



# Full wwPDB NMR Structure Validation Report ⓘ

Jun 3, 2023 – 07:56 PM EDT

PDB ID : 2N42  
BMRB ID : 17610  
Title : EC-NMR Structure of Human H-RasT35S mutant protein Determined by Combining Evolutionary Couplings (EC) and Sparse NMR Data  
Authors : Tang, Y.; Huang, Y.J.; Hopf, T.A.; Sander, C.; Marks, D.; Montelione, G.T.; Northeast Structural Genomics Consortium (NESG)  
Deposited on : 2015-06-16

This is a Full wwPDB NMR Structure Validation Report for a publicly released PDB entry.

We welcome your comments at [validation@mail.wwpdb.org](mailto:validation@mail.wwpdb.org)

A user guide is available at

<https://www.wwpdb.org/validation/2017/NMRValidationReportHelp>

with specific help available everywhere you see the ⓘ symbol.

The types of validation reports are described at

<http://www.wwpdb.org/validation/2017/FAQs#types>.

---

The following versions of software and data (see [references ⓘ](#)) were used in the production of this report:

MolProbity : 4.02b-467  
Percentile statistics : 20191225.v01 (using entries in the PDB archive December 25th 2019)  
wwPDB-RCI : v\_1n\_11\_5\_13\_A (Berjanski et al., 2005)  
PANAV : Wang et al. (2010)  
wwPDB-ShiftChecker : v1.2  
BMRB Restraints Analysis : v1.2  
Ideal geometry (proteins) : Engh & Huber (2001)  
Ideal geometry (DNA, RNA) : Parkinson et al. (1996)  
Validation Pipeline (wwPDB-VP) : 2.33

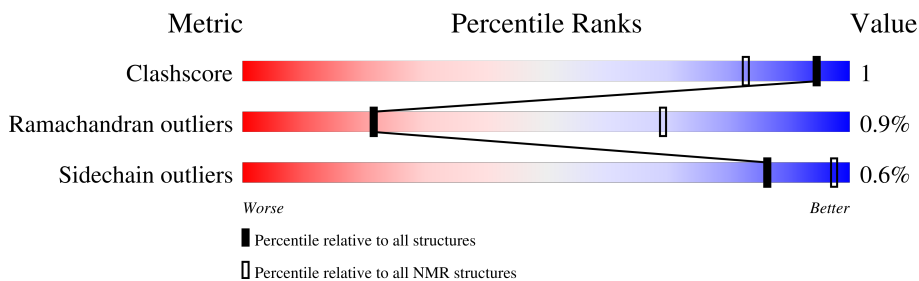
# 1 Overall quality at a glance

The following experimental techniques were used to determine the structure:

*SOLUTION NMR*

The overall completeness of chemical shifts assignment is 92%.

Percentile scores (ranging between 0-100) for global validation metrics of the entry are shown in the following graphic. The table shows the number of entries on which the scores are based.



Metric	Whole archive (#Entries)	NMR archive (#Entries)
Clashscore	158937	12864
Ramachandran outliers	154571	11451
Sidechain outliers	154315	11428

The table below summarises the geometric issues observed across the polymeric chains and their fit to the experimental data. The red, orange, yellow and green segments indicate the fraction of residues that contain outliers for  $\geq 3$ , 2, 1 and 0 types of geometric quality criteria. A cyan segment indicates the fraction of residues that are not part of the well-defined cores, and a grey segment represents the fraction of residues that are not modelled. The numeric value for each fraction is indicated below the corresponding segment, with a dot representing fractions  $\leq 5\%$ .

Mol	Chain	Length	Quality of chain
1	A	172	96%

## 2 Ensemble composition and analysis

This entry contains 20 models. Model 2 is the overall representative, medoid model (most similar to other models). The authors have identified model 1 as representative, based on the following criterion: *lowest energy*.

The following residues are included in the computation of the global validation metrics.

Well-defined (core) protein residues			
Well-defined core	Residue range (total)	Backbone RMSD (Å)	Medoid model
1	A:1-A:166 (166)	2.20	2

Ill-defined regions of proteins are excluded from the global statistics.

Ligands and non-protein polymers are included in the analysis.

The models can be grouped into 2 clusters. No single-model clusters were found.

Cluster number	Models
1	1, 2, 3, 4, 5, 6, 7, 8, 9, 10, 11, 12, 13, 14, 17, 18, 19, 20
2	15, 16

### 3 Entry composition

There is only 1 type of molecule in this entry. The entry contains 2611 atoms, of which 1289 are hydrogens and 0 are deuteriums.

- Molecule 1 is a protein called GTPase HRas.

Mol	Chain	Residues	Atoms						Trace
			Total	C	H	N	O	S	
1	A	166	2611	823	1289	228	264	7	0

There are 7 discrepancies between the modelled and reference sequences:

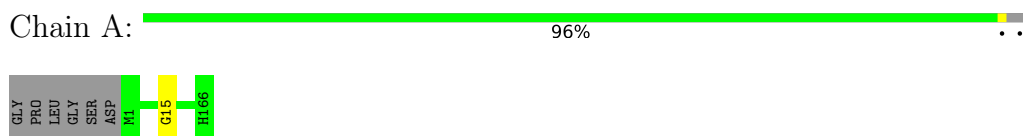
Chain	Residue	Modelled	Actual	Comment	Reference
A	-5	GLY	-	expression tag	UNP P01112
A	-4	PRO	-	expression tag	UNP P01112
A	-3	LEU	-	expression tag	UNP P01112
A	-2	GLY	-	expression tag	UNP P01112
A	-1	SER	-	expression tag	UNP P01112
A	0	ASP	-	expression tag	UNP P01112
A	35	SER	THR	engineered mutation	UNP P01112

## 4 Residue-property plots [i](#)

### 4.1 Average score per residue in the NMR ensemble

These plots are provided for all protein, RNA, DNA and oligosaccharide chains in the entry. The first graphic is the same as shown in the summary in section 1 of this report. The second graphic shows the sequence where residues are colour-coded according to the number of geometric quality criteria for which they contain at least one outlier: green = 0, yellow = 1, orange = 2 and red = 3 or more. Stretches of 2 or more consecutive residues without any outliers are shown as green connectors. Residues which are classified as ill-defined in the NMR ensemble, are shown in cyan with an underline colour-coded according to the previous scheme. Residues which were present in the experimental sample, but not modelled in the final structure are shown in grey.

- Molecule 1: GTPase HRas

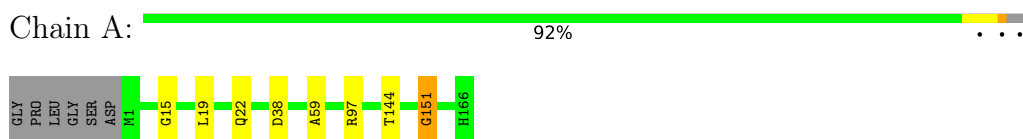


### 4.2 Scores per residue for each member of the ensemble

Colouring as in section 4.1 above.

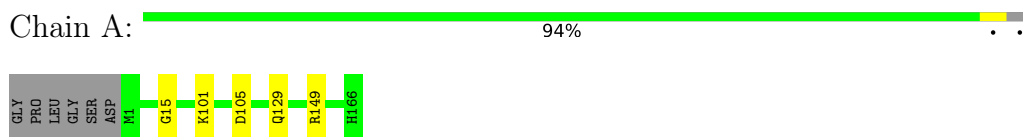
#### 4.2.1 Score per residue for model 1

- Molecule 1: GTPase HRas



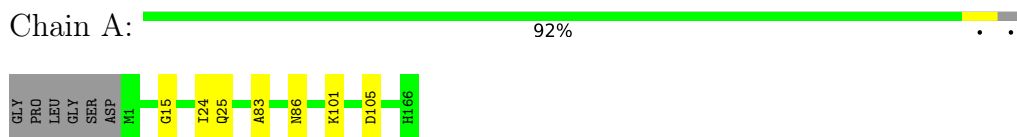
#### 4.2.2 Score per residue for model 2 (medoid)

- Molecule 1: GTPase HRas



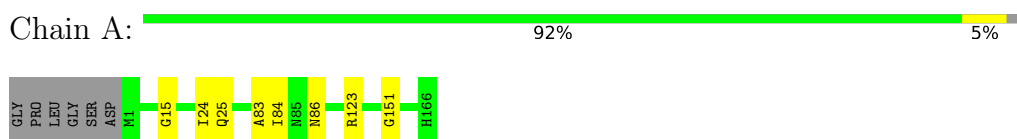
### 4.2.3 Score per residue for model 3

- Molecule 1: GTPase HRas



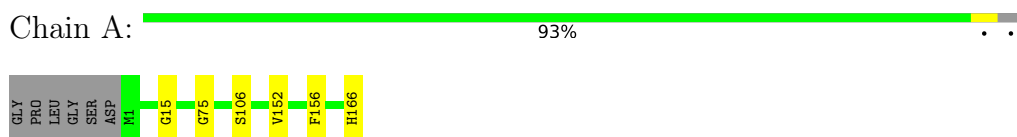
### 4.2.4 Score per residue for model 4

- Molecule 1: GTPase HRas



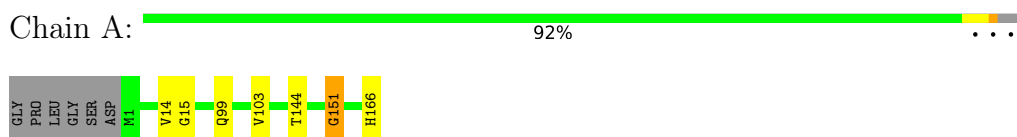
### 4.2.5 Score per residue for model 5

- Molecule 1: GTPase HRas



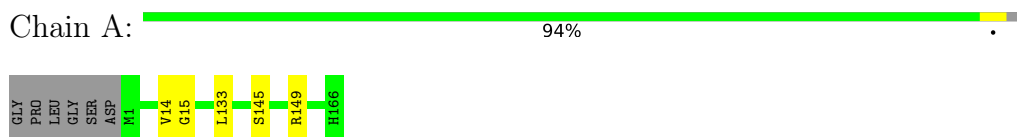
### 4.2.6 Score per residue for model 6

- Molecule 1: GTPase HRas



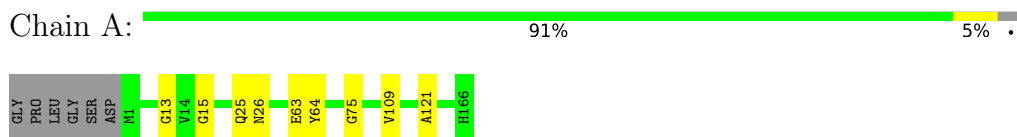
### 4.2.7 Score per residue for model 7

- Molecule 1: GTPase HRas



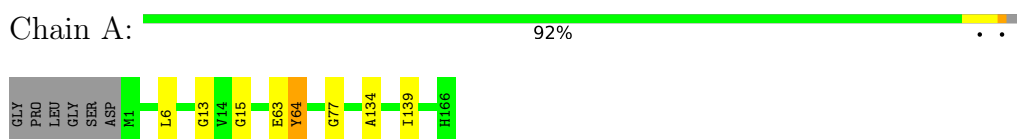
### 4.2.8 Score per residue for model 8

- Molecule 1: GTPase HRas



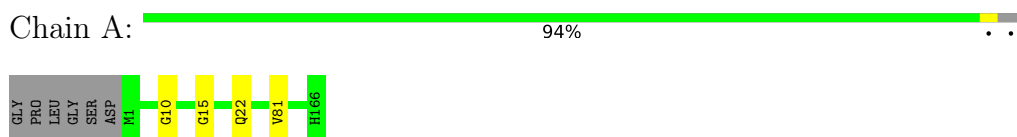
### 4.2.9 Score per residue for model 9

- Molecule 1: GTPase HRas



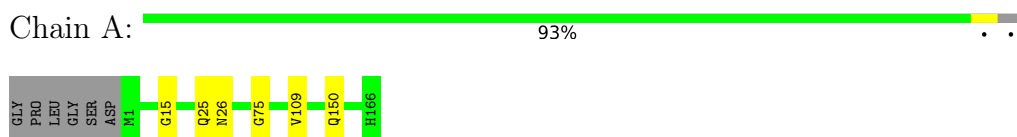
### 4.2.10 Score per residue for model 10

- Molecule 1: GTPase HRas



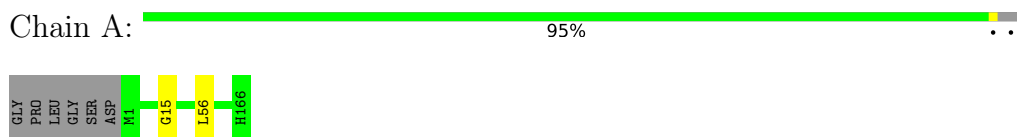
### 4.2.11 Score per residue for model 11

- Molecule 1: GTPase HRas



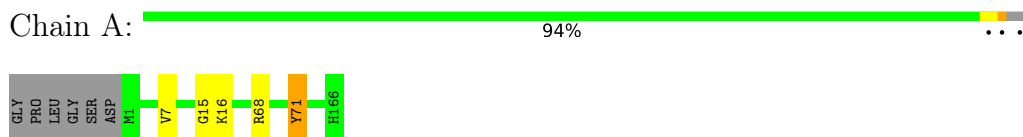
### 4.2.12 Score per residue for model 12

- Molecule 1: GTPase HRas



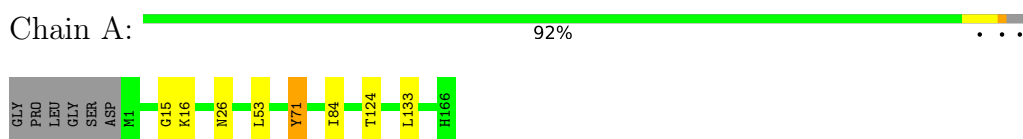
### 4.2.13 Score per residue for model 13

- Molecule 1: GTPase HRas



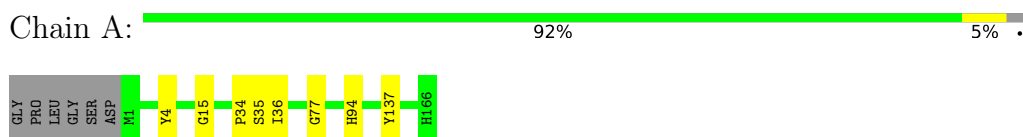
### 4.2.14 Score per residue for model 14

- Molecule 1: GTPase HRas



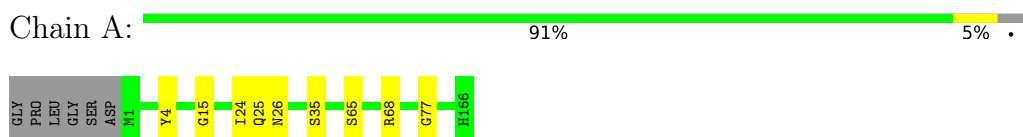
### 4.2.15 Score per residue for model 15

- Molecule 1: GTPase HRas



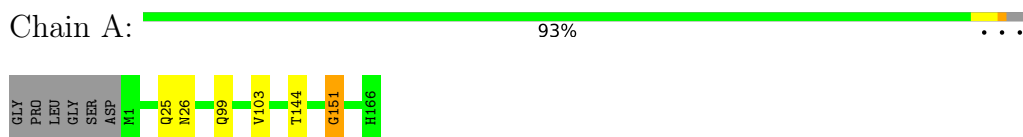
### 4.2.16 Score per residue for model 16

- Molecule 1: GTPase HRas



### 4.2.17 Score per residue for model 17

- Molecule 1: GTPase HRas





#### 4.2.18 Score per residue for model 18

- Molecule 1: GTPase HRas

Chain A:  94%



#### 4.2.19 Score per residue for model 19

- Molecule 1: GTPase HRas

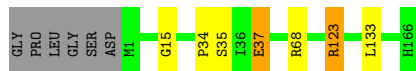
Chain A:  93%



#### 4.2.20 Score per residue for model 20

- Molecule 1: GTPase HRas

Chain A:  92%



## 5 Refinement protocol and experimental data overview

The models were refined using the following method: *torsion angle dynamics*.

Of the 100 calculated structures, 20 were deposited, based on the following criterion: *structures with the lowest energy*.

The following table shows the software used for structure solution, optimisation and refinement.

Software name	Classification	Version
Rosetta	refinement	
Reduce	refinement	

The following table shows chemical shift validation statistics as aggregates over all chemical shift files. Detailed validation can be found in section 7 of this report.

Chemical shift file(s)	working_cs.cif
Number of chemical shift lists	1
Total number of shifts	2074
Number of shifts mapped to atoms	2074
Number of unparsed shifts	0
Number of shifts with mapping errors	0
Number of shifts with mapping warnings	0
Assignment completeness (well-defined parts)	92%

## 6 Model quality i

### 6.1 Standard geometry i

There are no covalent bond-length or bond-angle outliers.

There are no bond-length outliers.

There are no bond-angle outliers.

There are no chirality outliers.

There are no planarity outliers.

### 6.2 Too-close contacts i

In the following table, the Non-H and H(model) columns list the number of non-hydrogen atoms and hydrogen atoms in each chain respectively. The H(added) column lists the number of hydrogen atoms added and optimized by MolProbity. The Clashes column lists the number of clashes averaged over the ensemble.

Mol	Chain	Non-H	H(model)	H(added)	Clashes
1	A	1322	1289	1294	3±1
All	All	26440	25780	25880	57

The all-atom clashscore is defined as the number of clashes found per 1000 atoms (including hydrogen atoms). The all-atom clashscore for this structure is 1.

All unique clashes are listed below, sorted by their clash magnitude.

Atom-1	Atom-2	Clash(Å)	Distance(Å)	Models	
				Worst	Total
1:A:53:LEU:HD12	1:A:53:LEU:O	0.78	1.79	14	1
1:A:53:LEU:HD12	1:A:53:LEU:C	0.66	2.10	14	1
1:A:123:ARG:O	1:A:123:ARG:NE	0.60	2.34	20	1
1:A:63:GLU:O	1:A:64:TYR:C	0.59	2.40	9	2
1:A:65:SER:HB3	1:A:68:ARG:HB3	0.59	1.73	16	1
1:A:4:TYR:OH	1:A:77:GLY:HA3	0.58	1.98	16	2
1:A:22:GLN:NE2	1:A:22:GLN:HA	0.56	2.16	10	1
1:A:6:LEU:CD2	1:A:77:GLY:HA3	0.56	2.31	9	1
1:A:144:THR:HB	1:A:151:GLY:HA3	0.54	1.80	1	2
1:A:75:GLY:HA3	1:A:106:SER:HB3	0.54	1.79	5	1
1:A:71:TYR:C	1:A:71:TYR:CD1	0.54	2.81	14	2
1:A:7:VAL:HG21	1:A:71:TYR:HB3	0.53	1.79	13	1
1:A:134:ALA:HB1	1:A:139:ILE:O	0.51	2.05	9	2
1:A:25:GLN:O	1:A:26:ASN:HB2	0.51	2.06	11	6

*Continued on next page...*

Continued from previous page...

Atom-1	Atom-2	Clash(Å)	Distance(Å)	Models	
				Worst	Total
1:A:84:ILE:O	1:A:124:THR:HG22	0.49	2.07	14	1
1:A:53:LEU:C	1:A:53:LEU:CD1	0.48	2.82	14	1
1:A:37:GLU:C	1:A:37:GLU:OE1	0.48	2.51	20	1
1:A:83:ALA:HB3	1:A:86:ASN:HB3	0.48	1.85	4	2
1:A:101:LYS:O	1:A:105:ASP:N	0.47	2.47	2	2
1:A:7:VAL:CG2	1:A:71:TYR:HB3	0.46	2.40	13	1
1:A:24:ILE:HG13	1:A:25:GLN:HG2	0.45	1.87	16	3
1:A:6:LEU:HD22	1:A:77:GLY:HA3	0.45	1.88	9	1
1:A:116:ASN:O	1:A:117:LYS:C	0.45	2.55	19	1
1:A:24:ILE:HG23	1:A:25:GLN:HG2	0.44	1.90	19	1
1:A:75:GLY:HA3	1:A:109:VAL:HG11	0.43	1.91	8	1
1:A:94:HIS:HB2	1:A:137:TYR:HB3	0.43	1.90	15	1
1:A:166:HIS:CG	1:A:166:HIS:OXT	0.43	2.71	5	1
1:A:99:GLN:O	1:A:103:VAL:HG23	0.43	2.14	6	2
1:A:34:PRO:O	1:A:36:ILE:N	0.42	2.53	15	1
1:A:34:PRO:O	1:A:35:SER:HB3	0.42	2.15	20	1
1:A:56:LEU:HD13	1:A:56:LEU:C	0.42	2.35	12	1
1:A:22:GLN:O	1:A:26:ASN:HA	0.42	2.14	19	1
1:A:34:PRO:O	1:A:35:SER:CB	0.42	2.68	20	1
1:A:38:ASP:OD2	1:A:59:ALA:HB2	0.41	2.16	1	1
1:A:145:SER:N	1:A:149:ARG:O	0.41	2.54	7	1
1:A:166:HIS:OXT	1:A:166:HIS:ND1	0.41	2.53	6	1
1:A:75:GLY:HA3	1:A:109:VAL:HG22	0.41	1.92	11	1
1:A:84:ILE:HG13	1:A:123:ARG:HB2	0.41	1.92	4	1
1:A:152:VAL:O	1:A:156:PHE:N	0.41	2.53	5	1
1:A:144:THR:CB	1:A:151:GLY:HA3	0.41	2.45	17	1
1:A:19:LEU:O	1:A:22:GLN:HG3	0.40	2.16	1	1
1:A:10:GLY:HA3	1:A:81:VAL:HB	0.40	1.93	10	1

## 6.3 Torsion angles [i](#)

### 6.3.1 Protein backbone [i](#)

In the following table, the Percentiles column shows the percent Ramachandran outliers of the chain as a percentile score with respect to all PDB entries followed by that with respect to all NMR entries. The Analysed column shows the number of residues for which the backbone conformation was analysed and the total number of residues.

Mol	Chain	Analysed	Favoured	Allowed	Outliers	Percentiles
1	A	164/172 (95%)	155±2 (95±1%)	7±2 (4±1%)	1±1 (1±1%)	<b>21</b> 69

Continued on next page...

Continued from previous page...

Mol	Chain	Analysed	Favoured	Allowed	Outliers	Percentiles
All	All	3280/3440 (95%)	3109 (95%)	142 (4%)	29 (1%)	21 69

All 7 unique Ramachandran outliers are listed below. They are sorted by the frequency of occurrence in the ensemble.

Mol	Chain	Res	Type	Models (Total)
1	A	15	GLY	17
1	A	151	GLY	4
1	A	14	VAL	2
1	A	13	GLY	2
1	A	35	SER	2
1	A	121	ALA	1
1	A	64	TYR	1

### 6.3.2 Protein sidechains [i](#)

In the following table, the Percentiles column shows the percent sidechain outliers of the chain as a percentile score with respect to all PDB entries followed by that with respect to all NMR entries. The Analysed column shows the number of residues for which the sidechain conformation was analysed and the total number of residues.

Mol	Chain	Analysed	Rotameric	Outliers	Percentiles
1	A	144/148 (97%)	143±1 (99±1%)	1±1 (1±1%)	86 97
All	All	2880/2960 (97%)	2863 (99%)	17 (1%)	86 97

All 11 unique residues with a non-rotameric sidechain are listed below. They are sorted by the frequency of occurrence in the ensemble.

Mol	Chain	Res	Type	Models (Total)
1	A	133	LEU	3
1	A	16	LYS	3
1	A	68	ARG	2
1	A	71	TYR	2
1	A	97	ARG	1
1	A	129	GLN	1
1	A	149	ARG	1
1	A	150	GLN	1
1	A	26	ASN	1
1	A	37	GLU	1
1	A	123	ARG	1

### 6.3.3 RNA [i](#)

There are no RNA molecules in this entry.

### 6.4 Non-standard residues in protein, DNA, RNA chains [i](#)

There are no non-standard protein/DNA/RNA residues in this entry.

### 6.5 Carbohydrates [i](#)

There are no monosaccharides in this entry.

### 6.6 Ligand geometry [i](#)

There are no ligands in this entry.

### 6.7 Other polymers [i](#)

There are no such molecules in this entry.

### 6.8 Polymer linkage issues [i](#)

There are no chain breaks in this entry.

## 7 Chemical shift validation (i)

The completeness of assignment taking into account all chemical shift lists is 92% for the well-defined parts and 92% for the entire structure.

### 7.1 Chemical shift list 1

File name: working\_cs.cif

Chemical shift list name: *assigned\_chem\_shift\_list\_1*

#### 7.1.1 Bookkeeping (i)

The following table shows the results of parsing the chemical shift list and reports the number of nuclei with statistically unusual chemical shifts.

Total number of shifts	2074
Number of shifts mapped to atoms	2074
Number of unparsed shifts	0
Number of shifts with mapping errors	0
Number of shifts with mapping warnings	0
Number of shift outliers (ShiftChecker)	2

#### 7.1.2 Chemical shift referencing (i)

The following table shows the suggested chemical shift referencing corrections.

Nucleus	# values	Correction $\pm$ precision, ppm	Suggested action
$^{13}\text{C}_\alpha$	165	$-0.26 \pm 0.07$	None needed (< 0.5 ppm)
$^{13}\text{C}_\beta$	155	$0.36 \pm 0.09$	None needed (< 0.5 ppm)
$^{13}\text{C}'$	162	$0.07 \pm 0.11$	None needed (< 0.5 ppm)
$^{15}\text{N}$	163	$-1.20 \pm 0.37$	Should be applied

#### 7.1.3 Completeness of resonance assignments (i)

The following table shows the completeness of the chemical shift assignments for the well-defined regions of the structure. The overall completeness is 92%, i.e. 2074 atoms were assigned a chemical shift out of a possible 2265. 0 out of 26 assigned methyl groups (LEU and VAL) were assigned stereospecifically.

	Total	$^1\text{H}$	$^{13}\text{C}$	$^{15}\text{N}$
Backbone	830/835 (99%)	340/340 (100%)	327/332 (98%)	163/163 (100%)
Sidechain	1126/1281 (88%)	767/827 (93%)	338/398 (85%)	21/56 (38%)

*Continued on next page...*

Continued from previous page...

	<b>Total</b>	<b><sup>1</sup>H</b>	<b><sup>13</sup>C</b>	<b><sup>15</sup>N</b>
Aromatic	118/149 (79%)	64/73 (88%)	54/76 (71%)	0/0 (—%)
Overall	2074/2265 (92%)	1171/1240 (94%)	719/806 (89%)	184/219 (84%)

The following table shows the completeness of the chemical shift assignments for the full structure. The overall completeness is 92%, i.e. 2074 atoms were assigned a chemical shift out of a possible 2265. 0 out of 26 assigned methyl groups (LEU and VAL) were assigned stereospecifically.

	<b>Total</b>	<b><sup>1</sup>H</b>	<b><sup>13</sup>C</b>	<b><sup>15</sup>N</b>
Backbone	830/835 (99%)	340/340 (100%)	327/332 (98%)	163/163 (100%)
Sidechain	1126/1281 (88%)	767/827 (93%)	338/398 (85%)	21/56 (38%)
Aromatic	118/149 (79%)	64/73 (88%)	54/76 (71%)	0/0 (—%)
Overall	2074/2265 (92%)	1171/1240 (94%)	719/806 (89%)	184/219 (84%)

#### 7.1.4 Statistically unusual chemical shifts [i](#)

The following table lists the statistically unusual chemical shifts. These are statistical measures, and large deviations from the mean do not necessarily imply incorrect assignments. Molecules containing paramagnetic centres or hemes are expected to give rise to anomalous chemical shifts.

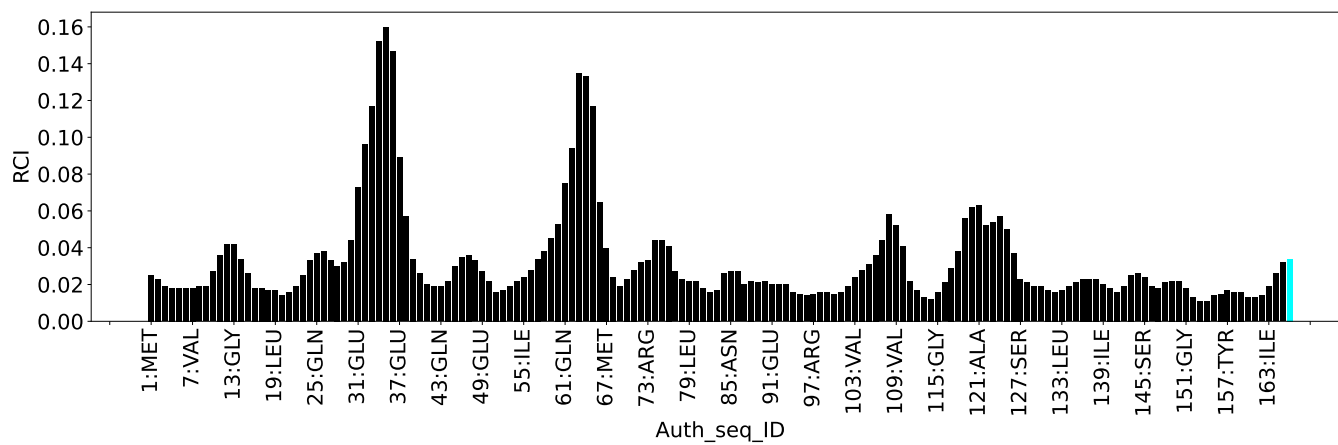
List Id	Chain	Res	Type	Atom	Shift, ppm	Expected range, ppm	Z-score
1	A	147	LYS	HB2	0.33	0.58 – 2.97	-6.0
1	A	97	ARG	HD2	1.96	1.97 – 4.26	-5.1

#### 7.1.5 Random Coil Index (RCI) plots [i](#)

The image below reports *random coil index* values for the protein chains in the structure. The height of each bar gives a probability of a given residue to be disordered, as predicted from the available chemical shifts and the amino acid sequence. A value above 0.2 is an indication of significant predicted disorder. The colour of the bar shows whether the residue is in the well-defined core (black) or in the ill-defined residue ranges (cyan), as described in section 2 on ensemble composition. If well-defined core and ill-defined regions are not identified then it is shown as gray bars.

Random coil index (RCI) for chain A:





## 8 NMR restraints analysis

### 8.1 Conformationally restricting restraints

The following table provides the summary of experimentally observed NMR restraints in different categories. Restraints are classified into different categories based on the sequence separation of the atoms involved.

Description	Value
Total distance restraints	322
Intra-residue ( $ i-j =0$ )	20
Sequential ( $ i-j =1$ )	174
Medium range ( $ i-j >1$ and $ i-j <5$ )	69
Long range ( $ i-j \geq 5$ )	59
Inter-chain	0
Hydrogen bond restraints	0
Disulfide bond restraints	0
Total dihedral-angle restraints	285
Number of unmapped restraints	0
Number of restraints per residue	3.5
Number of long range restraints per residue <sup>1</sup>	0.3

<sup>1</sup>Long range hydrogen bonds and disulfide bonds are counted as long range restraints while calculating the number of long range restraints per residue

### 8.2 Residual restraint violations

This section provides the overview of the restraint violations analysis. The violations are binned as small, medium and large violations based on its absolute value. Average number of violations per model is calculated by dividing the total number of violations in each bin by the size of the ensemble.

#### 8.2.1 Average number of distance violations per model

Distance violations less than 0.1 Å are not included in the calculation.

Bins (Å)	Average number of violations per model	Max (Å)
0.1-0.2 (Small)	0.3	0.15
0.2-0.5 (Medium)	0.5	0.46
>0.5 (Large)	None	None

### 8.2.2 Average number of dihedral-angle violations per model [i](#)

Dihedral-angle violations less than 1° are not included in the calculation.

Bins (°)	Average number of violations per model	Max (°)
1.0-10.0 (Small)	3.2	9.8
10.0-20.0 (Medium)	4.4	20.0
>20.0 (Large)	276.2	179.2

## 9 Distance violation analysis [i](#)

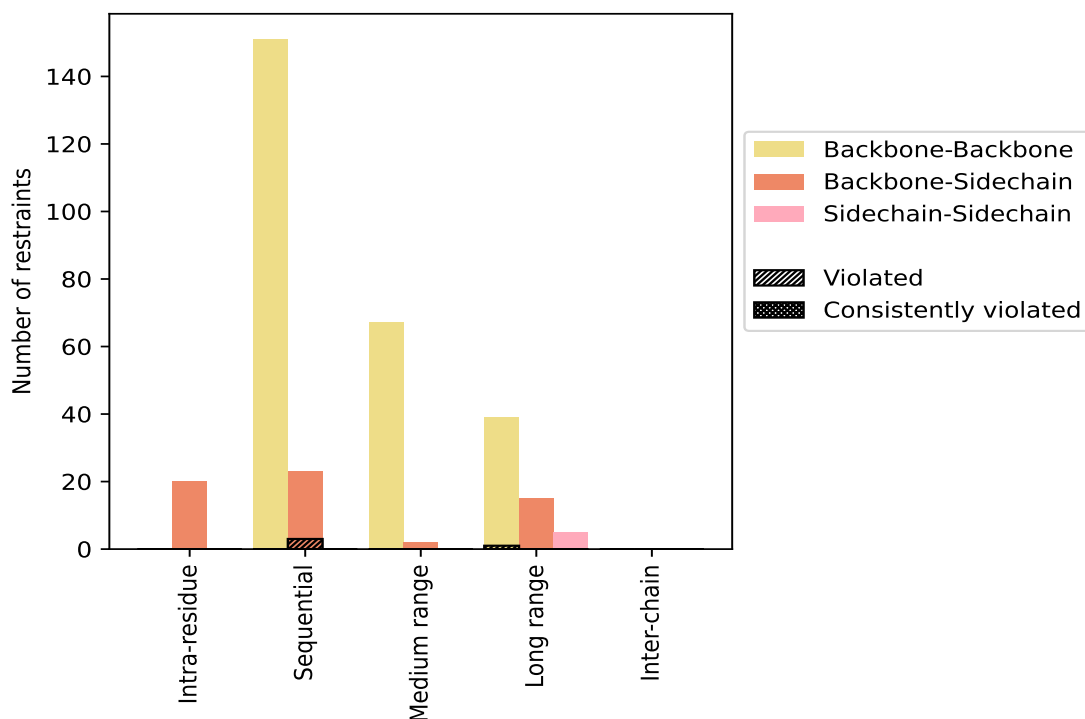
### 9.1 Summary of distance violations [i](#)

The following table shows the summary of distance violations in different restraint categories based on the sequence separation of the atoms involved. Each category is further sub-divided into three sub-categories based on the atoms involved. Violations less than 0.1 Å are not included in the statistics.

Restrains type	Count	% <sup>1</sup>	Violated <sup>3</sup>			Consistently Violated <sup>4</sup>		
			Count	% <sup>2</sup>	% <sup>1</sup>	Count	% <sup>2</sup>	% <sup>1</sup>
<b>Intra-residue (<math> i-j =0</math>)</b>	20	6.2	0	0.0	0.0	0	0.0	0.0
Backbone-Backbone	0	0.0	0	0.0	0.0	0	0.0	0.0
Backbone-Sidechain	20	6.2	0	0.0	0.0	0	0.0	0.0
Sidechain-Sidechain	0	0.0	0	0.0	0.0	0	0.0	0.0
<b>Sequential (<math> i-j =1</math>)</b>	174	54.0	3	1.7	0.9	0	0.0	0.0
Backbone-Backbone	151	46.9	0	0.0	0.0	0	0.0	0.0
Backbone-Sidechain	23	7.1	3	13.0	0.9	0	0.0	0.0
Sidechain-Sidechain	0	0.0	0	0.0	0.0	0	0.0	0.0
<b>Medium range (<math> i-j &gt;1</math> &amp; <math> i-j &lt;5</math>)</b>	69	21.4	0	0.0	0.0	0	0.0	0.0
Backbone-Backbone	67	20.8	0	0.0	0.0	0	0.0	0.0
Backbone-Sidechain	2	0.6	0	0.0	0.0	0	0.0	0.0
Sidechain-Sidechain	0	0.0	0	0.0	0.0	0	0.0	0.0
<b>Long range (<math> i-j \geq 5</math>)</b>	59	18.3	1	1.7	0.3	0	0.0	0.0
Backbone-Backbone	39	12.1	1	2.6	0.3	0	0.0	0.0
Backbone-Sidechain	15	4.7	0	0.0	0.0	0	0.0	0.0
Sidechain-Sidechain	5	1.6	0	0.0	0.0	0	0.0	0.0
<b>Inter-chain</b>	0	0.0	0	0.0	0.0	0	0.0	0.0
Backbone-Backbone	0	0.0	0	0.0	0.0	0	0.0	0.0
Backbone-Sidechain	0	0.0	0	0.0	0.0	0	0.0	0.0
Sidechain-Sidechain	0	0.0	0	0.0	0.0	0	0.0	0.0
<b>Hydrogen bond</b>	0	0.0	0	0.0	0.0	0	0.0	0.0
<b>Disulfide bond</b>	0	0.0	0	0.0	0.0	0	0.0	0.0
<b>Total</b>	322	100.0	4	1.2	1.2	0	0.0	0.0
Backbone-Backbone	257	79.8	1	0.4	0.3	0	0.0	0.0
Backbone-Sidechain	60	18.6	3	5.0	0.9	0	0.0	0.0
Sidechain-Sidechain	5	1.6	0	0.0	0.0	0	0.0	0.0

<sup>1</sup> percentage calculated with respect to the total number of distance restraints, <sup>2</sup> percentage calculated with respect to the number of restraints in a particular restraint category, <sup>3</sup> violated in at least one model, <sup>4</sup> violated in all the models

### 9.1.1 Bar chart : Distribution of distance restraints and violations [i](#)



Violated and consistently violated restraints are shown using different hatch patterns in their respective categories. The hydrogen bonds and disulfid bonds are counted in their appropriate category on the x-axis

## 9.2 Distance violation statistics for each model [i](#)

The following table provides the distance violation statistics for each model in the ensemble. Violations less than 0.1 Å are not included in the statistics.

Model ID	Number of violations						Mean (Å)	Max (Å)	SD <sup>6</sup> (Å)	Median (Å)
	IR <sup>1</sup>	SQ <sup>2</sup>	MR <sup>3</sup>	LR <sup>4</sup>	IC <sup>5</sup>	Total				
1	0	1	0	0	0	1	0.46	0.46	0.0	0.46
2	0	0	0	0	0	0	0.0	0.0	0.0	0.0
3	0	1	0	0	0	1	0.33	0.33	0.0	0.33
4	0	0	0	0	0	0	0.0	0.0	0.0	0.0
5	0	0	0	0	0	0	0.0	0.0	0.0	0.0
6	0	0	0	0	0	0	0.0	0.0	0.0	0.0
7	0	0	0	0	0	0	0.0	0.0	0.0	0.0
8	0	1	0	0	0	1	0.32	0.32	0.0	0.32
9	0	1	0	0	0	1	0.35	0.35	0.0	0.35
10	0	0	0	0	0	0	0.0	0.0	0.0	0.0
11	0	0	0	0	0	0	0.0	0.0	0.0	0.0

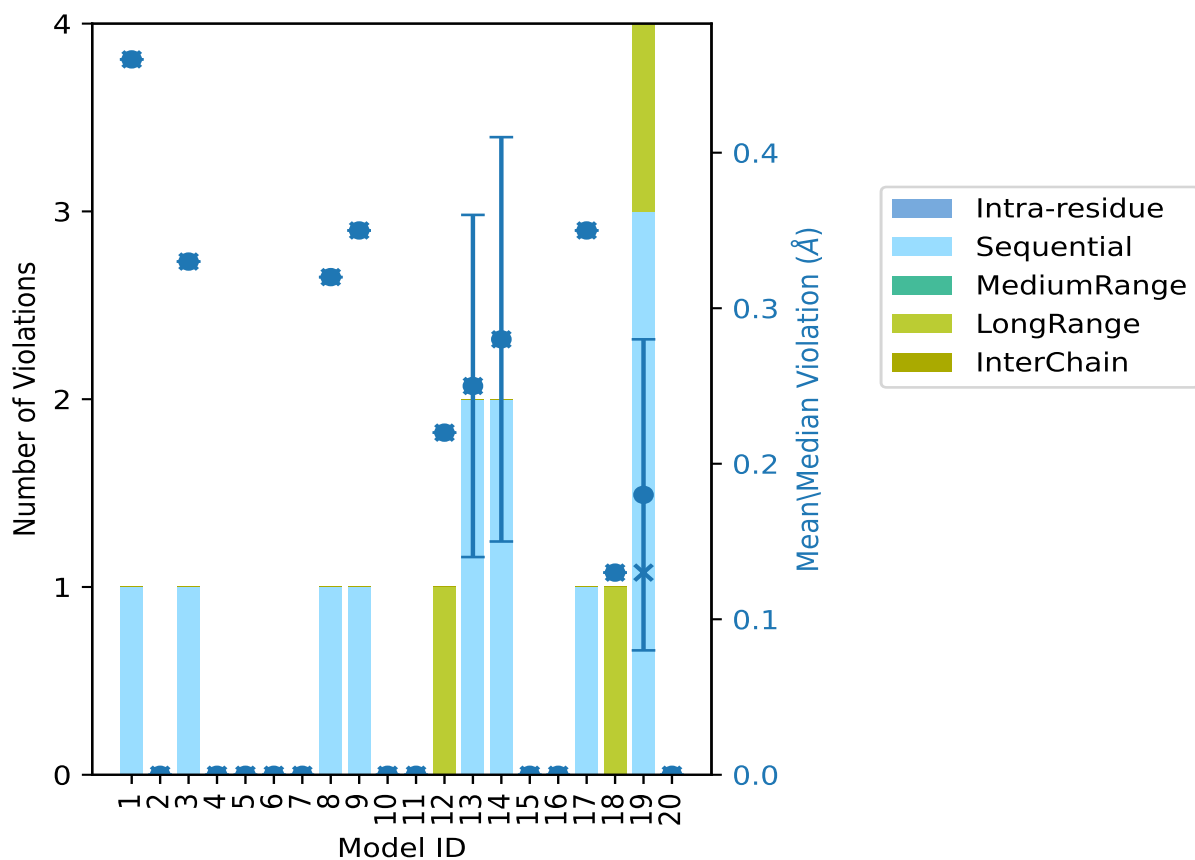
*Continued on next page...*

Continued from previous page...

Model ID	Number of violations						Mean (Å)	Max (Å)	SD <sup>6</sup> (Å)	Median (Å)
	IR <sup>1</sup>	SQ <sup>2</sup>	MR <sup>3</sup>	LR <sup>4</sup>	IC <sup>5</sup>	Total				
12	0	0	0	1	0	1	0.22	0.22	0.0	0.22
13	0	2	0	0	0	2	0.25	0.36	0.11	0.25
14	0	2	0	0	0	2	0.28	0.41	0.13	0.28
15	0	0	0	0	0	0	0.0	0.0	0.0	0.0
16	0	0	0	0	0	0	0.0	0.0	0.0	0.0
17	0	1	0	0	0	1	0.35	0.35	0.0	0.35
18	0	0	0	1	0	1	0.13	0.13	0.0	0.13
19	0	3	0	1	0	4	0.18	0.35	0.1	0.13
20	0	0	0	0	0	0	0.0	0.0	0.0	0.0

<sup>1</sup>Intra-residue restraints, <sup>2</sup>Sequential restraints, <sup>3</sup>Medium range restraints, <sup>4</sup>Long range restraints, <sup>5</sup>Inter-chain restraints, <sup>6</sup>Standard deviation

### 9.2.1 Bar graph : Distance Violation statistics for each model [\(i\)](#)



The mean(dot),median(x) and the standard deviation are shown in blue with respect to the y axis on the right

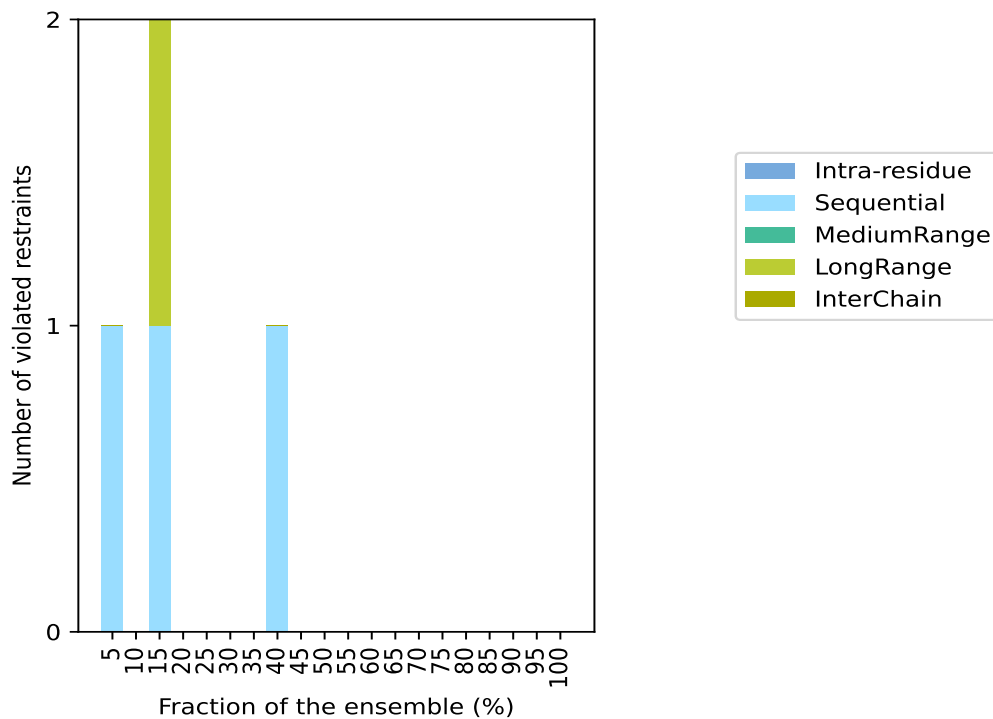
### 9.3 Distance violation statistics for the ensemble

Violation analysis may find that some restraints are violated in few models and some are violated in most of models. The following table provides this information as number of violated restraints for a given fraction of the ensemble. In total, 318(IR:20, SQ:171, MR:69, LR:58, IC:0) restraints are not violated in the ensemble.

Number of violated restraints						Fraction of the ensemble	
IR <sup>1</sup>	SQ <sup>2</sup>	MR <sup>3</sup>	LR <sup>4</sup>	IC <sup>5</sup>	Total	Count <sup>6</sup>	%
0	1	0	0	0	1	1	5.0
0	0	0	0	0	0	2	10.0
0	1	0	1	0	2	3	15.0
0	0	0	0	0	0	4	20.0
0	0	0	0	0	0	5	25.0
0	0	0	0	0	0	6	30.0
0	0	0	0	0	0	7	35.0
0	1	0	0	0	1	8	40.0
0	0	0	0	0	0	9	45.0
0	0	0	0	0	0	10	50.0
0	0	0	0	0	0	11	55.0
0	0	0	0	0	0	12	60.0
0	0	0	0	0	0	13	65.0
0	0	0	0	0	0	14	70.0
0	0	0	0	0	0	15	75.0
0	0	0	0	0	0	16	80.0
0	0	0	0	0	0	17	85.0
0	0	0	0	0	0	18	90.0
0	0	0	0	0	0	19	95.0
0	0	0	0	0	0	20	100.0

<sup>1</sup>Intra-residue restraints, <sup>2</sup>Sequential restraints, <sup>3</sup>Medium range restraints, <sup>4</sup>Long range restraints, <sup>5</sup>Inter-chain restraints, <sup>6</sup> Number of models with violations

### 9.3.1 Bar graph : Distance violation statistics for the ensemble [i](#)

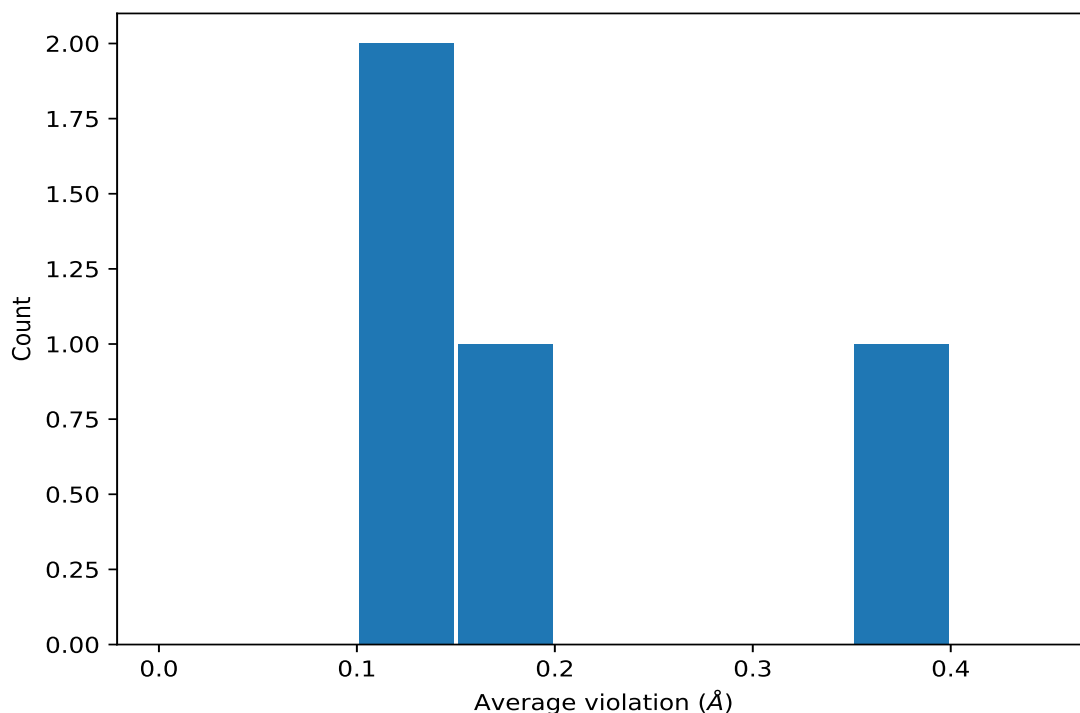


## 9.4 Most violated distance restraints in the ensemble [i](#)

### 9.4.1 Histogram : Distribution of mean distance violations [i](#)

The following histogram shows the distribution of the average value of the violation. The average is calculated for each restraint that is violated in more than one model over all the violated models in the ensemble





#### 9.4.2 Table: Most violated distance restraints [i](#)

The following table provides the mean and the standard deviation of the violation for each restraint sorted by number of violated models and the mean value. The Key (restraint list ID, restraint ID) is the unique identifier for a given restraint. Rows with same key represent combinatorial or ambiguous restraints and are counted as a single restraint.

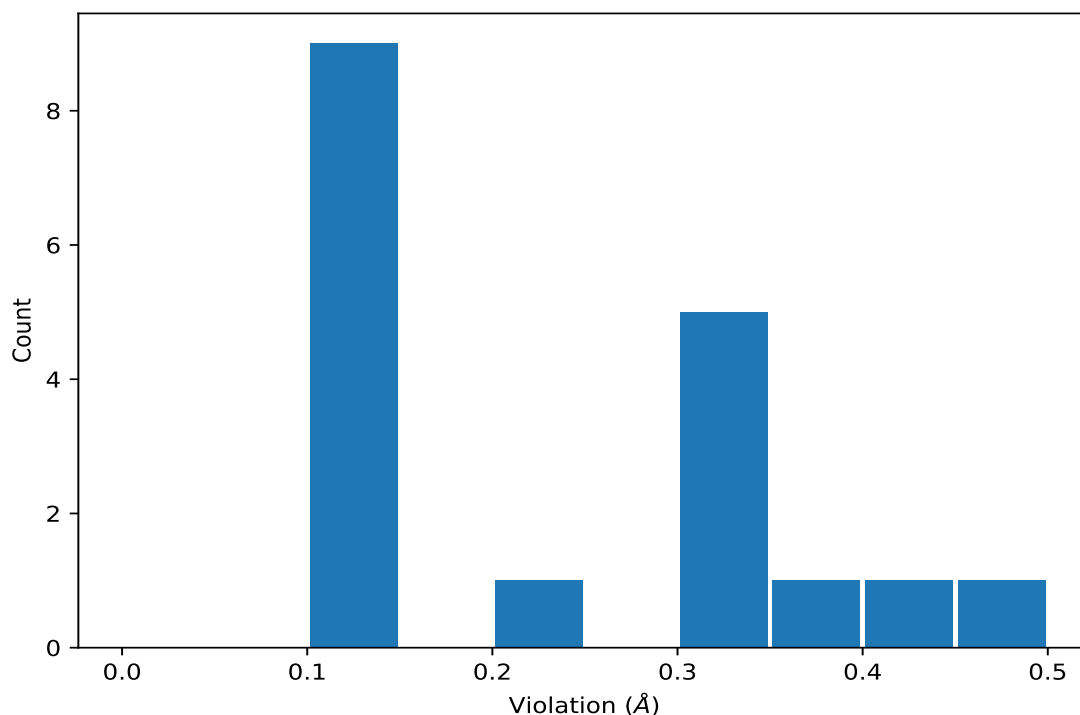
Key	Atom-1	Atom-2	Models <sup>1</sup>	Mean (Å)	SD <sup>1</sup> (Å)	Median (Å)
(2,71)	1:A:86:ASN:HD21	1:A:87:THR:H	8	0.37	0.04	0.35
(3,24)	1:A:145:SER:H	1:A:152:VAL:H	3	0.16	0.04	0.13
(2,214)	1:A:129:GLN:HE21	1:A:130:ALA:H	3	0.14	0.0	0.14
(2,214)	1:A:129:GLN:HE22	1:A:130:ALA:H	3	0.14	0.0	0.14

<sup>1</sup>Number of violated models, <sup>2</sup>Standard deviation

## 9.5 All violated distance restraints [i](#)

### 9.5.1 Histogram : Distribution of distance violations [i](#)

The following histogram shows the distribution of the absolute value of the violation for all violated restraints in the ensemble.



### 9.5.2 Table : All distance violations [i](#)

The following table lists the absolute value of the violation for each restraint in the ensemble sorted by its value. The Key (restraint list ID, restraint ID) is the unique identifier for a given restraint. Rows with same key represent combinatorial or ambiguous restraints and are counted as a single restraint.

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(2,71)	1:A:86:ASN:HD21	1:A:87:THR:H	1	0.46
(2,71)	1:A:86:ASN:HD21	1:A:87:THR:H	14	0.41
(2,71)	1:A:86:ASN:HD21	1:A:87:THR:H	13	0.36
(2,71)	1:A:86:ASN:HD21	1:A:87:THR:H	9	0.35
(2,71)	1:A:86:ASN:HD21	1:A:87:THR:H	17	0.35
(2,71)	1:A:86:ASN:HD21	1:A:87:THR:H	19	0.35
(2,71)	1:A:86:ASN:HD21	1:A:87:THR:H	3	0.33
(2,71)	1:A:86:ASN:HD21	1:A:87:THR:H	8	0.32
(3,24)	1:A:145:SER:H	1:A:152:VAL:H	12	0.22
(2,214)	1:A:129:GLN:HE21	1:A:130:ALA:H	14	0.15
(2,214)	1:A:129:GLN:HE22	1:A:130:ALA:H	14	0.15
(2,214)	1:A:129:GLN:HE21	1:A:130:ALA:H	13	0.14
(2,214)	1:A:129:GLN:HE22	1:A:130:ALA:H	13	0.14
(2,214)	1:A:129:GLN:HE21	1:A:130:ALA:H	19	0.14
(2,214)	1:A:129:GLN:HE22	1:A:130:ALA:H	19	0.14
(3,24)	1:A:145:SER:H	1:A:152:VAL:H	18	0.13

*Continued on next page...*

*Continued from previous page...*

<b>Key</b>	<b>Atom-1</b>	<b>Atom-2</b>	<b>Model ID</b>	<b>Violation (Å)</b>
(3,30)	1:A:43:GLN:HE22	1:A:44:VAL:H	19	0.12
(3,24)	1:A:145:SER:H	1:A:152:VAL:H	19	0.12

## 10 Dihedral-angle violation analysis [i](#)

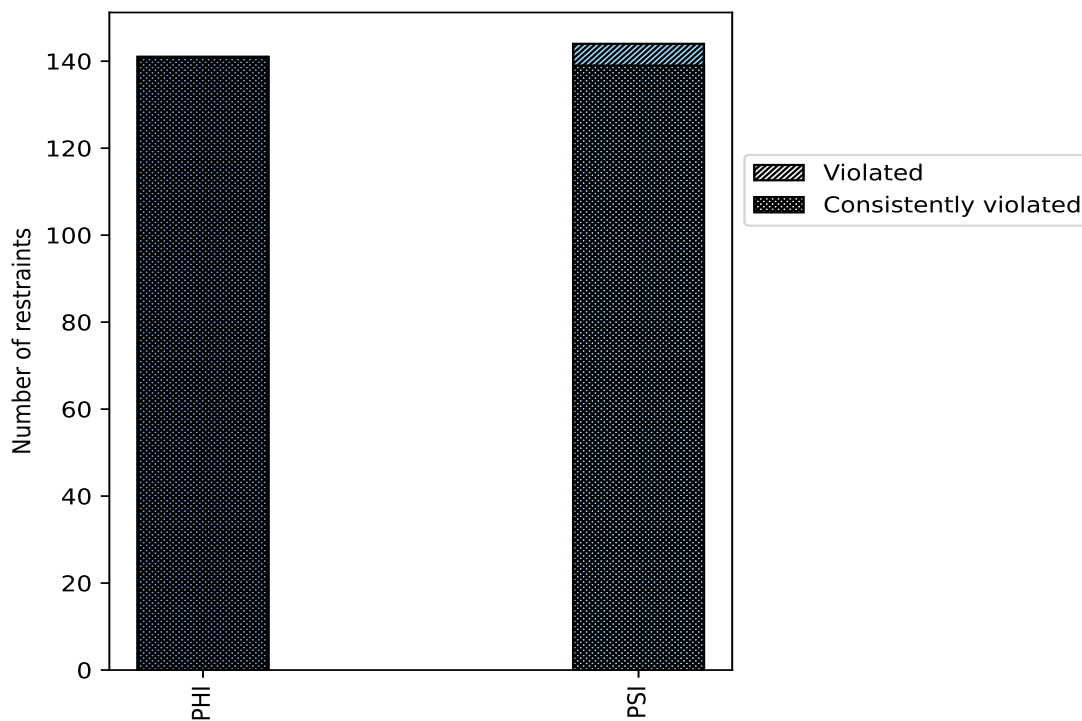
### 10.1 Summary of dihedral-angle violations [i](#)

The following table provides the summary of dihedral-angle violations in different dihedral-angle types. Violations less than 1° are not included in the calculation.

