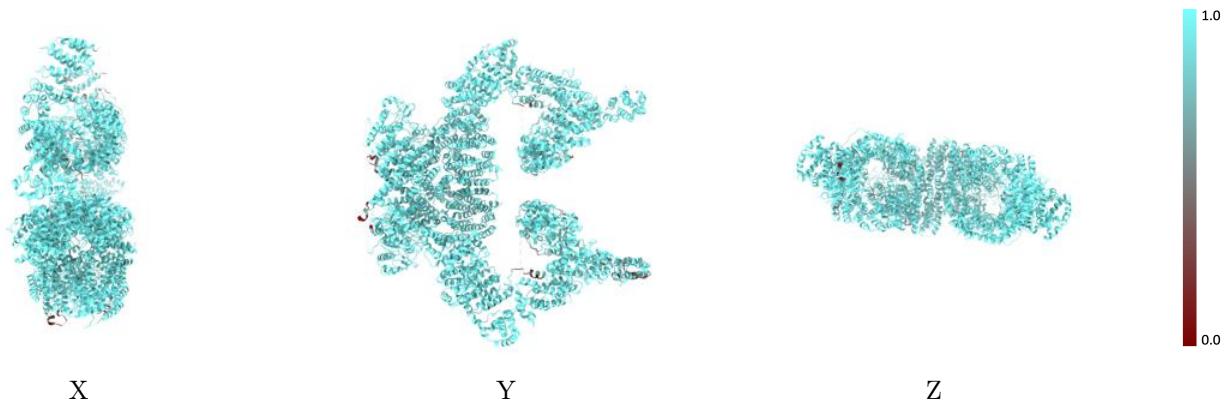
The images above show the 3D surface view of the map at the recommended contour level 0.03 at 50% transparency in yellow overlaid with a ribbon representation of the model coloured in blue. These images allow for the visual assessment of the quality of fit between the atomic model and the map.

9.2 Q-score mapped to coordinate model [\(i\)](#)



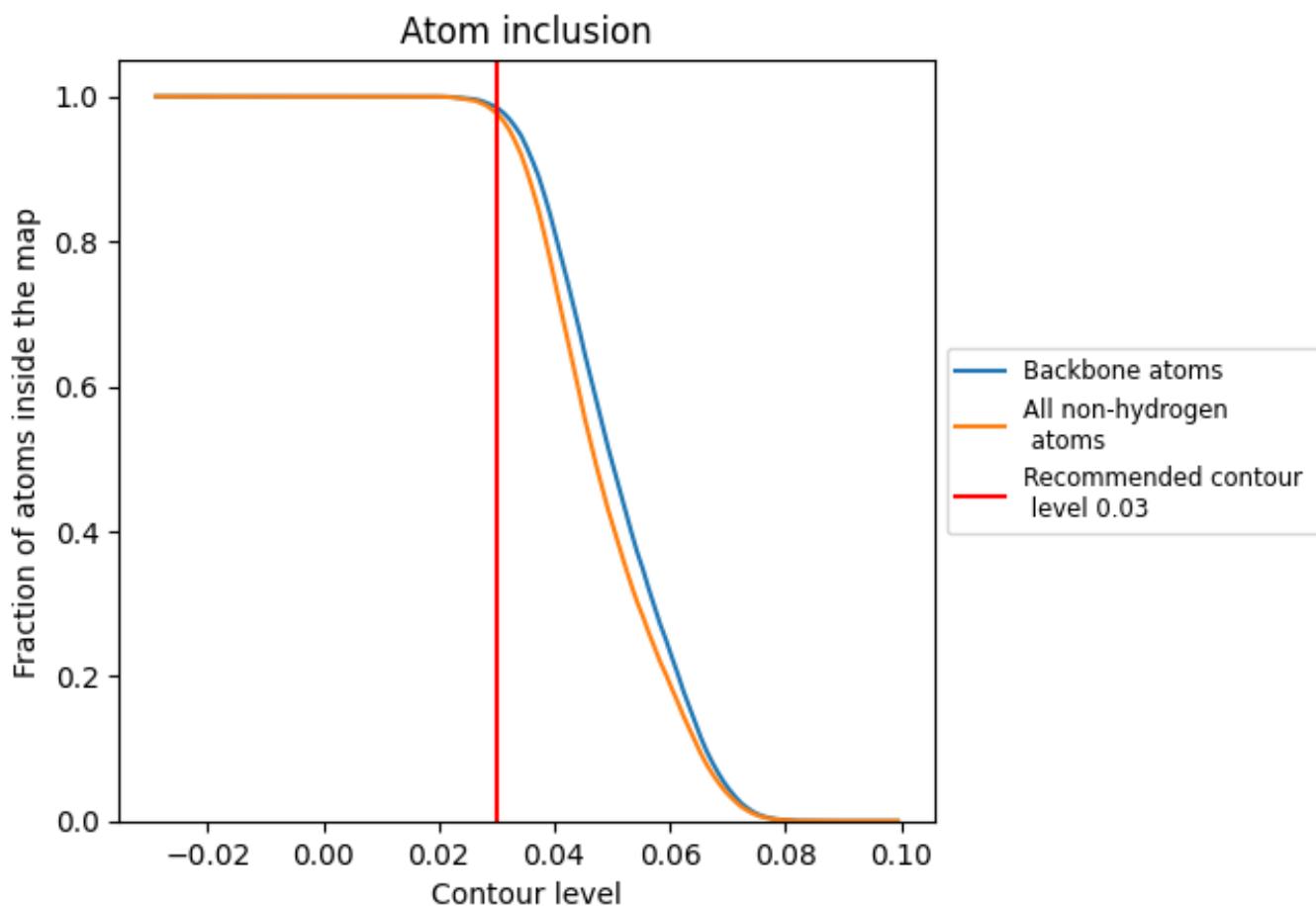
The images above show the model with each residue coloured according its Q-score. This shows their resolvability in the map with higher Q-score values reflecting better resolvability. Please note: Q-score is calculating the resolvability of atoms, and thus high values are only expected at resolutions at which atoms can be resolved. Low Q-score values may therefore be expected for many entries.

9.3 Atom inclusion mapped to coordinate model [\(i\)](#)



The images above show the model with each residue coloured according to its atom inclusion. This shows to what extent they are inside the map at the recommended contour level (0.03).

9.4 Atom inclusion [\(i\)](#)



At the recommended contour level, 98% of all backbone atoms, 98% of all non-hydrogen atoms, are inside the map.

9.5 Map-model fit summary [\(i\)](#)

The table lists the average atom inclusion at the recommended contour level (0.03) and Q-score for the entire model and for each chain.

Chain	Atom inclusion	Q-score
All	0.9772	0.3140
A	0.9691	0.3110
B	0.9854	0.3160