Angle type	Count	% <sup>1</sup>	Violated <sup>3</sup>			Consistently Violated <sup>4</sup>		
			Count	% <sup>2</sup>	% <sup>1</sup>	Count	% <sup>2</sup>	% <sup>1</sup>
PHI	141	49.5	141	100.0	49.5	141	100.0	49.5
PSI	144	50.5	144	100.0	50.5	139	96.5	48.8
Total	285	100.0	285	100.0	100.0	280	98.2	98.2

<sup>1</sup> percentage calculated with respect to total number of dihedral-angle restraints, <sup>2</sup> percentage calculated with respect to number of restraints in a particular dihedral-angle type, <sup>3</sup> violated in at least one model, <sup>4</sup> violated in all the models

#### 10.1.1 Bar chart : Distribution of dihedral-angles and violations [i](#)



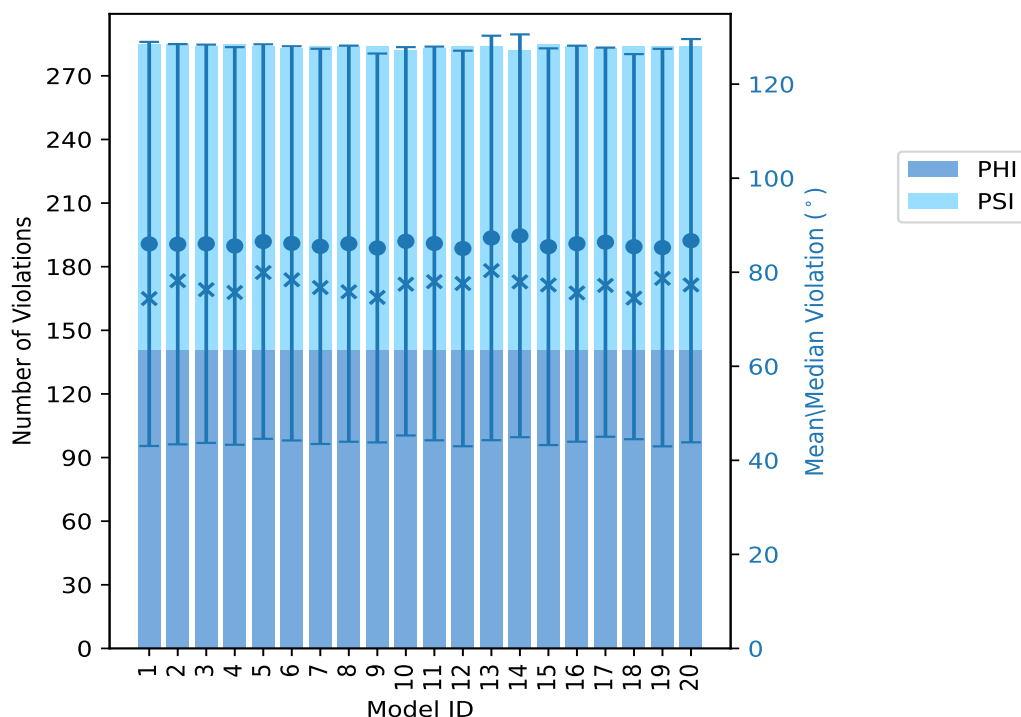
Violated and consistently violated restraints are shown using different hatch patterns in their respective categories

## 10.2 Dihedral-angle violation statistics for each model [i](#)

The following table provides the dihedral-angle violation statistics for each model in the ensemble. Violations less than 1° are not included in the statistics.

Model ID	Number of violations			Mean (°)	Max (°)	SD (°)	Median (°)
	PHI	PSI	Total				
1	141	144	285	86.02	176.8	42.97	74.4
2	141	144	285	85.96	177.2	42.56	78.2
3	141	143	284	86.05	177.3	42.35	76.3
4	141	144	285	85.59	176.3	42.28	75.7
5	141	143	284	86.52	178.9	41.95	79.95
6	141	142	283	86.14	178.5	41.92	78.4
7	141	143	284	85.5	178.0	42.02	76.75
8	141	143	284	86.07	177.8	42.12	75.85
9	141	143	284	85.16	177.0	41.35	74.65
10	141	141	282	86.58	178.2	41.29	77.45
11	141	142	283	86.12	177.4	41.86	78.0
12	141	143	284	85.05	179.2	42.06	77.6
13	141	143	284	87.29	177.0	43.01	80.35
14	141	141	282	87.75	177.7	42.83	77.95
15	141	144	285	85.43	177.8	42.18	77.3
16	141	143	284	86.07	179.0	42.11	75.6
17	141	142	283	86.39	177.8	41.38	77.2
18	141	143	284	85.44	177.0	40.95	74.5
19	141	143	284	85.24	179.2	42.27	78.7
20	141	143	284	86.71	176.8	42.88	77.3

### 10.2.1 Bar graph : Dihedral violation statistics for each model [i](#)



The mean(dot),median(x) and the standard deviation are shown in blue with respect to the y axis on the right

### 10.3 Dihedral-angle violation statistics for the ensemble [i](#)

Violation analysis may find that some restraints are violated in very few models and some are violated in most of models. The following table provides this information as number of violated restraints for a given fraction of ensemble.

Number of violated restraints			Fraction of the ensemble	
PHI	PSI	Total	Count <sup>1</sup>	%
0	0	0	1	5.0
0	0	0	2	10.0
0	0	0	3	15.0
0	0	0	4	20.0
0	0	0	5	25.0
0	0	0	6	30.0
0	0	0	7	35.0
0	0	0	8	40.0
0	0	0	9	45.0
0	1	1	10	50.0
0	0	0	11	55.0

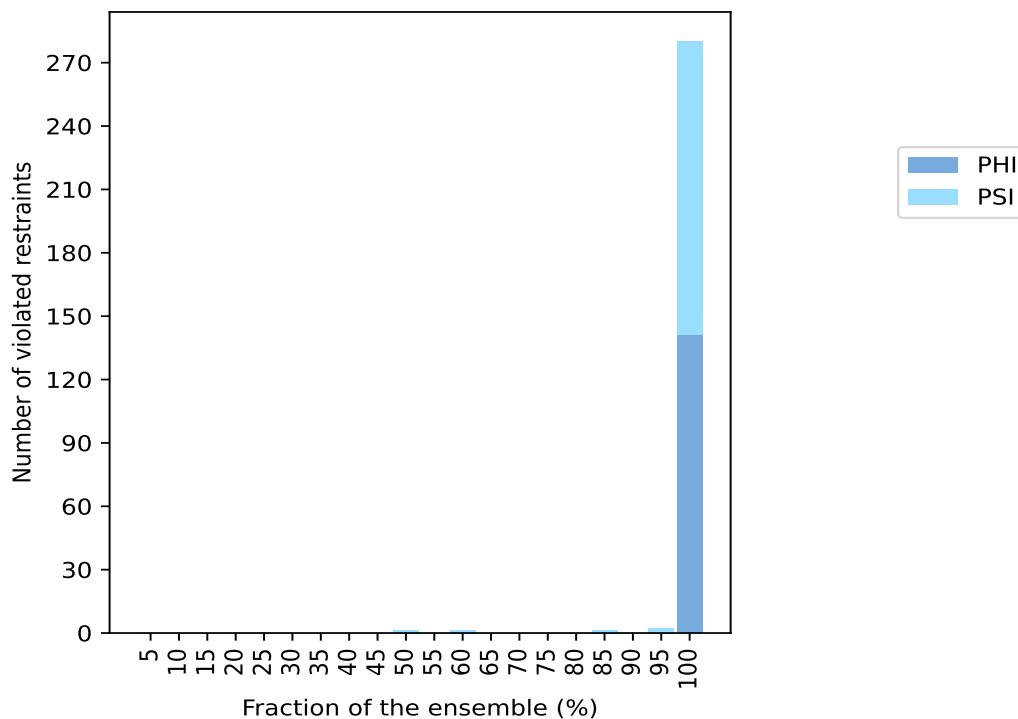
*Continued on next page...*

Continued from previous page...

Number of violated restraints			Fraction of the ensemble	
PHI	PSI	Total	Count <sup>1</sup>	%
0	1	1	12	60.0
0	0	0	13	65.0
0	0	0	14	70.0
0	0	0	15	75.0
0	0	0	16	80.0
0	1	1	17	85.0
0	0	0	18	90.0
0	2	2	19	95.0
141	139	280	20	100.0

<sup>1</sup> Number of models with violations

### 10.3.1 Bar graph : Dihedral-angle Violation statistics for the ensemble [i](#)

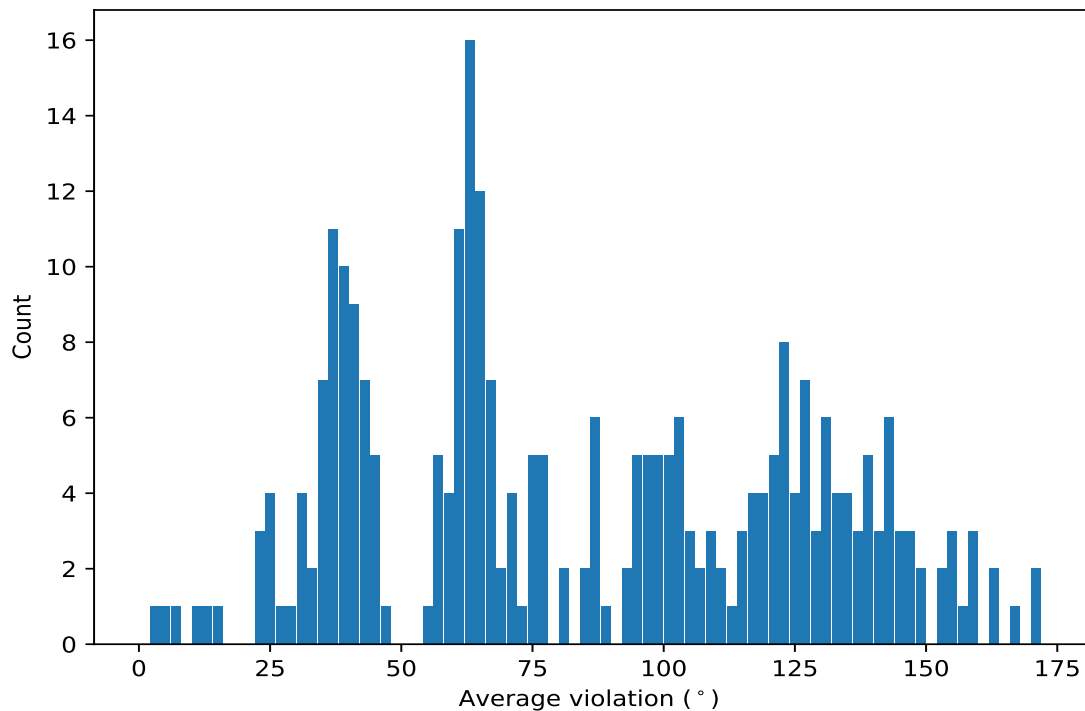


## 10.4 Most violated dihedral-angle restraints in the ensemble [i](#)

### 10.4.1 Histogram : Distribution of mean dihedral-angle violations [i](#)

The following histogram shows the distribution of the average value of the violation. The average is calculated for each restraint that is violated in more than one model over all the violated models

in the ensemble



#### 10.4.2 Table: Most violated dihedral-angle restraints [i](#)

The following table provides the mean and the standard deviation of the violation for each restraint sorted by number of violated models and the mean value. The Key (restraint list ID, restraint ID) is the unique identifier for a given restraint.

Key	Atom-1	Atom-2	Atom-3	Atom-4	Models <sup>1</sup>	Mean	SD <sup>2</sup>	Median
(1,249)	1:A:144:THR:N	1:A:144:THR:CA	1:A:144:THR:C	1:A:145:SER:N	20	170.57	5.61	172.7
(1,18)	1:A:10:GLY:N	1:A:10:GLY:CA	1:A:10:GLY:C	1:A:11:ALA:N	20	170.34	7.83	171.15
(1,202)	1:A:116:ASN:N	1:A:116:ASN:CA	1:A:116:ASN:C	1:A:117:LYS:N	20	166.8	6.96	166.6
(1,23)	1:A:14:VAL:C	1:A:15:GLY:N	1:A:15:GLY:CA	1:A:15:GLY:C	20	162.99	24.05	165.85
(1,81)	1:A:51:CYS:N	1:A:51:CYS:CA	1:A:51:CYS:C	1:A:52:LEU:N	20	162.58	10.28	165.85
(1,17)	1:A:9:VAL:C	1:A:10:GLY:N	1:A:10:GLY:CA	1:A:10:GLY:C	20	159.98	13.86	165.1
(1,185)	1:A:107:ASP:N	1:A:107:ASP:CA	1:A:107:ASP:C	1:A:108:ASP:N	20	159.25	24.35	167.95
(1,126)	1:A:76:GLU:C	1:A:77:GLY:N	1:A:77:GLY:CA	1:A:77:GLY:C	20	158.51	11.87	161.8
(1,69)	1:A:44:VAL:N	1:A:44:VAL:CA	1:A:44:VAL:C	1:A:45:VAL:N	20	157.87	4.08	156.9
(1,55)	1:A:34:PRO:N	1:A:34:PRO:CA	1:A:34:PRO:C	1:A:35:SER:N	20	155.3	5.6	154.5
(1,59)	1:A:39:SER:N	1:A:39:SER:CA	1:A:39:SER:C	1:A:40:TYR:N	20	154.6	6.92	154.35
(1,210)	1:A:123:ARG:N	1:A:123:ARG:CA	1:A:123:ARG:C	1:A:124:THR:N	20	154.09	25.68	160.4
(1,127)	1:A:77:GLY:N	1:A:77:GLY:CA	1:A:77:GLY:C	1:A:78:PHE:N	20	152.48	6.32	153.15
(1,16)	1:A:9:VAL:N	1:A:9:VAL:CA	1:A:9:VAL:C	1:A:10:GLY:N	20	152.25	9.14	157.1
(1,137)	1:A:82:PHE:N	1:A:82:PHE:CA	1:A:82:PHE:C	1:A:83:ALA:N	20	149.78	13.66	155.4
(1,61)	1:A:40:TYR:N	1:A:40:TYR:CA	1:A:40:TYR:C	1:A:41:ARG:N	20	148.32	7.18	148.05
(1,52)	1:A:32:TYR:N	1:A:32:TYR:CA	1:A:32:TYR:C	1:A:33:ASP:N	20	147.36	14.67	146.65
(1,241)	1:A:140:PRO:N	1:A:140:PRO:CA	1:A:140:PRO:C	1:A:141:TYR:N	20	146.92	3.85	147.8
(1,46)	1:A:27:HIS:N	1:A:27:HIS:CA	1:A:27:HIS:C	1:A:28:PHE:N	20	146.38	11.63	142.55
(1,128)	1:A:77:GLY:C	1:A:78:PHE:N	1:A:78:PHE:CA	1:A:78:PHE:C	20	145.59	6.25	147.0

*Continued on next page...*



Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Atom-3	Atom-4	Models <sup>1</sup>	Mean	SD <sup>2</sup>	Median
(1,192)	1:A:111:MET:N	1:A:111:MET:CA	1:A:111:MET:C	1:A:112:VAL:N	20	145.39	8.19	144.25
(1,45)	1:A:26:ASN:C	1:A:27:HIS:N	1:A:27:HIS:CA	1:A:27:HIS:C	20	144.5	13.0	144.9
(1,50)	1:A:29:VAL:N	1:A:29:VAL:CA	1:A:29:VAL:C	1:A:30:ASP:N	20	143.35	17.74	149.9
(1,95)	1:A:58:THR:N	1:A:58:THR:CA	1:A:58:THR:C	1:A:59:ALA:N	20	143.32	10.31	145.6
(1,240)	1:A:139:ILE:N	1:A:139:ILE:CA	1:A:139:ILE:C	1:A:140:PRO:N	20	142.85	11.91	149.2
(1,80)	1:A:50:THR:C	1:A:51:CYS:N	1:A:51:CYS:CA	1:A:51:CYS:C	20	142.47	7.6	145.35
(1,96)	1:A:58:THR:C	1:A:59:ALA:N	1:A:59:ALA:CA	1:A:59:ALA:C	20	142.42	17.87	143.05
(1,22)	1:A:12:GLY:N	1:A:12:GLY:CA	1:A:12:GLY:C	1:A:13:GLY:N	20	142.28	22.48	138.3
(1,200)	1:A:115:GLY:N	1:A:115:GLY:CA	1:A:115:GLY:C	1:A:116:ASN:N	20	141.74	8.49	140.25
(1,64)	1:A:41:ARG:C	1:A:42:LYS:N	1:A:42:LYS:CA	1:A:42:LYS:C	20	141.32	5.43	141.3
(1,54)	1:A:33:ASP:N	1:A:33:ASP:CA	1:A:33:ASP:C	1:A:34:PRO:N	20	140.08	14.35	142.9
(1,105)	1:A:65:SER:N	1:A:65:SER:CA	1:A:65:SER:C	1:A:66:ALA:N	20	139.23	19.27	136.5
(1,129)	1:A:78:PHE:N	1:A:78:PHE:CA	1:A:78:PHE:C	1:A:79:LEU:N	20	139.13	11.39	146.45
(1,183)	1:A:106:SER:N	1:A:106:SER:CA	1:A:106:SER:C	1:A:107:ASP:N	20	139.01	39.72	151.8
(1,63)	1:A:41:ARG:N	1:A:41:ARG:CA	1:A:41:ARG:C	1:A:42:LYS:N	20	138.6	4.93	139.15
(1,93)	1:A:57:ASP:N	1:A:57:ASP:CA	1:A:57:ASP:C	1:A:58:THR:N	20	138.43	15.94	137.05
(1,248)	1:A:143:GLU:C	1:A:144:THR:N	1:A:144:THR:CA	1:A:144:THR:C	20	136.86	5.51	134.8
(1,189)	1:A:109:VAL:N	1:A:109:VAL:CA	1:A:109:VAL:C	1:A:110:PRO:N	20	136.11	18.79	128.5
(1,214)	1:A:125:VAL:N	1:A:125:VAL:CA	1:A:125:VAL:C	1:A:126:GLU:N	20	136.06	13.29	135.8
(1,216)	1:A:126:GLU:N	1:A:126:GLU:CA	1:A:126:GLU:C	1:A:127:SER:N	20	135.83	12.65	138.8
(1,191)	1:A:110:PRO:C	1:A:111:MET:N	1:A:111:MET:CA	1:A:111:MET:C	20	135.33	8.03	134.5
(1,250)	1:A:144:THR:C	1:A:145:SER:N	1:A:145:SER:CA	1:A:145:SER:C	20	135.29	11.08	134.25
(1,139)	1:A:83:ALA:N	1:A:83:ALA:CA	1:A:83:ALA:C	1:A:84:ILE:N	20	135.21	9.18	132.25
(1,20)	1:A:11:ALA:N	1:A:11:ALA:CA	1:A:11:ALA:C	1:A:12:GLY:N	20	133.83	10.58	135.6
(1,104)	1:A:64:TYR:C	1:A:65:SER:N	1:A:65:SER:CA	1:A:65:SER:C	20	133.32	27.3	142.9
(1,68)	1:A:43:GLN:C	1:A:44:VAL:N	1:A:44:VAL:CA	1:A:44:VAL:C	20	133.1	2.9	133.6
(1,194)	1:A:112:VAL:N	1:A:112:VAL:CA	1:A:112:VAL:C	1:A:113:LEU:N	20	133.07	2.4	133.35
(1,245)	1:A:142:ILE:N	1:A:142:ILE:CA	1:A:142:ILE:C	1:A:143:GLU:N	20	131.81	5.2	132.1
(1,4)	1:A:3:GLU:N	1:A:3:GLU:CA	1:A:3:GLU:C	1:A:4:TYR:N	20	131.45	5.8	131.0
(1,57)	1:A:36:ILE:N	1:A:36:ILE:CA	1:A:36:ILE:C	1:A:37:GLU:N	20	131.18	15.19	126.9
(1,209)	1:A:122:ALA:C	1:A:123:ARG:N	1:A:123:ARG:CA	1:A:123:ARG:C	20	130.97	25.68	130.9
(1,97)	1:A:59:ALA:N	1:A:59:ALA:CA	1:A:59:ALA:C	1:A:60:GLY:N	20	130.83	17.18	136.05
(1,65)	1:A:42:LYS:N	1:A:42:LYS:CA	1:A:42:LYS:C	1:A:43:GLN:N	20	130.48	4.27	128.65
(1,193)	1:A:111:MET:C	1:A:112:VAL:N	1:A:112:VAL:CA	1:A:112:VAL:C	20	128.67	4.84	128.4
(1,182)	1:A:105:ASP:C	1:A:106:SER:N	1:A:106:SER:CA	1:A:106:SER:C	20	128.57	26.73	125.65
(1,135)	1:A:81:VAL:N	1:A:81:VAL:CA	1:A:81:VAL:C	1:A:82:PHE:N	20	128.12	6.09	128.55
(1,190)	1:A:110:PRO:N	1:A:110:PRO:CA	1:A:110:PRO:C	1:A:111:MET:N	20	127.97	5.06	127.7
(1,15)	1:A:8:VAL:C	1:A:9:VAL:N	1:A:9:VAL:CA	1:A:9:VAL:C	20	127.74	4.87	130.15
(1,77)	1:A:49:GLU:N	1:A:49:GLU:CA	1:A:49:GLU:C	1:A:50:THR:N	20	127.35	4.76	127.35
(1,239)	1:A:138:GLY:C	1:A:139:ILE:N	1:A:139:ILE:CA	1:A:139:ILE:C	20	127.24	10.55	125.6
(1,60)	1:A:39:SER:C	1:A:40:TYR:N	1:A:40:TYR:CA	1:A:40:TYR:C	20	127.21	8.02	126.35
(1,198)	1:A:114:VAL:N	1:A:114:VAL:CA	1:A:114:VAL:C	1:A:115:GLY:N	20	126.8	4.51	125.25
(1,243)	1:A:141:TYR:N	1:A:141:TYR:CA	1:A:141:TYR:C	1:A:142:ILE:N	20	126.02	3.28	126.45
(1,6)	1:A:4:TYR:N	1:A:4:TYR:CA	1:A:4:TYR:C	1:A:5:LYS:N	20	125.68	8.8	126.65
(1,131)	1:A:79:LEU:N	1:A:79:LEU:CA	1:A:79:LEU:C	1:A:80:CYS:N	20	124.82	3.85	124.8
(1,79)	1:A:50:THR:N	1:A:50:THR:CA	1:A:50:THR:C	1:A:51:CYS:N	20	124.38	2.5	124.85
(1,212)	1:A:124:THR:N	1:A:124:THR:CA	1:A:124:THR:C	1:A:125:VAL:N	20	124.35	57.18	167.6
(1,247)	1:A:143:GLU:N	1:A:143:GLU:CA	1:A:143:GLU:C	1:A:144:THR:N	20	123.81	6.9	125.9
(1,12)	1:A:7:VAL:N	1:A:7:VAL:CA	1:A:7:VAL:C	1:A:8:VAL:N	20	123.71	5.3	122.55
(1,72)	1:A:45:VAL:C	1:A:46:ILE:N	1:A:46:ILE:CA	1:A:46:ILE:C	20	123.47	3.18	122.65
(1,67)	1:A:43:GLN:N	1:A:43:GLN:CA	1:A:43:GLN:C	1:A:44:VAL:N	20	122.72	1.81	122.4

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Atom-3	Atom-4	Models <sup>1</sup>	Mean	SD <sup>2</sup>	Median
(1,256)	1:A:147:LYS:C	1:A:148:THR:N	1:A:148:THR:CA	1:A:148:THR:C	20	122.6	14.74	127.3
(1,2)	1:A:2:THR:N	1:A:2:THR:CA	1:A:2:THR:C	1:A:3:GLU:N	20	122.48	6.18	121.9
(1,14)	1:A:8:VAL:N	1:A:8:VAL:CA	1:A:8:VAL:C	1:A:9:VAL:N	20	122.39	4.27	122.35
(1,49)	1:A:28:PHE:C	1:A:29:VAL:N	1:A:29:VAL:CA	1:A:29:VAL:C	20	122.31	9.7	122.1
(1,62)	1:A:40:TYR:C	1:A:41:ARG:N	1:A:41:ARG:CA	1:A:41:ARG:C	20	121.94	4.93	121.45
(1,10)	1:A:6:LEU:N	1:A:6:LEU:CA	1:A:6:LEU:C	1:A:7:VAL:N	20	121.53	4.8	122.0
(1,136)	1:A:81:VAL:C	1:A:82:PHE:N	1:A:82:PHE:CA	1:A:82:PHE:C	20	121.5	15.89	123.8
(1,251)	1:A:145:SER:N	1:A:145:SER:CA	1:A:145:SER:C	1:A:146:ALA:N	20	121.46	11.53	120.3
(1,73)	1:A:46:ILE:N	1:A:46:ILE:CA	1:A:46:ILE:C	1:A:47:ASP:N	20	120.34	4.13	119.55
(1,197)	1:A:113:LEU:C	1:A:114:VAL:N	1:A:114:VAL:CA	1:A:114:VAL:C	20	119.84	4.41	118.45
(1,83)	1:A:52:LEU:N	1:A:52:LEU:CA	1:A:52:LEU:C	1:A:53:LEU:N	20	119.66	4.81	118.5
(1,196)	1:A:113:LEU:N	1:A:113:LEU:CA	1:A:113:LEU:C	1:A:114:VAL:N	20	119.4	3.48	119.4
(1,71)	1:A:45:VAL:N	1:A:45:VAL:CA	1:A:45:VAL:C	1:A:46:ILE:N	20	118.62	3.3	119.05
(1,48)	1:A:28:PHE:N	1:A:28:PHE:CA	1:A:28:PHE:C	1:A:29:VAL:N	20	117.24	8.09	118.2
(1,5)	1:A:3:GLU:C	1:A:4:TYR:N	1:A:4:TYR:CA	1:A:4:TYR:C	20	116.84	5.55	116.05
(1,244)	1:A:141:TYR:C	1:A:142:ILE:N	1:A:142:ILE:CA	1:A:142:ILE:C	20	116.77	4.17	117.65
(1,133)	1:A:80:CYS:N	1:A:80:CYS:CA	1:A:80:CYS:C	1:A:81:VAL:N	20	116.2	4.64	114.25
(1,89)	1:A:55:ILE:N	1:A:55:ILE:CA	1:A:55:ILE:C	1:A:56:LEU:N	20	115.84	4.72	115.45
(1,91)	1:A:56:LEU:N	1:A:56:LEU:CA	1:A:56:LEU:C	1:A:57:ASP:N	20	115.74	5.83	114.3
(1,85)	1:A:53:LEU:N	1:A:53:LEU:CA	1:A:53:LEU:C	1:A:54:ASP:N	20	115.28	11.61	113.1
(1,87)	1:A:54:ASP:N	1:A:54:ASP:CA	1:A:54:ASP:C	1:A:55:ILE:N	20	112.13	7.26	109.95
(1,259)	1:A:150:GLN:N	1:A:150:GLN:CA	1:A:150:GLN:C	1:A:151:GLY:N	20	111.39	9.1	113.1
(1,188)	1:A:108:ASP:C	1:A:109:VAL:N	1:A:109:VAL:CA	1:A:109:VAL:C	20	110.92	15.72	113.35
(1,242)	1:A:140:PRO:C	1:A:141:TYR:N	1:A:141:TYR:CA	1:A:141:TYR:C	20	109.96	10.01	113.75
(1,9)	1:A:5:LYS:C	1:A:6:LEU:N	1:A:6:LEU:CA	1:A:6:LEU:C	20	108.79	5.03	109.25
(1,3)	1:A:2:THR:C	1:A:3:GLU:N	1:A:3:GLU:CA	1:A:3:GLU:C	20	108.68	16.59	107.4
(1,134)	1:A:80:CYS:C	1:A:81:VAL:N	1:A:81:VAL:CA	1:A:81:VAL:C	20	107.49	5.27	107.55
(1,199)	1:A:114:VAL:C	1:A:115:GLY:N	1:A:115:GLY:CA	1:A:115:GLY:C	20	106.3	11.54	107.95
(1,82)	1:A:51:CYS:C	1:A:52:LEU:N	1:A:52:LEU:CA	1:A:52:LEU:C	20	105.77	4.7	103.9
(1,130)	1:A:78:PHE:C	1:A:79:LEU:N	1:A:79:LEU:CA	1:A:79:LEU:C	20	105.7	4.09	106.3
(1,184)	1:A:106:SER:C	1:A:107:ASP:N	1:A:107:ASP:CA	1:A:107:ASP:C	20	105.3	38.94	80.9
(1,70)	1:A:44:VAL:C	1:A:45:VAL:N	1:A:45:VAL:CA	1:A:45:VAL:C	20	103.83	5.18	105.0
(1,8)	1:A:5:LYS:N	1:A:5:LYS:CA	1:A:5:LYS:C	1:A:6:LEU:N	20	103.78	6.02	102.3
(1,90)	1:A:55:ILE:C	1:A:56:LEU:N	1:A:56:LEU:CA	1:A:56:LEU:C	20	103.72	7.82	102.25
(1,76)	1:A:48:GLY:C	1:A:49:GLU:N	1:A:49:GLU:CA	1:A:49:GLU:C	20	103.67	4.72	104.9
(1,100)	1:A:62:GLU:C	1:A:63:GLU:N	1:A:63:GLU:CA	1:A:63:GLU:C	20	103.48	26.34	102.25
(1,145)	1:A:86:ASN:N	1:A:86:ASN:CA	1:A:86:ASN:C	1:A:87:THR:N	20	103.32	7.73	99.4
(1,246)	1:A:142:ILE:C	1:A:143:GLU:N	1:A:143:GLU:CA	1:A:143:GLU:C	20	101.74	6.14	101.8
(1,43)	1:A:24:ILE:C	1:A:25:GLN:N	1:A:25:GLN:CA	1:A:25:GLN:C	20	101.58	6.25	103.6
(1,187)	1:A:108:ASP:N	1:A:108:ASP:CA	1:A:108:ASP:C	1:A:109:VAL:N	20	101.55	28.06	108.3
(1,84)	1:A:52:LEU:C	1:A:53:LEU:N	1:A:53:LEU:CA	1:A:53:LEU:C	20	100.89	10.86	97.5
(1,11)	1:A:6:LEU:C	1:A:7:VAL:N	1:A:7:VAL:CA	1:A:7:VAL:C	20	100.02	7.11	98.1
(1,103)	1:A:64:TYR:N	1:A:64:TYR:CA	1:A:64:TYR:C	1:A:65:SER:N	20	99.47	24.89	93.25
(1,132)	1:A:79:LEU:C	1:A:80:CYS:N	1:A:80:CYS:CA	1:A:80:CYS:C	20	99.22	6.0	100.5
(1,88)	1:A:54:ASP:C	1:A:55:ILE:N	1:A:55:ILE:CA	1:A:55:ILE:C	20	98.76	5.27	99.2
(1,86)	1:A:53:LEU:C	1:A:54:ASP:N	1:A:54:ASP:CA	1:A:54:ASP:C	20	98.7	6.84	97.65
(1,195)	1:A:112:VAL:C	1:A:113:LEU:N	1:A:113:LEU:CA	1:A:113:LEU:C	20	98.24	3.8	98.3
(1,102)	1:A:63:GLU:C	1:A:64:TYR:N	1:A:64:TYR:CA	1:A:64:TYR:C	20	97.87	36.39	102.35
(1,237)	1:A:136:SER:C	1:A:137:TYR:N	1:A:137:TYR:CA	1:A:137:TYR:C	20	97.42	6.34	99.85
(1,7)	1:A:4:TYR:C	1:A:5:LYS:N	1:A:5:LYS:CA	1:A:5:LYS:C	20	97.4	4.3	97.25
(1,1)	1:A:1:MET:C	1:A:2:THR:N	1:A:2:THR:CA	1:A:2:THR:C	20	96.03	11.8	95.3

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Atom-3	Atom-4	Models <sup>1</sup>	Mean	SD <sup>2</sup>	Median
(1,92)	1:A:56:LEU:C	1:A:57:ASP:N	1:A:57:ASP:CA	1:A:57:ASP:C	20	96.02	8.39	95.05
(1,201)	1:A:115:GLY:C	1:A:116:ASN:N	1:A:116:ASN:CA	1:A:116:ASN:C	20	95.29	4.99	95.65
(1,142)	1:A:84:ILE:C	1:A:85:ASN:N	1:A:85:ASN:CA	1:A:85:ASN:C	20	95.14	6.94	96.4
(1,205)	1:A:118:CYS:C	1:A:119:ASP:N	1:A:119:ASP:CA	1:A:119:ASP:C	20	94.64	8.27	93.4
(1,13)	1:A:7:VAL:C	1:A:8:VAL:N	1:A:8:VAL:CA	1:A:8:VAL:C	20	94.6	8.11	94.5
(1,208)	1:A:122:ALA:N	1:A:122:ALA:CA	1:A:122:ALA:C	1:A:123:ARG:N	20	94.08	20.02	93.15
(1,47)	1:A:27:HIS:C	1:A:28:PHE:N	1:A:28:PHE:CA	1:A:28:PHE:C	20	92.77	11.61	90.95
(1,211)	1:A:123:ARG:C	1:A:124:THR:N	1:A:124:THR:CA	1:A:124:THR:C	20	92.4	21.22	81.8
(1,58)	1:A:38:ASP:C	1:A:39:SER:N	1:A:39:SER:CA	1:A:39:SER:C	20	88.04	14.0	85.1
(1,180)	1:A:103:VAL:C	1:A:104:LYS:N	1:A:104:LYS:CA	1:A:104:LYS:C	20	87.51	9.77	89.85
(1,186)	1:A:107:ASP:C	1:A:108:ASP:N	1:A:108:ASP:CA	1:A:108:ASP:C	20	87.48	23.1	82.15
(1,56)	1:A:35:SER:C	1:A:36:ILE:N	1:A:36:ILE:CA	1:A:36:ILE:C	20	87.32	23.92	74.1
(1,138)	1:A:82:PHE:C	1:A:83:ALA:N	1:A:83:ALA:CA	1:A:83:ALA:C	20	86.64	8.98	87.95
(1,144)	1:A:85:ASN:C	1:A:86:ASN:N	1:A:86:ASN:CA	1:A:86:ASN:C	20	86.49	4.75	86.5
(1,94)	1:A:57:ASP:C	1:A:58:THR:N	1:A:58:THR:CA	1:A:58:THR:C	20	86.46	14.45	86.3
(1,51)	1:A:31:GLU:C	1:A:32:TYR:N	1:A:32:TYR:CA	1:A:32:TYR:C	20	84.76	18.15	79.6
(1,258)	1:A:149:ARG:C	1:A:150:GLN:N	1:A:150:GLN:CA	1:A:150:GLN:C	20	84.21	9.21	87.3
(1,74)	1:A:47:ASP:C	1:A:48:GLY:N	1:A:48:GLY:CA	1:A:48:GLY:C	20	81.86	1.37	82.3
(1,66)	1:A:42:LYS:C	1:A:43:GLN:N	1:A:43:GLN:CA	1:A:43:GLN:C	20	80.66	9.2	76.45
(1,122)	1:A:73:ARG:C	1:A:74:THR:N	1:A:74:THR:CA	1:A:74:THR:C	20	77.94	8.44	77.05
(1,203)	1:A:117:LYS:C	1:A:118:CYS:N	1:A:118:CYS:CA	1:A:118:CYS:C	20	77.54	9.14	73.65
(1,41)	1:A:23:LEU:C	1:A:24:ILE:N	1:A:24:ILE:CA	1:A:24:ILE:C	20	77.51	6.87	78.85
(1,213)	1:A:124:THR:C	1:A:125:VAL:N	1:A:125:VAL:CA	1:A:125:VAL:C	20	77.1	39.68	52.6
(1,254)	1:A:146:ALA:C	1:A:147:LYS:N	1:A:147:LYS:CA	1:A:147:LYS:C	20	76.56	10.39	75.25
(1,21)	1:A:11:ALA:C	1:A:12:GLY:N	1:A:12:GLY:CA	1:A:12:GLY:C	20	75.33	9.61	72.7
(1,140)	1:A:83:ALA:C	1:A:84:ILE:N	1:A:84:ILE:CA	1:A:84:ILE:C	20	75.26	6.8	74.9
(1,110)	1:A:67:MET:C	1:A:68:ARG:N	1:A:68:ARG:CA	1:A:68:ARG:C	20	75.18	10.77	74.8
(1,124)	1:A:74:THR:C	1:A:75:GLY:N	1:A:75:GLY:CA	1:A:75:GLY:C	20	74.88	5.27	74.15
(1,78)	1:A:49:GLU:C	1:A:50:THR:N	1:A:50:THR:CA	1:A:50:THR:C	20	74.48	5.07	75.6
(1,19)	1:A:10:GLY:C	1:A:11:ALA:N	1:A:11:ALA:CA	1:A:11:ALA:C	20	72.6	20.72	68.25
(1,53)	1:A:32:TYR:C	1:A:33:ASP:N	1:A:33:ASP:CA	1:A:33:ASP:C	20	71.14	10.22	68.25
(1,108)	1:A:66:ALA:C	1:A:67:MET:N	1:A:67:MET:CA	1:A:67:MET:C	20	70.47	7.13	67.55
(1,207)	1:A:121:ALA:C	1:A:122:ALA:N	1:A:122:ALA:CA	1:A:122:ALA:C	20	70.47	10.87	72.2
(1,116)	1:A:70:GLN:C	1:A:71:TYR:N	1:A:71:TYR:CA	1:A:71:TYR:C	20	70.29	6.87	72.55
(1,98)	1:A:61:GLN:C	1:A:62:GLU:N	1:A:62:GLU:CA	1:A:62:GLU:C	20	69.42	5.67	68.7
(1,39)	1:A:22:GLN:C	1:A:23:LEU:N	1:A:23:LEU:CA	1:A:23:LEU:C	20	69.28	5.45	69.1
(1,176)	1:A:101:LYS:C	1:A:102:ARG:N	1:A:102:ARG:CA	1:A:102:ARG:C	20	67.94	7.79	67.7
(1,221)	1:A:128:ARG:C	1:A:129:GLN:N	1:A:129:GLN:CA	1:A:129:GLN:C	20	67.6	3.2	67.5
(1,27)	1:A:16:LYS:C	1:A:17:SER:N	1:A:17:SER:CA	1:A:17:SER:C	20	67.28	5.96	66.0
(1,33)	1:A:19:LEU:C	1:A:20:THR:N	1:A:20:THR:CA	1:A:20:THR:C	20	66.98	4.95	66.05
(1,280)	1:A:161:ARG:C	1:A:162:GLU:N	1:A:162:GLU:CA	1:A:162:GLU:C	20	66.56	3.28	66.8
(1,178)	1:A:102:ARG:C	1:A:103:VAL:N	1:A:103:VAL:CA	1:A:103:VAL:C	20	66.51	4.65	65.95
(1,24)	1:A:15:GLY:N	1:A:15:GLY:CA	1:A:15:GLY:C	1:A:16:LYS:N	20	66.46	25.05	61.65
(1,154)	1:A:90:PHE:C	1:A:91:GLU:N	1:A:91:GLU:CA	1:A:91:GLU:C	20	65.88	3.12	65.65
(1,158)	1:A:92:ASP:C	1:A:93:ILE:N	1:A:93:ILE:CA	1:A:93:ILE:C	20	65.88	3.43	65.25
(1,264)	1:A:153:GLU:C	1:A:154:ASP:N	1:A:154:ASP:CA	1:A:154:ASP:C	20	65.86	1.39	65.75
(1,168)	1:A:97:ARG:C	1:A:98:GLU:N	1:A:98:GLU:CA	1:A:98:GLU:C	20	65.68	3.0	65.7
(1,284)	1:A:163:ILE:C	1:A:164:ARG:N	1:A:164:ARG:CA	1:A:164:ARG:C	20	65.64	3.25	64.9
(1,170)	1:A:98:GLU:C	1:A:99:GLN:N	1:A:99:GLN:CA	1:A:99:GLN:C	20	65.12	1.6	65.05
(1,235)	1:A:135:ARG:C	1:A:136:SER:N	1:A:136:SER:CA	1:A:136:SER:C	20	65.08	2.24	64.55
(1,25)	1:A:15:GLY:C	1:A:16:LYS:N	1:A:16:LYS:CA	1:A:16:LYS:C	20	64.77	7.84	65.15

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Atom-3	Atom-4	Models <sup>1</sup>	Mean	SD <sup>2</sup>	Median
(1,233)	1:A:134:ALA:C	1:A:135:ARG:N	1:A:135:ARG:CA	1:A:135:ARG:C	20	64.54	1.94	64.3
(1,31)	1:A:18:ALA:C	1:A:19:LEU:N	1:A:19:LEU:CA	1:A:19:LEU:C	20	64.41	1.84	64.05
(1,35)	1:A:20:THR:C	1:A:21:ILE:N	1:A:21:ILE:CA	1:A:21:ILE:C	20	64.22	4.63	63.4
(1,231)	1:A:133:LEU:C	1:A:134:ALA:N	1:A:134:ALA:CA	1:A:134:ALA:C	20	64.07	3.37	63.6
(1,272)	1:A:157:TYR:C	1:A:158:THR:N	1:A:158:THR:CA	1:A:158:THR:C	20	63.96	2.44	63.45
(1,148)	1:A:87:THR:C	1:A:88:LYS:N	1:A:88:LYS:CA	1:A:88:LYS:C	20	63.82	4.0	63.7
(1,37)	1:A:21:ILE:C	1:A:22:GLN:N	1:A:22:GLN:CA	1:A:22:GLN:C	20	63.57	4.89	63.65
(1,162)	1:A:94:HIS:C	1:A:95:GLN:N	1:A:95:GLN:CA	1:A:95:GLN:C	20	63.52	2.74	63.55
(1,282)	1:A:162:GLU:C	1:A:163:ILE:N	1:A:163:ILE:CA	1:A:163:ILE:C	20	63.48	1.98	63.35
(1,276)	1:A:159:LEU:C	1:A:160:VAL:N	1:A:160:VAL:CA	1:A:160:VAL:C	20	63.42	3.42	63.25
(1,112)	1:A:68:ARG:C	1:A:69:ASP:N	1:A:69:ASP:CA	1:A:69:ASP:C	20	63.24	4.59	62.3
(1,229)	1:A:132:ASP:C	1:A:133:LEU:N	1:A:133:LEU:CA	1:A:133:LEU:C	20	63.01	2.22	63.4
(1,266)	1:A:154:ASP:C	1:A:155:ALA:N	1:A:155:ALA:CA	1:A:155:ALA:C	20	62.71	0.98	62.95
(1,225)	1:A:130:ALA:C	1:A:131:GLN:N	1:A:131:GLN:CA	1:A:131:GLN:C	20	62.55	3.12	63.4
(1,268)	1:A:155:ALA:C	1:A:156:PHE:N	1:A:156:PHE:CA	1:A:156:PHE:C	20	62.52	2.75	62.7
(1,270)	1:A:156:PHE:C	1:A:157:TYR:N	1:A:157:TYR:CA	1:A:157:TYR:C	20	62.49	4.65	62.7
(1,106)	1:A:65:SER:C	1:A:66:ALA:N	1:A:66:ALA:CA	1:A:66:ALA:C	20	62.44	2.87	61.75
(1,156)	1:A:91:GLU:C	1:A:92:ASP:N	1:A:92:ASP:CA	1:A:92:ASP:C	20	62.32	2.01	62.6
(1,120)	1:A:72:MET:C	1:A:73:ARG:N	1:A:73:ARG:CA	1:A:73:ARG:C	20	62.13	5.18	62.55
(1,118)	1:A:71:TYR:C	1:A:72:MET:N	1:A:72:MET:CA	1:A:72:MET:C	20	62.01	3.51	63.2
(1,219)	1:A:127:SER:C	1:A:128:ARG:N	1:A:128:ARG:CA	1:A:128:ARG:C	20	61.59	2.25	62.05
(1,252)	1:A:145:SER:C	1:A:146:ALA:N	1:A:146:ALA:CA	1:A:146:ALA:C	20	61.53	4.19	61.3
(1,146)	1:A:86:ASN:C	1:A:87:THR:N	1:A:87:THR:CA	1:A:87:THR:C	20	61.41	3.93	60.7
(1,223)	1:A:129:GLN:C	1:A:130:ALA:N	1:A:130:ALA:CA	1:A:130:ALA:C	20	61.29	2.38	60.9
(1,217)	1:A:126:GLU:C	1:A:127:SER:N	1:A:127:SER:CA	1:A:127:SER:C	20	61.21	2.29	61.55
(1,152)	1:A:89:SER:C	1:A:90:PHE:N	1:A:90:PHE:CA	1:A:90:PHE:C	20	61.21	3.37	62.15
(1,227)	1:A:131:GLN:C	1:A:132:ASP:N	1:A:132:ASP:CA	1:A:132:ASP:C	20	61.2	2.05	61.2
(1,274)	1:A:158:THR:C	1:A:159:LEU:N	1:A:159:LEU:CA	1:A:159:LEU:C	20	60.82	1.97	61.2
(1,278)	1:A:160:VAL:C	1:A:161:ARG:N	1:A:161:ARG:CA	1:A:161:ARG:C	20	60.54	2.92	61.3
(1,29)	1:A:17:SER:C	1:A:18:ALA:N	1:A:18:ALA:CA	1:A:18:ALA:C	20	60.31	4.16	60.5
(1,172)	1:A:99:GLN:C	1:A:100:ILE:N	1:A:100:ILE:CA	1:A:100:ILE:C	20	60.14	2.96	60.35
(1,114)	1:A:69:ASP:C	1:A:70:GLN:N	1:A:70:GLN:CA	1:A:70:GLN:C	20	59.99	5.25	60.35
(1,166)	1:A:96:TYR:C	1:A:97:ARG:N	1:A:97:ARG:CA	1:A:97:ARG:C	20	59.81	3.47	59.75
(1,164)	1:A:95:GLN:C	1:A:96:TYR:N	1:A:96:TYR:CA	1:A:96:TYR:C	20	58.66	2.81	58.6
(1,160)	1:A:93:ILE:C	1:A:94:HIS:N	1:A:94:HIS:CA	1:A:94:HIS:C	20	58.48	2.95	58.65
(1,174)	1:A:100:ILE:C	1:A:101:LYS:N	1:A:101:LYS:CA	1:A:101:LYS:C	20	57.84	4.39	57.05
(1,215)	1:A:125:VAL:C	1:A:126:GLU:N	1:A:126:GLU:CA	1:A:126:GLU:C	20	57.41	14.92	49.95
(1,260)	1:A:151:GLY:C	1:A:152:VAL:N	1:A:152:VAL:CA	1:A:152:VAL:C	20	57.22	4.23	55.55
(1,150)	1:A:88:LYS:C	1:A:89:SER:N	1:A:89:SER:CA	1:A:89:SER:C	20	56.7	2.9	57.25
(1,262)	1:A:152:VAL:C	1:A:153:GLU:N	1:A:153:GLU:CA	1:A:153:GLU:C	20	56.54	2.58	55.85
(1,255)	1:A:147:LYS:N	1:A:147:LYS:CA	1:A:147:LYS:C	1:A:148:THR:N	20	55.94	11.11	57.55
(1,171)	1:A:99:GLN:N	1:A:99:GLN:CA	1:A:99:GLN:C	1:A:100:ILE:N	20	47.98	2.64	46.8
(1,40)	1:A:23:LEU:N	1:A:23:LEU:CA	1:A:23:LEU:C	1:A:24:ILE:N	20	45.82	3.85	45.75
(1,226)	1:A:131:GLN:N	1:A:131:GLN:CA	1:A:131:GLN:C	1:A:132:ASP:N	20	45.82	1.89	45.3
(1,167)	1:A:97:ARG:N	1:A:97:ARG:CA	1:A:97:ARG:C	1:A:98:GLU:N	20	45.44	3.87	44.8
(1,115)	1:A:70:GLN:N	1:A:70:GLN:CA	1:A:70:GLN:C	1:A:71:TYR:N	20	45.3	5.88	46.1
(1,263)	1:A:153:GLU:N	1:A:153:GLU:CA	1:A:153:GLU:C	1:A:154:ASP:N	20	44.56	1.98	44.5
(1,161)	1:A:94:HIS:N	1:A:94:HIS:CA	1:A:94:HIS:C	1:A:95:GLN:N	20	43.84	3.22	43.0
(1,275)	1:A:159:LEU:N	1:A:159:LEU:CA	1:A:159:LEU:C	1:A:160:VAL:N	20	43.53	3.55	43.95
(1,175)	1:A:101:LYS:N	1:A:101:LYS:CA	1:A:101:LYS:C	1:A:102:ARG:N	20	42.86	4.64	42.65
(1,109)	1:A:67:MET:N	1:A:67:MET:CA	1:A:67:MET:C	1:A:68:ARG:N	20	42.85	5.41	42.1

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Atom-3	Atom-4	Models <sup>1</sup>	Mean	SD <sup>2</sup>	Median
(1,123)	1:A:74:THR:N	1:A:74:THR:CA	1:A:74:THR:C	1:A:75:GLY:N	20	42.54	7.98	44.2
(1,165)	1:A:96:TYR:N	1:A:96:TYR:CA	1:A:96:TYR:C	1:A:97:ARG:N	20	42.28	3.84	41.95
(1,111)	1:A:68:ARG:N	1:A:68:ARG:CA	1:A:68:ARG:C	1:A:69:ASP:N	20	42.11	11.31	42.0
(1,222)	1:A:129:GLN:N	1:A:129:GLN:CA	1:A:129:GLN:C	1:A:130:ALA:N	20	41.87	3.86	42.2
(1,163)	1:A:95:GLN:N	1:A:95:GLN:CA	1:A:95:GLN:C	1:A:96:TYR:N	20	41.52	4.19	41.9
(1,177)	1:A:102:ARG:N	1:A:102:ARG:CA	1:A:102:ARG:C	1:A:103:VAL:N	20	41.4	7.39	38.0
(1,283)	1:A:163:ILE:N	1:A:163:ILE:CA	1:A:163:ILE:C	1:A:164:ARG:N	20	41.27	2.97	39.9
(1,273)	1:A:158:THR:N	1:A:158:THR:CA	1:A:158:THR:C	1:A:159:LEU:N	20	40.92	3.15	41.6
(1,26)	1:A:16:LYS:N	1:A:16:LYS:CA	1:A:16:LYS:C	1:A:17:SER:N	20	40.45	10.92	42.95
(1,269)	1:A:156:PHE:N	1:A:156:PHE:CA	1:A:156:PHE:C	1:A:157:TYR:N	20	40.39	3.99	40.6
(1,157)	1:A:92:ASP:N	1:A:92:ASP:CA	1:A:92:ASP:C	1:A:93:ILE:N	20	40.34	4.55	39.9
(1,230)	1:A:133:LEU:N	1:A:133:LEU:CA	1:A:133:LEU:C	1:A:134:ALA:N	20	40.16	3.35	40.15
(1,153)	1:A:90:PHE:N	1:A:90:PHE:CA	1:A:90:PHE:C	1:A:91:GLU:N	20	39.94	4.24	41.55
(1,99)	1:A:62:GLU:N	1:A:62:GLU:CA	1:A:62:GLU:C	1:A:63:GLU:N	20	39.61	9.77	42.05
(1,28)	1:A:17:SER:N	1:A:17:SER:CA	1:A:17:SER:C	1:A:18:ALA:N	20	39.4	5.76	39.05
(1,271)	1:A:157:TYR:N	1:A:157:TYR:CA	1:A:157:TYR:C	1:A:158:THR:N	20	39.33	3.12	38.75
(1,279)	1:A:161:ARG:N	1:A:161:ARG:CA	1:A:161:ARG:C	1:A:162:GLU:N	20	39.12	3.37	38.8
(1,30)	1:A:18:ALA:N	1:A:18:ALA:CA	1:A:18:ALA:C	1:A:19:LEU:N	20	38.86	2.88	38.65
(1,36)	1:A:21:ILE:N	1:A:21:ILE:CA	1:A:21:ILE:C	1:A:22:GLN:N	20	38.86	4.43	39.35
(1,173)	1:A:100:ILE:N	1:A:100:ILE:CA	1:A:100:ILE:C	1:A:101:LYS:N	20	38.64	4.9	39.85
(1,155)	1:A:91:GLU:N	1:A:91:GLU:CA	1:A:91:GLU:C	1:A:92:ASP:N	20	38.61	3.46	38.8
(1,267)	1:A:155:ALA:N	1:A:155:ALA:CA	1:A:155:ALA:C	1:A:156:PHE:N	20	38.44	3.03	38.6
(1,34)	1:A:20:THR:N	1:A:20:THR:CA	1:A:20:THR:C	1:A:21:ILE:N	20	37.94	7.43	40.95
(1,32)	1:A:19:LEU:N	1:A:19:LEU:CA	1:A:19:LEU:C	1:A:20:THR:N	20	37.84	3.88	37.9
(1,277)	1:A:160:VAL:N	1:A:160:VAL:CA	1:A:160:VAL:C	1:A:161:ARG:N	20	37.8	5.55	38.95
(1,147)	1:A:87:THR:N	1:A:87:THR:CA	1:A:87:THR:C	1:A:88:LYS:N	20	37.72	3.85	36.6
(1,179)	1:A:103:VAL:N	1:A:103:VAL:CA	1:A:103:VAL:C	1:A:104:LYS:N	20	37.57	5.05	39.15
(1,281)	1:A:162:GLU:N	1:A:162:GLU:CA	1:A:162:GLU:C	1:A:163:ILE:N	20	37.21	3.42	36.65
(1,169)	1:A:98:GLU:N	1:A:98:GLU:CA	1:A:98:GLU:C	1:A:99:GLN:N	20	37.04	3.16	36.8
(1,224)	1:A:130:ALA:N	1:A:130:ALA:CA	1:A:130:ALA:C	1:A:131:GLN:N	20	36.88	2.75	35.85
(1,232)	1:A:134:ALA:N	1:A:134:ALA:CA	1:A:134:ALA:C	1:A:135:ARG:N	20	36.87	2.99	36.65
(1,220)	1:A:128:ARG:N	1:A:128:ARG:CA	1:A:128:ARG:C	1:A:129:GLN:N	20	36.5	3.83	36.7
(1,265)	1:A:154:ASP:N	1:A:154:ASP:CA	1:A:154:ASP:C	1:A:155:ALA:N	20	36.37	2.76	35.1
(1,159)	1:A:93:ILE:N	1:A:93:ILE:CA	1:A:93:ILE:C	1:A:94:HIS:N	20	35.74	6.74	38.9
(1,151)	1:A:89:SER:N	1:A:89:SER:CA	1:A:89:SER:C	1:A:90:PHE:N	20	35.04	6.5	34.95
(1,113)	1:A:69:ASP:N	1:A:69:ASP:CA	1:A:69:ASP:C	1:A:70:GLN:N	20	34.92	7.3	34.8
(1,107)	1:A:66:ALA:N	1:A:66:ALA:CA	1:A:66:ALA:C	1:A:67:MET:N	20	34.48	7.0	32.05
(1,261)	1:A:152:VAL:N	1:A:152:VAL:CA	1:A:152:VAL:C	1:A:153:GLU:N	20	34.42	6.97	33.3
(1,228)	1:A:132:ASP:N	1:A:132:ASP:CA	1:A:132:ASP:C	1:A:133:LEU:N	20	34.33	2.54	34.15
(1,117)	1:A:71:TYR:N	1:A:71:TYR:CA	1:A:71:TYR:C	1:A:72:MET:N	20	34.19	4.94	33.85
(1,121)	1:A:73:ARG:N	1:A:73:ARG:CA	1:A:73:ARG:C	1:A:74:THR:N	20	32.52	4.1	31.95
(1,234)	1:A:135:ARG:N	1:A:135:ARG:CA	1:A:135:ARG:C	1:A:136:SER:N	20	32.39	3.52	32.0
(1,119)	1:A:72:MET:N	1:A:72:MET:CA	1:A:72:MET:C	1:A:73:ARG:N	20	31.66	5.01	32.25
(1,285)	1:A:164:ARG:N	1:A:164:ARG:CA	1:A:164:ARG:C	1:A:165:GLN:N	20	30.35	6.43	30.1
(1,38)	1:A:22:GLN:N	1:A:22:GLN:CA	1:A:22:GLN:C	1:A:23:LEU:N	20	30.28	7.14	30.95
(1,42)	1:A:24:ILE:N	1:A:24:ILE:CA	1:A:24:ILE:C	1:A:25:GLN:N	20	30.23	12.27	27.65
(1,257)	1:A:148:THR:N	1:A:148:THR:CA	1:A:148:THR:C	1:A:149:ARG:N	20	29.19	12.04	24.25
(1,125)	1:A:75:GLY:N	1:A:75:GLY:CA	1:A:75:GLY:C	1:A:76:GLU:N	20	26.84	5.7	25.8
(1,141)	1:A:84:ILE:N	1:A:84:ILE:CA	1:A:84:ILE:C	1:A:85:ASN:N	20	25.54	6.91	24.9
(1,218)	1:A:127:SER:N	1:A:127:SER:CA	1:A:127:SER:C	1:A:128:ARG:N	20	25.37	7.75	28.0
(1,143)	1:A:85:ASN:N	1:A:85:ASN:CA	1:A:85:ASN:C	1:A:86:ASN:N	20	24.72	10.24	19.35

Continued on next page...

Continued from previous page...

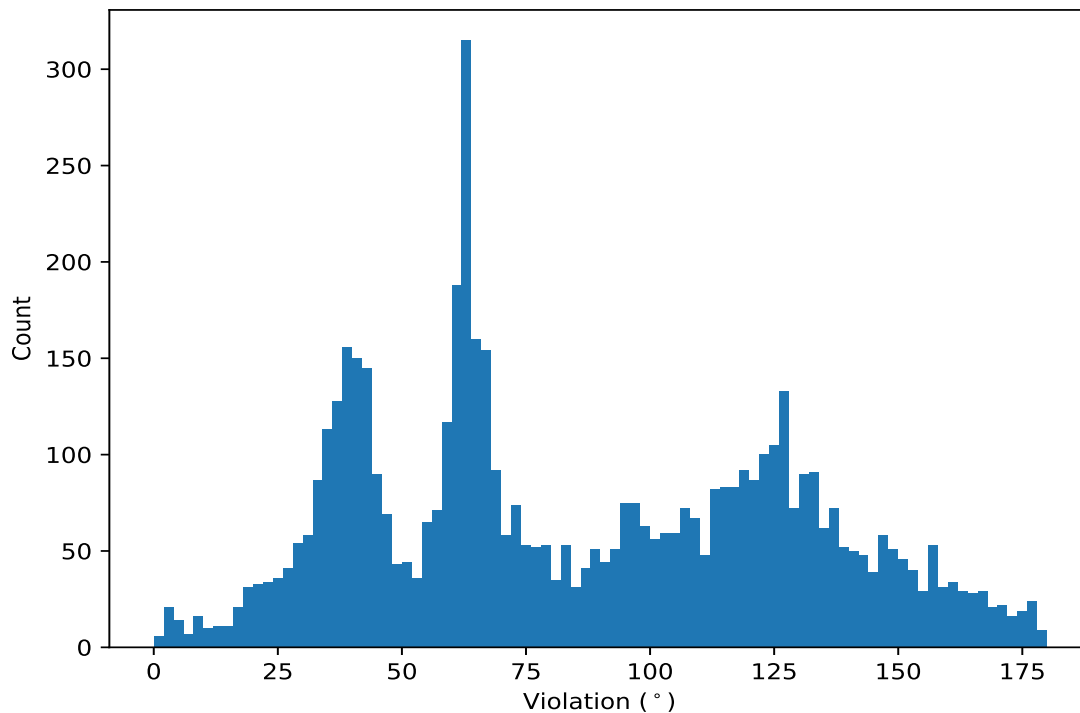
Key	Atom-1	Atom-2	Atom-3	Atom-4	Models <sup>1</sup>	Mean	SD <sup>2</sup>	Median
(1,236)	1:A:136:SER:N	1:A:136:SER:CA	1:A:136:SER:C	1:A:137:TYR:N	20	23.92	3.44	22.9
(1,149)	1:A:88:LYS:N	1:A:88:LYS:CA	1:A:88:LYS:C	1:A:89:SER:N	20	23.22	4.35	23.65
(1,253)	1:A:146:ALA:N	1:A:146:ALA:CA	1:A:146:ALA:C	1:A:147:LYS:N	20	22.64	4.47	22.65
(1,44)	1:A:25:GLN:N	1:A:25:GLN:CA	1:A:25:GLN:C	1:A:26:ASN:N	20	15.71	8.6	17.25
(1,204)	1:A:118:CYS:N	1:A:118:CYS:CA	1:A:118:CYS:C	1:A:119:ASP:N	20	13.27	9.96	11.1
(1,101)	1:A:63:GLU:N	1:A:63:GLU:CA	1:A:63:GLU:C	1:A:64:TYR:N	19	25.45	14.88	20.1
(1,181)	1:A:104:LYS:N	1:A:104:LYS:CA	1:A:104:LYS:C	1:A:105:ASP:N	19	10.91	5.83	10.9
(1,206)	1:A:119:ASP:N	1:A:119:ASP:CA	1:A:119:ASP:C	1:A:120:LEU:N	17	7.26	3.88	8.0
(1,238)	1:A:137:TYR:N	1:A:137:TYR:CA	1:A:137:TYR:C	1:A:138:GLY:N	12	5.03	2.13	4.4
(1,75)	1:A:48:GLY:N	1:A:48:GLY:CA	1:A:48:GLY:C	1:A:49:GLU:N	10	3.15	0.79	3.0

<sup>1</sup> Number of violated models, <sup>2</sup>Standard deviation, All angle values are in degree (°)

## 10.5 All violated dihedral-angle restraints [i](#)

### 10.5.1 Histogram : Distribution of violations [i](#)

The following histogram shows the distribution of the absolute value of the violation for all violated restraints in the ensemble.



### 10.5.2 Table: All violated dihedral-angle restraints [i](#)

The following table lists the absolute value of the violation for each restraint in the ensemble sorted by its value. The Key (restraint list ID, restraint ID) is the unique identifier for a given restraint.

Key	Atom-1	Atom-2	Atom-3	Atom-4	Model ID	Violation (°)
(1,18)	1:A:10:GLY:N	1:A:10:GLY:CA	1:A:10:GLY:C	1:A:11:ALA:N	12	179.2
(1,18)	1:A:10:GLY:N	1:A:10:GLY:CA	1:A:10:GLY:C	1:A:11:ALA:N	19	179.2
(1,183)	1:A:106:SER:N	1:A:106:SER:CA	1:A:106:SER:C	1:A:107:ASP:N	16	179.0
(1,18)	1:A:10:GLY:N	1:A:10:GLY:CA	1:A:10:GLY:C	1:A:11:ALA:N	5	178.9
(1,23)	1:A:14:VAL:C	1:A:15:GLY:N	1:A:15:GLY:CA	1:A:15:GLY:C	5	178.7
(1,23)	1:A:14:VAL:C	1:A:15:GLY:N	1:A:15:GLY:CA	1:A:15:GLY:C	6	178.5
(1,23)	1:A:14:VAL:C	1:A:15:GLY:N	1:A:15:GLY:CA	1:A:15:GLY:C	10	178.2
(1,185)	1:A:107:ASP:N	1:A:107:ASP:CA	1:A:107:ASP:C	1:A:108:ASP:N	16	178.2
(1,18)	1:A:10:GLY:N	1:A:10:GLY:CA	1:A:10:GLY:C	1:A:11:ALA:N	7	178.0
(1,22)	1:A:12:GLY:N	1:A:12:GLY:CA	1:A:12:GLY:C	1:A:13:GLY:N	16	177.9
(1,185)	1:A:107:ASP:N	1:A:107:ASP:CA	1:A:107:ASP:C	1:A:108:ASP:N	17	177.8
(1,183)	1:A:106:SER:N	1:A:106:SER:CA	1:A:106:SER:C	1:A:107:ASP:N	15	177.8
(1,17)	1:A:9:VAL:C	1:A:10:GLY:N	1:A:10:GLY:CA	1:A:10:GLY:C	8	177.8
(1,185)	1:A:107:ASP:N	1:A:107:ASP:CA	1:A:107:ASP:C	1:A:108:ASP:N	14	177.7
(1,23)	1:A:14:VAL:C	1:A:15:GLY:N	1:A:15:GLY:CA	1:A:15:GLY:C	11	177.4
(1,23)	1:A:14:VAL:C	1:A:15:GLY:N	1:A:15:GLY:CA	1:A:15:GLY:C	3	177.3
(1,202)	1:A:116:ASN:N	1:A:116:ASN:CA	1:A:116:ASN:C	1:A:117:LYS:N	2	177.2
(1,185)	1:A:107:ASP:N	1:A:107:ASP:CA	1:A:107:ASP:C	1:A:108:ASP:N	6	177.2
(1,185)	1:A:107:ASP:N	1:A:107:ASP:CA	1:A:107:ASP:C	1:A:108:ASP:N	7	177.0
(1,185)	1:A:107:ASP:N	1:A:107:ASP:CA	1:A:107:ASP:C	1:A:108:ASP:N	9	177.0
(1,185)	1:A:107:ASP:N	1:A:107:ASP:CA	1:A:107:ASP:C	1:A:108:ASP:N	13	177.0
(1,185)	1:A:107:ASP:N	1:A:107:ASP:CA	1:A:107:ASP:C	1:A:108:ASP:N	18	177.0
(1,249)	1:A:144:THR:N	1:A:144:THR:CA	1:A:144:THR:C	1:A:145:SER:N	12	176.9
(1,249)	1:A:144:THR:N	1:A:144:THR:CA	1:A:144:THR:C	1:A:145:SER:N	8	176.8
(1,249)	1:A:144:THR:N	1:A:144:THR:CA	1:A:144:THR:C	1:A:145:SER:N	14	176.8
(1,212)	1:A:124:THR:N	1:A:124:THR:CA	1:A:124:THR:C	1:A:125:VAL:N	1	176.8
(1,185)	1:A:107:ASP:N	1:A:107:ASP:CA	1:A:107:ASP:C	1:A:108:ASP:N	20	176.8
(1,18)	1:A:10:GLY:N	1:A:10:GLY:CA	1:A:10:GLY:C	1:A:11:ALA:N	10	176.6
(1,18)	1:A:10:GLY:N	1:A:10:GLY:CA	1:A:10:GLY:C	1:A:11:ALA:N	14	176.6
(1,22)	1:A:12:GLY:N	1:A:12:GLY:CA	1:A:12:GLY:C	1:A:13:GLY:N	18	176.5
(1,210)	1:A:123:ARG:N	1:A:123:ARG:CA	1:A:123:ARG:C	1:A:124:THR:N	4	176.3
(1,249)	1:A:144:THR:N	1:A:144:THR:CA	1:A:144:THR:C	1:A:145:SER:N	19	176.2
(1,52)	1:A:32:TYR:N	1:A:32:TYR:CA	1:A:32:TYR:C	1:A:33:ASP:N	17	176.0
(1,202)	1:A:116:ASN:N	1:A:116:ASN:CA	1:A:116:ASN:C	1:A:117:LYS:N	1	175.9
(1,18)	1:A:10:GLY:N	1:A:10:GLY:CA	1:A:10:GLY:C	1:A:11:ALA:N	20	175.9
(1,182)	1:A:105:ASP:C	1:A:106:SER:N	1:A:106:SER:CA	1:A:106:SER:C	11	175.7
(1,249)	1:A:144:THR:N	1:A:144:THR:CA	1:A:144:THR:C	1:A:145:SER:N	11	175.6
(1,23)	1:A:14:VAL:C	1:A:15:GLY:N	1:A:15:GLY:CA	1:A:15:GLY:C	8	175.6
(1,23)	1:A:14:VAL:C	1:A:15:GLY:N	1:A:15:GLY:CA	1:A:15:GLY:C	9	175.6
(1,18)	1:A:10:GLY:N	1:A:10:GLY:CA	1:A:10:GLY:C	1:A:11:ALA:N	13	175.6
(1,202)	1:A:116:ASN:N	1:A:116:ASN:CA	1:A:116:ASN:C	1:A:117:LYS:N	3	175.5
(1,23)	1:A:14:VAL:C	1:A:15:GLY:N	1:A:15:GLY:CA	1:A:15:GLY:C	4	175.4
(1,17)	1:A:9:VAL:C	1:A:10:GLY:N	1:A:10:GLY:CA	1:A:10:GLY:C	18	175.1
(1,137)	1:A:82:PHE:N	1:A:82:PHE:CA	1:A:82:PHE:C	1:A:83:ALA:N	9	174.9
(1,17)	1:A:9:VAL:C	1:A:10:GLY:N	1:A:10:GLY:CA	1:A:10:GLY:C	10	174.8
(1,126)	1:A:76:GLU:C	1:A:77:GLY:N	1:A:77:GLY:CA	1:A:77:GLY:C	6	174.7
(1,210)	1:A:123:ARG:N	1:A:123:ARG:CA	1:A:123:ARG:C	1:A:124:THR:N	8	174.5
(1,249)	1:A:144:THR:N	1:A:144:THR:CA	1:A:144:THR:C	1:A:145:SER:N	5	174.4
(1,249)	1:A:144:THR:N	1:A:144:THR:CA	1:A:144:THR:C	1:A:145:SER:N	9	174.3
(1,18)	1:A:10:GLY:N	1:A:10:GLY:CA	1:A:10:GLY:C	1:A:11:ALA:N	8	174.3
(1,202)	1:A:116:ASN:N	1:A:116:ASN:CA	1:A:116:ASN:C	1:A:117:LYS:N	4	174.2
(1,249)	1:A:144:THR:N	1:A:144:THR:CA	1:A:144:THR:C	1:A:145:SER:N	20	174.0

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Atom-3	Atom-4	Model ID	Violation (°)
(1,22)	1:A:12:GLY:N	1:A:12:GLY:CA	1:A:12:GLY:C	1:A:13:GLY:N	20	173.7
(1,81)	1:A:51:CYS:N	1:A:51:CYS:CA	1:A:51:CYS:C	1:A:52:LEU:N	19	173.4
(1,46)	1:A:27:HIS:N	1:A:27:HIS:CA	1:A:27:HIS:C	1:A:28:PHE:N	20	173.4
(1,182)	1:A:105:ASP:C	1:A:106:SER:N	1:A:106:SER:CA	1:A:106:SER:C	10	173.3
(1,249)	1:A:144:THR:N	1:A:144:THR:CA	1:A:144:THR:C	1:A:145:SER:N	7	173.1
(1,17)	1:A:9:VAL:C	1:A:10:GLY:N	1:A:10:GLY:CA	1:A:10:GLY:C	6	173.1
(1,17)	1:A:9:VAL:C	1:A:10:GLY:N	1:A:10:GLY:CA	1:A:10:GLY:C	2	173.0
(1,185)	1:A:107:ASP:N	1:A:107:ASP:CA	1:A:107:ASP:C	1:A:108:ASP:N	8	172.9
(1,105)	1:A:65:SER:N	1:A:65:SER:CA	1:A:65:SER:C	1:A:66:ALA:N	10	172.9
(1,249)	1:A:144:THR:N	1:A:144:THR:CA	1:A:144:THR:C	1:A:145:SER:N	13	172.8
(1,183)	1:A:106:SER:N	1:A:106:SER:CA	1:A:106:SER:C	1:A:107:ASP:N	17	172.7
(1,249)	1:A:144:THR:N	1:A:144:THR:CA	1:A:144:THR:C	1:A:145:SER:N	15	172.6
(1,105)	1:A:65:SER:N	1:A:65:SER:CA	1:A:65:SER:C	1:A:66:ALA:N	14	172.5
(1,183)	1:A:106:SER:N	1:A:106:SER:CA	1:A:106:SER:C	1:A:107:ASP:N	18	172.4
(1,46)	1:A:27:HIS:N	1:A:27:HIS:CA	1:A:27:HIS:C	1:A:28:PHE:N	15	172.0
(1,202)	1:A:116:ASN:N	1:A:116:ASN:CA	1:A:116:ASN:C	1:A:117:LYS:N	20	172.0
(1,81)	1:A:51:CYS:N	1:A:51:CYS:CA	1:A:51:CYS:C	1:A:52:LEU:N	20	171.9
(1,81)	1:A:51:CYS:N	1:A:51:CYS:CA	1:A:51:CYS:C	1:A:52:LEU:N	12	171.8
(1,212)	1:A:124:THR:N	1:A:124:THR:CA	1:A:124:THR:C	1:A:125:VAL:N	5	171.8
(1,210)	1:A:123:ARG:N	1:A:123:ARG:CA	1:A:123:ARG:C	1:A:124:THR:N	3	171.8
(1,126)	1:A:76:GLU:C	1:A:77:GLY:N	1:A:77:GLY:CA	1:A:77:GLY:C	7	171.7
(1,202)	1:A:116:ASN:N	1:A:116:ASN:CA	1:A:116:ASN:C	1:A:117:LYS:N	13	171.6
(1,182)	1:A:105:ASP:C	1:A:106:SER:N	1:A:106:SER:CA	1:A:106:SER:C	12	171.6
(1,18)	1:A:10:GLY:N	1:A:10:GLY:CA	1:A:10:GLY:C	1:A:11:ALA:N	6	171.6
(1,212)	1:A:124:THR:N	1:A:124:THR:CA	1:A:124:THR:C	1:A:125:VAL:N	7	171.5
(1,212)	1:A:124:THR:N	1:A:124:THR:CA	1:A:124:THR:C	1:A:125:VAL:N	16	171.3
(1,59)	1:A:39:SER:N	1:A:39:SER:CA	1:A:39:SER:C	1:A:40:TYR:N	11	171.2
(1,249)	1:A:144:THR:N	1:A:144:THR:CA	1:A:144:THR:C	1:A:145:SER:N	17	171.2
(1,81)	1:A:51:CYS:N	1:A:51:CYS:CA	1:A:51:CYS:C	1:A:52:LEU:N	1	170.8
(1,183)	1:A:106:SER:N	1:A:106:SER:CA	1:A:106:SER:C	1:A:107:ASP:N	8	170.8
(1,18)	1:A:10:GLY:N	1:A:10:GLY:CA	1:A:10:GLY:C	1:A:11:ALA:N	2	170.7
(1,81)	1:A:51:CYS:N	1:A:51:CYS:CA	1:A:51:CYS:C	1:A:52:LEU:N	3	170.6
(1,81)	1:A:51:CYS:N	1:A:51:CYS:CA	1:A:51:CYS:C	1:A:52:LEU:N	10	170.6
(1,202)	1:A:116:ASN:N	1:A:116:ASN:CA	1:A:116:ASN:C	1:A:117:LYS:N	14	170.6
(1,126)	1:A:76:GLU:C	1:A:77:GLY:N	1:A:77:GLY:CA	1:A:77:GLY:C	16	170.4
(1,57)	1:A:36:ILE:N	1:A:36:ILE:CA	1:A:36:ILE:C	1:A:37:GLU:N	20	170.2
(1,212)	1:A:124:THR:N	1:A:124:THR:CA	1:A:124:THR:C	1:A:125:VAL:N	15	170.2
(1,202)	1:A:116:ASN:N	1:A:116:ASN:CA	1:A:116:ASN:C	1:A:117:LYS:N	7	170.0
(1,212)	1:A:124:THR:N	1:A:124:THR:CA	1:A:124:THR:C	1:A:125:VAL:N	4	169.8
(1,18)	1:A:10:GLY:N	1:A:10:GLY:CA	1:A:10:GLY:C	1:A:11:ALA:N	4	169.8
(1,17)	1:A:9:VAL:C	1:A:10:GLY:N	1:A:10:GLY:CA	1:A:10:GLY:C	5	169.6
(1,23)	1:A:14:VAL:C	1:A:15:GLY:N	1:A:15:GLY:CA	1:A:15:GLY:C	19	169.5
(1,210)	1:A:123:ARG:N	1:A:123:ARG:CA	1:A:123:ARG:C	1:A:124:THR:N	12	169.4
(1,212)	1:A:124:THR:N	1:A:124:THR:CA	1:A:124:THR:C	1:A:125:VAL:N	14	169.3
(1,249)	1:A:144:THR:N	1:A:144:THR:CA	1:A:144:THR:C	1:A:145:SER:N	16	169.2
(1,249)	1:A:144:THR:N	1:A:144:THR:CA	1:A:144:THR:C	1:A:145:SER:N	6	169.1
(1,212)	1:A:124:THR:N	1:A:124:THR:CA	1:A:124:THR:C	1:A:125:VAL:N	6	169.1
(1,126)	1:A:76:GLU:C	1:A:77:GLY:N	1:A:77:GLY:CA	1:A:77:GLY:C	18	169.1
(1,18)	1:A:10:GLY:N	1:A:10:GLY:CA	1:A:10:GLY:C	1:A:11:ALA:N	11	169.0
(1,210)	1:A:123:ARG:N	1:A:123:ARG:CA	1:A:123:ARG:C	1:A:124:THR:N	1	168.7
(1,17)	1:A:9:VAL:C	1:A:10:GLY:N	1:A:10:GLY:CA	1:A:10:GLY:C	12	168.7

Continued on next page...



Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Atom-3	Atom-4	Model ID	Violation (°)
(1,210)	1:A:123:ARG:N	1:A:123:ARG:CA	1:A:123:ARG:C	1:A:124:THR:N	9	168.6
(1,54)	1:A:33:ASP:N	1:A:33:ASP:CA	1:A:33:ASP:C	1:A:34:PRO:N	18	168.4
(1,210)	1:A:123:ARG:N	1:A:123:ARG:CA	1:A:123:ARG:C	1:A:124:THR:N	5	168.4
(1,183)	1:A:106:SER:N	1:A:106:SER:CA	1:A:106:SER:C	1:A:107:ASP:N	14	168.2
(1,81)	1:A:51:CYS:N	1:A:51:CYS:CA	1:A:51:CYS:C	1:A:52:LEU:N	11	168.0
(1,212)	1:A:124:THR:N	1:A:124:THR:CA	1:A:124:THR:C	1:A:125:VAL:N	3	168.0
(1,18)	1:A:10:GLY:N	1:A:10:GLY:CA	1:A:10:GLY:C	1:A:11:ALA:N	17	168.0
(1,126)	1:A:76:GLU:C	1:A:77:GLY:N	1:A:77:GLY:CA	1:A:77:GLY:C	15	168.0
(1,210)	1:A:123:ARG:N	1:A:123:ARG:CA	1:A:123:ARG:C	1:A:124:THR:N	14	167.9
(1,183)	1:A:106:SER:N	1:A:106:SER:CA	1:A:106:SER:C	1:A:107:ASP:N	9	167.9
(1,212)	1:A:124:THR:N	1:A:124:THR:CA	1:A:124:THR:C	1:A:125:VAL:N	13	167.8
(1,96)	1:A:58:THR:C	1:A:59:ALA:N	1:A:59:ALA:CA	1:A:59:ALA:C	13	167.7
(1,81)	1:A:51:CYS:N	1:A:51:CYS:CA	1:A:51:CYS:C	1:A:52:LEU:N	2	167.6
(1,52)	1:A:32:TYR:N	1:A:32:TYR:CA	1:A:32:TYR:C	1:A:33:ASP:N	15	167.4
(1,212)	1:A:124:THR:N	1:A:124:THR:CA	1:A:124:THR:C	1:A:125:VAL:N	2	167.4
(1,137)	1:A:82:PHE:N	1:A:82:PHE:CA	1:A:82:PHE:C	1:A:83:ALA:N	18	167.4
(1,18)	1:A:10:GLY:N	1:A:10:GLY:CA	1:A:10:GLY:C	1:A:11:ALA:N	3	167.3
(1,81)	1:A:51:CYS:N	1:A:51:CYS:CA	1:A:51:CYS:C	1:A:52:LEU:N	17	167.2
(1,81)	1:A:51:CYS:N	1:A:51:CYS:CA	1:A:51:CYS:C	1:A:52:LEU:N	4	167.1
(1,59)	1:A:39:SER:N	1:A:39:SER:CA	1:A:39:SER:C	1:A:40:TYR:N	12	167.1
(1,212)	1:A:124:THR:N	1:A:124:THR:CA	1:A:124:THR:C	1:A:125:VAL:N	19	167.1
(1,202)	1:A:116:ASN:N	1:A:116:ASN:CA	1:A:116:ASN:C	1:A:117:LYS:N	6	167.1
(1,17)	1:A:9:VAL:C	1:A:10:GLY:N	1:A:10:GLY:CA	1:A:10:GLY:C	13	167.0
(1,126)	1:A:76:GLU:C	1:A:77:GLY:N	1:A:77:GLY:CA	1:A:77:GLY:C	13	167.0
(1,126)	1:A:76:GLU:C	1:A:77:GLY:N	1:A:77:GLY:CA	1:A:77:GLY:C	20	167.0
(1,249)	1:A:144:THR:N	1:A:144:THR:CA	1:A:144:THR:C	1:A:145:SER:N	18	166.8
(1,127)	1:A:77:GLY:N	1:A:77:GLY:CA	1:A:77:GLY:C	1:A:78:PHE:N	15	166.8
(1,184)	1:A:106:SER:C	1:A:107:ASP:N	1:A:107:ASP:CA	1:A:107:ASP:C	3	166.7
(1,17)	1:A:9:VAL:C	1:A:10:GLY:N	1:A:10:GLY:CA	1:A:10:GLY:C	7	166.7
(1,202)	1:A:116:ASN:N	1:A:116:ASN:CA	1:A:116:ASN:C	1:A:117:LYS:N	9	166.6
(1,202)	1:A:116:ASN:N	1:A:116:ASN:CA	1:A:116:ASN:C	1:A:117:LYS:N	11	166.6
(1,183)	1:A:106:SER:N	1:A:106:SER:CA	1:A:106:SER:C	1:A:107:ASP:N	20	166.6
(1,202)	1:A:116:ASN:N	1:A:116:ASN:CA	1:A:116:ASN:C	1:A:117:LYS:N	10	166.5
(1,202)	1:A:116:ASN:N	1:A:116:ASN:CA	1:A:116:ASN:C	1:A:117:LYS:N	17	166.5
(1,102)	1:A:63:GLU:C	1:A:64:TYR:N	1:A:64:TYR:CA	1:A:64:TYR:C	13	166.4
(1,209)	1:A:122:ALA:C	1:A:123:ARG:N	1:A:123:ARG:CA	1:A:123:ARG:C	20	166.1
(1,249)	1:A:144:THR:N	1:A:144:THR:CA	1:A:144:THR:C	1:A:145:SER:N	1	166.0
(1,23)	1:A:14:VAL:C	1:A:15:GLY:N	1:A:15:GLY:CA	1:A:15:GLY:C	20	165.9
(1,17)	1:A:9:VAL:C	1:A:10:GLY:N	1:A:10:GLY:CA	1:A:10:GLY:C	4	165.9
(1,23)	1:A:14:VAL:C	1:A:15:GLY:N	1:A:15:GLY:CA	1:A:15:GLY:C	1	165.8
(1,23)	1:A:14:VAL:C	1:A:15:GLY:N	1:A:15:GLY:CA	1:A:15:GLY:C	2	165.8
(1,23)	1:A:14:VAL:C	1:A:15:GLY:N	1:A:15:GLY:CA	1:A:15:GLY:C	12	165.8
(1,23)	1:A:14:VAL:C	1:A:15:GLY:N	1:A:15:GLY:CA	1:A:15:GLY:C	13	165.8
(1,23)	1:A:14:VAL:C	1:A:15:GLY:N	1:A:15:GLY:CA	1:A:15:GLY:C	14	165.8
(1,23)	1:A:14:VAL:C	1:A:15:GLY:N	1:A:15:GLY:CA	1:A:15:GLY:C	15	165.8
(1,23)	1:A:14:VAL:C	1:A:15:GLY:N	1:A:15:GLY:CA	1:A:15:GLY:C	16	165.8
(1,102)	1:A:63:GLU:C	1:A:64:TYR:N	1:A:64:TYR:CA	1:A:64:TYR:C	14	165.8
(1,55)	1:A:34:PRO:N	1:A:34:PRO:CA	1:A:34:PRO:C	1:A:35:SER:N	8	165.6
(1,126)	1:A:76:GLU:C	1:A:77:GLY:N	1:A:77:GLY:CA	1:A:77:GLY:C	1	165.6
(1,202)	1:A:116:ASN:N	1:A:116:ASN:CA	1:A:116:ASN:C	1:A:117:LYS:N	18	165.5
(1,210)	1:A:123:ARG:N	1:A:123:ARG:CA	1:A:123:ARG:C	1:A:124:THR:N	13	165.4

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Atom-3	Atom-4	Model ID	Violation (°)
(1,202)	1:A:116:ASN:N	1:A:116:ASN:CA	1:A:116:ASN:C	1:A:117:LYS:N	5	165.2
(1,52)	1:A:32:TYR:N	1:A:32:TYR:CA	1:A:32:TYR:C	1:A:33:ASP:N	16	165.1
(1,45)	1:A:26:ASN:C	1:A:27:HIS:N	1:A:27:HIS:CA	1:A:27:HIS:C	6	165.1
(1,126)	1:A:76:GLU:C	1:A:77:GLY:N	1:A:77:GLY:CA	1:A:77:GLY:C	4	165.1
(1,22)	1:A:12:GLY:N	1:A:12:GLY:CA	1:A:12:GLY:C	1:A:13:GLY:N	15	164.8
(1,184)	1:A:106:SER:C	1:A:107:ASP:N	1:A:107:ASP:CA	1:A:107:ASP:C	19	164.8
(1,61)	1:A:40:TYR:N	1:A:40:TYR:CA	1:A:40:TYR:C	1:A:41:ARG:N	20	164.7
(1,81)	1:A:51:CYS:N	1:A:51:CYS:CA	1:A:51:CYS:C	1:A:52:LEU:N	14	164.6
(1,249)	1:A:144:THR:N	1:A:144:THR:CA	1:A:144:THR:C	1:A:145:SER:N	2	164.6
(1,81)	1:A:51:CYS:N	1:A:51:CYS:CA	1:A:51:CYS:C	1:A:52:LEU:N	15	164.5
(1,17)	1:A:9:VAL:C	1:A:10:GLY:N	1:A:10:GLY:CA	1:A:10:GLY:C	11	164.3
(1,105)	1:A:65:SER:N	1:A:65:SER:CA	1:A:65:SER:C	1:A:66:ALA:N	13	164.3
(1,81)	1:A:51:CYS:N	1:A:51:CYS:CA	1:A:51:CYS:C	1:A:52:LEU:N	8	164.2
(1,200)	1:A:115:GLY:N	1:A:115:GLY:CA	1:A:115:GLY:C	1:A:116:ASN:N	15	164.1
(1,209)	1:A:122:ALA:C	1:A:123:ARG:N	1:A:123:ARG:CA	1:A:123:ARG:C	3	163.9
(1,93)	1:A:57:ASP:N	1:A:57:ASP:CA	1:A:57:ASP:C	1:A:58:THR:N	2	163.8
(1,55)	1:A:34:PRO:N	1:A:34:PRO:CA	1:A:34:PRO:C	1:A:35:SER:N	9	163.6
(1,184)	1:A:106:SER:C	1:A:107:ASP:N	1:A:107:ASP:CA	1:A:107:ASP:C	2	163.6
(1,96)	1:A:58:THR:C	1:A:59:ALA:N	1:A:59:ALA:CA	1:A:59:ALA:C	14	163.4
(1,202)	1:A:116:ASN:N	1:A:116:ASN:CA	1:A:116:ASN:C	1:A:117:LYS:N	8	163.3
(1,185)	1:A:107:ASP:N	1:A:107:ASP:CA	1:A:107:ASP:C	1:A:108:ASP:N	15	163.0
(1,18)	1:A:10:GLY:N	1:A:10:GLY:CA	1:A:10:GLY:C	1:A:11:ALA:N	18	163.0
(1,96)	1:A:58:THR:C	1:A:59:ALA:N	1:A:59:ALA:CA	1:A:59:ALA:C	20	162.9
(1,69)	1:A:44:VAL:N	1:A:44:VAL:CA	1:A:44:VAL:C	1:A:45:VAL:N	12	162.9
(1,184)	1:A:106:SER:C	1:A:107:ASP:N	1:A:107:ASP:CA	1:A:107:ASP:C	4	162.9
(1,18)	1:A:10:GLY:N	1:A:10:GLY:CA	1:A:10:GLY:C	1:A:11:ALA:N	1	162.8
(1,50)	1:A:29:VAL:N	1:A:29:VAL:CA	1:A:29:VAL:C	1:A:30:ASP:N	10	162.7
(1,210)	1:A:123:ARG:N	1:A:123:ARG:CA	1:A:123:ARG:C	1:A:124:THR:N	19	162.7
(1,209)	1:A:122:ALA:C	1:A:123:ARG:N	1:A:123:ARG:CA	1:A:123:ARG:C	11	162.7
(1,55)	1:A:34:PRO:N	1:A:34:PRO:CA	1:A:34:PRO:C	1:A:35:SER:N	4	162.6
(1,249)	1:A:144:THR:N	1:A:144:THR:CA	1:A:144:THR:C	1:A:145:SER:N	10	162.6
(1,126)	1:A:76:GLU:C	1:A:77:GLY:N	1:A:77:GLY:CA	1:A:77:GLY:C	3	162.6
(1,16)	1:A:9:VAL:N	1:A:9:VAL:CA	1:A:9:VAL:C	1:A:10:GLY:N	13	162.5
(1,104)	1:A:64:TYR:C	1:A:65:SER:N	1:A:65:SER:CA	1:A:65:SER:C	11	162.5
(1,96)	1:A:58:THR:C	1:A:59:ALA:N	1:A:59:ALA:CA	1:A:59:ALA:C	6	162.4
(1,184)	1:A:106:SER:C	1:A:107:ASP:N	1:A:107:ASP:CA	1:A:107:ASP:C	1	162.3
(1,18)	1:A:10:GLY:N	1:A:10:GLY:CA	1:A:10:GLY:C	1:A:11:ALA:N	15	162.3
(1,17)	1:A:9:VAL:C	1:A:10:GLY:N	1:A:10:GLY:CA	1:A:10:GLY:C	17	162.3
(1,137)	1:A:82:PHE:N	1:A:82:PHE:CA	1:A:82:PHE:C	1:A:83:ALA:N	1	162.2
(1,50)	1:A:29:VAL:N	1:A:29:VAL:CA	1:A:29:VAL:C	1:A:30:ASP:N	14	162.1
(1,50)	1:A:29:VAL:N	1:A:29:VAL:CA	1:A:29:VAL:C	1:A:30:ASP:N	1	162.0
(1,45)	1:A:26:ASN:C	1:A:27:HIS:N	1:A:27:HIS:CA	1:A:27:HIS:C	4	162.0
(1,105)	1:A:65:SER:N	1:A:65:SER:CA	1:A:65:SER:C	1:A:66:ALA:N	12	162.0
(1,81)	1:A:51:CYS:N	1:A:51:CYS:CA	1:A:51:CYS:C	1:A:52:LEU:N	16	161.9
(1,69)	1:A:44:VAL:N	1:A:44:VAL:CA	1:A:44:VAL:C	1:A:45:VAL:N	8	161.8
(1,69)	1:A:44:VAL:N	1:A:44:VAL:CA	1:A:44:VAL:C	1:A:45:VAL:N	10	161.8
(1,69)	1:A:44:VAL:N	1:A:44:VAL:CA	1:A:44:VAL:C	1:A:45:VAL:N	18	161.8
(1,59)	1:A:39:SER:N	1:A:39:SER:CA	1:A:39:SER:C	1:A:40:TYR:N	20	161.8
(1,209)	1:A:122:ALA:C	1:A:123:ARG:N	1:A:123:ARG:CA	1:A:123:ARG:C	2	161.8
(1,209)	1:A:122:ALA:C	1:A:123:ARG:N	1:A:123:ARG:CA	1:A:123:ARG:C	4	161.8
(1,69)	1:A:44:VAL:N	1:A:44:VAL:CA	1:A:44:VAL:C	1:A:45:VAL:N	14	161.7

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Atom-3	Atom-4	Model ID	Violation (°)
(1,46)	1:A:27:HIS:N	1:A:27:HIS:CA	1:A:27:HIS:C	1:A:28:PHE:N	11	161.7
(1,16)	1:A:9:VAL:N	1:A:9:VAL:CA	1:A:9:VAL:C	1:A:10:GLY:N	1	161.7
(1,55)	1:A:34:PRO:N	1:A:34:PRO:CA	1:A:34:PRO:C	1:A:35:SER:N	17	161.6
(1,96)	1:A:58:THR:C	1:A:59:ALA:N	1:A:59:ALA:CA	1:A:59:ALA:C	5	161.5
(1,69)	1:A:44:VAL:N	1:A:44:VAL:CA	1:A:44:VAL:C	1:A:45:VAL:N	19	161.5
(1,23)	1:A:14:VAL:C	1:A:15:GLY:N	1:A:15:GLY:CA	1:A:15:GLY:C	7	161.5
(1,16)	1:A:9:VAL:N	1:A:9:VAL:CA	1:A:9:VAL:C	1:A:10:GLY:N	20	161.5
(1,50)	1:A:29:VAL:N	1:A:29:VAL:CA	1:A:29:VAL:C	1:A:30:ASP:N	9	161.4
(1,46)	1:A:27:HIS:N	1:A:27:HIS:CA	1:A:27:HIS:C	1:A:28:PHE:N	19	161.4
(1,16)	1:A:9:VAL:N	1:A:9:VAL:CA	1:A:9:VAL:C	1:A:10:GLY:N	14	161.4
(1,52)	1:A:32:TYR:N	1:A:32:TYR:CA	1:A:32:TYR:C	1:A:33:ASP:N	8	161.2
(1,95)	1:A:58:THR:N	1:A:58:THR:CA	1:A:58:THR:C	1:A:59:ALA:N	10	161.1
(1,126)	1:A:76:GLU:C	1:A:77:GLY:N	1:A:77:GLY:CA	1:A:77:GLY:C	5	161.0
(1,202)	1:A:116:ASN:N	1:A:116:ASN:CA	1:A:116:ASN:C	1:A:117:LYS:N	19	160.8
(1,93)	1:A:57:ASP:N	1:A:57:ASP:CA	1:A:57:ASP:C	1:A:58:THR:N	3	160.7
(1,137)	1:A:82:PHE:N	1:A:82:PHE:CA	1:A:82:PHE:C	1:A:83:ALA:N	17	160.7
(1,93)	1:A:57:ASP:N	1:A:57:ASP:CA	1:A:57:ASP:C	1:A:58:THR:N	13	160.6
(1,55)	1:A:34:PRO:N	1:A:34:PRO:CA	1:A:34:PRO:C	1:A:35:SER:N	13	160.6
(1,214)	1:A:125:VAL:N	1:A:125:VAL:CA	1:A:125:VAL:C	1:A:126:GLU:N	16	160.5
(1,137)	1:A:82:PHE:N	1:A:82:PHE:CA	1:A:82:PHE:C	1:A:83:ALA:N	3	160.4
(1,50)	1:A:29:VAL:N	1:A:29:VAL:CA	1:A:29:VAL:C	1:A:30:ASP:N	2	160.3
(1,69)	1:A:44:VAL:N	1:A:44:VAL:CA	1:A:44:VAL:C	1:A:45:VAL:N	16	160.2
(1,249)	1:A:144:THR:N	1:A:144:THR:CA	1:A:144:THR:C	1:A:145:SER:N	3	160.1
(1,16)	1:A:9:VAL:N	1:A:9:VAL:CA	1:A:9:VAL:C	1:A:10:GLY:N	19	160.1
(1,137)	1:A:82:PHE:N	1:A:82:PHE:CA	1:A:82:PHE:C	1:A:83:ALA:N	14	160.1
(1,185)	1:A:107:ASP:N	1:A:107:ASP:CA	1:A:107:ASP:C	1:A:108:ASP:N	4	160.0
(1,16)	1:A:9:VAL:N	1:A:9:VAL:CA	1:A:9:VAL:C	1:A:10:GLY:N	3	159.9
(1,105)	1:A:65:SER:N	1:A:65:SER:CA	1:A:65:SER:C	1:A:66:ALA:N	11	159.6
(1,81)	1:A:51:CYS:N	1:A:51:CYS:CA	1:A:51:CYS:C	1:A:52:LEU:N	18	159.5
(1,18)	1:A:10:GLY:N	1:A:10:GLY:CA	1:A:10:GLY:C	1:A:11:ALA:N	16	159.5
(1,52)	1:A:32:TYR:N	1:A:32:TYR:CA	1:A:32:TYR:C	1:A:33:ASP:N	9	159.4
(1,57)	1:A:36:ILE:N	1:A:36:ILE:CA	1:A:36:ILE:C	1:A:37:GLU:N	15	159.1
(1,127)	1:A:77:GLY:N	1:A:77:GLY:CA	1:A:77:GLY:C	1:A:78:PHE:N	10	159.1
(1,93)	1:A:57:ASP:N	1:A:57:ASP:CA	1:A:57:ASP:C	1:A:58:THR:N	16	159.0
(1,192)	1:A:111:MET:N	1:A:111:MET:CA	1:A:111:MET:C	1:A:112:VAL:N	5	159.0
(1,16)	1:A:9:VAL:N	1:A:9:VAL:CA	1:A:9:VAL:C	1:A:10:GLY:N	7	158.9
(1,55)	1:A:34:PRO:N	1:A:34:PRO:CA	1:A:34:PRO:C	1:A:35:SER:N	1	158.8
(1,137)	1:A:82:PHE:N	1:A:82:PHE:CA	1:A:82:PHE:C	1:A:83:ALA:N	8	158.8
(1,127)	1:A:77:GLY:N	1:A:77:GLY:CA	1:A:77:GLY:C	1:A:78:PHE:N	7	158.8
(1,69)	1:A:44:VAL:N	1:A:44:VAL:CA	1:A:44:VAL:C	1:A:45:VAL:N	11	158.7
(1,59)	1:A:39:SER:N	1:A:39:SER:CA	1:A:39:SER:C	1:A:40:TYR:N	18	158.7
(1,250)	1:A:144:THR:C	1:A:145:SER:N	1:A:145:SER:CA	1:A:145:SER:C	1	158.7
(1,189)	1:A:109:VAL:N	1:A:109:VAL:CA	1:A:109:VAL:C	1:A:110:PRO:N	20	158.7
(1,69)	1:A:44:VAL:N	1:A:44:VAL:CA	1:A:44:VAL:C	1:A:45:VAL:N	6	158.6
(1,16)	1:A:9:VAL:N	1:A:9:VAL:CA	1:A:9:VAL:C	1:A:10:GLY:N	9	158.5
(1,16)	1:A:9:VAL:N	1:A:9:VAL:CA	1:A:9:VAL:C	1:A:10:GLY:N	4	158.4
(1,61)	1:A:40:TYR:N	1:A:40:TYR:CA	1:A:40:TYR:C	1:A:41:ARG:N	2	158.3
(1,59)	1:A:39:SER:N	1:A:39:SER:CA	1:A:39:SER:C	1:A:40:TYR:N	17	158.3
(1,249)	1:A:144:THR:N	1:A:144:THR:CA	1:A:144:THR:C	1:A:145:SER:N	4	158.3
(1,61)	1:A:40:TYR:N	1:A:40:TYR:CA	1:A:40:TYR:C	1:A:41:ARG:N	14	158.2
(1,127)	1:A:77:GLY:N	1:A:77:GLY:CA	1:A:77:GLY:C	1:A:78:PHE:N	16	158.2

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Atom-3	Atom-4	Model ID	Violation (°)
(1,127)	1:A:77:GLY:N	1:A:77:GLY:CA	1:A:77:GLY:C	1:A:78:PHE:N	19	158.2
(1,52)	1:A:32:TYR:N	1:A:32:TYR:CA	1:A:32:TYR:C	1:A:33:ASP:N	11	158.1
(1,210)	1:A:123:ARG:N	1:A:123:ARG:CA	1:A:123:ARG:C	1:A:124:THR:N	2	158.1
(1,137)	1:A:82:PHE:N	1:A:82:PHE:CA	1:A:82:PHE:C	1:A:83:ALA:N	13	158.1
(1,104)	1:A:64:TYR:C	1:A:65:SER:N	1:A:65:SER:CA	1:A:65:SER:C	15	158.1
(1,17)	1:A:9:VAL:C	1:A:10:GLY:N	1:A:10:GLY:CA	1:A:10:GLY:C	1	158.0
(1,55)	1:A:34:PRO:N	1:A:34:PRO:CA	1:A:34:PRO:C	1:A:35:SER:N	20	157.9
(1,183)	1:A:106:SER:N	1:A:106:SER:CA	1:A:106:SER:C	1:A:107:ASP:N	13	157.9
(1,59)	1:A:39:SER:N	1:A:39:SER:CA	1:A:39:SER:C	1:A:40:TYR:N	10	157.8
(1,189)	1:A:109:VAL:N	1:A:109:VAL:CA	1:A:109:VAL:C	1:A:110:PRO:N	9	157.8
(1,126)	1:A:76:GLU:C	1:A:77:GLY:N	1:A:77:GLY:CA	1:A:77:GLY:C	19	157.7
(1,59)	1:A:39:SER:N	1:A:39:SER:CA	1:A:39:SER:C	1:A:40:TYR:N	7	157.6
(1,185)	1:A:107:ASP:N	1:A:107:ASP:CA	1:A:107:ASP:C	1:A:108:ASP:N	5	157.6
(1,95)	1:A:58:THR:N	1:A:58:THR:CA	1:A:58:THR:C	1:A:59:ALA:N	11	157.5
(1,22)	1:A:12:GLY:N	1:A:12:GLY:CA	1:A:12:GLY:C	1:A:13:GLY:N	7	157.5
(1,16)	1:A:9:VAL:N	1:A:9:VAL:CA	1:A:9:VAL:C	1:A:10:GLY:N	5	157.4
(1,189)	1:A:109:VAL:N	1:A:109:VAL:CA	1:A:109:VAL:C	1:A:110:PRO:N	6	157.1
(1,126)	1:A:76:GLU:C	1:A:77:GLY:N	1:A:77:GLY:CA	1:A:77:GLY:C	14	157.1
(1,50)	1:A:29:VAL:N	1:A:29:VAL:CA	1:A:29:VAL:C	1:A:30:ASP:N	8	157.0
(1,45)	1:A:26:ASN:C	1:A:27:HIS:N	1:A:27:HIS:CA	1:A:27:HIS:C	5	157.0
(1,214)	1:A:125:VAL:N	1:A:125:VAL:CA	1:A:125:VAL:C	1:A:126:GLU:N	15	157.0
(1,192)	1:A:111:MET:N	1:A:111:MET:CA	1:A:111:MET:C	1:A:112:VAL:N	8	157.0
(1,185)	1:A:107:ASP:N	1:A:107:ASP:CA	1:A:107:ASP:C	1:A:108:ASP:N	3	157.0
(1,69)	1:A:44:VAL:N	1:A:44:VAL:CA	1:A:44:VAL:C	1:A:45:VAL:N	1	156.9
(1,69)	1:A:44:VAL:N	1:A:44:VAL:CA	1:A:44:VAL:C	1:A:45:VAL:N	3	156.9
(1,69)	1:A:44:VAL:N	1:A:44:VAL:CA	1:A:44:VAL:C	1:A:45:VAL:N	7	156.9
(1,69)	1:A:44:VAL:N	1:A:44:VAL:CA	1:A:44:VAL:C	1:A:45:VAL:N	20	156.9
(1,59)	1:A:39:SER:N	1:A:39:SER:CA	1:A:39:SER:C	1:A:40:TYR:N	19	156.9
(1,45)	1:A:26:ASN:C	1:A:27:HIS:N	1:A:27:HIS:CA	1:A:27:HIS:C	12	156.9
(1,189)	1:A:109:VAL:N	1:A:109:VAL:CA	1:A:109:VAL:C	1:A:110:PRO:N	5	156.9
(1,126)	1:A:76:GLU:C	1:A:77:GLY:N	1:A:77:GLY:CA	1:A:77:GLY:C	2	156.9
(1,104)	1:A:64:TYR:C	1:A:65:SER:N	1:A:65:SER:CA	1:A:65:SER:C	19	156.9
(1,81)	1:A:51:CYS:N	1:A:51:CYS:CA	1:A:51:CYS:C	1:A:52:LEU:N	9	156.8
(1,69)	1:A:44:VAL:N	1:A:44:VAL:CA	1:A:44:VAL:C	1:A:45:VAL:N	4	156.8
(1,69)	1:A:44:VAL:N	1:A:44:VAL:CA	1:A:44:VAL:C	1:A:45:VAL:N	5	156.8
(1,69)	1:A:44:VAL:N	1:A:44:VAL:CA	1:A:44:VAL:C	1:A:45:VAL:N	9	156.8
(1,61)	1:A:40:TYR:N	1:A:40:TYR:CA	1:A:40:TYR:C	1:A:41:ARG:N	13	156.8
(1,50)	1:A:29:VAL:N	1:A:29:VAL:CA	1:A:29:VAL:C	1:A:30:ASP:N	13	156.8
(1,45)	1:A:26:ASN:C	1:A:27:HIS:N	1:A:27:HIS:CA	1:A:27:HIS:C	10	156.8
(1,209)	1:A:122:ALA:C	1:A:123:ARG:N	1:A:123:ARG:CA	1:A:123:ARG:C	12	156.8
(1,20)	1:A:11:ALA:N	1:A:11:ALA:CA	1:A:11:ALA:C	1:A:12:GLY:N	17	156.8
(1,16)	1:A:9:VAL:N	1:A:9:VAL:CA	1:A:9:VAL:C	1:A:10:GLY:N	2	156.8
(1,189)	1:A:109:VAL:N	1:A:109:VAL:CA	1:A:109:VAL:C	1:A:110:PRO:N	17	156.7
(1,55)	1:A:34:PRO:N	1:A:34:PRO:CA	1:A:34:PRO:C	1:A:35:SER:N	14	156.6
(1,137)	1:A:82:PHE:N	1:A:82:PHE:CA	1:A:82:PHE:C	1:A:83:ALA:N	2	156.6
(1,69)	1:A:44:VAL:N	1:A:44:VAL:CA	1:A:44:VAL:C	1:A:45:VAL:N	2	156.5
(1,57)	1:A:36:ILE:N	1:A:36:ILE:CA	1:A:36:ILE:C	1:A:37:GLU:N	16	156.5
(1,52)	1:A:32:TYR:N	1:A:32:TYR:CA	1:A:32:TYR:C	1:A:33:ASP:N	14	156.5
(1,240)	1:A:139:ILE:N	1:A:139:ILE:CA	1:A:139:ILE:C	1:A:140:PRO:N	13	156.5
(1,127)	1:A:77:GLY:N	1:A:77:GLY:CA	1:A:77:GLY:C	1:A:78:PHE:N	6	156.5
(1,240)	1:A:139:ILE:N	1:A:139:ILE:CA	1:A:139:ILE:C	1:A:140:PRO:N	5	156.4

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Atom-3	Atom-4	Model ID	Violation (°)
(1,69)	1:A:44:VAL:N	1:A:44:VAL:CA	1:A:44:VAL:C	1:A:45:VAL:N	13	156.2
(1,50)	1:A:29:VAL:N	1:A:29:VAL:CA	1:A:29:VAL:C	1:A:30:ASP:N	11	156.2
(1,210)	1:A:123:ARG:N	1:A:123:ARG:CA	1:A:123:ARG:C	1:A:124:THR:N	7	156.2
(1,192)	1:A:111:MET:N	1:A:111:MET:CA	1:A:111:MET:C	1:A:112:VAL:N	9	156.2
(1,210)	1:A:123:ARG:N	1:A:123:ARG:CA	1:A:123:ARG:C	1:A:124:THR:N	20	156.1
(1,192)	1:A:111:MET:N	1:A:111:MET:CA	1:A:111:MET:C	1:A:112:VAL:N	18	156.1
(1,50)	1:A:29:VAL:N	1:A:29:VAL:CA	1:A:29:VAL:C	1:A:30:ASP:N	5	156.0
(1,210)	1:A:123:ARG:N	1:A:123:ARG:CA	1:A:123:ARG:C	1:A:124:THR:N	16	156.0
(1,59)	1:A:39:SER:N	1:A:39:SER:CA	1:A:39:SER:C	1:A:40:TYR:N	13	155.8
(1,45)	1:A:26:ASN:C	1:A:27:HIS:N	1:A:27:HIS:CA	1:A:27:HIS:C	7	155.8
(1,22)	1:A:12:GLY:N	1:A:12:GLY:CA	1:A:12:GLY:C	1:A:13:GLY:N	3	155.8
(1,189)	1:A:109:VAL:N	1:A:109:VAL:CA	1:A:109:VAL:C	1:A:110:PRO:N	13	155.8
(1,55)	1:A:34:PRO:N	1:A:34:PRO:CA	1:A:34:PRO:C	1:A:35:SER:N	10	155.6
(1,54)	1:A:33:ASP:N	1:A:33:ASP:CA	1:A:33:ASP:C	1:A:34:PRO:N	17	155.6
(1,137)	1:A:82:PHE:N	1:A:82:PHE:CA	1:A:82:PHE:C	1:A:83:ALA:N	4	155.6
(1,81)	1:A:51:CYS:N	1:A:51:CYS:CA	1:A:51:CYS:C	1:A:52:LEU:N	6	155.4
(1,95)	1:A:58:THR:N	1:A:58:THR:CA	1:A:58:THR:C	1:A:59:ALA:N	8	155.3
(1,52)	1:A:32:TYR:N	1:A:32:TYR:CA	1:A:32:TYR:C	1:A:33:ASP:N	20	155.3
(1,61)	1:A:40:TYR:N	1:A:40:TYR:CA	1:A:40:TYR:C	1:A:41:ARG:N	18	155.2
(1,240)	1:A:139:ILE:N	1:A:139:ILE:CA	1:A:139:ILE:C	1:A:140:PRO:N	20	155.2
(1,137)	1:A:82:PHE:N	1:A:82:PHE:CA	1:A:82:PHE:C	1:A:83:ALA:N	5	155.2
(1,59)	1:A:39:SER:N	1:A:39:SER:CA	1:A:39:SER:C	1:A:40:TYR:N	9	155.1
(1,45)	1:A:26:ASN:C	1:A:27:HIS:N	1:A:27:HIS:CA	1:A:27:HIS:C	11	155.1
(1,127)	1:A:77:GLY:N	1:A:77:GLY:CA	1:A:77:GLY:C	1:A:78:PHE:N	5	155.1
(1,95)	1:A:58:THR:N	1:A:58:THR:CA	1:A:58:THR:C	1:A:59:ALA:N	12	154.8
(1,55)	1:A:34:PRO:N	1:A:34:PRO:CA	1:A:34:PRO:C	1:A:35:SER:N	19	154.8
(1,127)	1:A:77:GLY:N	1:A:77:GLY:CA	1:A:77:GLY:C	1:A:78:PHE:N	11	154.8
(1,127)	1:A:77:GLY:N	1:A:77:GLY:CA	1:A:77:GLY:C	1:A:78:PHE:N	18	154.7
(1,185)	1:A:107:ASP:N	1:A:107:ASP:CA	1:A:107:ASP:C	1:A:108:ASP:N	2	154.6
(1,17)	1:A:9:VAL:C	1:A:10:GLY:N	1:A:10:GLY:CA	1:A:10:GLY:C	19	154.6
(1,64)	1:A:41:ARG:C	1:A:42:LYS:N	1:A:42:LYS:CA	1:A:42:LYS:C	8	154.5
(1,95)	1:A:58:THR:N	1:A:58:THR:CA	1:A:58:THR:C	1:A:59:ALA:N	14	154.4
(1,202)	1:A:116:ASN:N	1:A:116:ASN:CA	1:A:116:ASN:C	1:A:117:LYS:N	16	154.3
(1,55)	1:A:34:PRO:N	1:A:34:PRO:CA	1:A:34:PRO:C	1:A:35:SER:N	16	154.2
(1,185)	1:A:107:ASP:N	1:A:107:ASP:CA	1:A:107:ASP:C	1:A:108:ASP:N	19	154.2
(1,104)	1:A:64:TYR:C	1:A:65:SER:N	1:A:65:SER:CA	1:A:65:SER:C	7	154.2
(1,139)	1:A:83:ALA:N	1:A:83:ALA:CA	1:A:83:ALA:C	1:A:84:ILE:N	7	154.1
(1,46)	1:A:27:HIS:N	1:A:27:HIS:CA	1:A:27:HIS:C	1:A:28:PHE:N	14	153.9
(1,45)	1:A:26:ASN:C	1:A:27:HIS:N	1:A:27:HIS:CA	1:A:27:HIS:C	1	153.9
(1,69)	1:A:44:VAL:N	1:A:44:VAL:CA	1:A:44:VAL:C	1:A:45:VAL:N	17	153.8
(1,182)	1:A:105:ASP:C	1:A:106:SER:N	1:A:106:SER:CA	1:A:106:SER:C	15	153.8
(1,240)	1:A:139:ILE:N	1:A:139:ILE:CA	1:A:139:ILE:C	1:A:140:PRO:N	7	153.7
(1,104)	1:A:64:TYR:C	1:A:65:SER:N	1:A:65:SER:CA	1:A:65:SER:C	16	153.7
(1,59)	1:A:39:SER:N	1:A:39:SER:CA	1:A:39:SER:C	1:A:40:TYR:N	8	153.6
(1,55)	1:A:34:PRO:N	1:A:34:PRO:CA	1:A:34:PRO:C	1:A:35:SER:N	12	153.6
(1,55)	1:A:34:PRO:N	1:A:34:PRO:CA	1:A:34:PRO:C	1:A:35:SER:N	15	153.6
(1,127)	1:A:77:GLY:N	1:A:77:GLY:CA	1:A:77:GLY:C	1:A:78:PHE:N	14	153.6
(1,59)	1:A:39:SER:N	1:A:39:SER:CA	1:A:39:SER:C	1:A:40:TYR:N	6	153.5
(1,183)	1:A:106:SER:N	1:A:106:SER:CA	1:A:106:SER:C	1:A:107:ASP:N	6	153.5
(1,200)	1:A:115:GLY:N	1:A:115:GLY:CA	1:A:115:GLY:C	1:A:116:ASN:N	16	153.4
(1,189)	1:A:109:VAL:N	1:A:109:VAL:CA	1:A:109:VAL:C	1:A:110:PRO:N	14	153.4

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Atom-3	Atom-4	Model ID	Violation (°)
(1,189)	1:A:109:VAL:N	1:A:109:VAL:CA	1:A:109:VAL:C	1:A:110:PRO:N	16	153.4
(1,55)	1:A:34:PRO:N	1:A:34:PRO:CA	1:A:34:PRO:C	1:A:35:SER:N	3	153.3
(1,202)	1:A:116:ASN:N	1:A:116:ASN:CA	1:A:116:ASN:C	1:A:117:LYS:N	12	153.3
(1,202)	1:A:116:ASN:N	1:A:116:ASN:CA	1:A:116:ASN:C	1:A:117:LYS:N	15	153.3
(1,96)	1:A:58:THR:C	1:A:59:ALA:N	1:A:59:ALA:CA	1:A:59:ALA:C	9	153.2
(1,104)	1:A:64:TYR:C	1:A:65:SER:N	1:A:65:SER:CA	1:A:65:SER:C	17	153.2
(1,240)	1:A:139:ILE:N	1:A:139:ILE:CA	1:A:139:ILE:C	1:A:140:PRO:N	6	153.1
(1,240)	1:A:139:ILE:N	1:A:139:ILE:CA	1:A:139:ILE:C	1:A:140:PRO:N	19	153.1
(1,16)	1:A:9:VAL:N	1:A:9:VAL:CA	1:A:9:VAL:C	1:A:10:GLY:N	12	153.1
(1,240)	1:A:139:ILE:N	1:A:139:ILE:CA	1:A:139:ILE:C	1:A:140:PRO:N	3	153.0
(1,45)	1:A:26:ASN:C	1:A:27:HIS:N	1:A:27:HIS:CA	1:A:27:HIS:C	3	152.9
(1,239)	1:A:138:GLY:C	1:A:139:ILE:N	1:A:139:ILE:CA	1:A:139:ILE:C	10	152.9
(1,185)	1:A:107:ASP:N	1:A:107:ASP:CA	1:A:107:ASP:C	1:A:108:ASP:N	1	152.9
(1,55)	1:A:34:PRO:N	1:A:34:PRO:CA	1:A:34:PRO:C	1:A:35:SER:N	18	152.7
(1,182)	1:A:105:ASP:C	1:A:106:SER:N	1:A:106:SER:CA	1:A:106:SER:C	17	152.7
(1,128)	1:A:77:GLY:C	1:A:78:PHE:N	1:A:78:PHE:CA	1:A:78:PHE:C	13	152.7
(1,127)	1:A:77:GLY:N	1:A:77:GLY:CA	1:A:77:GLY:C	1:A:78:PHE:N	1	152.7
(1,189)	1:A:109:VAL:N	1:A:109:VAL:CA	1:A:109:VAL:C	1:A:110:PRO:N	8	152.6
(1,128)	1:A:77:GLY:C	1:A:78:PHE:N	1:A:78:PHE:CA	1:A:78:PHE:C	1	152.6
(1,104)	1:A:64:TYR:C	1:A:65:SER:N	1:A:65:SER:CA	1:A:65:SER:C	6	152.4
(1,97)	1:A:59:ALA:N	1:A:59:ALA:CA	1:A:59:ALA:C	1:A:60:GLY:N	5	152.1
(1,61)	1:A:40:TYR:N	1:A:40:TYR:CA	1:A:40:TYR:C	1:A:41:ARG:N	1	152.0
(1,192)	1:A:111:MET:N	1:A:111:MET:CA	1:A:111:MET:C	1:A:112:VAL:N	10	152.0
(1,182)	1:A:105:ASP:C	1:A:106:SER:N	1:A:106:SER:CA	1:A:106:SER:C	16	152.0
(1,128)	1:A:77:GLY:C	1:A:78:PHE:N	1:A:78:PHE:CA	1:A:78:PHE:C	19	152.0
(1,128)	1:A:77:GLY:C	1:A:78:PHE:N	1:A:78:PHE:CA	1:A:78:PHE:C	20	152.0
(1,59)	1:A:39:SER:N	1:A:39:SER:CA	1:A:39:SER:C	1:A:40:TYR:N	5	151.9
(1,59)	1:A:39:SER:N	1:A:39:SER:CA	1:A:39:SER:C	1:A:40:TYR:N	14	151.9
(1,45)	1:A:26:ASN:C	1:A:27:HIS:N	1:A:27:HIS:CA	1:A:27:HIS:C	2	151.9
(1,241)	1:A:140:PRO:N	1:A:140:PRO:CA	1:A:140:PRO:C	1:A:141:TYR:N	1	151.9
(1,241)	1:A:140:PRO:N	1:A:140:PRO:CA	1:A:140:PRO:C	1:A:141:TYR:N	20	151.9
(1,93)	1:A:57:ASP:N	1:A:57:ASP:CA	1:A:57:ASP:C	1:A:58:THR:N	15	151.7
(1,81)	1:A:51:CYS:N	1:A:51:CYS:CA	1:A:51:CYS:C	1:A:52:LEU:N	7	151.6
(1,96)	1:A:58:THR:C	1:A:59:ALA:N	1:A:59:ALA:CA	1:A:59:ALA:C	19	151.5
(1,93)	1:A:57:ASP:N	1:A:57:ASP:CA	1:A:57:ASP:C	1:A:58:THR:N	18	151.5
(1,250)	1:A:144:THR:C	1:A:145:SER:N	1:A:145:SER:CA	1:A:145:SER:C	12	151.5
(1,241)	1:A:140:PRO:N	1:A:140:PRO:CA	1:A:140:PRO:C	1:A:141:TYR:N	5	151.5
(1,214)	1:A:125:VAL:N	1:A:125:VAL:CA	1:A:125:VAL:C	1:A:126:GLU:N	6	151.5
(1,210)	1:A:123:ARG:N	1:A:123:ARG:CA	1:A:123:ARG:C	1:A:124:THR:N	10	151.5
(1,200)	1:A:115:GLY:N	1:A:115:GLY:CA	1:A:115:GLY:C	1:A:116:ASN:N	20	151.5
(1,192)	1:A:111:MET:N	1:A:111:MET:CA	1:A:111:MET:C	1:A:112:VAL:N	15	151.5
(1,105)	1:A:65:SER:N	1:A:65:SER:CA	1:A:65:SER:C	1:A:66:ALA:N	9	151.4
(1,216)	1:A:126:GLU:N	1:A:126:GLU:CA	1:A:126:GLU:C	1:A:127:SER:N	20	151.3
(1,241)	1:A:140:PRO:N	1:A:140:PRO:CA	1:A:140:PRO:C	1:A:141:TYR:N	7	151.2
(1,210)	1:A:123:ARG:N	1:A:123:ARG:CA	1:A:123:ARG:C	1:A:124:THR:N	6	151.2
(1,55)	1:A:34:PRO:N	1:A:34:PRO:CA	1:A:34:PRO:C	1:A:35:SER:N	11	151.1
(1,54)	1:A:33:ASP:N	1:A:33:ASP:CA	1:A:33:ASP:C	1:A:34:PRO:N	19	151.1
(1,126)	1:A:76:GLU:C	1:A:77:GLY:N	1:A:77:GLY:CA	1:A:77:GLY:C	17	151.1
(1,80)	1:A:50:THR:C	1:A:51:CYS:N	1:A:51:CYS:CA	1:A:51:CYS:C	12	150.9
(1,127)	1:A:77:GLY:N	1:A:77:GLY:CA	1:A:77:GLY:C	1:A:78:PHE:N	12	150.9
(1,214)	1:A:125:VAL:N	1:A:125:VAL:CA	1:A:125:VAL:C	1:A:126:GLU:N	5	150.8

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Atom-3	Atom-4	Model ID	Violation (°)
(1,192)	1:A:111:MET:N	1:A:111:MET:CA	1:A:111:MET:C	1:A:112:VAL:N	12	150.8
(1,104)	1:A:64:TYR:C	1:A:65:SER:N	1:A:65:SER:CA	1:A:65:SER:C	1	150.8
(1,54)	1:A:33:ASP:N	1:A:33:ASP:CA	1:A:33:ASP:C	1:A:34:PRO:N	12	150.6
(1,128)	1:A:77:GLY:C	1:A:78:PHE:N	1:A:78:PHE:CA	1:A:78:PHE:C	14	150.6
(1,105)	1:A:65:SER:N	1:A:65:SER:CA	1:A:65:SER:C	1:A:66:ALA:N	6	150.6
(1,50)	1:A:29:VAL:N	1:A:29:VAL:CA	1:A:29:VAL:C	1:A:30:ASP:N	12	150.5
(1,216)	1:A:126:GLU:N	1:A:126:GLU:CA	1:A:126:GLU:C	1:A:127:SER:N	13	150.5
(1,192)	1:A:111:MET:N	1:A:111:MET:CA	1:A:111:MET:C	1:A:112:VAL:N	11	150.5
(1,59)	1:A:39:SER:N	1:A:39:SER:CA	1:A:39:SER:C	1:A:40:TYR:N	15	150.4
(1,241)	1:A:140:PRO:N	1:A:140:PRO:CA	1:A:140:PRO:C	1:A:141:TYR:N	2	150.4
(1,128)	1:A:77:GLY:C	1:A:78:PHE:N	1:A:78:PHE:CA	1:A:78:PHE:C	10	150.4
(1,127)	1:A:77:GLY:N	1:A:77:GLY:CA	1:A:77:GLY:C	1:A:78:PHE:N	2	150.4
(1,127)	1:A:77:GLY:N	1:A:77:GLY:CA	1:A:77:GLY:C	1:A:78:PHE:N	9	150.4
(1,240)	1:A:139:ILE:N	1:A:139:ILE:CA	1:A:139:ILE:C	1:A:140:PRO:N	1	150.3
(1,216)	1:A:126:GLU:N	1:A:126:GLU:CA	1:A:126:GLU:C	1:A:127:SER:N	19	150.2
(1,80)	1:A:50:THR:C	1:A:51:CYS:N	1:A:51:CYS:CA	1:A:51:CYS:C	10	150.1
(1,241)	1:A:140:PRO:N	1:A:140:PRO:CA	1:A:140:PRO:C	1:A:141:TYR:N	19	150.1
(1,240)	1:A:139:ILE:N	1:A:139:ILE:CA	1:A:139:ILE:C	1:A:140:PRO:N	2	150.1
(1,183)	1:A:106:SER:N	1:A:106:SER:CA	1:A:106:SER:C	1:A:107:ASP:N	5	150.1
(1,80)	1:A:50:THR:C	1:A:51:CYS:N	1:A:51:CYS:CA	1:A:51:CYS:C	11	150.0
(1,241)	1:A:140:PRO:N	1:A:140:PRO:CA	1:A:140:PRO:C	1:A:141:TYR:N	4	150.0
(1,61)	1:A:40:TYR:N	1:A:40:TYR:CA	1:A:40:TYR:C	1:A:41:ARG:N	3	149.9
(1,55)	1:A:34:PRO:N	1:A:34:PRO:CA	1:A:34:PRO:C	1:A:35:SER:N	2	149.9
(1,52)	1:A:32:TYR:N	1:A:32:TYR:CA	1:A:32:TYR:C	1:A:33:ASP:N	7	149.9
(1,183)	1:A:106:SER:N	1:A:106:SER:CA	1:A:106:SER:C	1:A:107:ASP:N	7	149.9
(1,240)	1:A:139:ILE:N	1:A:139:ILE:CA	1:A:139:ILE:C	1:A:140:PRO:N	12	149.8
(1,210)	1:A:123:ARG:N	1:A:123:ARG:CA	1:A:123:ARG:C	1:A:124:THR:N	11	149.8
(1,200)	1:A:115:GLY:N	1:A:115:GLY:CA	1:A:115:GLY:C	1:A:116:ASN:N	4	149.8
(1,61)	1:A:40:TYR:N	1:A:40:TYR:CA	1:A:40:TYR:C	1:A:41:ARG:N	17	149.6
(1,214)	1:A:125:VAL:N	1:A:125:VAL:CA	1:A:125:VAL:C	1:A:126:GLU:N	4	149.6
(1,129)	1:A:78:PHE:N	1:A:78:PHE:CA	1:A:78:PHE:C	1:A:79:LEU:N	13	149.6
(1,61)	1:A:40:TYR:N	1:A:40:TYR:CA	1:A:40:TYR:C	1:A:41:ARG:N	11	149.5
(1,16)	1:A:9:VAL:N	1:A:9:VAL:CA	1:A:9:VAL:C	1:A:10:GLY:N	6	149.5
(1,59)	1:A:39:SER:N	1:A:39:SER:CA	1:A:39:SER:C	1:A:40:TYR:N	16	149.4
(1,209)	1:A:122:ALA:C	1:A:123:ARG:N	1:A:123:ARG:CA	1:A:123:ARG:C	1	149.4
(1,191)	1:A:110:PRO:C	1:A:111:MET:N	1:A:111:MET:CA	1:A:111:MET:C	13	149.4
(1,137)	1:A:82:PHE:N	1:A:82:PHE:CA	1:A:82:PHE:C	1:A:83:ALA:N	11	149.4
(1,50)	1:A:29:VAL:N	1:A:29:VAL:CA	1:A:29:VAL:C	1:A:30:ASP:N	7	149.3
(1,22)	1:A:12:GLY:N	1:A:12:GLY:CA	1:A:12:GLY:C	1:A:13:GLY:N	11	149.3
(1,192)	1:A:111:MET:N	1:A:111:MET:CA	1:A:111:MET:C	1:A:112:VAL:N	13	149.1
(1,80)	1:A:50:THR:C	1:A:51:CYS:N	1:A:51:CYS:CA	1:A:51:CYS:C	1	149.0
(1,61)	1:A:40:TYR:N	1:A:40:TYR:CA	1:A:40:TYR:C	1:A:41:ARG:N	19	149.0
(1,129)	1:A:78:PHE:N	1:A:78:PHE:CA	1:A:78:PHE:C	1:A:79:LEU:N	19	149.0
(1,17)	1:A:9:VAL:C	1:A:10:GLY:N	1:A:10:GLY:CA	1:A:10:GLY:C	3	148.9
(1,50)	1:A:29:VAL:N	1:A:29:VAL:CA	1:A:29:VAL:C	1:A:30:ASP:N	6	148.8
(1,188)	1:A:108:ASP:C	1:A:109:VAL:N	1:A:109:VAL:CA	1:A:109:VAL:C	10	148.8
(1,139)	1:A:83:ALA:N	1:A:83:ALA:CA	1:A:83:ALA:C	1:A:84:ILE:N	6	148.8
(1,104)	1:A:64:TYR:C	1:A:65:SER:N	1:A:65:SER:CA	1:A:65:SER:C	12	148.8
(1,248)	1:A:143:GLU:C	1:A:144:THR:N	1:A:144:THR:CA	1:A:144:THR:C	14	148.7
(1,241)	1:A:140:PRO:N	1:A:140:PRO:CA	1:A:140:PRO:C	1:A:141:TYR:N	12	148.7
(1,55)	1:A:34:PRO:N	1:A:34:PRO:CA	1:A:34:PRO:C	1:A:35:SER:N	5	148.6

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Atom-3	Atom-4	Model ID	Violation (°)
(1,240)	1:A:139:ILE:N	1:A:139:ILE:CA	1:A:139:ILE:C	1:A:140:PRO:N	4	148.6
(1,216)	1:A:126:GLU:N	1:A:126:GLU:CA	1:A:126:GLU:C	1:A:127:SER:N	2	148.6
(1,18)	1:A:10:GLY:N	1:A:10:GLY:CA	1:A:10:GLY:C	1:A:11:ALA:N	9	148.6
(1,129)	1:A:78:PHE:N	1:A:78:PHE:CA	1:A:78:PHE:C	1:A:79:LEU:N	4	148.6
(1,95)	1:A:58:THR:N	1:A:58:THR:CA	1:A:58:THR:C	1:A:59:ALA:N	1	148.5
(1,95)	1:A:58:THR:N	1:A:58:THR:CA	1:A:58:THR:C	1:A:59:ALA:N	15	148.5
(1,95)	1:A:58:THR:N	1:A:58:THR:CA	1:A:58:THR:C	1:A:59:ALA:N	5	148.4
(1,54)	1:A:33:ASP:N	1:A:33:ASP:CA	1:A:33:ASP:C	1:A:34:PRO:N	15	148.4
(1,22)	1:A:12:GLY:N	1:A:12:GLY:CA	1:A:12:GLY:C	1:A:13:GLY:N	17	148.4
(1,16)	1:A:9:VAL:N	1:A:9:VAL:CA	1:A:9:VAL:C	1:A:10:GLY:N	17	148.4
(1,128)	1:A:77:GLY:C	1:A:78:PHE:N	1:A:78:PHE:CA	1:A:78:PHE:C	5	148.4
(1,127)	1:A:77:GLY:N	1:A:77:GLY:CA	1:A:77:GLY:C	1:A:78:PHE:N	8	148.4
(1,127)	1:A:77:GLY:N	1:A:77:GLY:CA	1:A:77:GLY:C	1:A:78:PHE:N	17	148.4
(1,96)	1:A:58:THR:C	1:A:59:ALA:N	1:A:59:ALA:CA	1:A:59:ALA:C	17	148.2
(1,55)	1:A:34:PRO:N	1:A:34:PRO:CA	1:A:34:PRO:C	1:A:35:SER:N	6	148.2
(1,139)	1:A:83:ALA:N	1:A:83:ALA:CA	1:A:83:ALA:C	1:A:84:ILE:N	5	148.2
(1,126)	1:A:76:GLU:C	1:A:77:GLY:N	1:A:77:GLY:CA	1:A:77:GLY:C	12	148.1
(1,64)	1:A:41:ARG:C	1:A:42:LYS:N	1:A:42:LYS:CA	1:A:42:LYS:C	12	148.0
(1,54)	1:A:33:ASP:N	1:A:33:ASP:CA	1:A:33:ASP:C	1:A:34:PRO:N	13	148.0
(1,241)	1:A:140:PRO:N	1:A:140:PRO:CA	1:A:140:PRO:C	1:A:141:TYR:N	17	148.0
(1,200)	1:A:115:GLY:N	1:A:115:GLY:CA	1:A:115:GLY:C	1:A:116:ASN:N	3	148.0
(1,241)	1:A:140:PRO:N	1:A:140:PRO:CA	1:A:140:PRO:C	1:A:141:TYR:N	3	147.8
(1,241)	1:A:140:PRO:N	1:A:140:PRO:CA	1:A:140:PRO:C	1:A:141:TYR:N	13	147.8
(1,139)	1:A:83:ALA:N	1:A:83:ALA:CA	1:A:83:ALA:C	1:A:84:ILE:N	10	147.8
(1,104)	1:A:64:TYR:C	1:A:65:SER:N	1:A:65:SER:CA	1:A:65:SER:C	5	147.8
(1,200)	1:A:115:GLY:N	1:A:115:GLY:CA	1:A:115:GLY:C	1:A:116:ASN:N	11	147.7
(1,192)	1:A:111:MET:N	1:A:111:MET:CA	1:A:111:MET:C	1:A:112:VAL:N	17	147.7
(1,128)	1:A:77:GLY:C	1:A:78:PHE:N	1:A:78:PHE:CA	1:A:78:PHE:C	2	147.7
(1,248)	1:A:143:GLU:C	1:A:144:THR:N	1:A:144:THR:CA	1:A:144:THR:C	8	147.6
(1,191)	1:A:110:PRO:C	1:A:111:MET:N	1:A:111:MET:CA	1:A:111:MET:C	20	147.6
(1,93)	1:A:57:ASP:N	1:A:57:ASP:CA	1:A:57:ASP:C	1:A:58:THR:N	10	147.5
(1,64)	1:A:41:ARG:C	1:A:42:LYS:N	1:A:42:LYS:CA	1:A:42:LYS:C	10	147.5
(1,46)	1:A:27:HIS:N	1:A:27:HIS:CA	1:A:27:HIS:C	1:A:28:PHE:N	17	147.5
(1,241)	1:A:140:PRO:N	1:A:140:PRO:CA	1:A:140:PRO:C	1:A:141:TYR:N	6	147.5
(1,216)	1:A:126:GLU:N	1:A:126:GLU:CA	1:A:126:GLU:C	1:A:127:SER:N	14	147.5
(1,129)	1:A:78:PHE:N	1:A:78:PHE:CA	1:A:78:PHE:C	1:A:79:LEU:N	2	147.5
(1,63)	1:A:41:ARG:N	1:A:41:ARG:CA	1:A:41:ARG:C	1:A:42:LYS:N	11	147.3
(1,17)	1:A:9:VAL:C	1:A:10:GLY:N	1:A:10:GLY:CA	1:A:10:GLY:C	14	147.3
(1,129)	1:A:78:PHE:N	1:A:78:PHE:CA	1:A:78:PHE:C	1:A:79:LEU:N	1	147.3
(1,129)	1:A:78:PHE:N	1:A:78:PHE:CA	1:A:78:PHE:C	1:A:79:LEU:N	3	147.3
(1,129)	1:A:78:PHE:N	1:A:78:PHE:CA	1:A:78:PHE:C	1:A:79:LEU:N	6	147.3
(1,129)	1:A:78:PHE:N	1:A:78:PHE:CA	1:A:78:PHE:C	1:A:79:LEU:N	20	147.3
(1,128)	1:A:77:GLY:C	1:A:78:PHE:N	1:A:78:PHE:CA	1:A:78:PHE:C	4	147.3
(1,80)	1:A:50:THR:C	1:A:51:CYS:N	1:A:51:CYS:CA	1:A:51:CYS:C	2	147.2
(1,80)	1:A:50:THR:C	1:A:51:CYS:N	1:A:51:CYS:CA	1:A:51:CYS:C	17	147.1
(1,61)	1:A:40:TYR:N	1:A:40:TYR:CA	1:A:40:TYR:C	1:A:41:ARG:N	6	147.1
(1,250)	1:A:144:THR:C	1:A:145:SER:N	1:A:145:SER:CA	1:A:145:SER:C	5	147.1
(1,129)	1:A:78:PHE:N	1:A:78:PHE:CA	1:A:78:PHE:C	1:A:79:LEU:N	14	147.1
(1,85)	1:A:53:LEU:N	1:A:53:LEU:CA	1:A:53:LEU:C	1:A:54:ASP:N	13	147.0
(1,61)	1:A:40:TYR:N	1:A:40:TYR:CA	1:A:40:TYR:C	1:A:41:ARG:N	5	147.0
(1,54)	1:A:33:ASP:N	1:A:33:ASP:CA	1:A:33:ASP:C	1:A:34:PRO:N	11	147.0

Continued on next page...



Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Atom-3	Atom-4	Model ID	Violation (°)
(1,52)	1:A:32:TYR:N	1:A:32:TYR:CA	1:A:32:TYR:C	1:A:33:ASP:N	13	147.0
(1,129)	1:A:78:PHE:N	1:A:78:PHE:CA	1:A:78:PHE:C	1:A:79:LEU:N	7	147.0
(1,128)	1:A:77:GLY:C	1:A:78:PHE:N	1:A:78:PHE:CA	1:A:78:PHE:C	7	147.0
(1,128)	1:A:77:GLY:C	1:A:78:PHE:N	1:A:78:PHE:CA	1:A:78:PHE:C	16	147.0
(1,95)	1:A:58:THR:N	1:A:58:THR:CA	1:A:58:THR:C	1:A:59:ALA:N	16	146.9
(1,95)	1:A:58:THR:N	1:A:58:THR:CA	1:A:58:THR:C	1:A:59:ALA:N	20	146.9
(1,59)	1:A:39:SER:N	1:A:39:SER:CA	1:A:39:SER:C	1:A:40:TYR:N	2	146.9
(1,128)	1:A:77:GLY:C	1:A:78:PHE:N	1:A:78:PHE:CA	1:A:78:PHE:C	15	146.9
(1,96)	1:A:58:THR:C	1:A:59:ALA:N	1:A:59:ALA:CA	1:A:59:ALA:C	8	146.8
(1,57)	1:A:36:ILE:N	1:A:36:ILE:CA	1:A:36:ILE:C	1:A:37:GLU:N	7	146.8
(1,46)	1:A:27:HIS:N	1:A:27:HIS:CA	1:A:27:HIS:C	1:A:28:PHE:N	18	146.8
(1,216)	1:A:126:GLU:N	1:A:126:GLU:CA	1:A:126:GLU:C	1:A:127:SER:N	3	146.7
(1,60)	1:A:39:SER:C	1:A:40:TYR:N	1:A:40:TYR:CA	1:A:40:TYR:C	2	146.6
(1,54)	1:A:33:ASP:N	1:A:33:ASP:CA	1:A:33:ASP:C	1:A:34:PRO:N	14	146.6
(1,239)	1:A:138:GLY:C	1:A:139:ILE:N	1:A:139:ILE:CA	1:A:139:ILE:C	11	146.6
(1,54)	1:A:33:ASP:N	1:A:33:ASP:CA	1:A:33:ASP:C	1:A:34:PRO:N	20	146.4
(1,250)	1:A:144:THR:C	1:A:145:SER:N	1:A:145:SER:CA	1:A:145:SER:C	7	146.4
(1,127)	1:A:77:GLY:N	1:A:77:GLY:CA	1:A:77:GLY:C	1:A:78:PHE:N	4	146.4
(1,80)	1:A:50:THR:C	1:A:51:CYS:N	1:A:51:CYS:CA	1:A:51:CYS:C	14	146.3
(1,52)	1:A:32:TYR:N	1:A:32:TYR:CA	1:A:32:TYR:C	1:A:33:ASP:N	1	146.3
(1,210)	1:A:123:ARG:N	1:A:123:ARG:CA	1:A:123:ARG:C	1:A:124:THR:N	15	146.2
(1,128)	1:A:77:GLY:C	1:A:78:PHE:N	1:A:78:PHE:CA	1:A:78:PHE:C	3	146.2
(1,80)	1:A:50:THR:C	1:A:51:CYS:N	1:A:51:CYS:CA	1:A:51:CYS:C	3	146.1
(1,59)	1:A:39:SER:N	1:A:39:SER:CA	1:A:39:SER:C	1:A:40:TYR:N	3	146.1
(1,46)	1:A:27:HIS:N	1:A:27:HIS:CA	1:A:27:HIS:C	1:A:28:PHE:N	13	146.1
(1,216)	1:A:126:GLU:N	1:A:126:GLU:CA	1:A:126:GLU:C	1:A:127:SER:N	1	146.1
(1,103)	1:A:64:TYR:N	1:A:64:TYR:CA	1:A:64:TYR:C	1:A:65:SER:N	14	146.1
(1,139)	1:A:83:ALA:N	1:A:83:ALA:CA	1:A:83:ALA:C	1:A:84:ILE:N	16	146.0
(1,129)	1:A:78:PHE:N	1:A:78:PHE:CA	1:A:78:PHE:C	1:A:79:LEU:N	5	145.9
(1,80)	1:A:50:THR:C	1:A:51:CYS:N	1:A:51:CYS:CA	1:A:51:CYS:C	9	145.8
(1,245)	1:A:142:ILE:N	1:A:142:ILE:CA	1:A:142:ILE:C	1:A:143:GLU:N	11	145.8
(1,20)	1:A:11:ALA:N	1:A:11:ALA:CA	1:A:11:ALA:C	1:A:12:GLY:N	18	145.8
(1,17)	1:A:9:VAL:C	1:A:10:GLY:N	1:A:10:GLY:CA	1:A:10:GLY:C	9	145.7
(1,49)	1:A:28:PHE:C	1:A:29:VAL:N	1:A:29:VAL:CA	1:A:29:VAL:C	19	145.6
(1,105)	1:A:65:SER:N	1:A:65:SER:CA	1:A:65:SER:C	1:A:66:ALA:N	8	145.5
(1,80)	1:A:50:THR:C	1:A:51:CYS:N	1:A:51:CYS:CA	1:A:51:CYS:C	20	145.4
(1,64)	1:A:41:ARG:C	1:A:42:LYS:N	1:A:42:LYS:CA	1:A:42:LYS:C	17	145.4
(1,129)	1:A:78:PHE:N	1:A:78:PHE:CA	1:A:78:PHE:C	1:A:79:LEU:N	15	145.4
(1,80)	1:A:50:THR:C	1:A:51:CYS:N	1:A:51:CYS:CA	1:A:51:CYS:C	4	145.3
(1,241)	1:A:140:PRO:N	1:A:140:PRO:CA	1:A:140:PRO:C	1:A:141:TYR:N	15	145.3
(1,240)	1:A:139:ILE:N	1:A:139:ILE:CA	1:A:139:ILE:C	1:A:140:PRO:N	14	145.3
(1,64)	1:A:41:ARG:C	1:A:42:LYS:N	1:A:42:LYS:CA	1:A:42:LYS:C	3	145.1
(1,60)	1:A:39:SER:C	1:A:40:TYR:N	1:A:40:TYR:CA	1:A:40:TYR:C	4	145.1
(1,216)	1:A:126:GLU:N	1:A:126:GLU:CA	1:A:126:GLU:C	1:A:127:SER:N	16	144.9
(1,64)	1:A:41:ARG:C	1:A:42:LYS:N	1:A:42:LYS:CA	1:A:42:LYS:C	14	144.8
(1,241)	1:A:140:PRO:N	1:A:140:PRO:CA	1:A:140:PRO:C	1:A:141:TYR:N	10	144.6
(1,216)	1:A:126:GLU:N	1:A:126:GLU:CA	1:A:126:GLU:C	1:A:127:SER:N	15	144.6
(1,136)	1:A:81:VAL:C	1:A:82:PHE:N	1:A:82:PHE:CA	1:A:82:PHE:C	9	144.6
(1,126)	1:A:76:GLU:C	1:A:77:GLY:N	1:A:77:GLY:CA	1:A:77:GLY:C	11	144.6
(1,63)	1:A:41:ARG:N	1:A:41:ARG:CA	1:A:41:ARG:C	1:A:42:LYS:N	18	144.5
(1,63)	1:A:41:ARG:N	1:A:41:ARG:CA	1:A:41:ARG:C	1:A:42:LYS:N	12	144.4

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Atom-3	Atom-4	Model ID	Violation (°)
(1,241)	1:A:140:PRO:N	1:A:140:PRO:CA	1:A:140:PRO:C	1:A:141:TYR:N	8	144.4
(1,214)	1:A:125:VAL:N	1:A:125:VAL:CA	1:A:125:VAL:C	1:A:126:GLU:N	3	144.4
(1,191)	1:A:110:PRO:C	1:A:111:MET:N	1:A:111:MET:CA	1:A:111:MET:C	8	144.4
(1,95)	1:A:58:THR:N	1:A:58:THR:CA	1:A:58:THR:C	1:A:59:ALA:N	6	144.3
(1,63)	1:A:41:ARG:N	1:A:41:ARG:CA	1:A:41:ARG:C	1:A:42:LYS:N	3	144.3
(1,59)	1:A:39:SER:N	1:A:39:SER:CA	1:A:39:SER:C	1:A:40:TYR:N	1	144.3
(1,97)	1:A:59:ALA:N	1:A:59:ALA:CA	1:A:59:ALA:C	1:A:60:GLY:N	20	144.2
(1,95)	1:A:58:THR:N	1:A:58:THR:CA	1:A:58:THR:C	1:A:59:ALA:N	9	144.2
(1,93)	1:A:57:ASP:N	1:A:57:ASP:CA	1:A:57:ASP:C	1:A:58:THR:N	4	144.2
(1,80)	1:A:50:THR:C	1:A:51:CYS:N	1:A:51:CYS:CA	1:A:51:CYS:C	16	144.2
(1,46)	1:A:27:HIS:N	1:A:27:HIS:CA	1:A:27:HIS:C	1:A:28:PHE:N	12	144.2
(1,200)	1:A:115:GLY:N	1:A:115:GLY:CA	1:A:115:GLY:C	1:A:116:ASN:N	6	144.2
(1,17)	1:A:9:VAL:C	1:A:10:GLY:N	1:A:10:GLY:CA	1:A:10:GLY:C	20	144.2
(1,136)	1:A:81:VAL:C	1:A:82:PHE:N	1:A:82:PHE:CA	1:A:82:PHE:C	8	144.2
(1,129)	1:A:78:PHE:N	1:A:78:PHE:CA	1:A:78:PHE:C	1:A:79:LEU:N	16	144.1
(1,126)	1:A:76:GLU:C	1:A:77:GLY:N	1:A:77:GLY:CA	1:A:77:GLY:C	10	144.1
(1,96)	1:A:58:THR:C	1:A:59:ALA:N	1:A:59:ALA:CA	1:A:59:ALA:C	15	143.9
(1,191)	1:A:110:PRO:C	1:A:111:MET:N	1:A:111:MET:CA	1:A:111:MET:C	7	143.9
(1,69)	1:A:44:VAL:N	1:A:44:VAL:CA	1:A:44:VAL:C	1:A:45:VAL:N	15	143.8
(1,64)	1:A:41:ARG:C	1:A:42:LYS:N	1:A:42:LYS:CA	1:A:42:LYS:C	11	143.8
(1,248)	1:A:143:GLU:C	1:A:144:THR:N	1:A:144:THR:CA	1:A:144:THR:C	20	143.8
(1,64)	1:A:41:ARG:C	1:A:42:LYS:N	1:A:42:LYS:CA	1:A:42:LYS:C	16	143.7
(1,59)	1:A:39:SER:N	1:A:39:SER:CA	1:A:39:SER:C	1:A:40:TYR:N	4	143.7
(1,183)	1:A:106:SER:N	1:A:106:SER:CA	1:A:106:SER:C	1:A:107:ASP:N	11	143.7
(1,209)	1:A:122:ALA:C	1:A:123:ARG:N	1:A:123:ARG:CA	1:A:123:ARG:C	19	143.5
(1,80)	1:A:50:THR:C	1:A:51:CYS:N	1:A:51:CYS:CA	1:A:51:CYS:C	8	143.4
(1,54)	1:A:33:ASP:N	1:A:33:ASP:CA	1:A:33:ASP:C	1:A:34:PRO:N	16	143.4
(1,46)	1:A:27:HIS:N	1:A:27:HIS:CA	1:A:27:HIS:C	1:A:28:PHE:N	8	143.4
(1,97)	1:A:59:ALA:N	1:A:59:ALA:CA	1:A:59:ALA:C	1:A:60:GLY:N	4	143.2
(1,52)	1:A:32:TYR:N	1:A:32:TYR:CA	1:A:32:TYR:C	1:A:33:ASP:N	18	143.2
(1,22)	1:A:12:GLY:N	1:A:12:GLY:CA	1:A:12:GLY:C	1:A:13:GLY:N	6	143.2
(1,216)	1:A:126:GLU:N	1:A:126:GLU:CA	1:A:126:GLU:C	1:A:127:SER:N	4	143.2
(1,128)	1:A:77:GLY:C	1:A:78:PHE:N	1:A:78:PHE:CA	1:A:78:PHE:C	17	143.2
(1,137)	1:A:82:PHE:N	1:A:82:PHE:CA	1:A:82:PHE:C	1:A:83:ALA:N	10	143.1
(1,80)	1:A:50:THR:C	1:A:51:CYS:N	1:A:51:CYS:CA	1:A:51:CYS:C	15	143.0
(1,63)	1:A:41:ARG:N	1:A:41:ARG:CA	1:A:41:ARG:C	1:A:42:LYS:N	2	143.0
(1,55)	1:A:34:PRO:N	1:A:34:PRO:CA	1:A:34:PRO:C	1:A:35:SER:N	7	143.0
(1,191)	1:A:110:PRO:C	1:A:111:MET:N	1:A:111:MET:CA	1:A:111:MET:C	14	142.9
(1,214)	1:A:125:VAL:N	1:A:125:VAL:CA	1:A:125:VAL:C	1:A:126:GLU:N	1	142.8
(1,100)	1:A:62:GLU:C	1:A:63:GLU:N	1:A:63:GLU:CA	1:A:63:GLU:C	20	142.8
(1,97)	1:A:59:ALA:N	1:A:59:ALA:CA	1:A:59:ALA:C	1:A:60:GLY:N	6	142.7
(1,241)	1:A:140:PRO:N	1:A:140:PRO:CA	1:A:140:PRO:C	1:A:141:TYR:N	18	142.7
(1,200)	1:A:115:GLY:N	1:A:115:GLY:CA	1:A:115:GLY:C	1:A:116:ASN:N	18	142.7
(1,16)	1:A:9:VAL:N	1:A:9:VAL:CA	1:A:9:VAL:C	1:A:10:GLY:N	16	142.7
(1,127)	1:A:77:GLY:N	1:A:77:GLY:CA	1:A:77:GLY:C	1:A:78:PHE:N	3	142.7
(1,61)	1:A:40:TYR:N	1:A:40:TYR:CA	1:A:40:TYR:C	1:A:41:ARG:N	7	142.6
(1,61)	1:A:40:TYR:N	1:A:40:TYR:CA	1:A:40:TYR:C	1:A:41:ARG:N	12	142.6
(1,250)	1:A:144:THR:C	1:A:145:SER:N	1:A:145:SER:CA	1:A:145:SER:C	17	142.6
(1,200)	1:A:115:GLY:N	1:A:115:GLY:CA	1:A:115:GLY:C	1:A:116:ASN:N	5	142.6
(1,85)	1:A:53:LEU:N	1:A:53:LEU:CA	1:A:53:LEU:C	1:A:54:ASP:N	14	142.5
(1,64)	1:A:41:ARG:C	1:A:42:LYS:N	1:A:42:LYS:CA	1:A:42:LYS:C	7	142.4

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Atom-3	Atom-4	Model ID	Violation (°)
(1,64)	1:A:41:ARG:C	1:A:42:LYS:N	1:A:42:LYS:CA	1:A:42:LYS:C	18	142.4
(1,54)	1:A:33:ASP:N	1:A:33:ASP:CA	1:A:33:ASP:C	1:A:34:PRO:N	10	142.4
(1,256)	1:A:147:LYS:C	1:A:148:THR:N	1:A:148:THR:CA	1:A:148:THR:C	6	142.3
(1,20)	1:A:11:ALA:N	1:A:11:ALA:CA	1:A:11:ALA:C	1:A:12:GLY:N	15	142.3
(1,191)	1:A:110:PRO:C	1:A:111:MET:N	1:A:111:MET:CA	1:A:111:MET:C	6	142.3
(1,96)	1:A:58:THR:C	1:A:59:ALA:N	1:A:59:ALA:CA	1:A:59:ALA:C	12	142.2
(1,4)	1:A:3:GLU:N	1:A:3:GLU:CA	1:A:3:GLU:C	1:A:4:TYR:N	12	142.2
(1,209)	1:A:122:ALA:C	1:A:123:ARG:N	1:A:123:ARG:CA	1:A:123:ARG:C	10	142.2
(1,128)	1:A:77:GLY:C	1:A:78:PHE:N	1:A:78:PHE:CA	1:A:78:PHE:C	6	142.2
(1,191)	1:A:110:PRO:C	1:A:111:MET:N	1:A:111:MET:CA	1:A:111:MET:C	19	142.1
(1,139)	1:A:83:ALA:N	1:A:83:ALA:CA	1:A:83:ALA:C	1:A:84:ILE:N	15	142.1
(1,241)	1:A:140:PRO:N	1:A:140:PRO:CA	1:A:140:PRO:C	1:A:141:TYR:N	11	142.0
(1,128)	1:A:77:GLY:C	1:A:78:PHE:N	1:A:78:PHE:CA	1:A:78:PHE:C	9	142.0
(1,80)	1:A:50:THR:C	1:A:51:CYS:N	1:A:51:CYS:CA	1:A:51:CYS:C	18	141.9
(1,61)	1:A:40:TYR:N	1:A:40:TYR:CA	1:A:40:TYR:C	1:A:41:ARG:N	16	141.9
(1,127)	1:A:77:GLY:N	1:A:77:GLY:CA	1:A:77:GLY:C	1:A:78:PHE:N	20	141.8
(1,46)	1:A:27:HIS:N	1:A:27:HIS:CA	1:A:27:HIS:C	1:A:28:PHE:N	5	141.7
(1,183)	1:A:106:SER:N	1:A:106:SER:CA	1:A:106:SER:C	1:A:107:ASP:N	10	141.7
(1,63)	1:A:41:ARG:N	1:A:41:ARG:CA	1:A:41:ARG:C	1:A:42:LYS:N	10	141.6
(1,61)	1:A:40:TYR:N	1:A:40:TYR:CA	1:A:40:TYR:C	1:A:41:ARG:N	9	141.6
(1,241)	1:A:140:PRO:N	1:A:140:PRO:CA	1:A:140:PRO:C	1:A:141:TYR:N	9	141.6
(1,127)	1:A:77:GLY:N	1:A:77:GLY:CA	1:A:77:GLY:C	1:A:78:PHE:N	13	141.6
(1,6)	1:A:4:TYR:N	1:A:4:TYR:CA	1:A:4:TYR:C	1:A:5:LYS:N	14	141.2
(1,241)	1:A:140:PRO:N	1:A:140:PRO:CA	1:A:140:PRO:C	1:A:141:TYR:N	16	141.2
(1,20)	1:A:11:ALA:N	1:A:11:ALA:CA	1:A:11:ALA:C	1:A:12:GLY:N	13	141.2
(1,199)	1:A:114:VAL:C	1:A:115:GLY:N	1:A:115:GLY:CA	1:A:115:GLY:C	16	141.2
(1,20)	1:A:11:ALA:N	1:A:11:ALA:CA	1:A:11:ALA:C	1:A:12:GLY:N	2	141.1
(1,20)	1:A:11:ALA:N	1:A:11:ALA:CA	1:A:11:ALA:C	1:A:12:GLY:N	4	141.1
(1,20)	1:A:11:ALA:N	1:A:11:ALA:CA	1:A:11:ALA:C	1:A:12:GLY:N	16	141.1
(1,248)	1:A:143:GLU:C	1:A:144:THR:N	1:A:144:THR:CA	1:A:144:THR:C	15	141.0
(1,20)	1:A:11:ALA:N	1:A:11:ALA:CA	1:A:11:ALA:C	1:A:12:GLY:N	20	141.0
(1,136)	1:A:81:VAL:C	1:A:82:PHE:N	1:A:82:PHE:CA	1:A:82:PHE:C	1	141.0
(1,128)	1:A:77:GLY:C	1:A:78:PHE:N	1:A:78:PHE:CA	1:A:78:PHE:C	8	141.0
(1,96)	1:A:58:THR:C	1:A:59:ALA:N	1:A:59:ALA:CA	1:A:59:ALA:C	18	140.9
(1,63)	1:A:41:ARG:N	1:A:41:ARG:CA	1:A:41:ARG:C	1:A:42:LYS:N	1	140.9
(1,61)	1:A:40:TYR:N	1:A:40:TYR:CA	1:A:40:TYR:C	1:A:41:ARG:N	10	140.8
(1,248)	1:A:143:GLU:C	1:A:144:THR:N	1:A:144:THR:CA	1:A:144:THR:C	13	140.8
(1,192)	1:A:111:MET:N	1:A:111:MET:CA	1:A:111:MET:C	1:A:112:VAL:N	4	140.8
(1,135)	1:A:81:VAL:N	1:A:81:VAL:CA	1:A:81:VAL:C	1:A:82:PHE:N	14	140.8
(1,97)	1:A:59:ALA:N	1:A:59:ALA:CA	1:A:59:ALA:C	1:A:60:GLY:N	18	140.7
(1,96)	1:A:58:THR:C	1:A:59:ALA:N	1:A:59:ALA:CA	1:A:59:ALA:C	4	140.7
(1,250)	1:A:144:THR:C	1:A:145:SER:N	1:A:145:SER:CA	1:A:145:SER:C	3	140.7
(1,24)	1:A:15:GLY:N	1:A:15:GLY:CA	1:A:15:GLY:C	1:A:16:LYS:N	18	140.7
(1,137)	1:A:82:PHE:N	1:A:82:PHE:CA	1:A:82:PHE:C	1:A:83:ALA:N	7	140.7
(1,52)	1:A:32:TYR:N	1:A:32:TYR:CA	1:A:32:TYR:C	1:A:33:ASP:N	3	140.6
(1,250)	1:A:144:THR:C	1:A:145:SER:N	1:A:145:SER:CA	1:A:145:SER:C	9	140.6
(1,200)	1:A:115:GLY:N	1:A:115:GLY:CA	1:A:115:GLY:C	1:A:116:ASN:N	10	140.6
(1,128)	1:A:77:GLY:C	1:A:78:PHE:N	1:A:78:PHE:CA	1:A:78:PHE:C	11	140.6
(1,50)	1:A:29:VAL:N	1:A:29:VAL:CA	1:A:29:VAL:C	1:A:30:ASP:N	19	140.5
(1,198)	1:A:114:VAL:N	1:A:114:VAL:CA	1:A:114:VAL:C	1:A:115:GLY:N	3	140.5
(1,63)	1:A:41:ARG:N	1:A:41:ARG:CA	1:A:41:ARG:C	1:A:42:LYS:N	14	140.4

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Atom-3	Atom-4	Model ID	Violation (°)
(1,63)	1:A:41:ARG:N	1:A:41:ARG:CA	1:A:41:ARG:C	1:A:42:LYS:N	17	140.3
(1,61)	1:A:40:TYR:N	1:A:40:TYR:CA	1:A:40:TYR:C	1:A:41:ARG:N	8	140.3
(1,248)	1:A:143:GLU:C	1:A:144:THR:N	1:A:144:THR:CA	1:A:144:THR:C	9	140.3
(1,97)	1:A:59:ALA:N	1:A:59:ALA:CA	1:A:59:ALA:C	1:A:60:GLY:N	1	140.2
(1,64)	1:A:41:ARG:C	1:A:42:LYS:N	1:A:42:LYS:CA	1:A:42:LYS:C	4	140.2
(1,61)	1:A:40:TYR:N	1:A:40:TYR:CA	1:A:40:TYR:C	1:A:41:ARG:N	15	140.2
(1,4)	1:A:3:GLU:N	1:A:3:GLU:CA	1:A:3:GLU:C	1:A:4:TYR:N	10	140.2
(1,93)	1:A:57:ASP:N	1:A:57:ASP:CA	1:A:57:ASP:C	1:A:58:THR:N	1	140.1
(1,63)	1:A:41:ARG:N	1:A:41:ARG:CA	1:A:41:ARG:C	1:A:42:LYS:N	15	140.1
(1,250)	1:A:144:THR:C	1:A:145:SER:N	1:A:145:SER:CA	1:A:145:SER:C	6	140.1
(1,192)	1:A:111:MET:N	1:A:111:MET:CA	1:A:111:MET:C	1:A:112:VAL:N	1	140.1
(1,16)	1:A:9:VAL:N	1:A:9:VAL:CA	1:A:9:VAL:C	1:A:10:GLY:N	8	140.1
(1,3)	1:A:2:THR:C	1:A:3:GLU:N	1:A:3:GLU:CA	1:A:3:GLU:C	13	139.9
(1,200)	1:A:115:GLY:N	1:A:115:GLY:CA	1:A:115:GLY:C	1:A:116:ASN:N	19	139.9
(1,6)	1:A:4:TYR:N	1:A:4:TYR:CA	1:A:4:TYR:C	1:A:5:LYS:N	13	139.8
(1,256)	1:A:147:LYS:C	1:A:148:THR:N	1:A:148:THR:CA	1:A:148:THR:C	5	139.8
(1,239)	1:A:138:GLY:C	1:A:139:ILE:N	1:A:139:ILE:CA	1:A:139:ILE:C	8	139.8
(1,248)	1:A:143:GLU:C	1:A:144:THR:N	1:A:144:THR:CA	1:A:144:THR:C	2	139.7
(1,241)	1:A:140:PRO:N	1:A:140:PRO:CA	1:A:140:PRO:C	1:A:141:TYR:N	14	139.7
(1,183)	1:A:106:SER:N	1:A:106:SER:CA	1:A:106:SER:C	1:A:107:ASP:N	12	139.7
(1,103)	1:A:64:TYR:N	1:A:64:TYR:CA	1:A:64:TYR:C	1:A:65:SER:N	13	139.7
(1,65)	1:A:42:LYS:N	1:A:42:LYS:CA	1:A:42:LYS:C	1:A:43:GLN:N	10	139.6
(1,208)	1:A:122:ALA:N	1:A:122:ALA:CA	1:A:122:ALA:C	1:A:123:ARG:N	8	139.6
(1,200)	1:A:115:GLY:N	1:A:115:GLY:CA	1:A:115:GLY:C	1:A:116:ASN:N	14	139.6
(1,16)	1:A:9:VAL:N	1:A:9:VAL:CA	1:A:9:VAL:C	1:A:10:GLY:N	10	139.6
(1,64)	1:A:41:ARG:C	1:A:42:LYS:N	1:A:42:LYS:CA	1:A:42:LYS:C	1	139.5
(1,192)	1:A:111:MET:N	1:A:111:MET:CA	1:A:111:MET:C	1:A:112:VAL:N	2	139.5
(1,135)	1:A:81:VAL:N	1:A:81:VAL:CA	1:A:81:VAL:C	1:A:82:PHE:N	1	139.5
(1,240)	1:A:139:ILE:N	1:A:139:ILE:CA	1:A:139:ILE:C	1:A:140:PRO:N	16	139.4
(1,192)	1:A:111:MET:N	1:A:111:MET:CA	1:A:111:MET:C	1:A:112:VAL:N	14	139.4
(1,251)	1:A:145:SER:N	1:A:145:SER:CA	1:A:145:SER:C	1:A:146:ALA:N	1	139.3
(1,64)	1:A:41:ARG:C	1:A:42:LYS:N	1:A:42:LYS:CA	1:A:42:LYS:C	2	139.2
(1,52)	1:A:32:TYR:N	1:A:32:TYR:CA	1:A:32:TYR:C	1:A:33:ASP:N	19	139.2
(1,248)	1:A:143:GLU:C	1:A:144:THR:N	1:A:144:THR:CA	1:A:144:THR:C	10	139.2
(1,61)	1:A:40:TYR:N	1:A:40:TYR:CA	1:A:40:TYR:C	1:A:41:ARG:N	4	139.1
(1,52)	1:A:32:TYR:N	1:A:32:TYR:CA	1:A:32:TYR:C	1:A:33:ASP:N	12	139.1
(1,16)	1:A:9:VAL:N	1:A:9:VAL:CA	1:A:9:VAL:C	1:A:10:GLY:N	11	139.0
(1,96)	1:A:58:THR:C	1:A:59:ALA:N	1:A:59:ALA:CA	1:A:59:ALA:C	11	138.9
(1,46)	1:A:27:HIS:N	1:A:27:HIS:CA	1:A:27:HIS:C	1:A:28:PHE:N	4	138.9
(1,46)	1:A:27:HIS:N	1:A:27:HIS:CA	1:A:27:HIS:C	1:A:28:PHE:N	10	138.8
(1,16)	1:A:9:VAL:N	1:A:9:VAL:CA	1:A:9:VAL:C	1:A:10:GLY:N	18	138.8
(1,46)	1:A:27:HIS:N	1:A:27:HIS:CA	1:A:27:HIS:C	1:A:28:PHE:N	16	138.6
(1,248)	1:A:143:GLU:C	1:A:144:THR:N	1:A:144:THR:CA	1:A:144:THR:C	3	138.6
(1,200)	1:A:115:GLY:N	1:A:115:GLY:CA	1:A:115:GLY:C	1:A:116:ASN:N	9	138.6
(1,20)	1:A:11:ALA:N	1:A:11:ALA:CA	1:A:11:ALA:C	1:A:12:GLY:N	9	138.6
(1,192)	1:A:111:MET:N	1:A:111:MET:CA	1:A:111:MET:C	1:A:112:VAL:N	7	138.6
(1,64)	1:A:41:ARG:C	1:A:42:LYS:N	1:A:42:LYS:CA	1:A:42:LYS:C	9	138.5
(1,97)	1:A:59:ALA:N	1:A:59:ALA:CA	1:A:59:ALA:C	1:A:60:GLY:N	13	138.4
(1,22)	1:A:12:GLY:N	1:A:12:GLY:CA	1:A:12:GLY:C	1:A:13:GLY:N	2	138.4
(1,64)	1:A:41:ARG:C	1:A:42:LYS:N	1:A:42:LYS:CA	1:A:42:LYS:C	13	138.3
(1,214)	1:A:125:VAL:N	1:A:125:VAL:CA	1:A:125:VAL:C	1:A:126:GLU:N	19	138.3

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Atom-3	Atom-4	Model ID	Violation (°)
(1,126)	1:A:76:GLU:C	1:A:77:GLY:N	1:A:77:GLY:CA	1:A:77:GLY:C	9	138.3
(1,63)	1:A:41:ARG:N	1:A:41:ARG:CA	1:A:41:ARG:C	1:A:42:LYS:N	9	138.2
(1,22)	1:A:12:GLY:N	1:A:12:GLY:CA	1:A:12:GLY:C	1:A:13:GLY:N	10	138.2
(1,214)	1:A:125:VAL:N	1:A:125:VAL:CA	1:A:125:VAL:C	1:A:126:GLU:N	14	138.2
(1,68)	1:A:43:GLN:C	1:A:44:VAL:N	1:A:44:VAL:CA	1:A:44:VAL:C	18	138.1
(1,22)	1:A:12:GLY:N	1:A:12:GLY:CA	1:A:12:GLY:C	1:A:13:GLY:N	5	138.1
(1,22)	1:A:12:GLY:N	1:A:12:GLY:CA	1:A:12:GLY:C	1:A:13:GLY:N	8	138.1
(1,214)	1:A:125:VAL:N	1:A:125:VAL:CA	1:A:125:VAL:C	1:A:126:GLU:N	2	138.1
(1,81)	1:A:51:CYS:N	1:A:51:CYS:CA	1:A:51:CYS:C	1:A:52:LEU:N	13	138.0
(1,54)	1:A:33:ASP:N	1:A:33:ASP:CA	1:A:33:ASP:C	1:A:34:PRO:N	1	138.0
(1,46)	1:A:27:HIS:N	1:A:27:HIS:CA	1:A:27:HIS:C	1:A:28:PHE:N	6	138.0
(1,22)	1:A:12:GLY:N	1:A:12:GLY:CA	1:A:12:GLY:C	1:A:13:GLY:N	19	138.0
(1,104)	1:A:64:TYR:C	1:A:65:SER:N	1:A:65:SER:CA	1:A:65:SER:C	3	138.0
(1,68)	1:A:43:GLN:C	1:A:44:VAL:N	1:A:44:VAL:CA	1:A:44:VAL:C	1	137.9
(1,45)	1:A:26:ASN:C	1:A:27:HIS:N	1:A:27:HIS:CA	1:A:27:HIS:C	8	137.9
(1,136)	1:A:81:VAL:C	1:A:82:PHE:N	1:A:82:PHE:CA	1:A:82:PHE:C	14	137.7
(1,20)	1:A:11:ALA:N	1:A:11:ALA:CA	1:A:11:ALA:C	1:A:12:GLY:N	14	137.6
(1,194)	1:A:112:VAL:N	1:A:112:VAL:CA	1:A:112:VAL:C	1:A:113:LEU:N	3	137.6
(1,136)	1:A:81:VAL:C	1:A:82:PHE:N	1:A:82:PHE:CA	1:A:82:PHE:C	13	137.6
(1,96)	1:A:58:THR:C	1:A:59:ALA:N	1:A:59:ALA:CA	1:A:59:ALA:C	1	137.5
(1,80)	1:A:50:THR:C	1:A:51:CYS:N	1:A:51:CYS:CA	1:A:51:CYS:C	19	137.5
(1,63)	1:A:41:ARG:N	1:A:41:ARG:CA	1:A:41:ARG:C	1:A:42:LYS:N	16	137.5
(1,6)	1:A:4:TYR:N	1:A:4:TYR:CA	1:A:4:TYR:C	1:A:5:LYS:N	7	137.5
(1,4)	1:A:3:GLU:N	1:A:3:GLU:CA	1:A:3:GLU:C	1:A:4:TYR:N	11	137.5
(1,251)	1:A:145:SER:N	1:A:145:SER:CA	1:A:145:SER:C	1:A:146:ALA:N	3	137.5
(1,63)	1:A:41:ARG:N	1:A:41:ARG:CA	1:A:41:ARG:C	1:A:42:LYS:N	6	137.4
(1,4)	1:A:3:GLU:N	1:A:3:GLU:CA	1:A:3:GLU:C	1:A:4:TYR:N	17	137.4
(1,190)	1:A:110:PRO:N	1:A:110:PRO:CA	1:A:110:PRO:C	1:A:111:MET:N	1	137.4
(1,64)	1:A:41:ARG:C	1:A:42:LYS:N	1:A:42:LYS:CA	1:A:42:LYS:C	15	137.3
(1,46)	1:A:27:HIS:N	1:A:27:HIS:CA	1:A:27:HIS:C	1:A:28:PHE:N	7	137.3
(1,45)	1:A:26:ASN:C	1:A:27:HIS:N	1:A:27:HIS:CA	1:A:27:HIS:C	9	137.3
(1,256)	1:A:147:LYS:C	1:A:148:THR:N	1:A:148:THR:CA	1:A:148:THR:C	2	137.3
(1,100)	1:A:62:GLU:C	1:A:63:GLU:N	1:A:63:GLU:CA	1:A:63:GLU:C	6	137.3
(1,97)	1:A:59:ALA:N	1:A:59:ALA:CA	1:A:59:ALA:C	1:A:60:GLY:N	7	137.2
(1,93)	1:A:57:ASP:N	1:A:57:ASP:CA	1:A:57:ASP:C	1:A:58:THR:N	6	137.2
(1,245)	1:A:142:ILE:N	1:A:142:ILE:CA	1:A:142:ILE:C	1:A:143:GLU:N	6	137.2
(1,64)	1:A:41:ARG:C	1:A:42:LYS:N	1:A:42:LYS:CA	1:A:42:LYS:C	20	137.1
(1,63)	1:A:41:ARG:N	1:A:41:ARG:CA	1:A:41:ARG:C	1:A:42:LYS:N	8	137.1
(1,194)	1:A:112:VAL:N	1:A:112:VAL:CA	1:A:112:VAL:C	1:A:113:LEU:N	10	137.1
(1,193)	1:A:111:MET:C	1:A:112:VAL:N	1:A:112:VAL:CA	1:A:112:VAL:C	2	137.1
(1,192)	1:A:111:MET:N	1:A:111:MET:CA	1:A:111:MET:C	1:A:112:VAL:N	20	137.1
(1,54)	1:A:33:ASP:N	1:A:33:ASP:CA	1:A:33:ASP:C	1:A:34:PRO:N	4	137.0
(1,54)	1:A:33:ASP:N	1:A:33:ASP:CA	1:A:33:ASP:C	1:A:34:PRO:N	5	137.0
(1,54)	1:A:33:ASP:N	1:A:33:ASP:CA	1:A:33:ASP:C	1:A:34:PRO:N	6	137.0
(1,24)	1:A:15:GLY:N	1:A:15:GLY:CA	1:A:15:GLY:C	1:A:16:LYS:N	17	137.0
(1,22)	1:A:12:GLY:N	1:A:12:GLY:CA	1:A:12:GLY:C	1:A:13:GLY:N	4	137.0
(1,213)	1:A:124:THR:C	1:A:125:VAL:N	1:A:125:VAL:CA	1:A:125:VAL:C	17	137.0
(1,192)	1:A:111:MET:N	1:A:111:MET:CA	1:A:111:MET:C	1:A:112:VAL:N	6	137.0
(1,192)	1:A:111:MET:N	1:A:111:MET:CA	1:A:111:MET:C	1:A:112:VAL:N	19	137.0
(1,187)	1:A:108:ASP:N	1:A:108:ASP:CA	1:A:108:ASP:C	1:A:109:VAL:N	16	137.0
(1,187)	1:A:108:ASP:N	1:A:108:ASP:CA	1:A:108:ASP:C	1:A:109:VAL:N	20	137.0

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Atom-3	Atom-4	Model ID	Violation (°)
(1,97)	1:A:59:ALA:N	1:A:59:ALA:CA	1:A:59:ALA:C	1:A:60:GLY:N	15	136.9
(1,96)	1:A:58:THR:C	1:A:59:ALA:N	1:A:59:ALA:CA	1:A:59:ALA:C	10	136.9
(1,93)	1:A:57:ASP:N	1:A:57:ASP:CA	1:A:57:ASP:C	1:A:58:THR:N	9	136.9
(1,54)	1:A:33:ASP:N	1:A:33:ASP:CA	1:A:33:ASP:C	1:A:34:PRO:N	3	136.9
(1,45)	1:A:26:ASN:C	1:A:27:HIS:N	1:A:27:HIS:CA	1:A:27:HIS:C	17	136.9
(1,95)	1:A:58:THR:N	1:A:58:THR:CA	1:A:58:THR:C	1:A:59:ALA:N	7	136.8
(1,251)	1:A:145:SER:N	1:A:145:SER:CA	1:A:145:SER:C	1:A:146:ALA:N	4	136.8
(1,105)	1:A:65:SER:N	1:A:65:SER:CA	1:A:65:SER:C	1:A:66:ALA:N	20	136.8
(1,93)	1:A:57:ASP:N	1:A:57:ASP:CA	1:A:57:ASP:C	1:A:58:THR:N	17	136.7
(1,65)	1:A:42:LYS:N	1:A:42:LYS:CA	1:A:42:LYS:C	1:A:43:GLN:N	4	136.7
(1,187)	1:A:108:ASP:N	1:A:108:ASP:CA	1:A:108:ASP:C	1:A:109:VAL:N	14	136.7
(1,16)	1:A:9:VAL:N	1:A:9:VAL:CA	1:A:9:VAL:C	1:A:10:GLY:N	15	136.7
(1,77)	1:A:49:GLU:N	1:A:49:GLU:CA	1:A:49:GLU:C	1:A:50:THR:N	6	136.6
(1,209)	1:A:122:ALA:C	1:A:123:ARG:N	1:A:123:ARG:CA	1:A:123:ARG:C	9	136.6
(1,139)	1:A:83:ALA:N	1:A:83:ALA:CA	1:A:83:ALA:C	1:A:84:ILE:N	8	136.6
(1,46)	1:A:27:HIS:N	1:A:27:HIS:CA	1:A:27:HIS:C	1:A:28:PHE:N	1	136.5
(1,105)	1:A:65:SER:N	1:A:65:SER:CA	1:A:65:SER:C	1:A:66:ALA:N	5	136.5
(1,105)	1:A:65:SER:N	1:A:65:SER:CA	1:A:65:SER:C	1:A:66:ALA:N	16	136.5
(1,97)	1:A:59:ALA:N	1:A:59:ALA:CA	1:A:59:ALA:C	1:A:60:GLY:N	3	136.4
(1,256)	1:A:147:LYS:C	1:A:148:THR:N	1:A:148:THR:CA	1:A:148:THR:C	3	136.4
(1,192)	1:A:111:MET:N	1:A:111:MET:CA	1:A:111:MET:C	1:A:112:VAL:N	3	136.4
(1,104)	1:A:64:TYR:C	1:A:65:SER:N	1:A:65:SER:CA	1:A:65:SER:C	20	136.4
(1,256)	1:A:147:LYS:C	1:A:148:THR:N	1:A:148:THR:CA	1:A:148:THR:C	7	136.2
(1,193)	1:A:111:MET:C	1:A:112:VAL:N	1:A:112:VAL:CA	1:A:112:VAL:C	1	136.2
(1,81)	1:A:51:CYS:N	1:A:51:CYS:CA	1:A:51:CYS:C	1:A:52:LEU:N	5	136.1
(1,80)	1:A:50:THR:C	1:A:51:CYS:N	1:A:51:CYS:CA	1:A:51:CYS:C	5	136.1
(1,46)	1:A:27:HIS:N	1:A:27:HIS:CA	1:A:27:HIS:C	1:A:28:PHE:N	3	136.1
(1,2)	1:A:2:THR:N	1:A:2:THR:CA	1:A:2:THR:C	1:A:3:GLU:N	19	136.1
(1,191)	1:A:110:PRO:C	1:A:111:MET:N	1:A:111:MET:CA	1:A:111:MET:C	11	136.1
(1,95)	1:A:58:THR:N	1:A:58:THR:CA	1:A:58:THR:C	1:A:59:ALA:N	2	136.0
(1,46)	1:A:27:HIS:N	1:A:27:HIS:CA	1:A:27:HIS:C	1:A:28:PHE:N	9	136.0
(1,250)	1:A:144:THR:C	1:A:145:SER:N	1:A:145:SER:CA	1:A:145:SER:C	11	136.0
(1,200)	1:A:115:GLY:N	1:A:115:GLY:CA	1:A:115:GLY:C	1:A:116:ASN:N	7	136.0
(1,193)	1:A:111:MET:C	1:A:112:VAL:N	1:A:112:VAL:CA	1:A:112:VAL:C	16	136.0
(1,135)	1:A:81:VAL:N	1:A:81:VAL:CA	1:A:81:VAL:C	1:A:82:PHE:N	13	135.9
(1,52)	1:A:32:TYR:N	1:A:32:TYR:CA	1:A:32:TYR:C	1:A:33:ASP:N	2	135.8
(1,245)	1:A:142:ILE:N	1:A:142:ILE:CA	1:A:142:ILE:C	1:A:143:GLU:N	1	135.8
(1,97)	1:A:59:ALA:N	1:A:59:ALA:CA	1:A:59:ALA:C	1:A:60:GLY:N	14	135.7
(1,256)	1:A:147:LYS:C	1:A:148:THR:N	1:A:148:THR:CA	1:A:148:THR:C	4	135.7
(1,104)	1:A:64:TYR:C	1:A:65:SER:N	1:A:65:SER:CA	1:A:65:SER:C	18	135.7
(1,65)	1:A:42:LYS:N	1:A:42:LYS:CA	1:A:42:LYS:C	1:A:43:GLN:N	3	135.6
(1,65)	1:A:42:LYS:N	1:A:42:LYS:CA	1:A:42:LYS:C	1:A:43:GLN:N	20	135.6
(1,256)	1:A:147:LYS:C	1:A:148:THR:N	1:A:148:THR:CA	1:A:148:THR:C	1	135.6
(1,245)	1:A:142:ILE:N	1:A:142:ILE:CA	1:A:142:ILE:C	1:A:143:GLU:N	3	135.6
(1,4)	1:A:3:GLU:N	1:A:3:GLU:CA	1:A:3:GLU:C	1:A:4:TYR:N	18	135.5
(1,245)	1:A:142:ILE:N	1:A:142:ILE:CA	1:A:142:ILE:C	1:A:143:GLU:N	5	135.5
(1,194)	1:A:112:VAL:N	1:A:112:VAL:CA	1:A:112:VAL:C	1:A:113:LEU:N	6	135.5
(1,200)	1:A:115:GLY:N	1:A:115:GLY:CA	1:A:115:GLY:C	1:A:116:ASN:N	17	135.4
(1,63)	1:A:41:ARG:N	1:A:41:ARG:CA	1:A:41:ARG:C	1:A:42:LYS:N	13	135.3
(1,4)	1:A:3:GLU:N	1:A:3:GLU:CA	1:A:3:GLU:C	1:A:4:TYR:N	2	135.3
(1,251)	1:A:145:SER:N	1:A:145:SER:CA	1:A:145:SER:C	1:A:146:ALA:N	2	135.3

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Atom-3	Atom-4	Model ID	Violation (°)
(1,245)	1:A:142:ILE:N	1:A:142:ILE:CA	1:A:142:ILE:C	1:A:143:GLU:N	17	135.3
(1,194)	1:A:112:VAL:N	1:A:112:VAL:CA	1:A:112:VAL:C	1:A:113:LEU:N	7	135.3
(1,137)	1:A:82:PHE:N	1:A:82:PHE:CA	1:A:82:PHE:C	1:A:83:ALA:N	12	135.3
(1,105)	1:A:65:SER:N	1:A:65:SER:CA	1:A:65:SER:C	1:A:66:ALA:N	15	135.3
(1,68)	1:A:43:GLN:C	1:A:44:VAL:N	1:A:44:VAL:CA	1:A:44:VAL:C	8	135.2
(1,57)	1:A:36:ILE:N	1:A:36:ILE:CA	1:A:36:ILE:C	1:A:37:GLU:N	5	135.2
(1,46)	1:A:27:HIS:N	1:A:27:HIS:CA	1:A:27:HIS:C	1:A:28:PHE:N	2	135.2
(1,45)	1:A:26:ASN:C	1:A:27:HIS:N	1:A:27:HIS:CA	1:A:27:HIS:C	18	135.2
(1,250)	1:A:144:THR:C	1:A:145:SER:N	1:A:145:SER:CA	1:A:145:SER:C	2	135.2
(1,248)	1:A:143:GLU:C	1:A:144:THR:N	1:A:144:THR:CA	1:A:144:THR:C	19	135.2
(1,191)	1:A:110:PRO:C	1:A:111:MET:N	1:A:111:MET:CA	1:A:111:MET:C	18	135.2
(1,104)	1:A:64:TYR:C	1:A:65:SER:N	1:A:65:SER:CA	1:A:65:SER:C	2	135.2
(1,239)	1:A:138:GLY:C	1:A:139:ILE:N	1:A:139:ILE:CA	1:A:139:ILE:C	18	135.1
(1,51)	1:A:31:GLU:C	1:A:32:TYR:N	1:A:32:TYR:CA	1:A:32:TYR:C	9	135.0
(1,193)	1:A:111:MET:C	1:A:112:VAL:N	1:A:112:VAL:CA	1:A:112:VAL:C	4	135.0
(1,191)	1:A:110:PRO:C	1:A:111:MET:N	1:A:111:MET:CA	1:A:111:MET:C	4	135.0
(1,128)	1:A:77:GLY:C	1:A:78:PHE:N	1:A:78:PHE:CA	1:A:78:PHE:C	18	135.0
(1,139)	1:A:83:ALA:N	1:A:83:ALA:CA	1:A:83:ALA:C	1:A:84:ILE:N	9	134.8
(1,68)	1:A:43:GLN:C	1:A:44:VAL:N	1:A:44:VAL:CA	1:A:44:VAL:C	3	134.7
(1,4)	1:A:3:GLU:N	1:A:3:GLU:CA	1:A:3:GLU:C	1:A:4:TYR:N	4	134.7
(1,194)	1:A:112:VAL:N	1:A:112:VAL:CA	1:A:112:VAL:C	1:A:113:LEU:N	18	134.7
(1,84)	1:A:52:LEU:C	1:A:53:LEU:N	1:A:53:LEU:CA	1:A:53:LEU:C	13	134.6
(1,68)	1:A:43:GLN:C	1:A:44:VAL:N	1:A:44:VAL:CA	1:A:44:VAL:C	12	134.6
(1,194)	1:A:112:VAL:N	1:A:112:VAL:CA	1:A:112:VAL:C	1:A:113:LEU:N	19	134.6
(1,19)	1:A:10:GLY:C	1:A:11:ALA:N	1:A:11:ALA:CA	1:A:11:ALA:C	17	134.6
(1,97)	1:A:59:ALA:N	1:A:59:ALA:CA	1:A:59:ALA:C	1:A:60:GLY:N	2	134.5
(1,68)	1:A:43:GLN:C	1:A:44:VAL:N	1:A:44:VAL:CA	1:A:44:VAL:C	9	134.5
(1,104)	1:A:64:TYR:C	1:A:65:SER:N	1:A:65:SER:CA	1:A:65:SER:C	10	134.5
(1,64)	1:A:41:ARG:C	1:A:42:LYS:N	1:A:42:LYS:CA	1:A:42:LYS:C	5	134.4
(1,248)	1:A:143:GLU:C	1:A:144:THR:N	1:A:144:THR:CA	1:A:144:THR:C	17	134.4
(1,216)	1:A:126:GLU:N	1:A:126:GLU:CA	1:A:126:GLU:C	1:A:127:SER:N	7	134.4
(1,77)	1:A:49:GLU:N	1:A:49:GLU:CA	1:A:49:GLU:C	1:A:50:THR:N	4	134.3
(1,68)	1:A:43:GLN:C	1:A:44:VAL:N	1:A:44:VAL:CA	1:A:44:VAL:C	10	134.3
(1,63)	1:A:41:ARG:N	1:A:41:ARG:CA	1:A:41:ARG:C	1:A:42:LYS:N	7	134.3
(1,60)	1:A:39:SER:C	1:A:40:TYR:N	1:A:40:TYR:CA	1:A:40:TYR:C	3	134.3
(1,45)	1:A:26:ASN:C	1:A:27:HIS:N	1:A:27:HIS:CA	1:A:27:HIS:C	16	134.3
(1,194)	1:A:112:VAL:N	1:A:112:VAL:CA	1:A:112:VAL:C	1:A:113:LEU:N	16	134.3
(1,4)	1:A:3:GLU:N	1:A:3:GLU:CA	1:A:3:GLU:C	1:A:4:TYR:N	7	134.2
(1,248)	1:A:143:GLU:C	1:A:144:THR:N	1:A:144:THR:CA	1:A:144:THR:C	7	134.2
(1,103)	1:A:64:TYR:N	1:A:64:TYR:CA	1:A:64:TYR:C	1:A:65:SER:N	18	134.2
(1,194)	1:A:112:VAL:N	1:A:112:VAL:CA	1:A:112:VAL:C	1:A:113:LEU:N	2	134.1
(1,190)	1:A:110:PRO:N	1:A:110:PRO:CA	1:A:110:PRO:C	1:A:111:MET:N	4	134.1
(1,186)	1:A:107:ASP:C	1:A:108:ASP:N	1:A:108:ASP:CA	1:A:108:ASP:C	10	134.1
(1,65)	1:A:42:LYS:N	1:A:42:LYS:CA	1:A:42:LYS:C	1:A:43:GLN:N	11	134.0
(1,191)	1:A:110:PRO:C	1:A:111:MET:N	1:A:111:MET:CA	1:A:111:MET:C	2	134.0
(1,190)	1:A:110:PRO:N	1:A:110:PRO:CA	1:A:110:PRO:C	1:A:111:MET:N	11	133.9
(1,68)	1:A:43:GLN:C	1:A:44:VAL:N	1:A:44:VAL:CA	1:A:44:VAL:C	14	133.8
(1,68)	1:A:43:GLN:C	1:A:44:VAL:N	1:A:44:VAL:CA	1:A:44:VAL:C	16	133.8
(1,65)	1:A:42:LYS:N	1:A:42:LYS:CA	1:A:42:LYS:C	1:A:43:GLN:N	8	133.8
(1,54)	1:A:33:ASP:N	1:A:33:ASP:CA	1:A:33:ASP:C	1:A:34:PRO:N	2	133.8
(1,248)	1:A:143:GLU:C	1:A:144:THR:N	1:A:144:THR:CA	1:A:144:THR:C	4	133.8

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Atom-3	Atom-4	Model ID	Violation (°)
(1,245)	1:A:142:ILE:N	1:A:142:ILE:CA	1:A:142:ILE:C	1:A:143:GLU:N	2	133.8
(1,213)	1:A:124:THR:C	1:A:125:VAL:N	1:A:125:VAL:CA	1:A:125:VAL:C	18	133.8
(1,200)	1:A:115:GLY:N	1:A:115:GLY:CA	1:A:115:GLY:C	1:A:116:ASN:N	12	133.8
(1,194)	1:A:112:VAL:N	1:A:112:VAL:CA	1:A:112:VAL:C	1:A:113:LEU:N	9	133.8
(1,5)	1:A:3:GLU:C	1:A:4:TYR:N	1:A:4:TYR:CA	1:A:4:TYR:C	5	133.7
(1,4)	1:A:3:GLU:N	1:A:3:GLU:CA	1:A:3:GLU:C	1:A:4:TYR:N	1	133.7
(1,190)	1:A:110:PRO:N	1:A:110:PRO:CA	1:A:110:PRO:C	1:A:111:MET:N	19	133.7
(1,68)	1:A:43:GLN:C	1:A:44:VAL:N	1:A:44:VAL:CA	1:A:44:VAL:C	11	133.6
(1,68)	1:A:43:GLN:C	1:A:44:VAL:N	1:A:44:VAL:CA	1:A:44:VAL:C	15	133.6
(1,245)	1:A:142:ILE:N	1:A:142:ILE:CA	1:A:142:ILE:C	1:A:143:GLU:N	4	133.6
(1,20)	1:A:11:ALA:N	1:A:11:ALA:CA	1:A:11:ALA:C	1:A:12:GLY:N	10	133.6
(1,136)	1:A:81:VAL:C	1:A:82:PHE:N	1:A:82:PHE:CA	1:A:82:PHE:C	17	133.6
(1,63)	1:A:41:ARG:N	1:A:41:ARG:CA	1:A:41:ARG:C	1:A:42:LYS:N	19	133.5
(1,214)	1:A:125:VAL:N	1:A:125:VAL:CA	1:A:125:VAL:C	1:A:126:GLU:N	13	133.5
(1,137)	1:A:82:PHE:N	1:A:82:PHE:CA	1:A:82:PHE:C	1:A:83:ALA:N	16	133.5
(1,251)	1:A:145:SER:N	1:A:145:SER:CA	1:A:145:SER:C	1:A:146:ALA:N	7	133.4
(1,239)	1:A:138:GLY:C	1:A:139:ILE:N	1:A:139:ILE:CA	1:A:139:ILE:C	16	133.4
(1,194)	1:A:112:VAL:N	1:A:112:VAL:CA	1:A:112:VAL:C	1:A:113:LEU:N	11	133.4
(1,184)	1:A:106:SER:C	1:A:107:ASP:N	1:A:107:ASP:CA	1:A:107:ASP:C	10	133.4
(1,250)	1:A:144:THR:C	1:A:145:SER:N	1:A:145:SER:CA	1:A:145:SER:C	10	133.3
(1,245)	1:A:142:ILE:N	1:A:142:ILE:CA	1:A:142:ILE:C	1:A:143:GLU:N	7	133.3
(1,194)	1:A:112:VAL:N	1:A:112:VAL:CA	1:A:112:VAL:C	1:A:113:LEU:N	17	133.3
(1,77)	1:A:49:GLU:N	1:A:49:GLU:CA	1:A:49:GLU:C	1:A:50:THR:N	3	133.2
(1,65)	1:A:42:LYS:N	1:A:42:LYS:CA	1:A:42:LYS:C	1:A:43:GLN:N	7	133.2
(1,190)	1:A:110:PRO:N	1:A:110:PRO:CA	1:A:110:PRO:C	1:A:111:MET:N	8	133.2
(1,188)	1:A:108:ASP:C	1:A:109:VAL:N	1:A:109:VAL:CA	1:A:109:VAL:C	1	133.2
(1,184)	1:A:106:SER:C	1:A:107:ASP:N	1:A:107:ASP:CA	1:A:107:ASP:C	12	133.2
(1,63)	1:A:41:ARG:N	1:A:41:ARG:CA	1:A:41:ARG:C	1:A:42:LYS:N	20	133.1
(1,87)	1:A:54:ASP:N	1:A:54:ASP:CA	1:A:54:ASP:C	1:A:55:ILE:N	14	133.0
(1,68)	1:A:43:GLN:C	1:A:44:VAL:N	1:A:44:VAL:CA	1:A:44:VAL:C	4	133.0
(1,57)	1:A:36:ILE:N	1:A:36:ILE:CA	1:A:36:ILE:C	1:A:37:GLU:N	6	133.0
(1,20)	1:A:11:ALA:N	1:A:11:ALA:CA	1:A:11:ALA:C	1:A:12:GLY:N	12	133.0
(1,193)	1:A:111:MET:C	1:A:112:VAL:N	1:A:112:VAL:CA	1:A:112:VAL:C	3	133.0
(1,14)	1:A:8:VAL:N	1:A:8:VAL:CA	1:A:8:VAL:C	1:A:9:VAL:N	17	133.0
(1,68)	1:A:43:GLN:C	1:A:44:VAL:N	1:A:44:VAL:CA	1:A:44:VAL:C	2	132.9
(1,213)	1:A:124:THR:C	1:A:125:VAL:N	1:A:125:VAL:CA	1:A:125:VAL:C	12	132.9
(1,200)	1:A:115:GLY:N	1:A:115:GLY:CA	1:A:115:GLY:C	1:A:116:ASN:N	8	132.9
(1,2)	1:A:2:THR:N	1:A:2:THR:CA	1:A:2:THR:C	1:A:3:GLU:N	20	132.9
(1,186)	1:A:107:ASP:C	1:A:108:ASP:N	1:A:108:ASP:CA	1:A:108:ASP:C	12	132.9
(1,64)	1:A:41:ARG:C	1:A:42:LYS:N	1:A:42:LYS:CA	1:A:42:LYS:C	6	132.8
(1,250)	1:A:144:THR:C	1:A:145:SER:N	1:A:145:SER:CA	1:A:145:SER:C	4	132.8
(1,194)	1:A:112:VAL:N	1:A:112:VAL:CA	1:A:112:VAL:C	1:A:113:LEU:N	1	132.8
(1,52)	1:A:32:TYR:N	1:A:32:TYR:CA	1:A:32:TYR:C	1:A:33:ASP:N	10	132.7
(1,17)	1:A:9:VAL:C	1:A:10:GLY:N	1:A:10:GLY:CA	1:A:10:GLY:C	16	132.7
(1,12)	1:A:7:VAL:N	1:A:7:VAL:CA	1:A:7:VAL:C	1:A:8:VAL:N	1	132.7
(1,45)	1:A:26:ASN:C	1:A:27:HIS:N	1:A:27:HIS:CA	1:A:27:HIS:C	13	132.6
(1,182)	1:A:105:ASP:C	1:A:106:SER:N	1:A:106:SER:CA	1:A:106:SER:C	8	132.6
(1,105)	1:A:65:SER:N	1:A:65:SER:CA	1:A:65:SER:C	1:A:66:ALA:N	7	132.6
(1,95)	1:A:58:THR:N	1:A:58:THR:CA	1:A:58:THR:C	1:A:59:ALA:N	17	132.5
(1,68)	1:A:43:GLN:C	1:A:44:VAL:N	1:A:44:VAL:CA	1:A:44:VAL:C	20	132.5
(1,248)	1:A:143:GLU:C	1:A:144:THR:N	1:A:144:THR:CA	1:A:144:THR:C	12	132.5

Continued on next page...



Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Atom-3	Atom-4	Model ID	Violation (°)
(1,139)	1:A:83:ALA:N	1:A:83:ALA:CA	1:A:83:ALA:C	1:A:84:ILE:N	11	132.5
(1,49)	1:A:28:PHE:C	1:A:29:VAL:N	1:A:29:VAL:CA	1:A:29:VAL:C	14	132.4
(1,250)	1:A:144:THR:C	1:A:145:SER:N	1:A:145:SER:CA	1:A:145:SER:C	15	132.4
(1,248)	1:A:143:GLU:C	1:A:144:THR:N	1:A:144:THR:CA	1:A:144:THR:C	6	132.4
(1,200)	1:A:115:GLY:N	1:A:115:GLY:CA	1:A:115:GLY:C	1:A:116:ASN:N	1	132.4
(1,2)	1:A:2:THR:N	1:A:2:THR:CA	1:A:2:THR:C	1:A:3:GLU:N	8	132.4
(1,194)	1:A:112:VAL:N	1:A:112:VAL:CA	1:A:112:VAL:C	1:A:113:LEU:N	4	132.4
(1,191)	1:A:110:PRO:C	1:A:111:MET:N	1:A:111:MET:CA	1:A:111:MET:C	10	132.4
(1,182)	1:A:105:ASP:C	1:A:106:SER:N	1:A:106:SER:CA	1:A:106:SER:C	9	132.4
(1,139)	1:A:83:ALA:N	1:A:83:ALA:CA	1:A:83:ALA:C	1:A:84:ILE:N	20	132.4
(1,135)	1:A:81:VAL:N	1:A:81:VAL:CA	1:A:81:VAL:C	1:A:82:PHE:N	19	132.4
(1,77)	1:A:49:GLU:N	1:A:49:GLU:CA	1:A:49:GLU:C	1:A:50:THR:N	20	132.3
(1,49)	1:A:28:PHE:C	1:A:29:VAL:N	1:A:29:VAL:CA	1:A:29:VAL:C	5	132.3
(1,248)	1:A:143:GLU:C	1:A:144:THR:N	1:A:144:THR:CA	1:A:144:THR:C	1	132.3
(1,191)	1:A:110:PRO:C	1:A:111:MET:N	1:A:111:MET:CA	1:A:111:MET:C	16	132.3
(1,49)	1:A:28:PHE:C	1:A:29:VAL:N	1:A:29:VAL:CA	1:A:29:VAL:C	7	132.2
(1,211)	1:A:123:ARG:C	1:A:124:THR:N	1:A:124:THR:CA	1:A:124:THR:C	11	132.2
(1,6)	1:A:4:TYR:N	1:A:4:TYR:CA	1:A:4:TYR:C	1:A:5:LYS:N	3	132.1
(1,250)	1:A:144:THR:C	1:A:145:SER:N	1:A:145:SER:CA	1:A:145:SER:C	18	132.1
(1,245)	1:A:142:ILE:N	1:A:142:ILE:CA	1:A:142:ILE:C	1:A:143:GLU:N	12	132.1
(1,245)	1:A:142:ILE:N	1:A:142:ILE:CA	1:A:142:ILE:C	1:A:143:GLU:N	15	132.1
(1,198)	1:A:114:VAL:N	1:A:114:VAL:CA	1:A:114:VAL:C	1:A:115:GLY:N	4	132.1
(1,139)	1:A:83:ALA:N	1:A:83:ALA:CA	1:A:83:ALA:C	1:A:84:ILE:N	2	132.1
(1,137)	1:A:82:PHE:N	1:A:82:PHE:CA	1:A:82:PHE:C	1:A:83:ALA:N	19	132.1
(1,95)	1:A:58:THR:N	1:A:58:THR:CA	1:A:58:THR:C	1:A:59:ALA:N	3	132.0
(1,95)	1:A:58:THR:N	1:A:58:THR:CA	1:A:58:THR:C	1:A:59:ALA:N	4	132.0
(1,68)	1:A:43:GLN:C	1:A:44:VAL:N	1:A:44:VAL:CA	1:A:44:VAL:C	19	132.0
(1,65)	1:A:42:LYS:N	1:A:42:LYS:CA	1:A:42:LYS:C	1:A:43:GLN:N	12	132.0
(1,248)	1:A:143:GLU:C	1:A:144:THR:N	1:A:144:THR:CA	1:A:144:THR:C	5	132.0
(1,192)	1:A:111:MET:N	1:A:111:MET:CA	1:A:111:MET:C	1:A:112:VAL:N	16	132.0
(1,15)	1:A:8:VAL:C	1:A:9:VAL:N	1:A:9:VAL:CA	1:A:9:VAL:C	4	132.0
(1,15)	1:A:8:VAL:C	1:A:9:VAL:N	1:A:9:VAL:CA	1:A:9:VAL:C	7	132.0
(1,15)	1:A:8:VAL:C	1:A:9:VAL:N	1:A:9:VAL:CA	1:A:9:VAL:C	16	132.0
(1,12)	1:A:7:VAL:N	1:A:7:VAL:CA	1:A:7:VAL:C	1:A:8:VAL:N	16	132.0
(1,68)	1:A:43:GLN:C	1:A:44:VAL:N	1:A:44:VAL:CA	1:A:44:VAL:C	7	131.9
(1,45)	1:A:26:ASN:C	1:A:27:HIS:N	1:A:27:HIS:CA	1:A:27:HIS:C	20	131.9
(1,190)	1:A:110:PRO:N	1:A:110:PRO:CA	1:A:110:PRO:C	1:A:111:MET:N	15	131.9
(1,15)	1:A:8:VAL:C	1:A:9:VAL:N	1:A:9:VAL:CA	1:A:9:VAL:C	1	131.9
(1,14)	1:A:8:VAL:N	1:A:8:VAL:CA	1:A:8:VAL:C	1:A:9:VAL:N	18	131.8
(1,131)	1:A:79:LEU:N	1:A:79:LEU:CA	1:A:79:LEU:C	1:A:80:CYS:N	1	131.8
(1,83)	1:A:52:LEU:N	1:A:52:LEU:CA	1:A:52:LEU:C	1:A:53:LEU:N	14	131.7
(1,77)	1:A:49:GLU:N	1:A:49:GLU:CA	1:A:49:GLU:C	1:A:50:THR:N	13	131.7
(1,247)	1:A:143:GLU:N	1:A:143:GLU:CA	1:A:143:GLU:C	1:A:144:THR:N	9	131.7
(1,191)	1:A:110:PRO:C	1:A:111:MET:N	1:A:111:MET:CA	1:A:111:MET:C	3	131.7
(1,187)	1:A:108:ASP:N	1:A:108:ASP:CA	1:A:108:ASP:C	1:A:109:VAL:N	15	131.7
(1,248)	1:A:143:GLU:C	1:A:144:THR:N	1:A:144:THR:CA	1:A:144:THR:C	11	131.6
(1,243)	1:A:141:TYR:N	1:A:141:TYR:CA	1:A:141:TYR:C	1:A:142:ILE:N	13	131.6
(1,20)	1:A:11:ALA:N	1:A:11:ALA:CA	1:A:11:ALA:C	1:A:12:GLY:N	7	131.6
(1,198)	1:A:114:VAL:N	1:A:114:VAL:CA	1:A:114:VAL:C	1:A:115:GLY:N	6	131.6
(1,194)	1:A:112:VAL:N	1:A:112:VAL:CA	1:A:112:VAL:C	1:A:113:LEU:N	12	131.6
(1,15)	1:A:8:VAL:C	1:A:9:VAL:N	1:A:9:VAL:CA	1:A:9:VAL:C	2	131.6

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Atom-3	Atom-4	Model ID	Violation (°)
(1,15)	1:A:8:VAL:C	1:A:9:VAL:N	1:A:9:VAL:CA	1:A:9:VAL:C	3	131.6
(1,15)	1:A:8:VAL:C	1:A:9:VAL:N	1:A:9:VAL:CA	1:A:9:VAL:C	13	131.6
(1,64)	1:A:41:ARG:C	1:A:42:LYS:N	1:A:42:LYS:CA	1:A:42:LYS:C	19	131.5
(1,200)	1:A:115:GLY:N	1:A:115:GLY:CA	1:A:115:GLY:C	1:A:116:ASN:N	2	131.5
(1,190)	1:A:110:PRO:N	1:A:110:PRO:CA	1:A:110:PRO:C	1:A:111:MET:N	10	131.5
(1,135)	1:A:81:VAL:N	1:A:81:VAL:CA	1:A:81:VAL:C	1:A:82:PHE:N	12	131.5
(1,63)	1:A:41:ARG:N	1:A:41:ARG:CA	1:A:41:ARG:C	1:A:42:LYS:N	5	131.4
(1,60)	1:A:39:SER:C	1:A:40:TYR:N	1:A:40:TYR:CA	1:A:40:TYR:C	20	131.4
(1,182)	1:A:105:ASP:C	1:A:106:SER:N	1:A:106:SER:CA	1:A:106:SER:C	18	131.4
(1,139)	1:A:83:ALA:N	1:A:83:ALA:CA	1:A:83:ALA:C	1:A:84:ILE:N	17	131.4
(1,137)	1:A:82:PHE:N	1:A:82:PHE:CA	1:A:82:PHE:C	1:A:83:ALA:N	15	131.4
(1,239)	1:A:138:GLY:C	1:A:139:ILE:N	1:A:139:ILE:CA	1:A:139:ILE:C	19	131.3
(1,214)	1:A:125:VAL:N	1:A:125:VAL:CA	1:A:125:VAL:C	1:A:126:GLU:N	8	131.2
(1,198)	1:A:114:VAL:N	1:A:114:VAL:CA	1:A:114:VAL:C	1:A:115:GLY:N	19	131.2
(1,15)	1:A:8:VAL:C	1:A:9:VAL:N	1:A:9:VAL:CA	1:A:9:VAL:C	12	131.2
(1,136)	1:A:81:VAL:C	1:A:82:PHE:N	1:A:82:PHE:CA	1:A:82:PHE:C	2	131.2
(1,87)	1:A:54:ASP:N	1:A:54:ASP:CA	1:A:54:ASP:C	1:A:55:ILE:N	13	131.1
(1,68)	1:A:43:GLN:C	1:A:44:VAL:N	1:A:44:VAL:CA	1:A:44:VAL:C	5	131.1
(1,243)	1:A:141:TYR:N	1:A:141:TYR:CA	1:A:141:TYR:C	1:A:142:ILE:N	8	131.1
(1,198)	1:A:114:VAL:N	1:A:114:VAL:CA	1:A:114:VAL:C	1:A:115:GLY:N	16	131.1
(1,194)	1:A:112:VAL:N	1:A:112:VAL:CA	1:A:112:VAL:C	1:A:113:LEU:N	8	131.1
(1,193)	1:A:111:MET:C	1:A:112:VAL:N	1:A:112:VAL:CA	1:A:112:VAL:C	6	131.1
(1,93)	1:A:57:ASP:N	1:A:57:ASP:CA	1:A:57:ASP:C	1:A:58:THR:N	8	131.0
(1,72)	1:A:45:VAL:C	1:A:46:ILE:N	1:A:46:ILE:CA	1:A:46:ILE:C	4	131.0
(1,56)	1:A:35:SER:C	1:A:36:ILE:N	1:A:36:ILE:CA	1:A:36:ILE:C	15	131.0
(1,4)	1:A:3:GLU:N	1:A:3:GLU:CA	1:A:3:GLU:C	1:A:4:TYR:N	3	131.0
(1,4)	1:A:3:GLU:N	1:A:3:GLU:CA	1:A:3:GLU:C	1:A:4:TYR:N	14	131.0
(1,135)	1:A:81:VAL:N	1:A:81:VAL:CA	1:A:81:VAL:C	1:A:82:PHE:N	2	131.0
(1,60)	1:A:39:SER:C	1:A:40:TYR:N	1:A:40:TYR:CA	1:A:40:TYR:C	1	130.9
(1,256)	1:A:147:LYS:C	1:A:148:THR:N	1:A:148:THR:CA	1:A:148:THR:C	17	130.9
(1,194)	1:A:112:VAL:N	1:A:112:VAL:CA	1:A:112:VAL:C	1:A:113:LEU:N	14	130.9
(1,6)	1:A:4:TYR:N	1:A:4:TYR:CA	1:A:4:TYR:C	1:A:5:LYS:N	5	130.8
(1,139)	1:A:83:ALA:N	1:A:83:ALA:CA	1:A:83:ALA:C	1:A:84:ILE:N	12	130.8
(1,256)	1:A:147:LYS:C	1:A:148:THR:N	1:A:148:THR:CA	1:A:148:THR:C	9	130.7
(1,191)	1:A:110:PRO:C	1:A:111:MET:N	1:A:111:MET:CA	1:A:111:MET:C	17	130.7
(1,190)	1:A:110:PRO:N	1:A:110:PRO:CA	1:A:110:PRO:C	1:A:111:MET:N	5	130.7
(1,68)	1:A:43:GLN:C	1:A:44:VAL:N	1:A:44:VAL:CA	1:A:44:VAL:C	6	130.6
(1,62)	1:A:40:TYR:C	1:A:41:ARG:N	1:A:41:ARG:CA	1:A:41:ARG:C	10	130.6
(1,6)	1:A:4:TYR:N	1:A:4:TYR:CA	1:A:4:TYR:C	1:A:5:LYS:N	20	130.6
(1,247)	1:A:143:GLU:N	1:A:143:GLU:CA	1:A:143:GLU:C	1:A:144:THR:N	6	130.6
(1,15)	1:A:8:VAL:C	1:A:9:VAL:N	1:A:9:VAL:CA	1:A:9:VAL:C	5	130.6
(1,137)	1:A:82:PHE:N	1:A:82:PHE:CA	1:A:82:PHE:C	1:A:83:ALA:N	6	130.6
(1,22)	1:A:12:GLY:N	1:A:12:GLY:CA	1:A:12:GLY:C	1:A:13:GLY:N	14	130.5
(1,214)	1:A:125:VAL:N	1:A:125:VAL:CA	1:A:125:VAL:C	1:A:126:GLU:N	12	130.5
(1,194)	1:A:112:VAL:N	1:A:112:VAL:CA	1:A:112:VAL:C	1:A:113:LEU:N	5	130.5
(1,194)	1:A:112:VAL:N	1:A:112:VAL:CA	1:A:112:VAL:C	1:A:113:LEU:N	20	130.5
(1,191)	1:A:110:PRO:C	1:A:111:MET:N	1:A:111:MET:CA	1:A:111:MET:C	1	130.5
(1,97)	1:A:59:ALA:N	1:A:59:ALA:CA	1:A:59:ALA:C	1:A:60:GLY:N	11	130.4
(1,93)	1:A:57:ASP:N	1:A:57:ASP:CA	1:A:57:ASP:C	1:A:58:THR:N	14	130.4
(1,49)	1:A:28:PHE:C	1:A:29:VAL:N	1:A:29:VAL:CA	1:A:29:VAL:C	11	130.4
(1,4)	1:A:3:GLU:N	1:A:3:GLU:CA	1:A:3:GLU:C	1:A:4:TYR:N	6	130.4

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Atom-3	Atom-4	Model ID	Violation (°)
(1,245)	1:A:142:ILE:N	1:A:142:ILE:CA	1:A:142:ILE:C	1:A:143:GLU:N	10	130.4
(1,243)	1:A:141:TYR:N	1:A:141:TYR:CA	1:A:141:TYR:C	1:A:142:ILE:N	10	130.4
(1,52)	1:A:32:TYR:N	1:A:32:TYR:CA	1:A:32:TYR:C	1:A:33:ASP:N	5	130.3
(1,214)	1:A:125:VAL:N	1:A:125:VAL:CA	1:A:125:VAL:C	1:A:126:GLU:N	7	130.3
(1,15)	1:A:8:VAL:C	1:A:9:VAL:N	1:A:9:VAL:CA	1:A:9:VAL:C	10	130.3
(1,12)	1:A:7:VAL:N	1:A:7:VAL:CA	1:A:7:VAL:C	1:A:8:VAL:N	20	130.3
(1,126)	1:A:76:GLU:C	1:A:77:GLY:N	1:A:77:GLY:CA	1:A:77:GLY:C	8	130.2
(1,65)	1:A:42:LYS:N	1:A:42:LYS:CA	1:A:42:LYS:C	1:A:43:GLN:N	13	130.1
(1,6)	1:A:4:TYR:N	1:A:4:TYR:CA	1:A:4:TYR:C	1:A:5:LYS:N	17	130.1
(1,240)	1:A:139:ILE:N	1:A:139:ILE:CA	1:A:139:ILE:C	1:A:140:PRO:N	18	130.1
(1,211)	1:A:123:ARG:C	1:A:124:THR:N	1:A:124:THR:CA	1:A:124:THR:C	10	130.1
(1,193)	1:A:111:MET:C	1:A:112:VAL:N	1:A:112:VAL:CA	1:A:112:VAL:C	17	130.1
(1,136)	1:A:81:VAL:C	1:A:82:PHE:N	1:A:82:PHE:CA	1:A:82:PHE:C	4	130.1
(1,68)	1:A:43:GLN:C	1:A:44:VAL:N	1:A:44:VAL:CA	1:A:44:VAL:C	17	130.0
(1,259)	1:A:150:GLN:N	1:A:150:GLN:CA	1:A:150:GLN:C	1:A:151:GLY:N	12	130.0
(1,245)	1:A:142:ILE:N	1:A:142:ILE:CA	1:A:142:ILE:C	1:A:143:GLU:N	19	130.0
(1,200)	1:A:115:GLY:N	1:A:115:GLY:CA	1:A:115:GLY:C	1:A:116:ASN:N	13	130.0
(1,17)	1:A:9:VAL:C	1:A:10:GLY:N	1:A:10:GLY:CA	1:A:10:GLY:C	15	130.0
(1,15)	1:A:8:VAL:C	1:A:9:VAL:N	1:A:9:VAL:CA	1:A:9:VAL:C	20	130.0
(1,12)	1:A:7:VAL:N	1:A:7:VAL:CA	1:A:7:VAL:C	1:A:8:VAL:N	13	130.0
(1,10)	1:A:6:LEU:N	1:A:6:LEU:CA	1:A:6:LEU:C	1:A:7:VAL:N	13	130.0
(1,1)	1:A:1:MET:C	1:A:2:THR:N	1:A:2:THR:CA	1:A:2:THR:C	19	130.0
(1,60)	1:A:39:SER:C	1:A:40:TYR:N	1:A:40:TYR:CA	1:A:40:TYR:C	18	129.9
(1,247)	1:A:143:GLU:N	1:A:143:GLU:CA	1:A:143:GLU:C	1:A:144:THR:N	18	129.9
(1,12)	1:A:7:VAL:N	1:A:7:VAL:CA	1:A:7:VAL:C	1:A:8:VAL:N	7	129.9
(1,93)	1:A:57:ASP:N	1:A:57:ASP:CA	1:A:57:ASP:C	1:A:58:THR:N	12	129.8
(1,3)	1:A:2:THR:C	1:A:3:GLU:N	1:A:3:GLU:CA	1:A:3:GLU:C	2	129.8
(1,248)	1:A:143:GLU:C	1:A:144:THR:N	1:A:144:THR:CA	1:A:144:THR:C	16	129.7
(1,139)	1:A:83:ALA:N	1:A:83:ALA:CA	1:A:83:ALA:C	1:A:84:ILE:N	3	129.7
(1,135)	1:A:81:VAL:N	1:A:81:VAL:CA	1:A:81:VAL:C	1:A:82:PHE:N	15	129.7
(1,129)	1:A:78:PHE:N	1:A:78:PHE:CA	1:A:78:PHE:C	1:A:79:LEU:N	12	129.7
(1,95)	1:A:58:THR:N	1:A:58:THR:CA	1:A:58:THR:C	1:A:59:ALA:N	18	129.6
(1,80)	1:A:50:THR:C	1:A:51:CYS:N	1:A:51:CYS:CA	1:A:51:CYS:C	6	129.6
(1,247)	1:A:143:GLU:N	1:A:143:GLU:CA	1:A:143:GLU:C	1:A:144:THR:N	2	129.6
(1,216)	1:A:126:GLU:N	1:A:126:GLU:CA	1:A:126:GLU:C	1:A:127:SER:N	11	129.6
(1,193)	1:A:111:MET:C	1:A:112:VAL:N	1:A:112:VAL:CA	1:A:112:VAL:C	19	129.6
(1,248)	1:A:143:GLU:C	1:A:144:THR:N	1:A:144:THR:CA	1:A:144:THR:C	18	129.5
(1,245)	1:A:142:ILE:N	1:A:142:ILE:CA	1:A:142:ILE:C	1:A:143:GLU:N	8	129.5
(1,245)	1:A:142:ILE:N	1:A:142:ILE:CA	1:A:142:ILE:C	1:A:143:GLU:N	9	129.5
(1,239)	1:A:138:GLY:C	1:A:139:ILE:N	1:A:139:ILE:CA	1:A:139:ILE:C	2	129.5
(1,194)	1:A:112:VAL:N	1:A:112:VAL:CA	1:A:112:VAL:C	1:A:113:LEU:N	15	129.5
(1,131)	1:A:79:LEU:N	1:A:79:LEU:CA	1:A:79:LEU:C	1:A:80:CYS:N	2	129.5
(1,95)	1:A:58:THR:N	1:A:58:THR:CA	1:A:58:THR:C	1:A:59:ALA:N	19	129.4
(1,4)	1:A:3:GLU:N	1:A:3:GLU:CA	1:A:3:GLU:C	1:A:4:TYR:N	16	129.4
(1,216)	1:A:126:GLU:N	1:A:126:GLU:CA	1:A:126:GLU:C	1:A:127:SER:N	6	129.4
(1,20)	1:A:11:ALA:N	1:A:11:ALA:CA	1:A:11:ALA:C	1:A:12:GLY:N	1	129.4
(1,189)	1:A:109:VAL:N	1:A:109:VAL:CA	1:A:109:VAL:C	1:A:110:PRO:N	18	129.4
(1,137)	1:A:82:PHE:N	1:A:82:PHE:CA	1:A:82:PHE:C	1:A:83:ALA:N	20	129.4
(1,131)	1:A:79:LEU:N	1:A:79:LEU:CA	1:A:79:LEU:C	1:A:80:CYS:N	17	129.4
(1,139)	1:A:83:ALA:N	1:A:83:ALA:CA	1:A:83:ALA:C	1:A:84:ILE:N	4	129.3
(1,190)	1:A:110:PRO:N	1:A:110:PRO:CA	1:A:110:PRO:C	1:A:111:MET:N	12	129.1

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Atom-3	Atom-4	Model ID	Violation (°)
(1,136)	1:A:81:VAL:C	1:A:82:PHE:N	1:A:82:PHE:CA	1:A:82:PHE:C	18	129.1
(1,135)	1:A:81:VAL:N	1:A:81:VAL:CA	1:A:81:VAL:C	1:A:82:PHE:N	3	129.1
(1,131)	1:A:79:LEU:N	1:A:79:LEU:CA	1:A:79:LEU:C	1:A:80:CYS:N	7	129.1
(1,10)	1:A:6:LEU:N	1:A:6:LEU:CA	1:A:6:LEU:C	1:A:7:VAL:N	1	129.1
(1,251)	1:A:145:SER:N	1:A:145:SER:CA	1:A:145:SER:C	1:A:146:ALA:N	5	129.0
(1,135)	1:A:81:VAL:N	1:A:81:VAL:CA	1:A:81:VAL:C	1:A:82:PHE:N	17	129.0
(1,12)	1:A:7:VAL:N	1:A:7:VAL:CA	1:A:7:VAL:C	1:A:8:VAL:N	15	129.0
(1,100)	1:A:62:GLU:C	1:A:63:GLU:N	1:A:63:GLU:CA	1:A:63:GLU:C	19	129.0
(1,85)	1:A:53:LEU:N	1:A:53:LEU:CA	1:A:53:LEU:C	1:A:54:ASP:N	8	128.9
(1,193)	1:A:111:MET:C	1:A:112:VAL:N	1:A:112:VAL:CA	1:A:112:VAL:C	9	128.9
(1,135)	1:A:81:VAL:N	1:A:81:VAL:CA	1:A:81:VAL:C	1:A:82:PHE:N	4	128.9
(1,247)	1:A:143:GLU:N	1:A:143:GLU:CA	1:A:143:GLU:C	1:A:144:THR:N	3	128.8
(1,240)	1:A:139:ILE:N	1:A:139:ILE:CA	1:A:139:ILE:C	1:A:140:PRO:N	10	128.8
(1,139)	1:A:83:ALA:N	1:A:83:ALA:CA	1:A:83:ALA:C	1:A:84:ILE:N	13	128.8
(1,65)	1:A:42:LYS:N	1:A:42:LYS:CA	1:A:42:LYS:C	1:A:43:GLN:N	19	128.7
(1,240)	1:A:139:ILE:N	1:A:139:ILE:CA	1:A:139:ILE:C	1:A:140:PRO:N	8	128.7
(1,22)	1:A:12:GLY:N	1:A:12:GLY:CA	1:A:12:GLY:C	1:A:13:GLY:N	9	128.7
(1,97)	1:A:59:ALA:N	1:A:59:ALA:CA	1:A:59:ALA:C	1:A:60:GLY:N	8	128.6
(1,77)	1:A:49:GLU:N	1:A:49:GLU:CA	1:A:49:GLU:C	1:A:50:THR:N	12	128.6
(1,65)	1:A:42:LYS:N	1:A:42:LYS:CA	1:A:42:LYS:C	1:A:43:GLN:N	15	128.6
(1,239)	1:A:138:GLY:C	1:A:139:ILE:N	1:A:139:ILE:CA	1:A:139:ILE:C	20	128.6
(1,198)	1:A:114:VAL:N	1:A:114:VAL:CA	1:A:114:VAL:C	1:A:115:GLY:N	18	128.6
(1,65)	1:A:42:LYS:N	1:A:42:LYS:CA	1:A:42:LYS:C	1:A:43:GLN:N	5	128.5
(1,57)	1:A:36:ILE:N	1:A:36:ILE:CA	1:A:36:ILE:C	1:A:37:GLU:N	9	128.5
(1,190)	1:A:110:PRO:N	1:A:110:PRO:CA	1:A:110:PRO:C	1:A:111:MET:N	6	128.5
(1,15)	1:A:8:VAL:C	1:A:9:VAL:N	1:A:9:VAL:CA	1:A:9:VAL:C	11	128.5
(1,133)	1:A:80:CYS:N	1:A:80:CYS:CA	1:A:80:CYS:C	1:A:81:VAL:N	16	128.5
(1,250)	1:A:144:THR:C	1:A:145:SER:N	1:A:145:SER:CA	1:A:145:SER:C	16	128.4
(1,243)	1:A:141:TYR:N	1:A:141:TYR:CA	1:A:141:TYR:C	1:A:142:ILE:N	19	128.4
(1,194)	1:A:112:VAL:N	1:A:112:VAL:CA	1:A:112:VAL:C	1:A:113:LEU:N	13	128.4
(1,193)	1:A:111:MET:C	1:A:112:VAL:N	1:A:112:VAL:CA	1:A:112:VAL:C	7	128.4
(1,193)	1:A:111:MET:C	1:A:112:VAL:N	1:A:112:VAL:CA	1:A:112:VAL:C	18	128.4
(1,105)	1:A:65:SER:N	1:A:65:SER:CA	1:A:65:SER:C	1:A:66:ALA:N	18	128.4
(1,97)	1:A:59:ALA:N	1:A:59:ALA:CA	1:A:59:ALA:C	1:A:60:GLY:N	19	128.2
(1,72)	1:A:45:VAL:C	1:A:46:ILE:N	1:A:46:ILE:CA	1:A:46:ILE:C	3	128.2
(1,49)	1:A:28:PHE:C	1:A:29:VAL:N	1:A:29:VAL:CA	1:A:29:VAL:C	6	128.2
(1,247)	1:A:143:GLU:N	1:A:143:GLU:CA	1:A:143:GLU:C	1:A:144:THR:N	1	128.2
(1,245)	1:A:142:ILE:N	1:A:142:ILE:CA	1:A:142:ILE:C	1:A:143:GLU:N	18	128.2
(1,135)	1:A:81:VAL:N	1:A:81:VAL:CA	1:A:81:VAL:C	1:A:82:PHE:N	18	128.2
(1,131)	1:A:79:LEU:N	1:A:79:LEU:CA	1:A:79:LEU:C	1:A:80:CYS:N	5	128.2
(1,4)	1:A:3:GLU:N	1:A:3:GLU:CA	1:A:3:GLU:C	1:A:4:TYR:N	20	128.1
(1,214)	1:A:125:VAL:N	1:A:125:VAL:CA	1:A:125:VAL:C	1:A:126:GLU:N	18	128.1
(1,62)	1:A:40:TYR:C	1:A:41:ARG:N	1:A:41:ARG:CA	1:A:41:ARG:C	8	128.0
(1,65)	1:A:42:LYS:N	1:A:42:LYS:CA	1:A:42:LYS:C	1:A:43:GLN:N	6	127.9
(1,6)	1:A:4:TYR:N	1:A:4:TYR:CA	1:A:4:TYR:C	1:A:5:LYS:N	11	127.9
(1,100)	1:A:62:GLU:C	1:A:63:GLU:N	1:A:63:GLU:CA	1:A:63:GLU:C	5	127.9
(1,97)	1:A:59:ALA:N	1:A:59:ALA:CA	1:A:59:ALA:C	1:A:60:GLY:N	17	127.8
(1,77)	1:A:49:GLU:N	1:A:49:GLU:CA	1:A:49:GLU:C	1:A:50:THR:N	16	127.8
(1,72)	1:A:45:VAL:C	1:A:46:ILE:N	1:A:46:ILE:CA	1:A:46:ILE:C	17	127.8
(1,240)	1:A:139:ILE:N	1:A:139:ILE:CA	1:A:139:ILE:C	1:A:140:PRO:N	17	127.8
(1,135)	1:A:81:VAL:N	1:A:81:VAL:CA	1:A:81:VAL:C	1:A:82:PHE:N	16	127.8

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Atom-3	Atom-4	Model ID	Violation (°)
(1,60)	1:A:39:SER:C	1:A:40:TYR:N	1:A:40:TYR:CA	1:A:40:TYR:C	17	127.7
(1,4)	1:A:3:GLU:N	1:A:3:GLU:CA	1:A:3:GLU:C	1:A:4:TYR:N	9	127.7
(1,256)	1:A:147:LYS:C	1:A:148:THR:N	1:A:148:THR:CA	1:A:148:THR:C	10	127.7
(1,136)	1:A:81:VAL:C	1:A:82:PHE:N	1:A:82:PHE:CA	1:A:82:PHE:C	3	127.7
(1,89)	1:A:55:ILE:N	1:A:55:ILE:CA	1:A:55:ILE:C	1:A:56:LEU:N	20	127.6
(1,67)	1:A:43:GLN:N	1:A:43:GLN:CA	1:A:43:GLN:C	1:A:44:VAL:N	13	127.6
(1,62)	1:A:40:TYR:C	1:A:41:ARG:N	1:A:41:ARG:CA	1:A:41:ARG:C	6	127.6
(1,48)	1:A:28:PHE:N	1:A:28:PHE:CA	1:A:28:PHE:C	1:A:29:VAL:N	2	127.6
(1,240)	1:A:139:ILE:N	1:A:139:ILE:CA	1:A:139:ILE:C	1:A:140:PRO:N	9	127.6
(1,2)	1:A:2:THR:N	1:A:2:THR:CA	1:A:2:THR:C	1:A:3:GLU:N	9	127.6
(1,189)	1:A:109:VAL:N	1:A:109:VAL:CA	1:A:109:VAL:C	1:A:110:PRO:N	7	127.6
(1,77)	1:A:49:GLU:N	1:A:49:GLU:CA	1:A:49:GLU:C	1:A:50:THR:N	10	127.5
(1,73)	1:A:46:ILE:N	1:A:46:ILE:CA	1:A:46:ILE:C	1:A:47:ASP:N	1	127.5
(1,65)	1:A:42:LYS:N	1:A:42:LYS:CA	1:A:42:LYS:C	1:A:43:GLN:N	17	127.5
(1,60)	1:A:39:SER:C	1:A:40:TYR:N	1:A:40:TYR:CA	1:A:40:TYR:C	7	127.5
(1,48)	1:A:28:PHE:N	1:A:28:PHE:CA	1:A:28:PHE:C	1:A:29:VAL:N	20	127.5
(1,243)	1:A:141:TYR:N	1:A:141:TYR:CA	1:A:141:TYR:C	1:A:142:ILE:N	1	127.5
(1,243)	1:A:141:TYR:N	1:A:141:TYR:CA	1:A:141:TYR:C	1:A:142:ILE:N	5	127.5
(1,243)	1:A:141:TYR:N	1:A:141:TYR:CA	1:A:141:TYR:C	1:A:142:ILE:N	14	127.5
(1,243)	1:A:141:TYR:N	1:A:141:TYR:CA	1:A:141:TYR:C	1:A:142:ILE:N	15	127.5
(1,186)	1:A:107:ASP:C	1:A:108:ASP:N	1:A:108:ASP:CA	1:A:108:ASP:C	11	127.5
(1,131)	1:A:79:LEU:N	1:A:79:LEU:CA	1:A:79:LEU:C	1:A:80:CYS:N	4	127.5
(1,10)	1:A:6:LEU:N	1:A:6:LEU:CA	1:A:6:LEU:C	1:A:7:VAL:N	8	127.5
(1,95)	1:A:58:THR:N	1:A:58:THR:CA	1:A:58:THR:C	1:A:59:ALA:N	13	127.4
(1,79)	1:A:50:THR:N	1:A:50:THR:CA	1:A:50:THR:C	1:A:51:CYS:N	2	127.4
(1,77)	1:A:49:GLU:N	1:A:49:GLU:CA	1:A:49:GLU:C	1:A:50:THR:N	2	127.4
(1,77)	1:A:49:GLU:N	1:A:49:GLU:CA	1:A:49:GLU:C	1:A:50:THR:N	19	127.4
(1,65)	1:A:42:LYS:N	1:A:42:LYS:CA	1:A:42:LYS:C	1:A:43:GLN:N	14	127.4
(1,65)	1:A:42:LYS:N	1:A:42:LYS:CA	1:A:42:LYS:C	1:A:43:GLN:N	18	127.4
(1,63)	1:A:41:ARG:N	1:A:41:ARG:CA	1:A:41:ARG:C	1:A:42:LYS:N	4	127.4
(1,62)	1:A:40:TYR:C	1:A:41:ARG:N	1:A:41:ARG:CA	1:A:41:ARG:C	12	127.4
(1,60)	1:A:39:SER:C	1:A:40:TYR:N	1:A:40:TYR:CA	1:A:40:TYR:C	5	127.4
(1,6)	1:A:4:TYR:N	1:A:4:TYR:CA	1:A:4:TYR:C	1:A:5:LYS:N	16	127.4
(1,251)	1:A:145:SER:N	1:A:145:SER:CA	1:A:145:SER:C	1:A:146:ALA:N	6	127.4
(1,250)	1:A:144:THR:C	1:A:145:SER:N	1:A:145:SER:CA	1:A:145:SER:C	14	127.4
(1,247)	1:A:143:GLU:N	1:A:143:GLU:CA	1:A:143:GLU:C	1:A:144:THR:N	5	127.4
(1,197)	1:A:113:LEU:C	1:A:114:VAL:N	1:A:114:VAL:CA	1:A:114:VAL:C	3	127.4
(1,15)	1:A:8:VAL:C	1:A:9:VAL:N	1:A:9:VAL:CA	1:A:9:VAL:C	8	127.4
(1,139)	1:A:83:ALA:N	1:A:83:ALA:CA	1:A:83:ALA:C	1:A:84:ILE:N	14	127.4
(1,135)	1:A:81:VAL:N	1:A:81:VAL:CA	1:A:81:VAL:C	1:A:82:PHE:N	7	127.4
(1,79)	1:A:50:THR:N	1:A:50:THR:CA	1:A:50:THR:C	1:A:51:CYS:N	3	127.3
(1,77)	1:A:49:GLU:N	1:A:49:GLU:CA	1:A:49:GLU:C	1:A:50:THR:N	1	127.3
(1,65)	1:A:42:LYS:N	1:A:42:LYS:CA	1:A:42:LYS:C	1:A:43:GLN:N	2	127.3
(1,57)	1:A:36:ILE:N	1:A:36:ILE:CA	1:A:36:ILE:C	1:A:37:GLU:N	19	127.3
(1,4)	1:A:3:GLU:N	1:A:3:GLU:CA	1:A:3:GLU:C	1:A:4:TYR:N	5	127.3
(1,250)	1:A:144:THR:C	1:A:145:SER:N	1:A:145:SER:CA	1:A:145:SER:C	8	127.3
(1,191)	1:A:110:PRO:C	1:A:111:MET:N	1:A:111:MET:CA	1:A:111:MET:C	5	127.3
(1,73)	1:A:46:ILE:N	1:A:46:ILE:CA	1:A:46:ILE:C	1:A:47:ASP:N	4	127.2
(1,65)	1:A:42:LYS:N	1:A:42:LYS:CA	1:A:42:LYS:C	1:A:43:GLN:N	1	127.2
(1,251)	1:A:145:SER:N	1:A:145:SER:CA	1:A:145:SER:C	1:A:146:ALA:N	17	127.2
(1,2)	1:A:2:THR:N	1:A:2:THR:CA	1:A:2:THR:C	1:A:3:GLU:N	15	127.2

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Atom-3	Atom-4	Model ID	Violation (°)
(1,191)	1:A:110:PRO:C	1:A:111:MET:N	1:A:111:MET:CA	1:A:111:MET:C	15	127.2
(1,188)	1:A:108:ASP:C	1:A:109:VAL:N	1:A:109:VAL:CA	1:A:109:VAL:C	12	127.2
(1,100)	1:A:62:GLU:C	1:A:63:GLU:N	1:A:63:GLU:CA	1:A:63:GLU:C	2	127.2
(1,100)	1:A:62:GLU:C	1:A:63:GLU:N	1:A:63:GLU:CA	1:A:63:GLU:C	17	127.2
(1,52)	1:A:32:TYR:N	1:A:32:TYR:CA	1:A:32:TYR:C	1:A:33:ASP:N	6	127.1
(1,245)	1:A:142:ILE:N	1:A:142:ILE:CA	1:A:142:ILE:C	1:A:143:GLU:N	16	127.1
(1,128)	1:A:77:GLY:C	1:A:78:PHE:N	1:A:78:PHE:CA	1:A:78:PHE:C	12	127.1
(1,72)	1:A:45:VAL:C	1:A:46:ILE:N	1:A:46:ILE:CA	1:A:46:ILE:C	18	127.0
(1,71)	1:A:45:VAL:N	1:A:45:VAL:CA	1:A:45:VAL:C	1:A:46:ILE:N	16	127.0
(1,6)	1:A:4:TYR:N	1:A:4:TYR:CA	1:A:4:TYR:C	1:A:5:LYS:N	10	127.0
(1,57)	1:A:36:ILE:N	1:A:36:ILE:CA	1:A:36:ILE:C	1:A:37:GLU:N	10	127.0
(1,239)	1:A:138:GLY:C	1:A:139:ILE:N	1:A:139:ILE:CA	1:A:139:ILE:C	4	127.0
(1,22)	1:A:12:GLY:N	1:A:12:GLY:CA	1:A:12:GLY:C	1:A:13:GLY:N	13	127.0
(1,214)	1:A:125:VAL:N	1:A:125:VAL:CA	1:A:125:VAL:C	1:A:126:GLU:N	20	127.0
(1,189)	1:A:109:VAL:N	1:A:109:VAL:CA	1:A:109:VAL:C	1:A:110:PRO:N	15	127.0
(1,97)	1:A:59:ALA:N	1:A:59:ALA:CA	1:A:59:ALA:C	1:A:60:GLY:N	9	126.9
(1,73)	1:A:46:ILE:N	1:A:46:ILE:CA	1:A:46:ILE:C	1:A:47:ASP:N	18	126.9
(1,65)	1:A:42:LYS:N	1:A:42:LYS:CA	1:A:42:LYS:C	1:A:43:GLN:N	9	126.9
(1,57)	1:A:36:ILE:N	1:A:36:ILE:CA	1:A:36:ILE:C	1:A:37:GLU:N	13	126.9
(1,57)	1:A:36:ILE:N	1:A:36:ILE:CA	1:A:36:ILE:C	1:A:37:GLU:N	14	126.9
(1,256)	1:A:147:LYS:C	1:A:148:THR:N	1:A:148:THR:CA	1:A:148:THR:C	11	126.9
(1,247)	1:A:143:GLU:N	1:A:143:GLU:CA	1:A:143:GLU:C	1:A:144:THR:N	10	126.9
(1,243)	1:A:141:TYR:N	1:A:141:TYR:CA	1:A:141:TYR:C	1:A:142:ILE:N	12	126.9
(1,197)	1:A:113:LEU:C	1:A:114:VAL:N	1:A:114:VAL:CA	1:A:114:VAL:C	11	126.9
(1,193)	1:A:111:MET:C	1:A:112:VAL:N	1:A:112:VAL:CA	1:A:112:VAL:C	5	126.9
(1,193)	1:A:111:MET:C	1:A:112:VAL:N	1:A:112:VAL:CA	1:A:112:VAL:C	20	126.9
(1,190)	1:A:110:PRO:N	1:A:110:PRO:CA	1:A:110:PRO:C	1:A:111:MET:N	3	126.9
(1,189)	1:A:109:VAL:N	1:A:109:VAL:CA	1:A:109:VAL:C	1:A:110:PRO:N	10	126.9
(1,139)	1:A:83:ALA:N	1:A:83:ALA:CA	1:A:83:ALA:C	1:A:84:ILE:N	1	126.9
(1,60)	1:A:39:SER:C	1:A:40:TYR:N	1:A:40:TYR:CA	1:A:40:TYR:C	6	126.8
(1,45)	1:A:26:ASN:C	1:A:27:HIS:N	1:A:27:HIS:CA	1:A:27:HIS:C	14	126.8
(1,216)	1:A:126:GLU:N	1:A:126:GLU:CA	1:A:126:GLU:C	1:A:127:SER:N	5	126.8
(1,198)	1:A:114:VAL:N	1:A:114:VAL:CA	1:A:114:VAL:C	1:A:115:GLY:N	11	126.8
(1,77)	1:A:49:GLU:N	1:A:49:GLU:CA	1:A:49:GLU:C	1:A:50:THR:N	8	126.7
(1,62)	1:A:40:TYR:C	1:A:41:ARG:N	1:A:41:ARG:CA	1:A:41:ARG:C	7	126.7
(1,62)	1:A:40:TYR:C	1:A:41:ARG:N	1:A:41:ARG:CA	1:A:41:ARG:C	11	126.7
(1,198)	1:A:114:VAL:N	1:A:114:VAL:CA	1:A:114:VAL:C	1:A:115:GLY:N	15	126.7
(1,193)	1:A:111:MET:C	1:A:112:VAL:N	1:A:112:VAL:CA	1:A:112:VAL:C	14	126.7
(1,129)	1:A:78:PHE:N	1:A:78:PHE:CA	1:A:78:PHE:C	1:A:79:LEU:N	18	126.7
(1,83)	1:A:52:LEU:N	1:A:52:LEU:CA	1:A:52:LEU:C	1:A:53:LEU:N	13	126.6
(1,79)	1:A:50:THR:N	1:A:50:THR:CA	1:A:50:THR:C	1:A:51:CYS:N	1	126.6
(1,79)	1:A:50:THR:N	1:A:50:THR:CA	1:A:50:THR:C	1:A:51:CYS:N	12	126.6
(1,72)	1:A:45:VAL:C	1:A:46:ILE:N	1:A:46:ILE:CA	1:A:46:ILE:C	1	126.6
(1,243)	1:A:141:TYR:N	1:A:141:TYR:CA	1:A:141:TYR:C	1:A:142:ILE:N	16	126.6
(1,131)	1:A:79:LEU:N	1:A:79:LEU:CA	1:A:79:LEU:C	1:A:80:CYS:N	3	126.6
(1,79)	1:A:50:THR:N	1:A:50:THR:CA	1:A:50:THR:C	1:A:51:CYS:N	9	126.5
(1,77)	1:A:49:GLU:N	1:A:49:GLU:CA	1:A:49:GLU:C	1:A:50:THR:N	7	126.5
(1,49)	1:A:28:PHE:C	1:A:29:VAL:N	1:A:29:VAL:CA	1:A:29:VAL:C	13	126.5
(1,3)	1:A:2:THR:C	1:A:3:GLU:N	1:A:3:GLU:CA	1:A:3:GLU:C	1	126.5
(1,239)	1:A:138:GLY:C	1:A:139:ILE:N	1:A:139:ILE:CA	1:A:139:ILE:C	15	126.5
(1,20)	1:A:11:ALA:N	1:A:11:ALA:CA	1:A:11:ALA:C	1:A:12:GLY:N	5	126.5

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Atom-3	Atom-4	Model ID	Violation (°)
(1,103)	1:A:64:TYR:N	1:A:64:TYR:CA	1:A:64:TYR:C	1:A:65:SER:N	15	126.5
(1,79)	1:A:50:THR:N	1:A:50:THR:CA	1:A:50:THR:C	1:A:51:CYS:N	4	126.4
(1,57)	1:A:36:ILE:N	1:A:36:ILE:CA	1:A:36:ILE:C	1:A:37:GLU:N	17	126.4
(1,240)	1:A:139:ILE:N	1:A:139:ILE:CA	1:A:139:ILE:C	1:A:140:PRO:N	15	126.4
(1,216)	1:A:126:GLU:N	1:A:126:GLU:CA	1:A:126:GLU:C	1:A:127:SER:N	12	126.4
(1,129)	1:A:78:PHE:N	1:A:78:PHE:CA	1:A:78:PHE:C	1:A:79:LEU:N	10	126.4
(1,77)	1:A:49:GLU:N	1:A:49:GLU:CA	1:A:49:GLU:C	1:A:50:THR:N	14	126.3
(1,6)	1:A:4:TYR:N	1:A:4:TYR:CA	1:A:4:TYR:C	1:A:5:LYS:N	19	126.3
(1,243)	1:A:141:TYR:N	1:A:141:TYR:CA	1:A:141:TYR:C	1:A:142:ILE:N	7	126.3
(1,182)	1:A:105:ASP:C	1:A:106:SER:N	1:A:106:SER:CA	1:A:106:SER:C	20	126.3
(1,15)	1:A:8:VAL:C	1:A:9:VAL:N	1:A:9:VAL:CA	1:A:9:VAL:C	14	126.3
(1,45)	1:A:26:ASN:C	1:A:27:HIS:N	1:A:27:HIS:CA	1:A:27:HIS:C	15	126.2
(1,243)	1:A:141:TYR:N	1:A:141:TYR:CA	1:A:141:TYR:C	1:A:142:ILE:N	20	126.2
(1,97)	1:A:59:ALA:N	1:A:59:ALA:CA	1:A:59:ALA:C	1:A:60:GLY:N	16	126.1
(1,77)	1:A:49:GLU:N	1:A:49:GLU:CA	1:A:49:GLU:C	1:A:50:THR:N	17	126.1
(1,48)	1:A:28:PHE:N	1:A:28:PHE:CA	1:A:28:PHE:C	1:A:29:VAL:N	11	126.1
(1,198)	1:A:114:VAL:N	1:A:114:VAL:CA	1:A:114:VAL:C	1:A:115:GLY:N	5	126.1
(1,131)	1:A:79:LEU:N	1:A:79:LEU:CA	1:A:79:LEU:C	1:A:80:CYS:N	13	126.1
(1,12)	1:A:7:VAL:N	1:A:7:VAL:CA	1:A:7:VAL:C	1:A:8:VAL:N	3	126.1
(1,247)	1:A:143:GLU:N	1:A:143:GLU:CA	1:A:143:GLU:C	1:A:144:THR:N	8	126.0
(1,247)	1:A:143:GLU:N	1:A:143:GLU:CA	1:A:143:GLU:C	1:A:144:THR:N	15	126.0
(1,14)	1:A:8:VAL:N	1:A:8:VAL:CA	1:A:8:VAL:C	1:A:9:VAL:N	9	126.0
(1,10)	1:A:6:LEU:N	1:A:6:LEU:CA	1:A:6:LEU:C	1:A:7:VAL:N	18	126.0
(1,91)	1:A:56:LEU:N	1:A:56:LEU:CA	1:A:56:LEU:C	1:A:57:ASP:N	3	125.9
(1,79)	1:A:50:THR:N	1:A:50:THR:CA	1:A:50:THR:C	1:A:51:CYS:N	5	125.9
(1,79)	1:A:50:THR:N	1:A:50:THR:CA	1:A:50:THR:C	1:A:51:CYS:N	14	125.9
(1,60)	1:A:39:SER:C	1:A:40:TYR:N	1:A:40:TYR:CA	1:A:40:TYR:C	14	125.9
(1,4)	1:A:3:GLU:N	1:A:3:GLU:CA	1:A:3:GLU:C	1:A:4:TYR:N	8	125.9
(1,83)	1:A:52:LEU:N	1:A:52:LEU:CA	1:A:52:LEU:C	1:A:53:LEU:N	20	125.8
(1,48)	1:A:28:PHE:N	1:A:28:PHE:CA	1:A:28:PHE:C	1:A:29:VAL:N	4	125.8
(1,247)	1:A:143:GLU:N	1:A:143:GLU:CA	1:A:143:GLU:C	1:A:144:THR:N	11	125.8
(1,190)	1:A:110:PRO:N	1:A:110:PRO:CA	1:A:110:PRO:C	1:A:111:MET:N	9	125.8
(1,190)	1:A:110:PRO:N	1:A:110:PRO:CA	1:A:110:PRO:C	1:A:111:MET:N	13	125.8
(1,15)	1:A:8:VAL:C	1:A:9:VAL:N	1:A:9:VAL:CA	1:A:9:VAL:C	6	125.8
(1,197)	1:A:113:LEU:C	1:A:114:VAL:N	1:A:114:VAL:CA	1:A:114:VAL:C	18	125.7
(1,80)	1:A:50:THR:C	1:A:51:CYS:N	1:A:51:CYS:CA	1:A:51:CYS:C	13	125.6
(1,77)	1:A:49:GLU:N	1:A:49:GLU:CA	1:A:49:GLU:C	1:A:50:THR:N	18	125.6
(1,72)	1:A:45:VAL:C	1:A:46:ILE:N	1:A:46:ILE:CA	1:A:46:ILE:C	20	125.6
(1,3)	1:A:2:THR:C	1:A:3:GLU:N	1:A:3:GLU:CA	1:A:3:GLU:C	18	125.6
(1,79)	1:A:50:THR:N	1:A:50:THR:CA	1:A:50:THR:C	1:A:51:CYS:N	8	125.5
(1,245)	1:A:142:ILE:N	1:A:142:ILE:CA	1:A:142:ILE:C	1:A:143:GLU:N	13	125.5
(1,198)	1:A:114:VAL:N	1:A:114:VAL:CA	1:A:114:VAL:C	1:A:115:GLY:N	13	125.5
(1,193)	1:A:111:MET:C	1:A:112:VAL:N	1:A:112:VAL:CA	1:A:112:VAL:C	10	125.5
(1,139)	1:A:83:ALA:N	1:A:83:ALA:CA	1:A:83:ALA:C	1:A:84:ILE:N	18	125.5
(1,131)	1:A:79:LEU:N	1:A:79:LEU:CA	1:A:79:LEU:C	1:A:80:CYS:N	14	125.5
(1,100)	1:A:62:GLU:C	1:A:63:GLU:N	1:A:63:GLU:CA	1:A:63:GLU:C	3	125.5
(1,10)	1:A:6:LEU:N	1:A:6:LEU:CA	1:A:6:LEU:C	1:A:7:VAL:N	7	125.5
(1,62)	1:A:40:TYR:C	1:A:41:ARG:N	1:A:41:ARG:CA	1:A:41:ARG:C	19	125.4
(1,5)	1:A:3:GLU:C	1:A:4:TYR:N	1:A:4:TYR:CA	1:A:4:TYR:C	16	125.4
(1,4)	1:A:3:GLU:N	1:A:3:GLU:CA	1:A:3:GLU:C	1:A:4:TYR:N	19	125.4
(1,135)	1:A:81:VAL:N	1:A:81:VAL:CA	1:A:81:VAL:C	1:A:82:PHE:N	9	125.4

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Atom-3	Atom-4	Model ID	Violation (°)
(1,10)	1:A:6:LEU:N	1:A:6:LEU:CA	1:A:6:LEU:C	1:A:7:VAL:N	10	125.4
(1,93)	1:A:57:ASP:N	1:A:57:ASP:CA	1:A:57:ASP:C	1:A:58:THR:N	11	125.3
(1,2)	1:A:2:THR:N	1:A:2:THR:CA	1:A:2:THR:C	1:A:3:GLU:N	14	125.3
(1,196)	1:A:113:LEU:N	1:A:113:LEU:CA	1:A:113:LEU:C	1:A:114:VAL:N	3	125.3
(1,77)	1:A:49:GLU:N	1:A:49:GLU:CA	1:A:49:GLU:C	1:A:50:THR:N	5	125.2
(1,6)	1:A:4:TYR:N	1:A:4:TYR:CA	1:A:4:TYR:C	1:A:5:LYS:N	9	125.2
(1,6)	1:A:4:TYR:N	1:A:4:TYR:CA	1:A:4:TYR:C	1:A:5:LYS:N	15	125.2
(1,214)	1:A:125:VAL:N	1:A:125:VAL:CA	1:A:125:VAL:C	1:A:126:GLU:N	17	125.2
(1,209)	1:A:122:ALA:C	1:A:123:ARG:N	1:A:123:ARG:CA	1:A:123:ARG:C	13	125.2
(1,131)	1:A:79:LEU:N	1:A:79:LEU:CA	1:A:79:LEU:C	1:A:80:CYS:N	16	125.2
(1,103)	1:A:64:TYR:N	1:A:64:TYR:CA	1:A:64:TYR:C	1:A:65:SER:N	17	125.2
(1,189)	1:A:109:VAL:N	1:A:109:VAL:CA	1:A:109:VAL:C	1:A:110:PRO:N	1	125.1
(1,129)	1:A:78:PHE:N	1:A:78:PHE:CA	1:A:78:PHE:C	1:A:79:LEU:N	11	125.1
(1,6)	1:A:4:TYR:N	1:A:4:TYR:CA	1:A:4:TYR:C	1:A:5:LYS:N	4	125.0
(1,57)	1:A:36:ILE:N	1:A:36:ILE:CA	1:A:36:ILE:C	1:A:37:GLU:N	18	125.0
(1,50)	1:A:29:VAL:N	1:A:29:VAL:CA	1:A:29:VAL:C	1:A:30:ASP:N	4	125.0
(1,198)	1:A:114:VAL:N	1:A:114:VAL:CA	1:A:114:VAL:C	1:A:115:GLY:N	14	125.0
(1,182)	1:A:105:ASP:C	1:A:106:SER:N	1:A:106:SER:CA	1:A:106:SER:C	1	125.0
(1,15)	1:A:8:VAL:C	1:A:9:VAL:N	1:A:9:VAL:CA	1:A:9:VAL:C	18	125.0
(1,12)	1:A:7:VAL:N	1:A:7:VAL:CA	1:A:7:VAL:C	1:A:8:VAL:N	4	125.0
(1,80)	1:A:50:THR:C	1:A:51:CYS:N	1:A:51:CYS:CA	1:A:51:CYS:C	7	124.9
(1,79)	1:A:50:THR:N	1:A:50:THR:CA	1:A:50:THR:C	1:A:51:CYS:N	15	124.9
(1,243)	1:A:141:TYR:N	1:A:141:TYR:CA	1:A:141:TYR:C	1:A:142:ILE:N	17	124.9
(1,198)	1:A:114:VAL:N	1:A:114:VAL:CA	1:A:114:VAL:C	1:A:115:GLY:N	1	124.9
(1,198)	1:A:114:VAL:N	1:A:114:VAL:CA	1:A:114:VAL:C	1:A:115:GLY:N	17	124.9
(1,193)	1:A:111:MET:C	1:A:112:VAL:N	1:A:112:VAL:CA	1:A:112:VAL:C	12	124.9
(1,193)	1:A:111:MET:C	1:A:112:VAL:N	1:A:112:VAL:CA	1:A:112:VAL:C	15	124.9
(1,14)	1:A:8:VAL:N	1:A:8:VAL:CA	1:A:8:VAL:C	1:A:9:VAL:N	6	124.9
(1,79)	1:A:50:THR:N	1:A:50:THR:CA	1:A:50:THR:C	1:A:51:CYS:N	10	124.8
(1,79)	1:A:50:THR:N	1:A:50:THR:CA	1:A:50:THR:C	1:A:51:CYS:N	17	124.8
(1,67)	1:A:43:GLN:N	1:A:43:GLN:CA	1:A:43:GLN:C	1:A:44:VAL:N	8	124.8
(1,247)	1:A:143:GLU:N	1:A:143:GLU:CA	1:A:143:GLU:C	1:A:144:THR:N	17	124.8
(1,197)	1:A:113:LEU:C	1:A:114:VAL:N	1:A:114:VAL:CA	1:A:114:VAL:C	6	124.8
(1,196)	1:A:113:LEU:N	1:A:113:LEU:CA	1:A:113:LEU:C	1:A:114:VAL:N	8	124.8
(1,79)	1:A:50:THR:N	1:A:50:THR:CA	1:A:50:THR:C	1:A:51:CYS:N	18	124.7
(1,67)	1:A:43:GLN:N	1:A:43:GLN:CA	1:A:43:GLN:C	1:A:44:VAL:N	7	124.7
(1,239)	1:A:138:GLY:C	1:A:139:ILE:N	1:A:139:ILE:CA	1:A:139:ILE:C	1	124.7
(1,198)	1:A:114:VAL:N	1:A:114:VAL:CA	1:A:114:VAL:C	1:A:115:GLY:N	7	124.7
(1,73)	1:A:46:ILE:N	1:A:46:ILE:CA	1:A:46:ILE:C	1:A:47:ASP:N	12	124.6
(1,4)	1:A:3:GLU:N	1:A:3:GLU:CA	1:A:3:GLU:C	1:A:4:TYR:N	15	124.6
(1,243)	1:A:141:TYR:N	1:A:141:TYR:CA	1:A:141:TYR:C	1:A:142:ILE:N	6	124.6
(1,2)	1:A:2:THR:N	1:A:2:THR:CA	1:A:2:THR:C	1:A:3:GLU:N	11	124.6
(1,196)	1:A:113:LEU:N	1:A:113:LEU:CA	1:A:113:LEU:C	1:A:114:VAL:N	16	124.6
(1,79)	1:A:50:THR:N	1:A:50:THR:CA	1:A:50:THR:C	1:A:51:CYS:N	16	124.5
(1,5)	1:A:3:GLU:C	1:A:4:TYR:N	1:A:4:TYR:CA	1:A:4:TYR:C	7	124.5
(1,250)	1:A:144:THR:C	1:A:145:SER:N	1:A:145:SER:CA	1:A:145:SER:C	19	124.5
(1,67)	1:A:43:GLN:N	1:A:43:GLN:CA	1:A:43:GLN:C	1:A:44:VAL:N	14	124.4
(1,48)	1:A:28:PHE:N	1:A:28:PHE:CA	1:A:28:PHE:C	1:A:29:VAL:N	1	124.4
(1,247)	1:A:143:GLU:N	1:A:143:GLU:CA	1:A:143:GLU:C	1:A:144:THR:N	16	124.4
(1,131)	1:A:79:LEU:N	1:A:79:LEU:CA	1:A:79:LEU:C	1:A:80:CYS:N	6	124.4
(1,72)	1:A:45:VAL:C	1:A:46:ILE:N	1:A:46:ILE:CA	1:A:46:ILE:C	12	124.3

Continued on next page...



Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Atom-3	Atom-4	Model ID	Violation (°)
(1,60)	1:A:39:SER:C	1:A:40:TYR:N	1:A:40:TYR:CA	1:A:40:TYR:C	13	124.3
(1,259)	1:A:150:GLN:N	1:A:150:GLN:CA	1:A:150:GLN:C	1:A:151:GLY:N	17	124.3
(1,243)	1:A:141:TYR:N	1:A:141:TYR:CA	1:A:141:TYR:C	1:A:142:ILE:N	2	124.3
(1,190)	1:A:110:PRO:N	1:A:110:PRO:CA	1:A:110:PRO:C	1:A:111:MET:N	7	124.3
(1,131)	1:A:79:LEU:N	1:A:79:LEU:CA	1:A:79:LEU:C	1:A:80:CYS:N	15	124.3
(1,12)	1:A:7:VAL:N	1:A:7:VAL:CA	1:A:7:VAL:C	1:A:8:VAL:N	5	124.3
(1,10)	1:A:6:LEU:N	1:A:6:LEU:CA	1:A:6:LEU:C	1:A:7:VAL:N	2	124.3
(1,89)	1:A:55:ILE:N	1:A:55:ILE:CA	1:A:55:ILE:C	1:A:56:LEU:N	8	124.2
(1,67)	1:A:43:GLN:N	1:A:43:GLN:CA	1:A:43:GLN:C	1:A:44:VAL:N	17	124.2
(1,247)	1:A:143:GLU:N	1:A:143:GLU:CA	1:A:143:GLU:C	1:A:144:THR:N	7	124.2
(1,20)	1:A:11:ALA:N	1:A:11:ALA:CA	1:A:11:ALA:C	1:A:12:GLY:N	6	124.2
(1,83)	1:A:52:LEU:N	1:A:52:LEU:CA	1:A:52:LEU:C	1:A:53:LEU:N	16	124.1
(1,67)	1:A:43:GLN:N	1:A:43:GLN:CA	1:A:43:GLN:C	1:A:44:VAL:N	18	124.1
(1,60)	1:A:39:SER:C	1:A:40:TYR:N	1:A:40:TYR:CA	1:A:40:TYR:C	19	124.1
(1,198)	1:A:114:VAL:N	1:A:114:VAL:CA	1:A:114:VAL:C	1:A:115:GLY:N	2	124.1
(1,197)	1:A:113:LEU:C	1:A:114:VAL:N	1:A:114:VAL:CA	1:A:114:VAL:C	10	124.1
(1,190)	1:A:110:PRO:N	1:A:110:PRO:CA	1:A:110:PRO:C	1:A:111:MET:N	18	124.1
(1,19)	1:A:10:GLY:C	1:A:11:ALA:N	1:A:11:ALA:CA	1:A:11:ALA:C	18	124.1
(1,129)	1:A:78:PHE:N	1:A:78:PHE:CA	1:A:78:PHE:C	1:A:79:LEU:N	8	124.1
(1,73)	1:A:46:ILE:N	1:A:46:ILE:CA	1:A:46:ILE:C	1:A:47:ASP:N	3	124.0
(1,68)	1:A:43:GLN:C	1:A:44:VAL:N	1:A:44:VAL:CA	1:A:44:VAL:C	13	124.0
(1,239)	1:A:138:GLY:C	1:A:139:ILE:N	1:A:139:ILE:CA	1:A:139:ILE:C	13	124.0
(1,198)	1:A:114:VAL:N	1:A:114:VAL:CA	1:A:114:VAL:C	1:A:115:GLY:N	8	124.0
(1,14)	1:A:8:VAL:N	1:A:8:VAL:CA	1:A:8:VAL:C	1:A:9:VAL:N	14	124.0
(1,131)	1:A:79:LEU:N	1:A:79:LEU:CA	1:A:79:LEU:C	1:A:80:CYS:N	12	124.0
(1,10)	1:A:6:LEU:N	1:A:6:LEU:CA	1:A:6:LEU:C	1:A:7:VAL:N	5	124.0
(1,57)	1:A:36:ILE:N	1:A:36:ILE:CA	1:A:36:ILE:C	1:A:37:GLU:N	12	123.9
(1,247)	1:A:143:GLU:N	1:A:143:GLU:CA	1:A:143:GLU:C	1:A:144:THR:N	20	123.9
(1,245)	1:A:142:ILE:N	1:A:142:ILE:CA	1:A:142:ILE:C	1:A:143:GLU:N	14	123.9
(1,243)	1:A:141:TYR:N	1:A:141:TYR:CA	1:A:141:TYR:C	1:A:142:ILE:N	3	123.9
(1,243)	1:A:141:TYR:N	1:A:141:TYR:CA	1:A:141:TYR:C	1:A:142:ILE:N	18	123.9
(1,102)	1:A:63:GLU:C	1:A:64:TYR:N	1:A:64:TYR:CA	1:A:64:TYR:C	4	123.9
(1,91)	1:A:56:LEU:N	1:A:56:LEU:CA	1:A:56:LEU:C	1:A:57:ASP:N	6	123.8
(1,83)	1:A:52:LEU:N	1:A:52:LEU:CA	1:A:52:LEU:C	1:A:53:LEU:N	19	123.8
(1,60)	1:A:39:SER:C	1:A:40:TYR:N	1:A:40:TYR:CA	1:A:40:TYR:C	9	123.8
(1,129)	1:A:78:PHE:N	1:A:78:PHE:CA	1:A:78:PHE:C	1:A:79:LEU:N	17	123.8
(1,49)	1:A:28:PHE:C	1:A:29:VAL:N	1:A:29:VAL:CA	1:A:29:VAL:C	8	123.7
(1,49)	1:A:28:PHE:C	1:A:29:VAL:N	1:A:29:VAL:CA	1:A:29:VAL:C	15	123.7
(1,216)	1:A:126:GLU:N	1:A:126:GLU:CA	1:A:126:GLU:C	1:A:127:SER:N	9	123.7
(1,216)	1:A:126:GLU:N	1:A:126:GLU:CA	1:A:126:GLU:C	1:A:127:SER:N	10	123.7
(1,197)	1:A:113:LEU:C	1:A:114:VAL:N	1:A:114:VAL:CA	1:A:114:VAL:C	4	123.7
(1,190)	1:A:110:PRO:N	1:A:110:PRO:CA	1:A:110:PRO:C	1:A:111:MET:N	16	123.7
(1,62)	1:A:40:TYR:C	1:A:41:ARG:N	1:A:41:ARG:CA	1:A:41:ARG:C	5	123.6
(1,131)	1:A:79:LEU:N	1:A:79:LEU:CA	1:A:79:LEU:C	1:A:80:CYS:N	10	123.6
(1,96)	1:A:58:THR:C	1:A:59:ALA:N	1:A:59:ALA:CA	1:A:59:ALA:C	16	123.5
(1,72)	1:A:45:VAL:C	1:A:46:ILE:N	1:A:46:ILE:CA	1:A:46:ILE:C	13	123.5
(1,45)	1:A:26:ASN:C	1:A:27:HIS:N	1:A:27:HIS:CA	1:A:27:HIS:C	19	123.5
(1,190)	1:A:110:PRO:N	1:A:110:PRO:CA	1:A:110:PRO:C	1:A:111:MET:N	2	123.5
(1,72)	1:A:45:VAL:C	1:A:46:ILE:N	1:A:46:ILE:CA	1:A:46:ILE:C	14	123.4
(1,67)	1:A:43:GLN:N	1:A:43:GLN:CA	1:A:43:GLN:C	1:A:44:VAL:N	6	123.4
(1,14)	1:A:8:VAL:N	1:A:8:VAL:CA	1:A:8:VAL:C	1:A:9:VAL:N	19	123.4

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Atom-3	Atom-4	Model ID	Violation (°)
(1,67)	1:A:43:GLN:N	1:A:43:GLN:CA	1:A:43:GLN:C	1:A:44:VAL:N	4	123.3
(1,60)	1:A:39:SER:C	1:A:40:TYR:N	1:A:40:TYR:CA	1:A:40:TYR:C	15	123.3
(1,244)	1:A:141:TYR:C	1:A:142:ILE:N	1:A:142:ILE:CA	1:A:142:ILE:C	6	123.3
(1,243)	1:A:141:TYR:N	1:A:141:TYR:CA	1:A:141:TYR:C	1:A:142:ILE:N	11	123.3
(1,10)	1:A:6:LEU:N	1:A:6:LEU:CA	1:A:6:LEU:C	1:A:7:VAL:N	9	123.3
(1,91)	1:A:56:LEU:N	1:A:56:LEU:CA	1:A:56:LEU:C	1:A:57:ASP:N	13	123.2
(1,240)	1:A:139:ILE:N	1:A:139:ILE:CA	1:A:139:ILE:C	1:A:140:PRO:N	11	123.2
(1,198)	1:A:114:VAL:N	1:A:114:VAL:CA	1:A:114:VAL:C	1:A:115:GLY:N	9	123.2
(1,2)	1:A:2:THR:N	1:A:2:THR:CA	1:A:2:THR:C	1:A:3:GLU:N	6	123.1
(1,15)	1:A:8:VAL:C	1:A:9:VAL:N	1:A:9:VAL:CA	1:A:9:VAL:C	19	123.1
(1,50)	1:A:29:VAL:N	1:A:29:VAL:CA	1:A:29:VAL:C	1:A:30:ASP:N	18	123.0
(1,48)	1:A:28:PHE:N	1:A:28:PHE:CA	1:A:28:PHE:C	1:A:29:VAL:N	5	122.9
(1,3)	1:A:2:THR:C	1:A:3:GLU:N	1:A:3:GLU:CA	1:A:3:GLU:C	12	122.9
(1,72)	1:A:45:VAL:C	1:A:46:ILE:N	1:A:46:ILE:CA	1:A:46:ILE:C	7	122.8
(1,10)	1:A:6:LEU:N	1:A:6:LEU:CA	1:A:6:LEU:C	1:A:7:VAL:N	19	122.8
(1,3)	1:A:2:THR:C	1:A:3:GLU:N	1:A:3:GLU:CA	1:A:3:GLU:C	17	122.7
(1,239)	1:A:138:GLY:C	1:A:139:ILE:N	1:A:139:ILE:CA	1:A:139:ILE:C	5	122.7
(1,14)	1:A:8:VAL:N	1:A:8:VAL:CA	1:A:8:VAL:C	1:A:9:VAL:N	20	122.7
(1,256)	1:A:147:LYS:C	1:A:148:THR:N	1:A:148:THR:CA	1:A:148:THR:C	12	122.6
(1,198)	1:A:114:VAL:N	1:A:114:VAL:CA	1:A:114:VAL:C	1:A:115:GLY:N	10	122.6
(1,135)	1:A:81:VAL:N	1:A:81:VAL:CA	1:A:81:VAL:C	1:A:82:PHE:N	8	122.6
(1,135)	1:A:81:VAL:N	1:A:81:VAL:CA	1:A:81:VAL:C	1:A:82:PHE:N	20	122.6
(1,131)	1:A:79:LEU:N	1:A:79:LEU:CA	1:A:79:LEU:C	1:A:80:CYS:N	8	122.6
(1,131)	1:A:79:LEU:N	1:A:79:LEU:CA	1:A:79:LEU:C	1:A:80:CYS:N	9	122.6
(1,12)	1:A:7:VAL:N	1:A:7:VAL:CA	1:A:7:VAL:C	1:A:8:VAL:N	6	122.6
(1,89)	1:A:55:ILE:N	1:A:55:ILE:CA	1:A:55:ILE:C	1:A:56:LEU:N	16	122.5
(1,72)	1:A:45:VAL:C	1:A:46:ILE:N	1:A:46:ILE:CA	1:A:46:ILE:C	10	122.5
(1,2)	1:A:2:THR:N	1:A:2:THR:CA	1:A:2:THR:C	1:A:3:GLU:N	5	122.5
(1,197)	1:A:113:LEU:C	1:A:114:VAL:N	1:A:114:VAL:CA	1:A:114:VAL:C	9	122.5
(1,196)	1:A:113:LEU:N	1:A:113:LEU:CA	1:A:113:LEU:C	1:A:114:VAL:N	12	122.5
(1,191)	1:A:110:PRO:C	1:A:111:MET:N	1:A:111:MET:CA	1:A:111:MET:C	9	122.5
(1,133)	1:A:80:CYS:N	1:A:80:CYS:CA	1:A:80:CYS:C	1:A:81:VAL:N	19	122.5
(1,12)	1:A:7:VAL:N	1:A:7:VAL:CA	1:A:7:VAL:C	1:A:8:VAL:N	2	122.5
(1,12)	1:A:7:VAL:N	1:A:7:VAL:CA	1:A:7:VAL:C	1:A:8:VAL:N	17	122.5
(1,79)	1:A:50:THR:N	1:A:50:THR:CA	1:A:50:THR:C	1:A:51:CYS:N	20	122.4
(1,73)	1:A:46:ILE:N	1:A:46:ILE:CA	1:A:46:ILE:C	1:A:47:ASP:N	20	122.4
(1,71)	1:A:45:VAL:N	1:A:45:VAL:CA	1:A:45:VAL:C	1:A:46:ILE:N	19	122.4
(1,67)	1:A:43:GLN:N	1:A:43:GLN:CA	1:A:43:GLN:C	1:A:44:VAL:N	3	122.4
(1,67)	1:A:43:GLN:N	1:A:43:GLN:CA	1:A:43:GLN:C	1:A:44:VAL:N	12	122.4
(1,67)	1:A:43:GLN:N	1:A:43:GLN:CA	1:A:43:GLN:C	1:A:44:VAL:N	20	122.4
(1,60)	1:A:39:SER:C	1:A:40:TYR:N	1:A:40:TYR:CA	1:A:40:TYR:C	16	122.4
(1,3)	1:A:2:THR:C	1:A:3:GLU:N	1:A:3:GLU:CA	1:A:3:GLU:C	10	122.4
(1,251)	1:A:145:SER:N	1:A:145:SER:CA	1:A:145:SER:C	1:A:146:ALA:N	14	122.4
(1,197)	1:A:113:LEU:C	1:A:114:VAL:N	1:A:114:VAL:CA	1:A:114:VAL:C	19	122.4
(1,14)	1:A:8:VAL:N	1:A:8:VAL:CA	1:A:8:VAL:C	1:A:9:VAL:N	7	122.4
(1,14)	1:A:8:VAL:N	1:A:8:VAL:CA	1:A:8:VAL:C	1:A:9:VAL:N	12	122.4
(1,14)	1:A:8:VAL:N	1:A:8:VAL:CA	1:A:8:VAL:C	1:A:9:VAL:N	15	122.4
(1,135)	1:A:81:VAL:N	1:A:81:VAL:CA	1:A:81:VAL:C	1:A:82:PHE:N	5	122.4
(1,91)	1:A:56:LEU:N	1:A:56:LEU:CA	1:A:56:LEU:C	1:A:57:ASP:N	10	122.3
(1,79)	1:A:50:THR:N	1:A:50:THR:CA	1:A:50:THR:C	1:A:51:CYS:N	11	122.3
(1,79)	1:A:50:THR:N	1:A:50:THR:CA	1:A:50:THR:C	1:A:51:CYS:N	19	122.3

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Atom-3	Atom-4	Model ID	Violation (°)
(1,256)	1:A:147:LYS:C	1:A:148:THR:N	1:A:148:THR:CA	1:A:148:THR:C	8	122.3
(1,193)	1:A:111:MET:C	1:A:112:VAL:N	1:A:112:VAL:CA	1:A:112:VAL:C	11	122.3
(1,14)	1:A:8:VAL:N	1:A:8:VAL:CA	1:A:8:VAL:C	1:A:9:VAL:N	8	122.3
(1,72)	1:A:45:VAL:C	1:A:46:ILE:N	1:A:46:ILE:CA	1:A:46:ILE:C	2	122.2
(1,62)	1:A:40:TYR:C	1:A:41:ARG:N	1:A:41:ARG:CA	1:A:41:ARG:C	3	122.2
(1,49)	1:A:28:PHE:C	1:A:29:VAL:N	1:A:29:VAL:CA	1:A:29:VAL:C	9	122.2
(1,216)	1:A:126:GLU:N	1:A:126:GLU:CA	1:A:126:GLU:C	1:A:127:SER:N	17	122.2
(1,211)	1:A:123:ARG:C	1:A:124:THR:N	1:A:124:THR:CA	1:A:124:THR:C	8	122.2
(1,211)	1:A:123:ARG:C	1:A:124:THR:N	1:A:124:THR:CA	1:A:124:THR:C	12	122.2
(1,2)	1:A:2:THR:N	1:A:2:THR:CA	1:A:2:THR:C	1:A:3:GLU:N	7	122.2
(1,193)	1:A:111:MET:C	1:A:112:VAL:N	1:A:112:VAL:CA	1:A:112:VAL:C	13	122.2
(1,57)	1:A:36:ILE:N	1:A:36:ILE:CA	1:A:36:ILE:C	1:A:37:GLU:N	1	122.1
(1,57)	1:A:36:ILE:N	1:A:36:ILE:CA	1:A:36:ILE:C	1:A:37:GLU:N	3	122.1
(1,213)	1:A:124:THR:C	1:A:125:VAL:N	1:A:125:VAL:CA	1:A:125:VAL:C	11	122.1
(1,84)	1:A:52:LEU:C	1:A:53:LEU:N	1:A:53:LEU:CA	1:A:53:LEU:C	14	122.0
(1,60)	1:A:39:SER:C	1:A:40:TYR:N	1:A:40:TYR:CA	1:A:40:TYR:C	10	122.0
(1,49)	1:A:28:PHE:C	1:A:29:VAL:N	1:A:29:VAL:CA	1:A:29:VAL:C	10	122.0
(1,245)	1:A:142:ILE:N	1:A:142:ILE:CA	1:A:142:ILE:C	1:A:143:GLU:N	20	122.0
(1,239)	1:A:138:GLY:C	1:A:139:ILE:N	1:A:139:ILE:CA	1:A:139:ILE:C	3	122.0
(1,198)	1:A:114:VAL:N	1:A:114:VAL:CA	1:A:114:VAL:C	1:A:115:GLY:N	12	122.0
(1,196)	1:A:113:LEU:N	1:A:113:LEU:CA	1:A:113:LEU:C	1:A:114:VAL:N	20	122.0
(1,133)	1:A:80:CYS:N	1:A:80:CYS:CA	1:A:80:CYS:C	1:A:81:VAL:N	12	122.0
(1,131)	1:A:79:LEU:N	1:A:79:LEU:CA	1:A:79:LEU:C	1:A:80:CYS:N	19	122.0
(1,103)	1:A:64:TYR:N	1:A:64:TYR:CA	1:A:64:TYR:C	1:A:65:SER:N	8	122.0
(1,67)	1:A:43:GLN:N	1:A:43:GLN:CA	1:A:43:GLN:C	1:A:44:VAL:N	15	121.9
(1,60)	1:A:39:SER:C	1:A:40:TYR:N	1:A:40:TYR:CA	1:A:40:TYR:C	8	121.9
(1,50)	1:A:29:VAL:N	1:A:29:VAL:CA	1:A:29:VAL:C	1:A:30:ASP:N	15	121.9
(1,197)	1:A:113:LEU:C	1:A:114:VAL:N	1:A:114:VAL:CA	1:A:114:VAL:C	8	121.9
(1,91)	1:A:56:LEU:N	1:A:56:LEU:CA	1:A:56:LEU:C	1:A:57:ASP:N	2	121.8
(1,67)	1:A:43:GLN:N	1:A:43:GLN:CA	1:A:43:GLN:C	1:A:44:VAL:N	10	121.8
(1,56)	1:A:35:SER:C	1:A:36:ILE:N	1:A:36:ILE:CA	1:A:36:ILE:C	16	121.8
(1,239)	1:A:138:GLY:C	1:A:139:ILE:N	1:A:139:ILE:CA	1:A:139:ILE:C	12	121.8
(1,102)	1:A:63:GLU:C	1:A:64:TYR:N	1:A:64:TYR:CA	1:A:64:TYR:C	2	121.8
(1,73)	1:A:46:ILE:N	1:A:46:ILE:CA	1:A:46:ILE:C	1:A:47:ASP:N	2	121.7
(1,72)	1:A:45:VAL:C	1:A:46:ILE:N	1:A:46:ILE:CA	1:A:46:ILE:C	6	121.7
(1,67)	1:A:43:GLN:N	1:A:43:GLN:CA	1:A:43:GLN:C	1:A:44:VAL:N	11	121.7
(1,239)	1:A:138:GLY:C	1:A:139:ILE:N	1:A:139:ILE:CA	1:A:139:ILE:C	6	121.7
(1,213)	1:A:124:THR:C	1:A:125:VAL:N	1:A:125:VAL:CA	1:A:125:VAL:C	10	121.7
(1,190)	1:A:110:PRO:N	1:A:110:PRO:CA	1:A:110:PRO:C	1:A:111:MET:N	20	121.7
(1,14)	1:A:8:VAL:N	1:A:8:VAL:CA	1:A:8:VAL:C	1:A:9:VAL:N	2	121.7
(1,73)	1:A:46:ILE:N	1:A:46:ILE:CA	1:A:46:ILE:C	1:A:47:ASP:N	17	121.6
(1,71)	1:A:45:VAL:N	1:A:45:VAL:CA	1:A:45:VAL:C	1:A:46:ILE:N	15	121.6
(1,67)	1:A:43:GLN:N	1:A:43:GLN:CA	1:A:43:GLN:C	1:A:44:VAL:N	16	121.6
(1,65)	1:A:42:LYS:N	1:A:42:LYS:CA	1:A:42:LYS:C	1:A:43:GLN:N	16	121.6
(1,2)	1:A:2:THR:N	1:A:2:THR:CA	1:A:2:THR:C	1:A:3:GLU:N	3	121.6
(1,14)	1:A:8:VAL:N	1:A:8:VAL:CA	1:A:8:VAL:C	1:A:9:VAL:N	3	121.6
(1,62)	1:A:40:TYR:C	1:A:41:ARG:N	1:A:41:ARG:CA	1:A:41:ARG:C	14	121.5
(1,49)	1:A:28:PHE:C	1:A:29:VAL:N	1:A:29:VAL:CA	1:A:29:VAL:C	1	121.5
(1,14)	1:A:8:VAL:N	1:A:8:VAL:CA	1:A:8:VAL:C	1:A:9:VAL:N	4	121.5
(1,12)	1:A:7:VAL:N	1:A:7:VAL:CA	1:A:7:VAL:C	1:A:8:VAL:N	9	121.5
(1,67)	1:A:43:GLN:N	1:A:43:GLN:CA	1:A:43:GLN:C	1:A:44:VAL:N	5	121.4

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Atom-3	Atom-4	Model ID	Violation (°)
(1,62)	1:A:40:TYR:C	1:A:41:ARG:N	1:A:41:ARG:CA	1:A:41:ARG:C	13	121.4
(1,62)	1:A:40:TYR:C	1:A:41:ARG:N	1:A:41:ARG:CA	1:A:41:ARG:C	15	121.4
(1,57)	1:A:36:ILE:N	1:A:36:ILE:CA	1:A:36:ILE:C	1:A:37:GLU:N	8	121.4
(1,239)	1:A:138:GLY:C	1:A:139:ILE:N	1:A:139:ILE:CA	1:A:139:ILE:C	17	121.4
(1,72)	1:A:45:VAL:C	1:A:46:ILE:N	1:A:46:ILE:CA	1:A:46:ILE:C	19	121.3
(1,196)	1:A:113:LEU:N	1:A:113:LEU:CA	1:A:113:LEU:C	1:A:114:VAL:N	9	121.3
(1,190)	1:A:110:PRO:N	1:A:110:PRO:CA	1:A:110:PRO:C	1:A:111:MET:N	17	121.3
(1,135)	1:A:81:VAL:N	1:A:81:VAL:CA	1:A:81:VAL:C	1:A:82:PHE:N	6	121.3
(1,72)	1:A:45:VAL:C	1:A:46:ILE:N	1:A:46:ILE:CA	1:A:46:ILE:C	15	121.2
(1,71)	1:A:45:VAL:N	1:A:45:VAL:CA	1:A:45:VAL:C	1:A:46:ILE:N	11	121.2
(1,50)	1:A:29:VAL:N	1:A:29:VAL:CA	1:A:29:VAL:C	1:A:30:ASP:N	16	121.2
(1,242)	1:A:140:PRO:C	1:A:141:TYR:N	1:A:141:TYR:CA	1:A:141:TYR:C	14	121.2
(1,10)	1:A:6:LEU:N	1:A:6:LEU:CA	1:A:6:LEU:C	1:A:7:VAL:N	6	121.2
(1,73)	1:A:46:ILE:N	1:A:46:ILE:CA	1:A:46:ILE:C	1:A:47:ASP:N	14	121.1
(1,67)	1:A:43:GLN:N	1:A:43:GLN:CA	1:A:43:GLN:C	1:A:44:VAL:N	9	121.1
(1,2)	1:A:2:THR:N	1:A:2:THR:CA	1:A:2:THR:C	1:A:3:GLU:N	12	121.1
(1,135)	1:A:81:VAL:N	1:A:81:VAL:CA	1:A:81:VAL:C	1:A:82:PHE:N	11	121.1
(1,57)	1:A:36:ILE:N	1:A:36:ILE:CA	1:A:36:ILE:C	1:A:37:GLU:N	4	121.0
(1,244)	1:A:141:TYR:C	1:A:142:ILE:N	1:A:142:ILE:CA	1:A:142:ILE:C	14	121.0
(1,244)	1:A:141:TYR:C	1:A:142:ILE:N	1:A:142:ILE:CA	1:A:142:ILE:C	15	121.0
(1,211)	1:A:123:ARG:C	1:A:124:THR:N	1:A:124:THR:CA	1:A:124:THR:C	20	121.0
(1,196)	1:A:113:LEU:N	1:A:113:LEU:CA	1:A:113:LEU:C	1:A:114:VAL:N	6	121.0
(1,189)	1:A:109:VAL:N	1:A:109:VAL:CA	1:A:109:VAL:C	1:A:110:PRO:N	19	121.0
(1,83)	1:A:52:LEU:N	1:A:52:LEU:CA	1:A:52:LEU:C	1:A:53:LEU:N	12	120.9
(1,6)	1:A:4:TYR:N	1:A:4:TYR:CA	1:A:4:TYR:C	1:A:5:LYS:N	18	120.9
(1,50)	1:A:29:VAL:N	1:A:29:VAL:CA	1:A:29:VAL:C	1:A:30:ASP:N	3	120.9
(1,50)	1:A:29:VAL:N	1:A:29:VAL:CA	1:A:29:VAL:C	1:A:30:ASP:N	17	120.9
(1,86)	1:A:53:LEU:C	1:A:54:ASP:N	1:A:54:ASP:CA	1:A:54:ASP:C	8	120.8
(1,77)	1:A:49:GLU:N	1:A:49:GLU:CA	1:A:49:GLU:C	1:A:50:THR:N	15	120.8
(1,72)	1:A:45:VAL:C	1:A:46:ILE:N	1:A:46:ILE:CA	1:A:46:ILE:C	16	120.8
(1,67)	1:A:43:GLN:N	1:A:43:GLN:CA	1:A:43:GLN:C	1:A:44:VAL:N	2	120.8
(1,67)	1:A:43:GLN:N	1:A:43:GLN:CA	1:A:43:GLN:C	1:A:44:VAL:N	19	120.8
(1,12)	1:A:7:VAL:N	1:A:7:VAL:CA	1:A:7:VAL:C	1:A:8:VAL:N	10	120.8
(1,93)	1:A:57:ASP:N	1:A:57:ASP:CA	1:A:57:ASP:C	1:A:58:THR:N	20	120.7
(1,49)	1:A:28:PHE:C	1:A:29:VAL:N	1:A:29:VAL:CA	1:A:29:VAL:C	18	120.7
(1,247)	1:A:143:GLU:N	1:A:143:GLU:CA	1:A:143:GLU:C	1:A:144:THR:N	4	120.7
(1,72)	1:A:45:VAL:C	1:A:46:ILE:N	1:A:46:ILE:CA	1:A:46:ILE:C	9	120.6
(1,71)	1:A:45:VAL:N	1:A:45:VAL:CA	1:A:45:VAL:C	1:A:46:ILE:N	13	120.6
(1,251)	1:A:145:SER:N	1:A:145:SER:CA	1:A:145:SER:C	1:A:146:ALA:N	9	120.6
(1,83)	1:A:52:LEU:N	1:A:52:LEU:CA	1:A:52:LEU:C	1:A:53:LEU:N	1	120.5
(1,72)	1:A:45:VAL:C	1:A:46:ILE:N	1:A:46:ILE:CA	1:A:46:ILE:C	11	120.5
(1,83)	1:A:52:LEU:N	1:A:52:LEU:CA	1:A:52:LEU:C	1:A:53:LEU:N	6	120.4
(1,3)	1:A:2:THR:C	1:A:3:GLU:N	1:A:3:GLU:CA	1:A:3:GLU:C	11	120.4
(1,198)	1:A:114:VAL:N	1:A:114:VAL:CA	1:A:114:VAL:C	1:A:115:GLY:N	20	120.4
(1,133)	1:A:80:CYS:N	1:A:80:CYS:CA	1:A:80:CYS:C	1:A:81:VAL:N	20	120.4
(1,62)	1:A:40:TYR:C	1:A:41:ARG:N	1:A:41:ARG:CA	1:A:41:ARG:C	9	120.2
(1,57)	1:A:36:ILE:N	1:A:36:ILE:CA	1:A:36:ILE:C	1:A:37:GLU:N	2	120.2
(1,10)	1:A:6:LEU:N	1:A:6:LEU:CA	1:A:6:LEU:C	1:A:7:VAL:N	4	120.2
(1,91)	1:A:56:LEU:N	1:A:56:LEU:CA	1:A:56:LEU:C	1:A:57:ASP:N	5	120.1
(1,71)	1:A:45:VAL:N	1:A:45:VAL:CA	1:A:45:VAL:C	1:A:46:ILE:N	5	120.1
(1,71)	1:A:45:VAL:N	1:A:45:VAL:CA	1:A:45:VAL:C	1:A:46:ILE:N	8	120.1

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Atom-3	Atom-4	Model ID	Violation (°)
(1,49)	1:A:28:PHE:C	1:A:29:VAL:N	1:A:29:VAL:CA	1:A:29:VAL:C	2	120.1
(1,244)	1:A:141:TYR:C	1:A:142:ILE:N	1:A:142:ILE:CA	1:A:142:ILE:C	18	120.1
(1,2)	1:A:2:THR:N	1:A:2:THR:CA	1:A:2:THR:C	1:A:3:GLU:N	17	120.1
(1,71)	1:A:45:VAL:N	1:A:45:VAL:CA	1:A:45:VAL:C	1:A:46:ILE:N	12	120.0
(1,62)	1:A:40:TYR:C	1:A:41:ARG:N	1:A:41:ARG:CA	1:A:41:ARG:C	16	120.0
(1,251)	1:A:145:SER:N	1:A:145:SER:CA	1:A:145:SER:C	1:A:146:ALA:N	20	120.0
(1,188)	1:A:108:ASP:C	1:A:109:VAL:N	1:A:109:VAL:CA	1:A:109:VAL:C	14	120.0
(1,15)	1:A:8:VAL:C	1:A:9:VAL:N	1:A:9:VAL:CA	1:A:9:VAL:C	9	120.0
(1,133)	1:A:80:CYS:N	1:A:80:CYS:CA	1:A:80:CYS:C	1:A:81:VAL:N	10	120.0
(1,91)	1:A:56:LEU:N	1:A:56:LEU:CA	1:A:56:LEU:C	1:A:57:ASP:N	8	119.9
(1,71)	1:A:45:VAL:N	1:A:45:VAL:CA	1:A:45:VAL:C	1:A:46:ILE:N	6	119.9
(1,247)	1:A:143:GLU:N	1:A:143:GLU:CA	1:A:143:GLU:C	1:A:144:THR:N	13	119.9
(1,136)	1:A:81:VAL:C	1:A:82:PHE:N	1:A:82:PHE:CA	1:A:82:PHE:C	12	119.9
(1,133)	1:A:80:CYS:N	1:A:80:CYS:CA	1:A:80:CYS:C	1:A:81:VAL:N	5	119.9
(1,89)	1:A:55:ILE:N	1:A:55:ILE:CA	1:A:55:ILE:C	1:A:56:LEU:N	10	119.8
(1,79)	1:A:50:THR:N	1:A:50:THR:CA	1:A:50:THR:C	1:A:51:CYS:N	13	119.8
(1,72)	1:A:45:VAL:C	1:A:46:ILE:N	1:A:46:ILE:CA	1:A:46:ILE:C	8	119.8
(1,56)	1:A:35:SER:C	1:A:36:ILE:N	1:A:36:ILE:CA	1:A:36:ILE:C	7	119.8
(1,5)	1:A:3:GLU:C	1:A:4:TYR:N	1:A:4:TYR:CA	1:A:4:TYR:C	14	119.8
(1,48)	1:A:28:PHE:N	1:A:28:PHE:CA	1:A:28:PHE:C	1:A:29:VAL:N	3	119.8
(1,3)	1:A:2:THR:C	1:A:3:GLU:N	1:A:3:GLU:CA	1:A:3:GLU:C	4	119.8
(1,244)	1:A:141:TYR:C	1:A:142:ILE:N	1:A:142:ILE:CA	1:A:142:ILE:C	17	119.8
(1,243)	1:A:141:TYR:N	1:A:141:TYR:CA	1:A:141:TYR:C	1:A:142:ILE:N	4	119.8
(1,197)	1:A:113:LEU:C	1:A:114:VAL:N	1:A:114:VAL:CA	1:A:114:VAL:C	14	119.8
(1,105)	1:A:65:SER:N	1:A:65:SER:CA	1:A:65:SER:C	1:A:66:ALA:N	17	119.8
(1,73)	1:A:46:ILE:N	1:A:46:ILE:CA	1:A:46:ILE:C	1:A:47:ASP:N	8	119.7
(1,51)	1:A:31:GLU:C	1:A:32:TYR:N	1:A:32:TYR:CA	1:A:32:TYR:C	8	119.7
(1,250)	1:A:144:THR:C	1:A:145:SER:N	1:A:145:SER:CA	1:A:145:SER:C	13	119.7
(1,196)	1:A:113:LEU:N	1:A:113:LEU:CA	1:A:113:LEU:C	1:A:114:VAL:N	15	119.7
(1,14)	1:A:8:VAL:N	1:A:8:VAL:CA	1:A:8:VAL:C	1:A:9:VAL:N	1	119.7
(1,102)	1:A:63:GLU:C	1:A:64:TYR:N	1:A:64:TYR:CA	1:A:64:TYR:C	1	119.7
(1,71)	1:A:45:VAL:N	1:A:45:VAL:CA	1:A:45:VAL:C	1:A:46:ILE:N	7	119.6
(1,67)	1:A:43:GLN:N	1:A:43:GLN:CA	1:A:43:GLN:C	1:A:44:VAL:N	1	119.6
(1,48)	1:A:28:PHE:N	1:A:28:PHE:CA	1:A:28:PHE:C	1:A:29:VAL:N	7	119.6
(1,251)	1:A:145:SER:N	1:A:145:SER:CA	1:A:145:SER:C	1:A:146:ALA:N	11	119.6
(1,196)	1:A:113:LEU:N	1:A:113:LEU:CA	1:A:113:LEU:C	1:A:114:VAL:N	13	119.6
(1,79)	1:A:50:THR:N	1:A:50:THR:CA	1:A:50:THR:C	1:A:51:CYS:N	6	119.5
(1,77)	1:A:49:GLU:N	1:A:49:GLU:CA	1:A:49:GLU:C	1:A:50:THR:N	11	119.5
(1,105)	1:A:65:SER:N	1:A:65:SER:CA	1:A:65:SER:C	1:A:66:ALA:N	4	119.5
(1,79)	1:A:50:THR:N	1:A:50:THR:CA	1:A:50:THR:C	1:A:51:CYS:N	7	119.4
(1,73)	1:A:46:ILE:N	1:A:46:ILE:CA	1:A:46:ILE:C	1:A:47:ASP:N	7	119.4
(1,60)	1:A:39:SER:C	1:A:40:TYR:N	1:A:40:TYR:CA	1:A:40:TYR:C	12	119.4
(1,20)	1:A:11:ALA:N	1:A:11:ALA:CA	1:A:11:ALA:C	1:A:12:GLY:N	19	119.4
(1,196)	1:A:113:LEU:N	1:A:113:LEU:CA	1:A:113:LEU:C	1:A:114:VAL:N	7	119.4
(1,196)	1:A:113:LEU:N	1:A:113:LEU:CA	1:A:113:LEU:C	1:A:114:VAL:N	17	119.4
(1,14)	1:A:8:VAL:N	1:A:8:VAL:CA	1:A:8:VAL:C	1:A:9:VAL:N	5	119.4
(1,136)	1:A:81:VAL:C	1:A:82:PHE:N	1:A:82:PHE:CA	1:A:82:PHE:C	20	119.4
(1,91)	1:A:56:LEU:N	1:A:56:LEU:CA	1:A:56:LEU:C	1:A:57:ASP:N	19	119.3
(1,196)	1:A:113:LEU:N	1:A:113:LEU:CA	1:A:113:LEU:C	1:A:114:VAL:N	5	119.3
(1,193)	1:A:111:MET:C	1:A:112:VAL:N	1:A:112:VAL:CA	1:A:112:VAL:C	8	119.3
(1,83)	1:A:52:LEU:N	1:A:52:LEU:CA	1:A:52:LEU:C	1:A:53:LEU:N	18	119.2

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Atom-3	Atom-4	Model ID	Violation (°)
(1,242)	1:A:140:PRO:C	1:A:141:TYR:N	1:A:141:TYR:CA	1:A:141:TYR:C	15	119.2
(1,216)	1:A:126:GLU:N	1:A:126:GLU:CA	1:A:126:GLU:C	1:A:127:SER:N	8	119.2
(1,196)	1:A:113:LEU:N	1:A:113:LEU:CA	1:A:113:LEU:C	1:A:114:VAL:N	1	119.2
(1,196)	1:A:113:LEU:N	1:A:113:LEU:CA	1:A:113:LEU:C	1:A:114:VAL:N	19	119.2
(1,191)	1:A:110:PRO:C	1:A:111:MET:N	1:A:111:MET:CA	1:A:111:MET:C	12	119.2
(1,184)	1:A:106:SER:C	1:A:107:ASP:N	1:A:107:ASP:CA	1:A:107:ASP:C	11	119.2
(1,244)	1:A:141:TYR:C	1:A:142:ILE:N	1:A:142:ILE:CA	1:A:142:ILE:C	2	119.1
(1,244)	1:A:141:TYR:C	1:A:142:ILE:N	1:A:142:ILE:CA	1:A:142:ILE:C	3	119.1
(1,73)	1:A:46:ILE:N	1:A:46:ILE:CA	1:A:46:ILE:C	1:A:47:ASP:N	10	119.0
(1,62)	1:A:40:TYR:C	1:A:41:ARG:N	1:A:41:ARG:CA	1:A:41:ARG:C	2	119.0
(1,139)	1:A:83:ALA:N	1:A:83:ALA:CA	1:A:83:ALA:C	1:A:84:ILE:N	19	119.0
(1,83)	1:A:52:LEU:N	1:A:52:LEU:CA	1:A:52:LEU:C	1:A:53:LEU:N	9	118.9
(1,8)	1:A:5:LYS:N	1:A:5:LYS:CA	1:A:5:LYS:C	1:A:6:LEU:N	5	118.9
(1,133)	1:A:80:CYS:N	1:A:80:CYS:CA	1:A:80:CYS:C	1:A:81:VAL:N	9	118.9
(1,259)	1:A:150:GLN:N	1:A:150:GLN:CA	1:A:150:GLN:C	1:A:151:GLY:N	7	118.8
(1,251)	1:A:145:SER:N	1:A:145:SER:CA	1:A:145:SER:C	1:A:146:ALA:N	8	118.8
(1,244)	1:A:141:TYR:C	1:A:142:ILE:N	1:A:142:ILE:CA	1:A:142:ILE:C	20	118.8
(1,188)	1:A:108:ASP:C	1:A:109:VAL:N	1:A:109:VAL:CA	1:A:109:VAL:C	20	118.8
(1,12)	1:A:7:VAL:N	1:A:7:VAL:CA	1:A:7:VAL:C	1:A:8:VAL:N	19	118.8
(1,20)	1:A:11:ALA:N	1:A:11:ALA:CA	1:A:11:ALA:C	1:A:12:GLY:N	8	118.7
(1,72)	1:A:45:VAL:C	1:A:46:ILE:N	1:A:46:ILE:CA	1:A:46:ILE:C	5	118.6
(1,48)	1:A:28:PHE:N	1:A:28:PHE:CA	1:A:28:PHE:C	1:A:29:VAL:N	16	118.6
(1,14)	1:A:8:VAL:N	1:A:8:VAL:CA	1:A:8:VAL:C	1:A:9:VAL:N	16	118.6
(1,131)	1:A:79:LEU:N	1:A:79:LEU:CA	1:A:79:LEU:C	1:A:80:CYS:N	11	118.6
(1,73)	1:A:46:ILE:N	1:A:46:ILE:CA	1:A:46:ILE:C	1:A:47:ASP:N	9	118.5
(1,71)	1:A:45:VAL:N	1:A:45:VAL:CA	1:A:45:VAL:C	1:A:46:ILE:N	9	118.5
(1,259)	1:A:150:GLN:N	1:A:150:GLN:CA	1:A:150:GLN:C	1:A:151:GLY:N	6	118.5
(1,244)	1:A:141:TYR:C	1:A:142:ILE:N	1:A:142:ILE:CA	1:A:142:ILE:C	7	118.5
(1,2)	1:A:2:THR:N	1:A:2:THR:CA	1:A:2:THR:C	1:A:3:GLU:N	16	118.5
(1,12)	1:A:7:VAL:N	1:A:7:VAL:CA	1:A:7:VAL:C	1:A:8:VAL:N	18	118.5
(1,62)	1:A:40:TYR:C	1:A:41:ARG:N	1:A:41:ARG:CA	1:A:41:ARG:C	17	118.4
(1,6)	1:A:4:TYR:N	1:A:4:TYR:CA	1:A:4:TYR:C	1:A:5:LYS:N	1	118.4
(1,48)	1:A:28:PHE:N	1:A:28:PHE:CA	1:A:28:PHE:C	1:A:29:VAL:N	12	118.4
(1,213)	1:A:124:THR:C	1:A:125:VAL:N	1:A:125:VAL:CA	1:A:125:VAL:C	20	118.4
(1,190)	1:A:110:PRO:N	1:A:110:PRO:CA	1:A:110:PRO:C	1:A:111:MET:N	14	118.4
(1,189)	1:A:109:VAL:N	1:A:109:VAL:CA	1:A:109:VAL:C	1:A:110:PRO:N	11	118.4
(1,2)	1:A:2:THR:N	1:A:2:THR:CA	1:A:2:THR:C	1:A:3:GLU:N	10	118.3
(1,182)	1:A:105:ASP:C	1:A:106:SER:N	1:A:106:SER:CA	1:A:106:SER:C	4	118.3
(1,85)	1:A:53:LEU:N	1:A:53:LEU:CA	1:A:53:LEU:C	1:A:54:ASP:N	18	118.2
(1,73)	1:A:46:ILE:N	1:A:46:ILE:CA	1:A:46:ILE:C	1:A:47:ASP:N	19	118.2
(1,20)	1:A:11:ALA:N	1:A:11:ALA:CA	1:A:11:ALA:C	1:A:12:GLY:N	3	118.2
(1,14)	1:A:8:VAL:N	1:A:8:VAL:CA	1:A:8:VAL:C	1:A:9:VAL:N	10	118.2
(1,83)	1:A:52:LEU:N	1:A:52:LEU:CA	1:A:52:LEU:C	1:A:53:LEU:N	8	118.1
(1,83)	1:A:52:LEU:N	1:A:52:LEU:CA	1:A:52:LEU:C	1:A:53:LEU:N	11	118.1
(1,243)	1:A:141:TYR:N	1:A:141:TYR:CA	1:A:141:TYR:C	1:A:142:ILE:N	9	118.1
(1,83)	1:A:52:LEU:N	1:A:52:LEU:CA	1:A:52:LEU:C	1:A:53:LEU:N	3	118.0
(1,71)	1:A:45:VAL:N	1:A:45:VAL:CA	1:A:45:VAL:C	1:A:46:ILE:N	2	118.0
(1,48)	1:A:28:PHE:N	1:A:28:PHE:CA	1:A:28:PHE:C	1:A:29:VAL:N	8	118.0
(1,187)	1:A:108:ASP:N	1:A:108:ASP:CA	1:A:108:ASP:C	1:A:109:VAL:N	8	118.0
(1,10)	1:A:6:LEU:N	1:A:6:LEU:CA	1:A:6:LEU:C	1:A:7:VAL:N	20	118.0
(1,93)	1:A:57:ASP:N	1:A:57:ASP:CA	1:A:57:ASP:C	1:A:58:THR:N	7	117.9

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Atom-3	Atom-4	Model ID	Violation (°)
(1,73)	1:A:46:ILE:N	1:A:46:ILE:CA	1:A:46:ILE:C	1:A:47:ASP:N	6	117.9
(1,208)	1:A:122:ALA:N	1:A:122:ALA:CA	1:A:122:ALA:C	1:A:123:ARG:N	2	117.9
(1,131)	1:A:79:LEU:N	1:A:79:LEU:CA	1:A:79:LEU:C	1:A:80:CYS:N	18	117.9
(1,12)	1:A:7:VAL:N	1:A:7:VAL:CA	1:A:7:VAL:C	1:A:8:VAL:N	8	117.9
(1,89)	1:A:55:ILE:N	1:A:55:ILE:CA	1:A:55:ILE:C	1:A:56:LEU:N	13	117.8
(1,48)	1:A:28:PHE:N	1:A:28:PHE:CA	1:A:28:PHE:C	1:A:29:VAL:N	17	117.8
(1,213)	1:A:124:THR:C	1:A:125:VAL:N	1:A:125:VAL:CA	1:A:125:VAL:C	8	117.8
(1,10)	1:A:6:LEU:N	1:A:6:LEU:CA	1:A:6:LEU:C	1:A:7:VAL:N	17	117.8
(1,244)	1:A:141:TYR:C	1:A:142:ILE:N	1:A:142:ILE:CA	1:A:142:ILE:C	11	117.7
(1,211)	1:A:123:ARG:C	1:A:124:THR:N	1:A:124:THR:CA	1:A:124:THR:C	9	117.7
(1,90)	1:A:55:ILE:C	1:A:56:LEU:N	1:A:56:LEU:CA	1:A:56:LEU:C	14	117.6
(1,9)	1:A:5:LYS:C	1:A:6:LEU:N	1:A:6:LEU:CA	1:A:6:LEU:C	5	117.6
(1,71)	1:A:45:VAL:N	1:A:45:VAL:CA	1:A:45:VAL:C	1:A:46:ILE:N	10	117.6
(1,4)	1:A:3:GLU:N	1:A:3:GLU:CA	1:A:3:GLU:C	1:A:4:TYR:N	13	117.6
(1,244)	1:A:141:TYR:C	1:A:142:ILE:N	1:A:142:ILE:CA	1:A:142:ILE:C	4	117.6
(1,15)	1:A:8:VAL:C	1:A:9:VAL:N	1:A:9:VAL:CA	1:A:9:VAL:C	17	117.6
(1,49)	1:A:28:PHE:C	1:A:29:VAL:N	1:A:29:VAL:CA	1:A:29:VAL:C	20	117.5
(1,259)	1:A:150:GLN:N	1:A:150:GLN:CA	1:A:150:GLN:C	1:A:151:GLY:N	2	117.5
(1,83)	1:A:52:LEU:N	1:A:52:LEU:CA	1:A:52:LEU:C	1:A:53:LEU:N	17	117.4
(1,244)	1:A:141:TYR:C	1:A:142:ILE:N	1:A:142:ILE:CA	1:A:142:ILE:C	16	117.4
(1,239)	1:A:138:GLY:C	1:A:139:ILE:N	1:A:139:ILE:CA	1:A:139:ILE:C	7	117.4
(1,196)	1:A:113:LEU:N	1:A:113:LEU:CA	1:A:113:LEU:C	1:A:114:VAL:N	2	117.4
(1,131)	1:A:79:LEU:N	1:A:79:LEU:CA	1:A:79:LEU:C	1:A:80:CYS:N	20	117.4
(1,9)	1:A:5:LYS:C	1:A:6:LEU:N	1:A:6:LEU:CA	1:A:6:LEU:C	7	117.3
(1,5)	1:A:3:GLU:C	1:A:4:TYR:N	1:A:4:TYR:CA	1:A:4:TYR:C	6	117.3
(1,5)	1:A:3:GLU:C	1:A:4:TYR:N	1:A:4:TYR:CA	1:A:4:TYR:C	18	117.3
(1,189)	1:A:109:VAL:N	1:A:109:VAL:CA	1:A:109:VAL:C	1:A:110:PRO:N	12	117.3
(1,14)	1:A:8:VAL:N	1:A:8:VAL:CA	1:A:8:VAL:C	1:A:9:VAL:N	13	117.3
(1,83)	1:A:52:LEU:N	1:A:52:LEU:CA	1:A:52:LEU:C	1:A:53:LEU:N	10	117.2
(1,48)	1:A:28:PHE:N	1:A:28:PHE:CA	1:A:28:PHE:C	1:A:29:VAL:N	9	117.2
(1,188)	1:A:108:ASP:C	1:A:109:VAL:N	1:A:109:VAL:CA	1:A:109:VAL:C	4	117.2
(1,100)	1:A:62:GLU:C	1:A:63:GLU:N	1:A:63:GLU:CA	1:A:63:GLU:C	14	117.2
(1,10)	1:A:6:LEU:N	1:A:6:LEU:CA	1:A:6:LEU:C	1:A:7:VAL:N	3	117.2
(1,10)	1:A:6:LEU:N	1:A:6:LEU:CA	1:A:6:LEU:C	1:A:7:VAL:N	12	117.2
(1,89)	1:A:55:ILE:N	1:A:55:ILE:CA	1:A:55:ILE:C	1:A:56:LEU:N	3	117.1
(1,71)	1:A:45:VAL:N	1:A:45:VAL:CA	1:A:45:VAL:C	1:A:46:ILE:N	14	117.1
(1,52)	1:A:32:TYR:N	1:A:32:TYR:CA	1:A:32:TYR:C	1:A:33:ASP:N	4	117.1
(1,5)	1:A:3:GLU:C	1:A:4:TYR:N	1:A:4:TYR:CA	1:A:4:TYR:C	13	117.1
(1,242)	1:A:140:PRO:C	1:A:141:TYR:N	1:A:141:TYR:CA	1:A:141:TYR:C	20	117.1
(1,197)	1:A:113:LEU:C	1:A:114:VAL:N	1:A:114:VAL:CA	1:A:114:VAL:C	1	117.1
(1,73)	1:A:46:ILE:N	1:A:46:ILE:CA	1:A:46:ILE:C	1:A:47:ASP:N	16	117.0
(1,5)	1:A:3:GLU:C	1:A:4:TYR:N	1:A:4:TYR:CA	1:A:4:TYR:C	9	117.0
(1,11)	1:A:6:LEU:C	1:A:7:VAL:N	1:A:7:VAL:CA	1:A:7:VAL:C	13	117.0
(1,62)	1:A:40:TYR:C	1:A:41:ARG:N	1:A:41:ARG:CA	1:A:41:ARG:C	1	116.9
(1,209)	1:A:122:ALA:C	1:A:123:ARG:N	1:A:123:ARG:CA	1:A:123:ARG:C	8	116.9
(1,2)	1:A:2:THR:N	1:A:2:THR:CA	1:A:2:THR:C	1:A:3:GLU:N	4	116.9
(1,187)	1:A:108:ASP:N	1:A:108:ASP:CA	1:A:108:ASP:C	1:A:109:VAL:N	13	116.9
(1,12)	1:A:7:VAL:N	1:A:7:VAL:CA	1:A:7:VAL:C	1:A:8:VAL:N	11	116.9
(1,89)	1:A:55:ILE:N	1:A:55:ILE:CA	1:A:55:ILE:C	1:A:56:LEU:N	9	116.8
(1,83)	1:A:52:LEU:N	1:A:52:LEU:CA	1:A:52:LEU:C	1:A:53:LEU:N	2	116.8
(1,83)	1:A:52:LEU:N	1:A:52:LEU:CA	1:A:52:LEU:C	1:A:53:LEU:N	15	116.8

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Atom-3	Atom-4	Model ID	Violation (°)
(1,5)	1:A:3:GLU:C	1:A:4:TYR:N	1:A:4:TYR:CA	1:A:4:TYR:C	17	116.8
(1,214)	1:A:125:VAL:N	1:A:125:VAL:CA	1:A:125:VAL:C	1:A:126:GLU:N	11	116.8
(1,105)	1:A:65:SER:N	1:A:65:SER:CA	1:A:65:SER:C	1:A:66:ALA:N	1	116.8
(1,1)	1:A:1:MET:C	1:A:2:THR:N	1:A:2:THR:CA	1:A:2:THR:C	20	116.8
(1,71)	1:A:45:VAL:N	1:A:45:VAL:CA	1:A:45:VAL:C	1:A:46:ILE:N	18	116.7
(1,197)	1:A:113:LEU:C	1:A:114:VAL:N	1:A:114:VAL:CA	1:A:114:VAL:C	12	116.7
(1,196)	1:A:113:LEU:N	1:A:113:LEU:CA	1:A:113:LEU:C	1:A:114:VAL:N	4	116.7
(1,188)	1:A:108:ASP:C	1:A:109:VAL:N	1:A:109:VAL:CA	1:A:109:VAL:C	11	116.7
(1,105)	1:A:65:SER:N	1:A:65:SER:CA	1:A:65:SER:C	1:A:66:ALA:N	3	116.7
(1,182)	1:A:105:ASP:C	1:A:106:SER:N	1:A:106:SER:CA	1:A:106:SER:C	14	116.6
(1,10)	1:A:6:LEU:N	1:A:6:LEU:CA	1:A:6:LEU:C	1:A:7:VAL:N	14	116.6
(1,87)	1:A:54:ASP:N	1:A:54:ASP:CA	1:A:54:ASP:C	1:A:55:ILE:N	19	116.5
(1,12)	1:A:7:VAL:N	1:A:7:VAL:CA	1:A:7:VAL:C	1:A:8:VAL:N	12	116.5
(1,73)	1:A:46:ILE:N	1:A:46:ILE:CA	1:A:46:ILE:C	1:A:47:ASP:N	5	116.4
(1,73)	1:A:46:ILE:N	1:A:46:ILE:CA	1:A:46:ILE:C	1:A:47:ASP:N	11	116.4
(1,208)	1:A:122:ALA:N	1:A:122:ALA:CA	1:A:122:ALA:C	1:A:123:ARG:N	11	116.4
(1,188)	1:A:108:ASP:C	1:A:109:VAL:N	1:A:109:VAL:CA	1:A:109:VAL:C	2	116.4
(1,15)	1:A:8:VAL:C	1:A:9:VAL:N	1:A:9:VAL:CA	1:A:9:VAL:C	15	116.4
(1,90)	1:A:55:ILE:C	1:A:56:LEU:N	1:A:56:LEU:CA	1:A:56:LEU:C	19	116.3
(1,89)	1:A:55:ILE:N	1:A:55:ILE:CA	1:A:55:ILE:C	1:A:56:LEU:N	15	116.3
(1,242)	1:A:140:PRO:C	1:A:141:TYR:N	1:A:141:TYR:CA	1:A:141:TYR:C	12	116.3
(1,197)	1:A:113:LEU:C	1:A:114:VAL:N	1:A:114:VAL:CA	1:A:114:VAL:C	5	116.3
(1,197)	1:A:113:LEU:C	1:A:114:VAL:N	1:A:114:VAL:CA	1:A:114:VAL:C	17	116.3
(1,12)	1:A:7:VAL:N	1:A:7:VAL:CA	1:A:7:VAL:C	1:A:8:VAL:N	14	116.3
(1,77)	1:A:49:GLU:N	1:A:49:GLU:CA	1:A:49:GLU:C	1:A:50:THR:N	9	116.2
(1,5)	1:A:3:GLU:C	1:A:4:TYR:N	1:A:4:TYR:CA	1:A:4:TYR:C	19	116.2
(1,246)	1:A:142:ILE:C	1:A:143:GLU:N	1:A:143:GLU:CA	1:A:143:GLU:C	19	116.2
(1,85)	1:A:53:LEU:N	1:A:53:LEU:CA	1:A:53:LEU:C	1:A:54:ASP:N	17	116.1
(1,85)	1:A:53:LEU:N	1:A:53:LEU:CA	1:A:53:LEU:C	1:A:54:ASP:N	15	116.0
(1,73)	1:A:46:ILE:N	1:A:46:ILE:CA	1:A:46:ILE:C	1:A:47:ASP:N	15	116.0
(1,213)	1:A:124:THR:C	1:A:125:VAL:N	1:A:125:VAL:CA	1:A:125:VAL:C	9	116.0
(1,91)	1:A:56:LEU:N	1:A:56:LEU:CA	1:A:56:LEU:C	1:A:57:ASP:N	7	115.9
(1,5)	1:A:3:GLU:C	1:A:4:TYR:N	1:A:4:TYR:CA	1:A:4:TYR:C	12	115.9
(1,48)	1:A:28:PHE:N	1:A:28:PHE:CA	1:A:28:PHE:C	1:A:29:VAL:N	15	115.9
(1,259)	1:A:150:GLN:N	1:A:150:GLN:CA	1:A:150:GLN:C	1:A:151:GLY:N	5	115.9
(1,242)	1:A:140:PRO:C	1:A:141:TYR:N	1:A:141:TYR:CA	1:A:141:TYR:C	3	115.9
(1,199)	1:A:114:VAL:C	1:A:115:GLY:N	1:A:115:GLY:CA	1:A:115:GLY:C	15	115.9
(1,196)	1:A:113:LEU:N	1:A:113:LEU:CA	1:A:113:LEU:C	1:A:114:VAL:N	14	115.9
(1,187)	1:A:108:ASP:N	1:A:108:ASP:CA	1:A:108:ASP:C	1:A:109:VAL:N	6	115.9
(1,71)	1:A:45:VAL:N	1:A:45:VAL:CA	1:A:45:VAL:C	1:A:46:ILE:N	20	115.8
(1,197)	1:A:113:LEU:C	1:A:114:VAL:N	1:A:114:VAL:CA	1:A:114:VAL:C	16	115.8
(1,135)	1:A:81:VAL:N	1:A:81:VAL:CA	1:A:81:VAL:C	1:A:82:PHE:N	10	115.8
(1,133)	1:A:80:CYS:N	1:A:80:CYS:CA	1:A:80:CYS:C	1:A:81:VAL:N	3	115.7
(1,11)	1:A:6:LEU:C	1:A:7:VAL:N	1:A:7:VAL:CA	1:A:7:VAL:C	14	115.7
(1,100)	1:A:62:GLU:C	1:A:63:GLU:N	1:A:63:GLU:CA	1:A:63:GLU:C	8	115.7
(1,89)	1:A:55:ILE:N	1:A:55:ILE:CA	1:A:55:ILE:C	1:A:56:LEU:N	11	115.6
(1,83)	1:A:52:LEU:N	1:A:52:LEU:CA	1:A:52:LEU:C	1:A:53:LEU:N	4	115.6
(1,71)	1:A:45:VAL:N	1:A:45:VAL:CA	1:A:45:VAL:C	1:A:46:ILE:N	17	115.6
(1,251)	1:A:145:SER:N	1:A:145:SER:CA	1:A:145:SER:C	1:A:146:ALA:N	12	115.6
(1,244)	1:A:141:TYR:C	1:A:142:ILE:N	1:A:142:ILE:CA	1:A:142:ILE:C	5	115.6
(1,197)	1:A:113:LEU:C	1:A:114:VAL:N	1:A:114:VAL:CA	1:A:114:VAL:C	13	115.6

Continued on next page...



Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Atom-3	Atom-4	Model ID	Violation (°)
(1,182)	1:A:105:ASP:C	1:A:106:SER:N	1:A:106:SER:CA	1:A:106:SER:C	2	115.6
(1,133)	1:A:80:CYS:N	1:A:80:CYS:CA	1:A:80:CYS:C	1:A:81:VAL:N	4	115.6
(1,93)	1:A:57:ASP:N	1:A:57:ASP:CA	1:A:57:ASP:C	1:A:58:THR:N	5	115.5
(1,89)	1:A:55:ILE:N	1:A:55:ILE:CA	1:A:55:ILE:C	1:A:56:LEU:N	4	115.5
(1,244)	1:A:141:TYR:C	1:A:142:ILE:N	1:A:142:ILE:CA	1:A:142:ILE:C	1	115.5
(1,244)	1:A:141:TYR:C	1:A:142:ILE:N	1:A:142:ILE:CA	1:A:142:ILE:C	9	115.5
(1,242)	1:A:140:PRO:C	1:A:141:TYR:N	1:A:141:TYR:CA	1:A:141:TYR:C	2	115.5
(1,214)	1:A:125:VAL:N	1:A:125:VAL:CA	1:A:125:VAL:C	1:A:126:GLU:N	9	115.5
(1,197)	1:A:113:LEU:C	1:A:114:VAL:N	1:A:114:VAL:CA	1:A:114:VAL:C	2	115.5
(1,188)	1:A:108:ASP:C	1:A:109:VAL:N	1:A:109:VAL:CA	1:A:109:VAL:C	19	115.5
(1,130)	1:A:78:PHE:C	1:A:79:LEU:N	1:A:79:LEU:CA	1:A:79:LEU:C	9	115.5
(1,10)	1:A:6:LEU:N	1:A:6:LEU:CA	1:A:6:LEU:C	1:A:7:VAL:N	16	115.5
(1,89)	1:A:55:ILE:N	1:A:55:ILE:CA	1:A:55:ILE:C	1:A:56:LEU:N	12	115.4
(1,2)	1:A:2:THR:N	1:A:2:THR:CA	1:A:2:THR:C	1:A:3:GLU:N	13	115.4
(1,62)	1:A:40:TYR:C	1:A:41:ARG:N	1:A:41:ARG:CA	1:A:41:ARG:C	18	115.3
(1,244)	1:A:141:TYR:C	1:A:142:ILE:N	1:A:142:ILE:CA	1:A:142:ILE:C	12	115.3
(1,20)	1:A:11:ALA:N	1:A:11:ALA:CA	1:A:11:ALA:C	1:A:12:GLY:N	11	115.3
(1,197)	1:A:113:LEU:C	1:A:114:VAL:N	1:A:114:VAL:CA	1:A:114:VAL:C	20	115.3
(1,182)	1:A:105:ASP:C	1:A:106:SER:N	1:A:106:SER:CA	1:A:106:SER:C	19	115.3
(1,134)	1:A:80:CYS:C	1:A:81:VAL:N	1:A:81:VAL:CA	1:A:81:VAL:C	1	115.3
(1,134)	1:A:80:CYS:C	1:A:81:VAL:N	1:A:81:VAL:CA	1:A:81:VAL:C	15	115.3
(1,85)	1:A:53:LEU:N	1:A:53:LEU:CA	1:A:53:LEU:C	1:A:54:ASP:N	12	115.2
(1,49)	1:A:28:PHE:C	1:A:29:VAL:N	1:A:29:VAL:CA	1:A:29:VAL:C	3	115.2
(1,242)	1:A:140:PRO:C	1:A:141:TYR:N	1:A:141:TYR:CA	1:A:141:TYR:C	1	115.2
(1,2)	1:A:2:THR:N	1:A:2:THR:CA	1:A:2:THR:C	1:A:3:GLU:N	2	115.2
(1,10)	1:A:6:LEU:N	1:A:6:LEU:CA	1:A:6:LEU:C	1:A:7:VAL:N	15	115.1
(1,87)	1:A:54:ASP:N	1:A:54:ASP:CA	1:A:54:ASP:C	1:A:55:ILE:N	15	115.0
(1,6)	1:A:4:TYR:N	1:A:4:TYR:CA	1:A:4:TYR:C	1:A:5:LYS:N	8	115.0
(1,5)	1:A:3:GLU:C	1:A:4:TYR:N	1:A:4:TYR:CA	1:A:4:TYR:C	8	115.0
(1,242)	1:A:140:PRO:C	1:A:141:TYR:N	1:A:141:TYR:CA	1:A:141:TYR:C	19	115.0
(1,209)	1:A:122:ALA:C	1:A:123:ARG:N	1:A:123:ARG:CA	1:A:123:ARG:C	16	115.0
(1,2)	1:A:2:THR:N	1:A:2:THR:CA	1:A:2:THR:C	1:A:3:GLU:N	18	115.0
(1,196)	1:A:113:LEU:N	1:A:113:LEU:CA	1:A:113:LEU:C	1:A:114:VAL:N	18	114.9
(1,251)	1:A:145:SER:N	1:A:145:SER:CA	1:A:145:SER:C	1:A:146:ALA:N	13	114.8
(1,92)	1:A:56:LEU:C	1:A:57:ASP:N	1:A:57:ASP:CA	1:A:57:ASP:C	17	114.7
(1,5)	1:A:3:GLU:C	1:A:4:TYR:N	1:A:4:TYR:CA	1:A:4:TYR:C	1	114.7
(1,48)	1:A:28:PHE:N	1:A:28:PHE:CA	1:A:28:PHE:C	1:A:29:VAL:N	18	114.7
(1,197)	1:A:113:LEU:C	1:A:114:VAL:N	1:A:114:VAL:CA	1:A:114:VAL:C	15	114.7
(1,188)	1:A:108:ASP:C	1:A:109:VAL:N	1:A:109:VAL:CA	1:A:109:VAL:C	16	114.7
(1,91)	1:A:56:LEU:N	1:A:56:LEU:CA	1:A:56:LEU:C	1:A:57:ASP:N	9	114.6
(1,5)	1:A:3:GLU:C	1:A:4:TYR:N	1:A:4:TYR:CA	1:A:4:TYR:C	2	114.6
(1,5)	1:A:3:GLU:C	1:A:4:TYR:N	1:A:4:TYR:CA	1:A:4:TYR:C	15	114.5
(1,145)	1:A:86:ASN:N	1:A:86:ASN:CA	1:A:86:ASN:C	1:A:87:THR:N	1	114.5
(1,90)	1:A:55:ILE:C	1:A:56:LEU:N	1:A:56:LEU:CA	1:A:56:LEU:C	9	114.4
(1,89)	1:A:55:ILE:N	1:A:55:ILE:CA	1:A:55:ILE:C	1:A:56:LEU:N	6	114.4
(1,82)	1:A:51:CYS:C	1:A:52:LEU:N	1:A:52:LEU:CA	1:A:52:LEU:C	8	114.4
(1,244)	1:A:141:TYR:C	1:A:142:ILE:N	1:A:142:ILE:CA	1:A:142:ILE:C	8	114.4
(1,242)	1:A:140:PRO:C	1:A:141:TYR:N	1:A:141:TYR:CA	1:A:141:TYR:C	4	114.4
(1,197)	1:A:113:LEU:C	1:A:114:VAL:N	1:A:114:VAL:CA	1:A:114:VAL:C	7	114.4
(1,14)	1:A:8:VAL:N	1:A:8:VAL:CA	1:A:8:VAL:C	1:A:9:VAL:N	11	114.4
(1,133)	1:A:80:CYS:N	1:A:80:CYS:CA	1:A:80:CYS:C	1:A:81:VAL:N	8	114.4

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Atom-3	Atom-4	Model ID	Violation (°)
(1,209)	1:A:122:ALA:C	1:A:123:ARG:N	1:A:123:ARG:CA	1:A:123:ARG:C	14	114.3
(1,83)	1:A:52:LEU:N	1:A:52:LEU:CA	1:A:52:LEU:C	1:A:53:LEU:N	5	114.2
(1,71)	1:A:45:VAL:N	1:A:45:VAL:CA	1:A:45:VAL:C	1:A:46:ILE:N	1	114.2
(1,187)	1:A:108:ASP:N	1:A:108:ASP:CA	1:A:108:ASP:C	1:A:109:VAL:N	18	114.2
(1,9)	1:A:5:LYS:C	1:A:6:LEU:N	1:A:6:LEU:CA	1:A:6:LEU:C	13	114.1
(1,5)	1:A:3:GLU:C	1:A:4:TYR:N	1:A:4:TYR:CA	1:A:4:TYR:C	10	114.1
(1,145)	1:A:86:ASN:N	1:A:86:ASN:CA	1:A:86:ASN:C	1:A:87:THR:N	14	114.1
(1,133)	1:A:80:CYS:N	1:A:80:CYS:CA	1:A:80:CYS:C	1:A:81:VAL:N	18	114.1
(1,91)	1:A:56:LEU:N	1:A:56:LEU:CA	1:A:56:LEU:C	1:A:57:ASP:N	14	114.0
(1,70)	1:A:44:VAL:C	1:A:45:VAL:N	1:A:45:VAL:CA	1:A:45:VAL:C	16	114.0
(1,242)	1:A:140:PRO:C	1:A:141:TYR:N	1:A:141:TYR:CA	1:A:141:TYR:C	13	114.0
(1,133)	1:A:80:CYS:N	1:A:80:CYS:CA	1:A:80:CYS:C	1:A:81:VAL:N	7	114.0
(1,71)	1:A:45:VAL:N	1:A:45:VAL:CA	1:A:45:VAL:C	1:A:46:ILE:N	3	113.9
(1,62)	1:A:40:TYR:C	1:A:41:ARG:N	1:A:41:ARG:CA	1:A:41:ARG:C	4	113.9
(1,48)	1:A:28:PHE:N	1:A:28:PHE:CA	1:A:28:PHE:C	1:A:29:VAL:N	10	113.9
(1,10)	1:A:6:LEU:N	1:A:6:LEU:CA	1:A:6:LEU:C	1:A:7:VAL:N	11	113.9
(1,6)	1:A:4:TYR:N	1:A:4:TYR:CA	1:A:4:TYR:C	1:A:5:LYS:N	6	113.8
(1,48)	1:A:28:PHE:N	1:A:28:PHE:CA	1:A:28:PHE:C	1:A:29:VAL:N	6	113.8
(1,259)	1:A:150:GLN:N	1:A:150:GLN:CA	1:A:150:GLN:C	1:A:151:GLY:N	11	113.8
(1,196)	1:A:113:LEU:N	1:A:113:LEU:CA	1:A:113:LEU:C	1:A:114:VAL:N	10	113.8
(1,90)	1:A:55:ILE:C	1:A:56:LEU:N	1:A:56:LEU:CA	1:A:56:LEU:C	8	113.7
(1,87)	1:A:54:ASP:N	1:A:54:ASP:CA	1:A:54:ASP:C	1:A:55:ILE:N	12	113.7
(1,85)	1:A:53:LEU:N	1:A:53:LEU:CA	1:A:53:LEU:C	1:A:54:ASP:N	4	113.7
(1,90)	1:A:55:ILE:C	1:A:56:LEU:N	1:A:56:LEU:CA	1:A:56:LEU:C	16	113.6
(1,9)	1:A:5:LYS:C	1:A:6:LEU:N	1:A:6:LEU:CA	1:A:6:LEU:C	17	113.6
(1,259)	1:A:150:GLN:N	1:A:150:GLN:CA	1:A:150:GLN:C	1:A:151:GLY:N	1	113.6
(1,251)	1:A:145:SER:N	1:A:145:SER:CA	1:A:145:SER:C	1:A:146:ALA:N	10	113.6
(1,2)	1:A:2:THR:N	1:A:2:THR:CA	1:A:2:THR:C	1:A:3:GLU:N	1	113.6
(1,96)	1:A:58:THR:C	1:A:59:ALA:N	1:A:59:ALA:CA	1:A:59:ALA:C	2	113.5
(1,85)	1:A:53:LEU:N	1:A:53:LEU:CA	1:A:53:LEU:C	1:A:54:ASP:N	1	113.5
(1,242)	1:A:140:PRO:C	1:A:141:TYR:N	1:A:141:TYR:CA	1:A:141:TYR:C	9	113.5
(1,145)	1:A:86:ASN:N	1:A:86:ASN:CA	1:A:86:ASN:C	1:A:87:THR:N	3	113.5
(1,105)	1:A:65:SER:N	1:A:65:SER:CA	1:A:65:SER:C	1:A:66:ALA:N	19	113.5
(1,259)	1:A:150:GLN:N	1:A:150:GLN:CA	1:A:150:GLN:C	1:A:151:GLY:N	18	113.4
(1,133)	1:A:80:CYS:N	1:A:80:CYS:CA	1:A:80:CYS:C	1:A:81:VAL:N	11	113.4
(1,129)	1:A:78:PHE:N	1:A:78:PHE:CA	1:A:78:PHE:C	1:A:79:LEU:N	9	113.4
(1,242)	1:A:140:PRO:C	1:A:141:TYR:N	1:A:141:TYR:CA	1:A:141:TYR:C	6	113.3
(1,187)	1:A:108:ASP:N	1:A:108:ASP:CA	1:A:108:ASP:C	1:A:109:VAL:N	17	113.3
(1,105)	1:A:65:SER:N	1:A:65:SER:CA	1:A:65:SER:C	1:A:66:ALA:N	2	113.3
(1,91)	1:A:56:LEU:N	1:A:56:LEU:CA	1:A:56:LEU:C	1:A:57:ASP:N	4	113.2
(1,9)	1:A:5:LYS:C	1:A:6:LEU:N	1:A:6:LEU:CA	1:A:6:LEU:C	1	113.2
(1,85)	1:A:53:LEU:N	1:A:53:LEU:CA	1:A:53:LEU:C	1:A:54:ASP:N	2	113.2
(1,133)	1:A:80:CYS:N	1:A:80:CYS:CA	1:A:80:CYS:C	1:A:81:VAL:N	14	113.2
(1,87)	1:A:54:ASP:N	1:A:54:ASP:CA	1:A:54:ASP:C	1:A:55:ILE:N	1	113.1
(1,259)	1:A:150:GLN:N	1:A:150:GLN:CA	1:A:150:GLN:C	1:A:151:GLY:N	15	113.1
(1,259)	1:A:150:GLN:N	1:A:150:GLN:CA	1:A:150:GLN:C	1:A:151:GLY:N	16	113.1
(1,189)	1:A:109:VAL:N	1:A:109:VAL:CA	1:A:109:VAL:C	1:A:110:PRO:N	2	113.1
(1,133)	1:A:80:CYS:N	1:A:80:CYS:CA	1:A:80:CYS:C	1:A:81:VAL:N	1	113.1
(1,91)	1:A:56:LEU:N	1:A:56:LEU:CA	1:A:56:LEU:C	1:A:57:ASP:N	12	113.0
(1,85)	1:A:53:LEU:N	1:A:53:LEU:CA	1:A:53:LEU:C	1:A:54:ASP:N	3	113.0
(1,199)	1:A:114:VAL:C	1:A:115:GLY:N	1:A:115:GLY:CA	1:A:115:GLY:C	7	113.0

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Atom-3	Atom-4	Model ID	Violation (°)
(1,89)	1:A:55:ILE:N	1:A:55:ILE:CA	1:A:55:ILE:C	1:A:56:LEU:N	7	112.9
(1,82)	1:A:51:CYS:C	1:A:52:LEU:N	1:A:52:LEU:CA	1:A:52:LEU:C	13	112.9
(1,70)	1:A:44:VAL:C	1:A:45:VAL:N	1:A:45:VAL:CA	1:A:45:VAL:C	19	112.9
(1,133)	1:A:80:CYS:N	1:A:80:CYS:CA	1:A:80:CYS:C	1:A:81:VAL:N	2	112.9
(1,133)	1:A:80:CYS:N	1:A:80:CYS:CA	1:A:80:CYS:C	1:A:81:VAL:N	6	112.9
(1,9)	1:A:5:LYS:C	1:A:6:LEU:N	1:A:6:LEU:CA	1:A:6:LEU:C	2	112.8
(1,247)	1:A:143:GLU:N	1:A:143:GLU:CA	1:A:143:GLU:C	1:A:144:THR:N	12	112.7
(1,89)	1:A:55:ILE:N	1:A:55:ILE:CA	1:A:55:ILE:C	1:A:56:LEU:N	1	112.6
(1,89)	1:A:55:ILE:N	1:A:55:ILE:CA	1:A:55:ILE:C	1:A:56:LEU:N	14	112.6
(1,89)	1:A:55:ILE:N	1:A:55:ILE:CA	1:A:55:ILE:C	1:A:56:LEU:N	17	112.6
(1,8)	1:A:5:LYS:N	1:A:5:LYS:CA	1:A:5:LYS:C	1:A:6:LEU:N	10	112.6
(1,208)	1:A:122:ALA:N	1:A:122:ALA:CA	1:A:122:ALA:C	1:A:123:ARG:N	3	112.6
(1,134)	1:A:80:CYS:C	1:A:81:VAL:N	1:A:81:VAL:CA	1:A:81:VAL:C	2	112.6
(1,134)	1:A:80:CYS:C	1:A:81:VAL:N	1:A:81:VAL:CA	1:A:81:VAL:C	13	112.6
(1,104)	1:A:64:TYR:C	1:A:65:SER:N	1:A:65:SER:CA	1:A:65:SER:C	4	112.6
(1,91)	1:A:56:LEU:N	1:A:56:LEU:CA	1:A:56:LEU:C	1:A:57:ASP:N	1	112.5
(1,91)	1:A:56:LEU:N	1:A:56:LEU:CA	1:A:56:LEU:C	1:A:57:ASP:N	15	112.5
(1,89)	1:A:55:ILE:N	1:A:55:ILE:CA	1:A:55:ILE:C	1:A:56:LEU:N	19	112.5
(1,62)	1:A:40:TYR:C	1:A:41:ARG:N	1:A:41:ARG:CA	1:A:41:ARG:C	20	112.5
(1,259)	1:A:150:GLN:N	1:A:150:GLN:CA	1:A:150:GLN:C	1:A:151:GLY:N	19	112.5
(1,145)	1:A:86:ASN:N	1:A:86:ASN:CA	1:A:86:ASN:C	1:A:87:THR:N	19	112.5
(1,9)	1:A:5:LYS:C	1:A:6:LEU:N	1:A:6:LEU:CA	1:A:6:LEU:C	3	112.4
(1,85)	1:A:53:LEU:N	1:A:53:LEU:CA	1:A:53:LEU:C	1:A:54:ASP:N	5	112.4
(1,82)	1:A:51:CYS:C	1:A:52:LEU:N	1:A:52:LEU:CA	1:A:52:LEU:C	15	112.4
(1,71)	1:A:45:VAL:N	1:A:45:VAL:CA	1:A:45:VAL:C	1:A:46:ILE:N	4	112.4
(1,5)	1:A:3:GLU:C	1:A:4:TYR:N	1:A:4:TYR:CA	1:A:4:TYR:C	11	112.4
(1,47)	1:A:27:HIS:C	1:A:28:PHE:N	1:A:28:PHE:CA	1:A:28:PHE:C	19	112.4
(1,89)	1:A:55:ILE:N	1:A:55:ILE:CA	1:A:55:ILE:C	1:A:56:LEU:N	2	112.3
(1,134)	1:A:80:CYS:C	1:A:81:VAL:N	1:A:81:VAL:CA	1:A:81:VAL:C	14	112.3
(1,145)	1:A:86:ASN:N	1:A:86:ASN:CA	1:A:86:ASN:C	1:A:87:THR:N	9	112.2
(1,85)	1:A:53:LEU:N	1:A:53:LEU:CA	1:A:53:LEU:C	1:A:54:ASP:N	10	112.1
(1,56)	1:A:35:SER:C	1:A:36:ILE:N	1:A:36:ILE:CA	1:A:36:ILE:C	5	112.1
(1,54)	1:A:33:ASP:N	1:A:33:ASP:CA	1:A:33:ASP:C	1:A:34:PRO:N	9	112.1
(1,196)	1:A:113:LEU:N	1:A:113:LEU:CA	1:A:113:LEU:C	1:A:114:VAL:N	11	112.1
(1,133)	1:A:80:CYS:N	1:A:80:CYS:CA	1:A:80:CYS:C	1:A:81:VAL:N	17	112.1
(1,102)	1:A:63:GLU:C	1:A:64:TYR:N	1:A:64:TYR:CA	1:A:64:TYR:C	7	112.1
(1,5)	1:A:3:GLU:C	1:A:4:TYR:N	1:A:4:TYR:CA	1:A:4:TYR:C	4	112.0
(1,214)	1:A:125:VAL:N	1:A:125:VAL:CA	1:A:125:VAL:C	1:A:126:GLU:N	10	112.0
(1,208)	1:A:122:ALA:N	1:A:122:ALA:CA	1:A:122:ALA:C	1:A:123:ARG:N	4	112.0
(1,205)	1:A:118:CYS:C	1:A:119:ASP:N	1:A:119:ASP:CA	1:A:119:ASP:C	5	112.0
(1,188)	1:A:108:ASP:C	1:A:109:VAL:N	1:A:109:VAL:CA	1:A:109:VAL:C	3	112.0
(1,145)	1:A:86:ASN:N	1:A:86:ASN:CA	1:A:86:ASN:C	1:A:87:THR:N	17	112.0
(1,134)	1:A:80:CYS:C	1:A:81:VAL:N	1:A:81:VAL:CA	1:A:81:VAL:C	8	112.0
(1,199)	1:A:114:VAL:C	1:A:115:GLY:N	1:A:115:GLY:CA	1:A:115:GLY:C	2	111.9
(1,92)	1:A:56:LEU:C	1:A:57:ASP:N	1:A:57:ASP:CA	1:A:57:ASP:C	2	111.8
(1,89)	1:A:55:ILE:N	1:A:55:ILE:CA	1:A:55:ILE:C	1:A:56:LEU:N	5	111.8
(1,87)	1:A:54:ASP:N	1:A:54:ASP:CA	1:A:54:ASP:C	1:A:55:ILE:N	2	111.7
(1,244)	1:A:141:TYR:C	1:A:142:ILE:N	1:A:142:ILE:CA	1:A:142:ILE:C	19	111.7
(1,199)	1:A:114:VAL:C	1:A:115:GLY:N	1:A:115:GLY:CA	1:A:115:GLY:C	1	111.7
(1,87)	1:A:54:ASP:N	1:A:54:ASP:CA	1:A:54:ASP:C	1:A:55:ILE:N	4	111.6
(1,54)	1:A:33:ASP:N	1:A:33:ASP:CA	1:A:33:ASP:C	1:A:34:PRO:N	7	111.6

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Atom-3	Atom-4	Model ID	Violation (°)
(1,43)	1:A:24:ILE:C	1:A:25:GLN:N	1:A:25:GLN:CA	1:A:25:GLN:C	16	111.5
(1,199)	1:A:114:VAL:C	1:A:115:GLY:N	1:A:115:GLY:CA	1:A:115:GLY:C	3	111.5
(1,103)	1:A:64:TYR:N	1:A:64:TYR:CA	1:A:64:TYR:C	1:A:65:SER:N	20	111.5
(1,73)	1:A:46:ILE:N	1:A:46:ILE:CA	1:A:46:ILE:C	1:A:47:ASP:N	13	111.3
(1,91)	1:A:56:LEU:N	1:A:56:LEU:CA	1:A:56:LEU:C	1:A:57:ASP:N	17	111.2
(1,8)	1:A:5:LYS:N	1:A:5:LYS:CA	1:A:5:LYS:C	1:A:6:LEU:N	16	111.1
(1,133)	1:A:80:CYS:N	1:A:80:CYS:CA	1:A:80:CYS:C	1:A:81:VAL:N	13	111.1
(1,82)	1:A:51:CYS:C	1:A:52:LEU:N	1:A:52:LEU:CA	1:A:52:LEU:C	7	110.9
(1,58)	1:A:38:ASP:C	1:A:39:SER:N	1:A:39:SER:CA	1:A:39:SER:C	3	110.9
(1,199)	1:A:114:VAL:C	1:A:115:GLY:N	1:A:115:GLY:CA	1:A:115:GLY:C	6	110.9
(1,88)	1:A:54:ASP:C	1:A:55:ILE:N	1:A:55:ILE:CA	1:A:55:ILE:C	8	110.8
(1,5)	1:A:3:GLU:C	1:A:4:TYR:N	1:A:4:TYR:CA	1:A:4:TYR:C	20	110.8
(1,259)	1:A:150:GLN:N	1:A:150:GLN:CA	1:A:150:GLN:C	1:A:151:GLY:N	4	110.8
(1,242)	1:A:140:PRO:C	1:A:141:TYR:N	1:A:141:TYR:CA	1:A:141:TYR:C	5	110.8
(1,208)	1:A:122:ALA:N	1:A:122:ALA:CA	1:A:122:ALA:C	1:A:123:ARG:N	9	110.8
(1,145)	1:A:86:ASN:N	1:A:86:ASN:CA	1:A:86:ASN:C	1:A:87:THR:N	13	110.8
(1,199)	1:A:114:VAL:C	1:A:115:GLY:N	1:A:115:GLY:CA	1:A:115:GLY:C	4	110.7
(1,9)	1:A:5:LYS:C	1:A:6:LEU:N	1:A:6:LEU:CA	1:A:6:LEU:C	4	110.6
(1,82)	1:A:51:CYS:C	1:A:52:LEU:N	1:A:52:LEU:CA	1:A:52:LEU:C	16	110.6
(1,43)	1:A:24:ILE:C	1:A:25:GLN:N	1:A:25:GLN:CA	1:A:25:GLN:C	12	110.6
(1,145)	1:A:86:ASN:N	1:A:86:ASN:CA	1:A:86:ASN:C	1:A:87:THR:N	8	110.6
(1,70)	1:A:44:VAL:C	1:A:45:VAL:N	1:A:45:VAL:CA	1:A:45:VAL:C	7	110.5
(1,50)	1:A:29:VAL:N	1:A:29:VAL:CA	1:A:29:VAL:C	1:A:30:ASP:N	20	110.5
(1,47)	1:A:27:HIS:C	1:A:28:PHE:N	1:A:28:PHE:CA	1:A:28:PHE:C	13	110.5
(1,134)	1:A:80:CYS:C	1:A:81:VAL:N	1:A:81:VAL:CA	1:A:81:VAL:C	16	110.5
(1,9)	1:A:5:LYS:C	1:A:6:LEU:N	1:A:6:LEU:CA	1:A:6:LEU:C	20	110.4
(1,246)	1:A:142:ILE:C	1:A:143:GLU:N	1:A:143:GLU:CA	1:A:143:GLU:C	18	110.4
(1,87)	1:A:54:ASP:N	1:A:54:ASP:CA	1:A:54:ASP:C	1:A:55:ILE:N	17	110.3
(1,6)	1:A:4:TYR:N	1:A:4:TYR:CA	1:A:4:TYR:C	1:A:5:LYS:N	2	110.3
(1,54)	1:A:33:ASP:N	1:A:33:ASP:CA	1:A:33:ASP:C	1:A:34:PRO:N	8	110.3
(1,82)	1:A:51:CYS:C	1:A:52:LEU:N	1:A:52:LEU:CA	1:A:52:LEU:C	14	110.2
(1,134)	1:A:80:CYS:C	1:A:81:VAL:N	1:A:81:VAL:CA	1:A:81:VAL:C	4	110.2
(1,199)	1:A:114:VAL:C	1:A:115:GLY:N	1:A:115:GLY:CA	1:A:115:GLY:C	13	110.1
(1,182)	1:A:105:ASP:C	1:A:106:SER:N	1:A:106:SER:CA	1:A:106:SER:C	13	110.1
(1,87)	1:A:54:ASP:N	1:A:54:ASP:CA	1:A:54:ASP:C	1:A:55:ILE:N	11	110.0
(1,85)	1:A:53:LEU:N	1:A:53:LEU:CA	1:A:53:LEU:C	1:A:54:ASP:N	19	110.0
(1,84)	1:A:52:LEU:C	1:A:53:LEU:N	1:A:53:LEU:CA	1:A:53:LEU:C	4	110.0
(1,8)	1:A:5:LYS:N	1:A:5:LYS:CA	1:A:5:LYS:C	1:A:6:LEU:N	7	110.0
(1,205)	1:A:118:CYS:C	1:A:119:ASP:N	1:A:119:ASP:CA	1:A:119:ASP:C	7	110.0
(1,13)	1:A:7:VAL:C	1:A:8:VAL:N	1:A:8:VAL:CA	1:A:8:VAL:C	17	110.0
(1,87)	1:A:54:ASP:N	1:A:54:ASP:CA	1:A:54:ASP:C	1:A:55:ILE:N	20	109.9
(1,76)	1:A:48:GLY:C	1:A:49:GLU:N	1:A:49:GLU:CA	1:A:49:GLU:C	4	109.9
(1,43)	1:A:24:ILE:C	1:A:25:GLN:N	1:A:25:GLN:CA	1:A:25:GLN:C	4	109.9
(1,199)	1:A:114:VAL:C	1:A:115:GLY:N	1:A:115:GLY:CA	1:A:115:GLY:C	9	109.9
(1,187)	1:A:108:ASP:N	1:A:108:ASP:CA	1:A:108:ASP:C	1:A:109:VAL:N	7	109.9
(1,136)	1:A:81:VAL:C	1:A:82:PHE:N	1:A:82:PHE:CA	1:A:82:PHE:C	10	109.9
(1,87)	1:A:54:ASP:N	1:A:54:ASP:CA	1:A:54:ASP:C	1:A:55:ILE:N	10	109.8
(1,56)	1:A:35:SER:C	1:A:36:ILE:N	1:A:36:ILE:CA	1:A:36:ILE:C	6	109.8
(1,49)	1:A:28:PHE:C	1:A:29:VAL:N	1:A:29:VAL:CA	1:A:29:VAL:C	16	109.8
(1,188)	1:A:108:ASP:C	1:A:109:VAL:N	1:A:109:VAL:CA	1:A:109:VAL:C	13	109.8
(1,91)	1:A:56:LEU:N	1:A:56:LEU:CA	1:A:56:LEU:C	1:A:57:ASP:N	20	109.7

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Atom-3	Atom-4	Model ID	Violation (°)
(1,8)	1:A:5:LYS:N	1:A:5:LYS:CA	1:A:5:LYS:C	1:A:6:LEU:N	13	109.7
(1,7)	1:A:4:TYR:C	1:A:5:LYS:N	1:A:5:LYS:CA	1:A:5:LYS:C	11	109.7
(1,49)	1:A:28:PHE:C	1:A:29:VAL:N	1:A:29:VAL:CA	1:A:29:VAL:C	17	109.7
(1,242)	1:A:140:PRO:C	1:A:141:TYR:N	1:A:141:TYR:CA	1:A:141:TYR:C	7	109.7
(1,242)	1:A:140:PRO:C	1:A:141:TYR:N	1:A:141:TYR:CA	1:A:141:TYR:C	17	109.7
(1,11)	1:A:6:LEU:C	1:A:7:VAL:N	1:A:7:VAL:CA	1:A:7:VAL:C	19	109.7
(1,91)	1:A:56:LEU:N	1:A:56:LEU:CA	1:A:56:LEU:C	1:A:57:ASP:N	16	109.5
(1,60)	1:A:39:SER:C	1:A:40:TYR:N	1:A:40:TYR:CA	1:A:40:TYR:C	11	109.5
(1,47)	1:A:27:HIS:C	1:A:28:PHE:N	1:A:28:PHE:CA	1:A:28:PHE:C	20	109.5
(1,9)	1:A:5:LYS:C	1:A:6:LEU:N	1:A:6:LEU:CA	1:A:6:LEU:C	18	109.4
(1,82)	1:A:51:CYS:C	1:A:52:LEU:N	1:A:52:LEU:CA	1:A:52:LEU:C	9	109.4
(1,76)	1:A:48:GLY:C	1:A:49:GLU:N	1:A:49:GLU:CA	1:A:49:GLU:C	3	109.4
(1,242)	1:A:140:PRO:C	1:A:141:TYR:N	1:A:141:TYR:CA	1:A:141:TYR:C	16	109.4
(1,130)	1:A:78:PHE:C	1:A:79:LEU:N	1:A:79:LEU:CA	1:A:79:LEU:C	10	109.4
(1,87)	1:A:54:ASP:N	1:A:54:ASP:CA	1:A:54:ASP:C	1:A:55:ILE:N	3	109.2
(1,83)	1:A:52:LEU:N	1:A:52:LEU:CA	1:A:52:LEU:C	1:A:53:LEU:N	7	109.2
(1,256)	1:A:147:LYS:C	1:A:148:THR:N	1:A:148:THR:CA	1:A:148:THR:C	18	109.2
(1,251)	1:A:145:SER:N	1:A:145:SER:CA	1:A:145:SER:C	1:A:146:ALA:N	18	109.2
(1,239)	1:A:138:GLY:C	1:A:139:ILE:N	1:A:139:ILE:CA	1:A:139:ILE:C	9	109.2
(1,136)	1:A:81:VAL:C	1:A:82:PHE:N	1:A:82:PHE:CA	1:A:82:PHE:C	7	109.2
(1,133)	1:A:80:CYS:N	1:A:80:CYS:CA	1:A:80:CYS:C	1:A:81:VAL:N	15	109.2
(1,130)	1:A:78:PHE:C	1:A:79:LEU:N	1:A:79:LEU:CA	1:A:79:LEU:C	8	109.2
(1,9)	1:A:5:LYS:C	1:A:6:LEU:N	1:A:6:LEU:CA	1:A:6:LEU:C	10	109.1
(1,3)	1:A:2:THR:C	1:A:3:GLU:N	1:A:3:GLU:CA	1:A:3:GLU:C	14	109.1
(1,250)	1:A:144:THR:C	1:A:145:SER:N	1:A:145:SER:CA	1:A:145:SER:C	20	109.1
(1,239)	1:A:138:GLY:C	1:A:139:ILE:N	1:A:139:ILE:CA	1:A:139:ILE:C	14	109.1
(1,189)	1:A:109:VAL:N	1:A:109:VAL:CA	1:A:109:VAL:C	1:A:110:PRO:N	4	109.1
(1,70)	1:A:44:VAL:C	1:A:45:VAL:N	1:A:45:VAL:CA	1:A:45:VAL:C	6	109.0
(1,6)	1:A:4:TYR:N	1:A:4:TYR:CA	1:A:4:TYR:C	1:A:5:LYS:N	12	109.0
(1,132)	1:A:79:LEU:C	1:A:80:CYS:N	1:A:80:CYS:CA	1:A:80:CYS:C	14	109.0
(1,130)	1:A:78:PHE:C	1:A:79:LEU:N	1:A:79:LEU:CA	1:A:79:LEU:C	17	109.0
(1,94)	1:A:57:ASP:C	1:A:58:THR:N	1:A:58:THR:CA	1:A:58:THR:C	14	108.8
(1,130)	1:A:78:PHE:C	1:A:79:LEU:N	1:A:79:LEU:CA	1:A:79:LEU:C	19	108.8
(1,102)	1:A:63:GLU:C	1:A:64:TYR:N	1:A:64:TYR:CA	1:A:64:TYR:C	6	108.6
(1,1)	1:A:1:MET:C	1:A:2:THR:N	1:A:2:THR:CA	1:A:2:THR:C	8	108.6
(1,259)	1:A:150:GLN:N	1:A:150:GLN:CA	1:A:150:GLN:C	1:A:151:GLY:N	13	108.5
(1,58)	1:A:38:ASP:C	1:A:39:SER:N	1:A:39:SER:CA	1:A:39:SER:C	11	108.4
(1,47)	1:A:27:HIS:C	1:A:28:PHE:N	1:A:28:PHE:CA	1:A:28:PHE:C	14	108.4
(1,259)	1:A:150:GLN:N	1:A:150:GLN:CA	1:A:150:GLN:C	1:A:151:GLY:N	9	108.4
(1,134)	1:A:80:CYS:C	1:A:81:VAL:N	1:A:81:VAL:CA	1:A:81:VAL:C	5	108.4
(1,85)	1:A:53:LEU:N	1:A:53:LEU:CA	1:A:53:LEU:C	1:A:54:ASP:N	11	108.3
(1,85)	1:A:53:LEU:N	1:A:53:LEU:CA	1:A:53:LEU:C	1:A:54:ASP:N	16	108.3
(1,49)	1:A:28:PHE:C	1:A:29:VAL:N	1:A:29:VAL:CA	1:A:29:VAL:C	4	108.3
(1,130)	1:A:78:PHE:C	1:A:79:LEU:N	1:A:79:LEU:CA	1:A:79:LEU:C	11	108.3
(1,91)	1:A:56:LEU:N	1:A:56:LEU:CA	1:A:56:LEU:C	1:A:57:ASP:N	11	108.2
(1,87)	1:A:54:ASP:N	1:A:54:ASP:CA	1:A:54:ASP:C	1:A:55:ILE:N	18	108.2
(1,136)	1:A:81:VAL:C	1:A:82:PHE:N	1:A:82:PHE:CA	1:A:82:PHE:C	16	108.2
(1,94)	1:A:57:ASP:C	1:A:58:THR:N	1:A:58:THR:CA	1:A:58:THR:C	13	108.1
(1,84)	1:A:52:LEU:C	1:A:53:LEU:N	1:A:53:LEU:CA	1:A:53:LEU:C	20	108.1
(1,76)	1:A:48:GLY:C	1:A:49:GLU:N	1:A:49:GLU:CA	1:A:49:GLU:C	18	108.1
(1,186)	1:A:107:ASP:C	1:A:108:ASP:N	1:A:108:ASP:CA	1:A:108:ASP:C	1	108.1

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Atom-3	Atom-4	Model ID	Violation (°)
(1,130)	1:A:78:PHE:C	1:A:79:LEU:N	1:A:79:LEU:CA	1:A:79:LEU:C	18	108.1
(1,93)	1:A:57:ASP:N	1:A:57:ASP:CA	1:A:57:ASP:C	1:A:58:THR:N	19	108.0
(1,85)	1:A:53:LEU:N	1:A:53:LEU:CA	1:A:53:LEU:C	1:A:54:ASP:N	7	108.0
(1,188)	1:A:108:ASP:C	1:A:109:VAL:N	1:A:109:VAL:CA	1:A:109:VAL:C	15	108.0
(1,130)	1:A:78:PHE:C	1:A:79:LEU:N	1:A:79:LEU:CA	1:A:79:LEU:C	12	108.0
(1,90)	1:A:55:ILE:C	1:A:56:LEU:N	1:A:56:LEU:CA	1:A:56:LEU:C	10	107.9
(1,43)	1:A:24:ILE:C	1:A:25:GLN:N	1:A:25:GLN:CA	1:A:25:GLN:C	3	107.9
(1,142)	1:A:84:ILE:C	1:A:85:ASN:N	1:A:85:ASN:CA	1:A:85:ASN:C	16	107.9
(1,92)	1:A:56:LEU:C	1:A:57:ASP:N	1:A:57:ASP:CA	1:A:57:ASP:C	19	107.8
(1,58)	1:A:38:ASP:C	1:A:39:SER:N	1:A:39:SER:CA	1:A:39:SER:C	5	107.8
(1,142)	1:A:84:ILE:C	1:A:85:ASN:N	1:A:85:ASN:CA	1:A:85:ASN:C	15	107.8
(1,130)	1:A:78:PHE:C	1:A:79:LEU:N	1:A:79:LEU:CA	1:A:79:LEU:C	15	107.8
(1,76)	1:A:48:GLY:C	1:A:49:GLU:N	1:A:49:GLU:CA	1:A:49:GLU:C	5	107.7
(1,76)	1:A:48:GLY:C	1:A:49:GLU:N	1:A:49:GLU:CA	1:A:49:GLU:C	14	107.7
(1,76)	1:A:48:GLY:C	1:A:49:GLU:N	1:A:49:GLU:CA	1:A:49:GLU:C	20	107.7
(1,5)	1:A:3:GLU:C	1:A:4:TYR:N	1:A:4:TYR:CA	1:A:4:TYR:C	3	107.7
(1,259)	1:A:150:GLN:N	1:A:150:GLN:CA	1:A:150:GLN:C	1:A:151:GLY:N	8	107.7
(1,216)	1:A:126:GLU:N	1:A:126:GLU:CA	1:A:126:GLU:C	1:A:127:SER:N	18	107.7
(1,188)	1:A:108:ASP:C	1:A:109:VAL:N	1:A:109:VAL:CA	1:A:109:VAL:C	5	107.7
(1,185)	1:A:107:ASP:N	1:A:107:ASP:CA	1:A:107:ASP:C	1:A:108:ASP:N	11	107.7
(1,134)	1:A:80:CYS:C	1:A:81:VAL:N	1:A:81:VAL:CA	1:A:81:VAL:C	19	107.7
(1,70)	1:A:44:VAL:C	1:A:45:VAL:N	1:A:45:VAL:CA	1:A:45:VAL:C	13	107.6
(1,246)	1:A:142:ILE:C	1:A:143:GLU:N	1:A:143:GLU:CA	1:A:143:GLU:C	8	107.6
(1,247)	1:A:143:GLU:N	1:A:143:GLU:CA	1:A:143:GLU:C	1:A:144:THR:N	14	107.5
(1,246)	1:A:142:ILE:C	1:A:143:GLU:N	1:A:143:GLU:CA	1:A:143:GLU:C	9	107.5
(1,185)	1:A:107:ASP:N	1:A:107:ASP:CA	1:A:107:ASP:C	1:A:108:ASP:N	12	107.5
(1,8)	1:A:5:LYS:N	1:A:5:LYS:CA	1:A:5:LYS:C	1:A:6:LEU:N	8	107.4
(1,43)	1:A:24:ILE:C	1:A:25:GLN:N	1:A:25:GLN:CA	1:A:25:GLN:C	14	107.4
(1,134)	1:A:80:CYS:C	1:A:81:VAL:N	1:A:81:VAL:CA	1:A:81:VAL:C	3	107.4
(1,87)	1:A:54:ASP:N	1:A:54:ASP:CA	1:A:54:ASP:C	1:A:55:ILE:N	5	107.3
(1,85)	1:A:53:LEU:N	1:A:53:LEU:CA	1:A:53:LEU:C	1:A:54:ASP:N	9	107.3
(1,76)	1:A:48:GLY:C	1:A:49:GLU:N	1:A:49:GLU:CA	1:A:49:GLU:C	1	107.3
(1,244)	1:A:141:TYR:C	1:A:142:ILE:N	1:A:142:ILE:CA	1:A:142:ILE:C	13	107.3
(1,237)	1:A:136:SER:C	1:A:137:TYR:N	1:A:137:TYR:CA	1:A:137:TYR:C	11	107.3
(1,136)	1:A:81:VAL:C	1:A:82:PHE:N	1:A:82:PHE:CA	1:A:82:PHE:C	11	107.3
(1,132)	1:A:79:LEU:C	1:A:80:CYS:N	1:A:80:CYS:CA	1:A:80:CYS:C	17	107.3
(1,103)	1:A:64:TYR:N	1:A:64:TYR:CA	1:A:64:TYR:C	1:A:65:SER:N	16	107.3
(1,96)	1:A:58:THR:C	1:A:59:ALA:N	1:A:59:ALA:CA	1:A:59:ALA:C	3	107.2
(1,87)	1:A:54:ASP:N	1:A:54:ASP:CA	1:A:54:ASP:C	1:A:55:ILE:N	8	107.2
(1,58)	1:A:38:ASP:C	1:A:39:SER:N	1:A:39:SER:CA	1:A:39:SER:C	2	107.2
(1,247)	1:A:143:GLU:N	1:A:143:GLU:CA	1:A:143:GLU:C	1:A:144:THR:N	19	107.2
(1,134)	1:A:80:CYS:C	1:A:81:VAL:N	1:A:81:VAL:CA	1:A:81:VAL:C	11	107.2
(1,102)	1:A:63:GLU:C	1:A:64:TYR:N	1:A:64:TYR:CA	1:A:64:TYR:C	10	107.2
(1,82)	1:A:51:CYS:C	1:A:52:LEU:N	1:A:52:LEU:CA	1:A:52:LEU:C	6	107.1
(1,201)	1:A:115:GLY:C	1:A:116:ASN:N	1:A:116:ASN:CA	1:A:116:ASN:C	8	107.1
(1,130)	1:A:78:PHE:C	1:A:79:LEU:N	1:A:79:LEU:CA	1:A:79:LEU:C	1	107.1
(1,85)	1:A:53:LEU:N	1:A:53:LEU:CA	1:A:53:LEU:C	1:A:54:ASP:N	20	107.0
(1,256)	1:A:147:LYS:C	1:A:148:THR:N	1:A:148:THR:CA	1:A:148:THR:C	15	107.0
(1,13)	1:A:7:VAL:C	1:A:8:VAL:N	1:A:8:VAL:CA	1:A:8:VAL:C	18	107.0
(1,9)	1:A:5:LYS:C	1:A:6:LEU:N	1:A:6:LEU:CA	1:A:6:LEU:C	9	106.9
(1,8)	1:A:5:LYS:N	1:A:5:LYS:CA	1:A:5:LYS:C	1:A:6:LEU:N	14	106.9

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Atom-3	Atom-4	Model ID	Violation (°)
(1,51)	1:A:31:GLU:C	1:A:32:TYR:N	1:A:32:TYR:CA	1:A:32:TYR:C	1	106.9
(1,209)	1:A:122:ALA:C	1:A:123:ARG:N	1:A:123:ARG:CA	1:A:123:ARG:C	5	106.9
(1,209)	1:A:122:ALA:C	1:A:123:ARG:N	1:A:123:ARG:CA	1:A:123:ARG:C	6	106.9
(1,209)	1:A:122:ALA:C	1:A:123:ARG:N	1:A:123:ARG:CA	1:A:123:ARG:C	7	106.9
(1,195)	1:A:112:VAL:C	1:A:113:LEU:N	1:A:113:LEU:CA	1:A:113:LEU:C	3	106.9
(1,76)	1:A:48:GLY:C	1:A:49:GLU:N	1:A:49:GLU:CA	1:A:49:GLU:C	8	106.8
(1,76)	1:A:48:GLY:C	1:A:49:GLU:N	1:A:49:GLU:CA	1:A:49:GLU:C	12	106.7
(1,244)	1:A:141:TYR:C	1:A:142:ILE:N	1:A:142:ILE:CA	1:A:142:ILE:C	10	106.7
(1,187)	1:A:108:ASP:N	1:A:108:ASP:CA	1:A:108:ASP:C	1:A:109:VAL:N	9	106.7
(1,102)	1:A:63:GLU:C	1:A:64:TYR:N	1:A:64:TYR:CA	1:A:64:TYR:C	3	106.7
(1,100)	1:A:62:GLU:C	1:A:63:GLU:N	1:A:63:GLU:CA	1:A:63:GLU:C	13	106.7
(1,87)	1:A:54:ASP:N	1:A:54:ASP:CA	1:A:54:ASP:C	1:A:55:ILE:N	6	106.6
(1,87)	1:A:54:ASP:N	1:A:54:ASP:CA	1:A:54:ASP:C	1:A:55:ILE:N	7	106.6
(1,70)	1:A:44:VAL:C	1:A:45:VAL:N	1:A:45:VAL:CA	1:A:45:VAL:C	2	106.6
(1,89)	1:A:55:ILE:N	1:A:55:ILE:CA	1:A:55:ILE:C	1:A:56:LEU:N	18	106.4
(1,136)	1:A:81:VAL:C	1:A:82:PHE:N	1:A:82:PHE:CA	1:A:82:PHE:C	19	106.4
(1,251)	1:A:145:SER:N	1:A:145:SER:CA	1:A:145:SER:C	1:A:146:ALA:N	19	106.3
(1,87)	1:A:54:ASP:N	1:A:54:ASP:CA	1:A:54:ASP:C	1:A:55:ILE:N	16	106.2
(1,66)	1:A:42:LYS:C	1:A:43:GLN:N	1:A:43:GLN:CA	1:A:43:GLN:C	13	106.2
(1,86)	1:A:53:LEU:C	1:A:54:ASP:N	1:A:54:ASP:CA	1:A:54:ASP:C	10	106.1
(1,56)	1:A:35:SER:C	1:A:36:ILE:N	1:A:36:ILE:CA	1:A:36:ILE:C	20	106.1
(1,134)	1:A:80:CYS:C	1:A:81:VAL:N	1:A:81:VAL:CA	1:A:81:VAL:C	10	106.1
(1,102)	1:A:63:GLU:C	1:A:64:TYR:N	1:A:64:TYR:CA	1:A:64:TYR:C	18	106.1
(1,90)	1:A:55:ILE:C	1:A:56:LEU:N	1:A:56:LEU:CA	1:A:56:LEU:C	4	106.0
(1,199)	1:A:114:VAL:C	1:A:115:GLY:N	1:A:115:GLY:CA	1:A:115:GLY:C	10	106.0
(1,132)	1:A:79:LEU:C	1:A:80:CYS:N	1:A:80:CYS:CA	1:A:80:CYS:C	13	106.0
(1,9)	1:A:5:LYS:C	1:A:6:LEU:N	1:A:6:LEU:CA	1:A:6:LEU:C	16	105.9
(1,94)	1:A:57:ASP:C	1:A:58:THR:N	1:A:58:THR:CA	1:A:58:THR:C	6	105.8
(1,76)	1:A:48:GLY:C	1:A:49:GLU:N	1:A:49:GLU:CA	1:A:49:GLU:C	10	105.8
(1,3)	1:A:2:THR:C	1:A:3:GLU:N	1:A:3:GLU:CA	1:A:3:GLU:C	3	105.7
(1,87)	1:A:54:ASP:N	1:A:54:ASP:CA	1:A:54:ASP:C	1:A:55:ILE:N	9	105.6
(1,86)	1:A:53:LEU:C	1:A:54:ASP:N	1:A:54:ASP:CA	1:A:54:ASP:C	12	105.6
(1,70)	1:A:44:VAL:C	1:A:45:VAL:N	1:A:45:VAL:CA	1:A:45:VAL:C	9	105.6
(1,11)	1:A:6:LEU:C	1:A:7:VAL:N	1:A:7:VAL:CA	1:A:7:VAL:C	7	105.6
(1,96)	1:A:58:THR:C	1:A:59:ALA:N	1:A:59:ALA:CA	1:A:59:ALA:C	7	105.5
(1,70)	1:A:44:VAL:C	1:A:45:VAL:N	1:A:45:VAL:CA	1:A:45:VAL:C	12	105.5
(1,134)	1:A:80:CYS:C	1:A:81:VAL:N	1:A:81:VAL:CA	1:A:81:VAL:C	18	105.5
(1,130)	1:A:78:PHE:C	1:A:79:LEU:N	1:A:79:LEU:CA	1:A:79:LEU:C	2	105.5
(1,103)	1:A:64:TYR:N	1:A:64:TYR:CA	1:A:64:TYR:C	1:A:65:SER:N	9	105.5
(1,92)	1:A:56:LEU:C	1:A:57:ASP:N	1:A:57:ASP:CA	1:A:57:ASP:C	3	105.2
(1,70)	1:A:44:VAL:C	1:A:45:VAL:N	1:A:45:VAL:CA	1:A:45:VAL:C	11	105.2
(1,70)	1:A:44:VAL:C	1:A:45:VAL:N	1:A:45:VAL:CA	1:A:45:VAL:C	17	105.2
(1,246)	1:A:142:ILE:C	1:A:143:GLU:N	1:A:143:GLU:CA	1:A:143:GLU:C	20	105.2
(1,9)	1:A:5:LYS:C	1:A:6:LEU:N	1:A:6:LEU:CA	1:A:6:LEU:C	12	105.1
(1,56)	1:A:35:SER:C	1:A:36:ILE:N	1:A:36:ILE:CA	1:A:36:ILE:C	11	105.0
(1,251)	1:A:145:SER:N	1:A:145:SER:CA	1:A:145:SER:C	1:A:146:ALA:N	15	105.0
(1,246)	1:A:142:ILE:C	1:A:143:GLU:N	1:A:143:GLU:CA	1:A:143:GLU:C	4	105.0
(1,189)	1:A:109:VAL:N	1:A:109:VAL:CA	1:A:109:VAL:C	1:A:110:PRO:N	3	105.0
(1,186)	1:A:107:ASP:C	1:A:108:ASP:N	1:A:108:ASP:CA	1:A:108:ASP:C	19	105.0
(1,88)	1:A:54:ASP:C	1:A:55:ILE:N	1:A:55:ILE:CA	1:A:55:ILE:C	10	104.9
(1,242)	1:A:140:PRO:C	1:A:141:TYR:N	1:A:141:TYR:CA	1:A:141:TYR:C	8	104.9

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Atom-3	Atom-4	Model ID	Violation (°)
(1,188)	1:A:108:ASP:C	1:A:109:VAL:N	1:A:109:VAL:CA	1:A:109:VAL:C	17	104.9
(1,130)	1:A:78:PHE:C	1:A:79:LEU:N	1:A:79:LEU:CA	1:A:79:LEU:C	16	104.9
(1,8)	1:A:5:LYS:N	1:A:5:LYS:CA	1:A:5:LYS:C	1:A:6:LEU:N	19	104.8
(1,70)	1:A:44:VAL:C	1:A:45:VAL:N	1:A:45:VAL:CA	1:A:45:VAL:C	5	104.8
(1,56)	1:A:35:SER:C	1:A:36:ILE:N	1:A:36:ILE:CA	1:A:36:ILE:C	10	104.8
(1,132)	1:A:79:LEU:C	1:A:80:CYS:N	1:A:80:CYS:CA	1:A:80:CYS:C	9	104.8
(1,9)	1:A:5:LYS:C	1:A:6:LEU:N	1:A:6:LEU:CA	1:A:6:LEU:C	6	104.7
(1,58)	1:A:38:ASP:C	1:A:39:SER:N	1:A:39:SER:CA	1:A:39:SER:C	20	104.7
(1,43)	1:A:24:ILE:C	1:A:25:GLN:N	1:A:25:GLN:CA	1:A:25:GLN:C	19	104.7
(1,246)	1:A:142:ILE:C	1:A:143:GLU:N	1:A:143:GLU:CA	1:A:143:GLU:C	10	104.7
(1,256)	1:A:147:LYS:C	1:A:148:THR:N	1:A:148:THR:CA	1:A:148:THR:C	14	104.6
(1,134)	1:A:80:CYS:C	1:A:81:VAL:N	1:A:81:VAL:CA	1:A:81:VAL:C	7	104.6
(1,7)	1:A:4:TYR:C	1:A:5:LYS:N	1:A:5:LYS:CA	1:A:5:LYS:C	14	104.5
(1,43)	1:A:24:ILE:C	1:A:25:GLN:N	1:A:25:GLN:CA	1:A:25:GLN:C	2	104.5
(1,43)	1:A:24:ILE:C	1:A:25:GLN:N	1:A:25:GLN:CA	1:A:25:GLN:C	11	104.5
(1,256)	1:A:147:LYS:C	1:A:148:THR:N	1:A:148:THR:CA	1:A:148:THR:C	19	104.5
(1,130)	1:A:78:PHE:C	1:A:79:LEU:N	1:A:79:LEU:CA	1:A:79:LEU:C	5	104.5
(1,13)	1:A:7:VAL:C	1:A:8:VAL:N	1:A:8:VAL:CA	1:A:8:VAL:C	11	104.5
(1,134)	1:A:80:CYS:C	1:A:81:VAL:N	1:A:81:VAL:CA	1:A:81:VAL:C	12	104.4
(1,9)	1:A:5:LYS:C	1:A:6:LEU:N	1:A:6:LEU:CA	1:A:6:LEU:C	14	104.3
(1,49)	1:A:28:PHE:C	1:A:29:VAL:N	1:A:29:VAL:CA	1:A:29:VAL:C	12	104.3
(1,237)	1:A:136:SER:C	1:A:137:TYR:N	1:A:137:TYR:CA	1:A:137:TYR:C	14	104.3
(1,9)	1:A:5:LYS:C	1:A:6:LEU:N	1:A:6:LEU:CA	1:A:6:LEU:C	8	104.2
(1,43)	1:A:24:ILE:C	1:A:25:GLN:N	1:A:25:GLN:CA	1:A:25:GLN:C	1	104.2
(1,43)	1:A:24:ILE:C	1:A:25:GLN:N	1:A:25:GLN:CA	1:A:25:GLN:C	18	104.2
(1,132)	1:A:79:LEU:C	1:A:80:CYS:N	1:A:80:CYS:CA	1:A:80:CYS:C	7	104.2
(1,91)	1:A:56:LEU:N	1:A:56:LEU:CA	1:A:56:LEU:C	1:A:57:ASP:N	18	104.1
(1,82)	1:A:51:CYS:C	1:A:52:LEU:N	1:A:52:LEU:CA	1:A:52:LEU:C	5	104.1
(1,82)	1:A:51:CYS:C	1:A:52:LEU:N	1:A:52:LEU:CA	1:A:52:LEU:C	12	104.1
(1,57)	1:A:36:ILE:N	1:A:36:ILE:CA	1:A:36:ILE:C	1:A:37:GLU:N	11	104.1
(1,130)	1:A:78:PHE:C	1:A:79:LEU:N	1:A:79:LEU:CA	1:A:79:LEU:C	3	104.1
(1,1)	1:A:1:MET:C	1:A:2:THR:N	1:A:2:THR:CA	1:A:2:THR:C	17	104.1
(1,76)	1:A:48:GLY:C	1:A:49:GLU:N	1:A:49:GLU:CA	1:A:49:GLU:C	2	104.0
(1,76)	1:A:48:GLY:C	1:A:49:GLU:N	1:A:49:GLU:CA	1:A:49:GLU:C	19	104.0
(1,246)	1:A:142:ILE:C	1:A:143:GLU:N	1:A:143:GLU:CA	1:A:143:GLU:C	11	103.9
(1,246)	1:A:142:ILE:C	1:A:143:GLU:N	1:A:143:GLU:CA	1:A:143:GLU:C	13	103.9
(1,84)	1:A:52:LEU:C	1:A:53:LEU:N	1:A:53:LEU:CA	1:A:53:LEU:C	5	103.8
(1,90)	1:A:55:ILE:C	1:A:56:LEU:N	1:A:56:LEU:CA	1:A:56:LEU:C	2	103.7
(1,90)	1:A:55:ILE:C	1:A:56:LEU:N	1:A:56:LEU:CA	1:A:56:LEU:C	3	103.7
(1,82)	1:A:51:CYS:C	1:A:52:LEU:N	1:A:52:LEU:CA	1:A:52:LEU:C	18	103.7
(1,256)	1:A:147:LYS:C	1:A:148:THR:N	1:A:148:THR:CA	1:A:148:THR:C	13	103.7
(1,132)	1:A:79:LEU:C	1:A:80:CYS:N	1:A:80:CYS:CA	1:A:80:CYS:C	8	103.7
(1,86)	1:A:53:LEU:C	1:A:54:ASP:N	1:A:54:ASP:CA	1:A:54:ASP:C	20	103.6
(1,84)	1:A:52:LEU:C	1:A:53:LEU:N	1:A:53:LEU:CA	1:A:53:LEU:C	3	103.6
(1,199)	1:A:114:VAL:C	1:A:115:GLY:N	1:A:115:GLY:CA	1:A:115:GLY:C	20	103.6
(1,88)	1:A:54:ASP:C	1:A:55:ILE:N	1:A:55:ILE:CA	1:A:55:ILE:C	9	103.5
(1,88)	1:A:54:ASP:C	1:A:55:ILE:N	1:A:55:ILE:CA	1:A:55:ILE:C	14	103.5
(1,8)	1:A:5:LYS:N	1:A:5:LYS:CA	1:A:5:LYS:C	1:A:6:LEU:N	6	103.5
(1,201)	1:A:115:GLY:C	1:A:116:ASN:N	1:A:116:ASN:CA	1:A:116:ASN:C	15	103.5
(1,256)	1:A:147:LYS:C	1:A:148:THR:N	1:A:148:THR:CA	1:A:148:THR:C	16	103.4
(1,94)	1:A:57:ASP:C	1:A:58:THR:N	1:A:58:THR:CA	1:A:58:THR:C	17	103.3

Continued on next page...



Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Atom-3	Atom-4	Model ID	Violation (°)
(1,88)	1:A:54:ASP:C	1:A:55:ILE:N	1:A:55:ILE:CA	1:A:55:ILE:C	13	103.2
(1,82)	1:A:51:CYS:C	1:A:52:LEU:N	1:A:52:LEU:CA	1:A:52:LEU:C	11	103.2
(1,237)	1:A:136:SER:C	1:A:137:TYR:N	1:A:137:TYR:CA	1:A:137:TYR:C	3	103.2
(1,11)	1:A:6:LEU:C	1:A:7:VAL:N	1:A:7:VAL:CA	1:A:7:VAL:C	10	103.2
(1,201)	1:A:115:GLY:C	1:A:116:ASN:N	1:A:116:ASN:CA	1:A:116:ASN:C	16	103.1
(1,132)	1:A:79:LEU:C	1:A:80:CYS:N	1:A:80:CYS:CA	1:A:80:CYS:C	11	103.1
(1,132)	1:A:79:LEU:C	1:A:80:CYS:N	1:A:80:CYS:CA	1:A:80:CYS:C	12	103.1
(1,82)	1:A:51:CYS:C	1:A:52:LEU:N	1:A:52:LEU:CA	1:A:52:LEU:C	2	103.0
(1,43)	1:A:24:ILE:C	1:A:25:GLN:N	1:A:25:GLN:CA	1:A:25:GLN:C	17	103.0
(1,134)	1:A:80:CYS:C	1:A:81:VAL:N	1:A:81:VAL:CA	1:A:81:VAL:C	9	103.0
(1,11)	1:A:6:LEU:C	1:A:7:VAL:N	1:A:7:VAL:CA	1:A:7:VAL:C	8	103.0
(1,84)	1:A:52:LEU:C	1:A:53:LEU:N	1:A:53:LEU:CA	1:A:53:LEU:C	17	102.8
(1,48)	1:A:28:PHE:N	1:A:28:PHE:CA	1:A:28:PHE:C	1:A:29:VAL:N	13	102.8
(1,237)	1:A:136:SER:C	1:A:137:TYR:N	1:A:137:TYR:CA	1:A:137:TYR:C	7	102.8
(1,237)	1:A:136:SER:C	1:A:137:TYR:N	1:A:137:TYR:CA	1:A:137:TYR:C	9	102.8
(1,237)	1:A:136:SER:C	1:A:137:TYR:N	1:A:137:TYR:CA	1:A:137:TYR:C	18	102.8
(1,195)	1:A:112:VAL:C	1:A:113:LEU:N	1:A:113:LEU:CA	1:A:113:LEU:C	13	102.8
(1,9)	1:A:5:LYS:C	1:A:6:LEU:N	1:A:6:LEU:CA	1:A:6:LEU:C	11	102.5
(1,86)	1:A:53:LEU:C	1:A:54:ASP:N	1:A:54:ASP:CA	1:A:54:ASP:C	16	102.5
(1,82)	1:A:51:CYS:C	1:A:52:LEU:N	1:A:52:LEU:CA	1:A:52:LEU:C	4	102.5
(1,82)	1:A:51:CYS:C	1:A:52:LEU:N	1:A:52:LEU:CA	1:A:52:LEU:C	10	102.5
(1,136)	1:A:81:VAL:C	1:A:82:PHE:N	1:A:82:PHE:CA	1:A:82:PHE:C	5	102.5
(1,130)	1:A:78:PHE:C	1:A:79:LEU:N	1:A:79:LEU:CA	1:A:79:LEU:C	6	102.5
(1,8)	1:A:5:LYS:N	1:A:5:LYS:CA	1:A:5:LYS:C	1:A:6:LEU:N	11	102.4
(1,47)	1:A:27:HIS:C	1:A:28:PHE:N	1:A:28:PHE:CA	1:A:28:PHE:C	11	102.4
(1,187)	1:A:108:ASP:N	1:A:108:ASP:CA	1:A:108:ASP:C	1:A:109:VAL:N	5	102.4
(1,90)	1:A:55:ILE:C	1:A:56:LEU:N	1:A:56:LEU:CA	1:A:56:LEU:C	11	102.3
(1,88)	1:A:54:ASP:C	1:A:55:ILE:N	1:A:55:ILE:CA	1:A:55:ILE:C	11	102.3
(1,82)	1:A:51:CYS:C	1:A:52:LEU:N	1:A:52:LEU:CA	1:A:52:LEU:C	19	102.3
(1,48)	1:A:28:PHE:N	1:A:28:PHE:CA	1:A:28:PHE:C	1:A:29:VAL:N	19	102.3
(1,199)	1:A:114:VAL:C	1:A:115:GLY:N	1:A:115:GLY:CA	1:A:115:GLY:C	18	102.3
(1,94)	1:A:57:ASP:C	1:A:58:THR:N	1:A:58:THR:CA	1:A:58:THR:C	20	102.2
(1,90)	1:A:55:ILE:C	1:A:56:LEU:N	1:A:56:LEU:CA	1:A:56:LEU:C	20	102.2
(1,82)	1:A:51:CYS:C	1:A:52:LEU:N	1:A:52:LEU:CA	1:A:52:LEU:C	20	102.2
(1,8)	1:A:5:LYS:N	1:A:5:LYS:CA	1:A:5:LYS:C	1:A:6:LEU:N	1	102.2
(1,142)	1:A:84:ILE:C	1:A:85:ASN:N	1:A:85:ASN:CA	1:A:85:ASN:C	8	102.2
(1,195)	1:A:112:VAL:C	1:A:113:LEU:N	1:A:113:LEU:CA	1:A:113:LEU:C	4	102.1
(1,90)	1:A:55:ILE:C	1:A:56:LEU:N	1:A:56:LEU:CA	1:A:56:LEU:C	7	102.0
(1,76)	1:A:48:GLY:C	1:A:49:GLU:N	1:A:49:GLU:CA	1:A:49:GLU:C	17	102.0
(1,246)	1:A:142:ILE:C	1:A:143:GLU:N	1:A:143:GLU:CA	1:A:143:GLU:C	15	102.0
(1,237)	1:A:136:SER:C	1:A:137:TYR:N	1:A:137:TYR:CA	1:A:137:TYR:C	5	102.0
(1,130)	1:A:78:PHE:C	1:A:79:LEU:N	1:A:79:LEU:CA	1:A:79:LEU:C	14	102.0
(1,82)	1:A:51:CYS:C	1:A:52:LEU:N	1:A:52:LEU:CA	1:A:52:LEU:C	3	101.9
(1,205)	1:A:118:CYS:C	1:A:119:ASP:N	1:A:119:ASP:CA	1:A:119:ASP:C	6	101.9
(1,185)	1:A:107:ASP:N	1:A:107:ASP:CA	1:A:107:ASP:C	1:A:108:ASP:N	10	101.9
(1,84)	1:A:52:LEU:C	1:A:53:LEU:N	1:A:53:LEU:CA	1:A:53:LEU:C	8	101.7
(1,205)	1:A:118:CYS:C	1:A:119:ASP:N	1:A:119:ASP:CA	1:A:119:ASP:C	9	101.7
(1,246)	1:A:142:ILE:C	1:A:143:GLU:N	1:A:143:GLU:CA	1:A:143:GLU:C	2	101.6
(1,237)	1:A:136:SER:C	1:A:137:TYR:N	1:A:137:TYR:CA	1:A:137:TYR:C	10	101.6
(1,103)	1:A:64:TYR:N	1:A:64:TYR:CA	1:A:64:TYR:C	1:A:65:SER:N	3	101.6
(1,47)	1:A:27:HIS:C	1:A:28:PHE:N	1:A:28:PHE:CA	1:A:28:PHE:C	12	101.5

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Atom-3	Atom-4	Model ID	Violation (°)
(1,237)	1:A:136:SER:C	1:A:137:TYR:N	1:A:137:TYR:CA	1:A:137:TYR:C	1	101.5
(1,195)	1:A:112:VAL:C	1:A:113:LEU:N	1:A:113:LEU:CA	1:A:113:LEU:C	19	101.5
(1,180)	1:A:103:VAL:C	1:A:104:LYS:N	1:A:104:LYS:CA	1:A:104:LYS:C	4	101.5
(1,199)	1:A:114:VAL:C	1:A:115:GLY:N	1:A:115:GLY:CA	1:A:115:GLY:C	5	101.4
(1,11)	1:A:6:LEU:C	1:A:7:VAL:N	1:A:7:VAL:CA	1:A:7:VAL:C	9	101.4
(1,90)	1:A:55:ILE:C	1:A:56:LEU:N	1:A:56:LEU:CA	1:A:56:LEU:C	13	101.3
(1,82)	1:A:51:CYS:C	1:A:52:LEU:N	1:A:52:LEU:CA	1:A:52:LEU:C	1	101.3
(1,76)	1:A:48:GLY:C	1:A:49:GLU:N	1:A:49:GLU:CA	1:A:49:GLU:C	6	101.3
(1,70)	1:A:44:VAL:C	1:A:45:VAL:N	1:A:45:VAL:CA	1:A:45:VAL:C	10	101.3
(1,208)	1:A:122:ALA:N	1:A:122:ALA:CA	1:A:122:ALA:C	1:A:123:ARG:N	16	101.3
(1,195)	1:A:112:VAL:C	1:A:113:LEU:N	1:A:113:LEU:CA	1:A:113:LEU:C	16	101.3
(1,9)	1:A:5:LYS:C	1:A:6:LEU:N	1:A:6:LEU:CA	1:A:6:LEU:C	19	101.2
(1,7)	1:A:4:TYR:C	1:A:5:LYS:N	1:A:5:LYS:CA	1:A:5:LYS:C	13	101.2
(1,205)	1:A:118:CYS:C	1:A:119:ASP:N	1:A:119:ASP:CA	1:A:119:ASP:C	3	101.2
(1,195)	1:A:112:VAL:C	1:A:113:LEU:N	1:A:113:LEU:CA	1:A:113:LEU:C	12	101.2
(1,88)	1:A:54:ASP:C	1:A:55:ILE:N	1:A:55:ILE:CA	1:A:55:ILE:C	5	101.1
(1,142)	1:A:84:ILE:C	1:A:85:ASN:N	1:A:85:ASN:CA	1:A:85:ASN:C	19	101.1
(1,132)	1:A:79:LEU:C	1:A:80:CYS:N	1:A:80:CYS:CA	1:A:80:CYS:C	1	101.1
(1,13)	1:A:7:VAL:C	1:A:8:VAL:N	1:A:8:VAL:CA	1:A:8:VAL:C	12	101.1
(1,199)	1:A:114:VAL:C	1:A:115:GLY:N	1:A:115:GLY:CA	1:A:115:GLY:C	14	101.0
(1,134)	1:A:80:CYS:C	1:A:81:VAL:N	1:A:81:VAL:CA	1:A:81:VAL:C	17	101.0
(1,145)	1:A:86:ASN:N	1:A:86:ASN:CA	1:A:86:ASN:C	1:A:87:THR:N	11	100.8
(1,132)	1:A:79:LEU:C	1:A:80:CYS:N	1:A:80:CYS:CA	1:A:80:CYS:C	10	100.8
(1,237)	1:A:136:SER:C	1:A:137:TYR:N	1:A:137:TYR:CA	1:A:137:TYR:C	8	100.7
(1,187)	1:A:108:ASP:N	1:A:108:ASP:CA	1:A:108:ASP:C	1:A:109:VAL:N	2	100.7
(1,130)	1:A:78:PHE:C	1:A:79:LEU:N	1:A:79:LEU:CA	1:A:79:LEU:C	4	100.7
(1,88)	1:A:54:ASP:C	1:A:55:ILE:N	1:A:55:ILE:CA	1:A:55:ILE:C	1	100.6
(1,7)	1:A:4:TYR:C	1:A:5:LYS:N	1:A:5:LYS:CA	1:A:5:LYS:C	1	100.6
(1,259)	1:A:150:GLN:N	1:A:150:GLN:CA	1:A:150:GLN:C	1:A:151:GLY:N	20	100.6
(1,205)	1:A:118:CYS:C	1:A:119:ASP:N	1:A:119:ASP:CA	1:A:119:ASP:C	8	100.6
(1,9)	1:A:5:LYS:C	1:A:6:LEU:N	1:A:6:LEU:CA	1:A:6:LEU:C	15	100.5
(1,70)	1:A:44:VAL:C	1:A:45:VAL:N	1:A:45:VAL:CA	1:A:45:VAL:C	1	100.5
(1,70)	1:A:44:VAL:C	1:A:45:VAL:N	1:A:45:VAL:CA	1:A:45:VAL:C	4	100.5
(1,195)	1:A:112:VAL:C	1:A:113:LEU:N	1:A:113:LEU:CA	1:A:113:LEU:C	14	100.5
(1,92)	1:A:56:LEU:C	1:A:57:ASP:N	1:A:57:ASP:CA	1:A:57:ASP:C	12	100.4
(1,90)	1:A:55:ILE:C	1:A:56:LEU:N	1:A:56:LEU:CA	1:A:56:LEU:C	6	100.4
(1,246)	1:A:142:ILE:C	1:A:143:GLU:N	1:A:143:GLU:CA	1:A:143:GLU:C	7	100.4
(1,180)	1:A:103:VAL:C	1:A:104:LYS:N	1:A:104:LYS:CA	1:A:104:LYS:C	2	100.4
(1,180)	1:A:103:VAL:C	1:A:104:LYS:N	1:A:104:LYS:CA	1:A:104:LYS:C	3	100.4
(1,8)	1:A:5:LYS:N	1:A:5:LYS:CA	1:A:5:LYS:C	1:A:6:LEU:N	2	100.3
(1,195)	1:A:112:VAL:C	1:A:113:LEU:N	1:A:113:LEU:CA	1:A:113:LEU:C	6	100.3
(1,7)	1:A:4:TYR:C	1:A:5:LYS:N	1:A:5:LYS:CA	1:A:5:LYS:C	9	100.2
(1,259)	1:A:150:GLN:N	1:A:150:GLN:CA	1:A:150:GLN:C	1:A:151:GLY:N	3	100.2
(1,132)	1:A:79:LEU:C	1:A:80:CYS:N	1:A:80:CYS:CA	1:A:80:CYS:C	18	100.2
(1,138)	1:A:82:PHE:C	1:A:83:ALA:N	1:A:83:ALA:CA	1:A:83:ALA:C	9	100.1
(1,13)	1:A:7:VAL:C	1:A:8:VAL:N	1:A:8:VAL:CA	1:A:8:VAL:C	9	100.1
(1,130)	1:A:78:PHE:C	1:A:79:LEU:N	1:A:79:LEU:CA	1:A:79:LEU:C	20	100.0
(1,88)	1:A:54:ASP:C	1:A:55:ILE:N	1:A:55:ILE:CA	1:A:55:ILE:C	7	99.9
(1,76)	1:A:48:GLY:C	1:A:49:GLU:N	1:A:49:GLU:CA	1:A:49:GLU:C	16	99.9
(1,70)	1:A:44:VAL:C	1:A:45:VAL:N	1:A:45:VAL:CA	1:A:45:VAL:C	20	99.9
(1,142)	1:A:84:ILE:C	1:A:85:ASN:N	1:A:85:ASN:CA	1:A:85:ASN:C	4	99.9

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Atom-3	Atom-4	Model ID	Violation (°)
(1,130)	1:A:78:PHE:C	1:A:79:LEU:N	1:A:79:LEU:CA	1:A:79:LEU:C	13	99.9
(1,11)	1:A:6:LEU:C	1:A:7:VAL:N	1:A:7:VAL:CA	1:A:7:VAL:C	17	99.9
(1,86)	1:A:53:LEU:C	1:A:54:ASP:N	1:A:54:ASP:CA	1:A:54:ASP:C	11	99.8
(1,76)	1:A:48:GLY:C	1:A:49:GLU:N	1:A:49:GLU:CA	1:A:49:GLU:C	9	99.8
(1,195)	1:A:112:VAL:C	1:A:113:LEU:N	1:A:113:LEU:CA	1:A:113:LEU:C	5	99.8
(1,145)	1:A:86:ASN:N	1:A:86:ASN:CA	1:A:86:ASN:C	1:A:87:THR:N	20	99.8
(1,86)	1:A:53:LEU:C	1:A:54:ASP:N	1:A:54:ASP:CA	1:A:54:ASP:C	13	99.7
(1,258)	1:A:149:ARG:C	1:A:150:GLN:N	1:A:150:GLN:CA	1:A:150:GLN:C	20	99.7
(1,11)	1:A:6:LEU:C	1:A:7:VAL:N	1:A:7:VAL:CA	1:A:7:VAL:C	20	99.7
(1,92)	1:A:56:LEU:C	1:A:57:ASP:N	1:A:57:ASP:CA	1:A:57:ASP:C	4	99.6
(1,8)	1:A:5:LYS:N	1:A:5:LYS:CA	1:A:5:LYS:C	1:A:6:LEU:N	3	99.6
(1,8)	1:A:5:LYS:N	1:A:5:LYS:CA	1:A:5:LYS:C	1:A:6:LEU:N	20	99.6
(1,47)	1:A:27:HIS:C	1:A:28:PHE:N	1:A:28:PHE:CA	1:A:28:PHE:C	9	99.6
(1,246)	1:A:142:ILE:C	1:A:143:GLU:N	1:A:143:GLU:CA	1:A:143:GLU:C	14	99.6
(1,136)	1:A:81:VAL:C	1:A:82:PHE:N	1:A:82:PHE:CA	1:A:82:PHE:C	15	99.5
(1,13)	1:A:7:VAL:C	1:A:8:VAL:N	1:A:8:VAL:CA	1:A:8:VAL:C	7	99.5
(1,86)	1:A:53:LEU:C	1:A:54:ASP:N	1:A:54:ASP:CA	1:A:54:ASP:C	1	99.4
(1,90)	1:A:55:ILE:C	1:A:56:LEU:N	1:A:56:LEU:CA	1:A:56:LEU:C	15	99.2
(1,88)	1:A:54:ASP:C	1:A:55:ILE:N	1:A:55:ILE:CA	1:A:55:ILE:C	6	99.2
(1,88)	1:A:54:ASP:C	1:A:55:ILE:N	1:A:55:ILE:CA	1:A:55:ILE:C	19	99.2
(1,84)	1:A:52:LEU:C	1:A:53:LEU:N	1:A:53:LEU:CA	1:A:53:LEU:C	1	99.2
(1,186)	1:A:107:ASP:C	1:A:108:ASP:N	1:A:108:ASP:CA	1:A:108:ASP:C	2	99.2
(1,86)	1:A:53:LEU:C	1:A:54:ASP:N	1:A:54:ASP:CA	1:A:54:ASP:C	4	99.1
(1,43)	1:A:24:ILE:C	1:A:25:GLN:N	1:A:25:GLN:CA	1:A:25:GLN:C	8	99.0
(1,237)	1:A:136:SER:C	1:A:137:TYR:N	1:A:137:TYR:CA	1:A:137:TYR:C	15	99.0
(1,21)	1:A:11:ALA:C	1:A:12:GLY:N	1:A:12:GLY:CA	1:A:12:GLY:C	16	99.0
(1,205)	1:A:118:CYS:C	1:A:119:ASP:N	1:A:119:ASP:CA	1:A:119:ASP:C	14	99.0
(1,145)	1:A:86:ASN:N	1:A:86:ASN:CA	1:A:86:ASN:C	1:A:87:THR:N	4	99.0
(1,70)	1:A:44:VAL:C	1:A:45:VAL:N	1:A:45:VAL:CA	1:A:45:VAL:C	3	98.9
(1,246)	1:A:142:ILE:C	1:A:143:GLU:N	1:A:143:GLU:CA	1:A:143:GLU:C	17	98.8
(1,134)	1:A:80:CYS:C	1:A:81:VAL:N	1:A:81:VAL:CA	1:A:81:VAL:C	6	98.8
(1,130)	1:A:78:PHE:C	1:A:79:LEU:N	1:A:79:LEU:CA	1:A:79:LEU:C	7	98.8
(1,199)	1:A:114:VAL:C	1:A:115:GLY:N	1:A:115:GLY:CA	1:A:115:GLY:C	19	98.7
(1,132)	1:A:79:LEU:C	1:A:80:CYS:N	1:A:80:CYS:CA	1:A:80:CYS:C	5	98.7
(1,8)	1:A:5:LYS:N	1:A:5:LYS:CA	1:A:5:LYS:C	1:A:6:LEU:N	17	98.6
(1,7)	1:A:4:TYR:C	1:A:5:LYS:N	1:A:5:LYS:CA	1:A:5:LYS:C	5	98.6
(1,195)	1:A:112:VAL:C	1:A:113:LEU:N	1:A:113:LEU:CA	1:A:113:LEU:C	17	98.6
(1,145)	1:A:86:ASN:N	1:A:86:ASN:CA	1:A:86:ASN:C	1:A:87:THR:N	12	98.6
(1,102)	1:A:63:GLU:C	1:A:64:TYR:N	1:A:64:TYR:CA	1:A:64:TYR:C	15	98.6
(1,7)	1:A:4:TYR:C	1:A:5:LYS:N	1:A:5:LYS:CA	1:A:5:LYS:C	17	98.5
(1,43)	1:A:24:ILE:C	1:A:25:GLN:N	1:A:25:GLN:CA	1:A:25:GLN:C	13	98.5
(1,84)	1:A:52:LEU:C	1:A:53:LEU:N	1:A:53:LEU:CA	1:A:53:LEU:C	19	98.4
(1,51)	1:A:31:GLU:C	1:A:32:TYR:N	1:A:32:TYR:CA	1:A:32:TYR:C	15	98.4
(1,259)	1:A:150:GLN:N	1:A:150:GLN:CA	1:A:150:GLN:C	1:A:151:GLY:N	10	98.4
(1,88)	1:A:54:ASP:C	1:A:55:ILE:N	1:A:55:ILE:CA	1:A:55:ILE:C	12	98.3
(1,76)	1:A:48:GLY:C	1:A:49:GLU:N	1:A:49:GLU:CA	1:A:49:GLU:C	7	98.3
(1,76)	1:A:48:GLY:C	1:A:49:GLU:N	1:A:49:GLU:CA	1:A:49:GLU:C	15	98.3
(1,209)	1:A:122:ALA:C	1:A:123:ARG:N	1:A:123:ARG:CA	1:A:123:ARG:C	17	98.3
(1,142)	1:A:84:ILE:C	1:A:85:ASN:N	1:A:85:ASN:CA	1:A:85:ASN:C	3	98.3
(1,138)	1:A:82:PHE:C	1:A:83:ALA:N	1:A:83:ALA:CA	1:A:83:ALA:C	18	98.2
(1,7)	1:A:4:TYR:C	1:A:5:LYS:N	1:A:5:LYS:CA	1:A:5:LYS:C	4	98.1

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Atom-3	Atom-4	Model ID	Violation (°)
(1,43)	1:A:24:ILE:C	1:A:25:GLN:N	1:A:25:GLN:CA	1:A:25:GLN:C	15	98.1
(1,11)	1:A:6:LEU:C	1:A:7:VAL:N	1:A:7:VAL:CA	1:A:7:VAL:C	4	98.1
(1,11)	1:A:6:LEU:C	1:A:7:VAL:N	1:A:7:VAL:CA	1:A:7:VAL:C	5	98.1
(1,43)	1:A:24:ILE:C	1:A:25:GLN:N	1:A:25:GLN:CA	1:A:25:GLN:C	20	98.0
(1,258)	1:A:149:ARG:C	1:A:150:GLN:N	1:A:150:GLN:CA	1:A:150:GLN:C	8	98.0
(1,195)	1:A:112:VAL:C	1:A:113:LEU:N	1:A:113:LEU:CA	1:A:113:LEU:C	1	98.0
(1,142)	1:A:84:ILE:C	1:A:85:ASN:N	1:A:85:ASN:CA	1:A:85:ASN:C	7	98.0
(1,1)	1:A:1:MET:C	1:A:2:THR:N	1:A:2:THR:CA	1:A:2:THR:C	14	98.0
(1,8)	1:A:5:LYS:N	1:A:5:LYS:CA	1:A:5:LYS:C	1:A:6:LEU:N	4	97.9
(1,56)	1:A:35:SER:C	1:A:36:ILE:N	1:A:36:ILE:CA	1:A:36:ILE:C	12	97.9
(1,142)	1:A:84:ILE:C	1:A:85:ASN:N	1:A:85:ASN:CA	1:A:85:ASN:C	5	97.9
(1,13)	1:A:7:VAL:C	1:A:8:VAL:N	1:A:8:VAL:CA	1:A:8:VAL:C	8	97.9
(1,92)	1:A:56:LEU:C	1:A:57:ASP:N	1:A:57:ASP:CA	1:A:57:ASP:C	11	97.8
(1,88)	1:A:54:ASP:C	1:A:55:ILE:N	1:A:55:ILE:CA	1:A:55:ILE:C	17	97.8
(1,86)	1:A:53:LEU:C	1:A:54:ASP:N	1:A:54:ASP:CA	1:A:54:ASP:C	2	97.8
(1,8)	1:A:5:LYS:N	1:A:5:LYS:CA	1:A:5:LYS:C	1:A:6:LEU:N	18	97.8
(1,100)	1:A:62:GLU:C	1:A:63:GLU:N	1:A:63:GLU:CA	1:A:63:GLU:C	15	97.8
(1,7)	1:A:4:TYR:C	1:A:5:LYS:N	1:A:5:LYS:CA	1:A:5:LYS:C	20	97.7
(1,48)	1:A:28:PHE:N	1:A:28:PHE:CA	1:A:28:PHE:C	1:A:29:VAL:N	14	97.7
(1,142)	1:A:84:ILE:C	1:A:85:ASN:N	1:A:85:ASN:CA	1:A:85:ASN:C	6	97.7
(1,132)	1:A:79:LEU:C	1:A:80:CYS:N	1:A:80:CYS:CA	1:A:80:CYS:C	2	97.7
(1,92)	1:A:56:LEU:C	1:A:57:ASP:N	1:A:57:ASP:CA	1:A:57:ASP:C	18	97.6
(1,8)	1:A:5:LYS:N	1:A:5:LYS:CA	1:A:5:LYS:C	1:A:6:LEU:N	12	97.6
(1,70)	1:A:44:VAL:C	1:A:45:VAL:N	1:A:45:VAL:CA	1:A:45:VAL:C	8	97.6
(1,7)	1:A:4:TYR:C	1:A:5:LYS:N	1:A:5:LYS:CA	1:A:5:LYS:C	10	97.6
(1,246)	1:A:142:ILE:C	1:A:143:GLU:N	1:A:143:GLU:CA	1:A:143:GLU:C	5	97.6
(1,199)	1:A:114:VAL:C	1:A:115:GLY:N	1:A:115:GLY:CA	1:A:115:GLY:C	11	97.6
(1,90)	1:A:55:ILE:C	1:A:56:LEU:N	1:A:56:LEU:CA	1:A:56:LEU:C	12	97.5
(1,86)	1:A:53:LEU:C	1:A:54:ASP:N	1:A:54:ASP:CA	1:A:54:ASP:C	3	97.5
(1,8)	1:A:5:LYS:N	1:A:5:LYS:CA	1:A:5:LYS:C	1:A:6:LEU:N	9	97.5
(1,199)	1:A:114:VAL:C	1:A:115:GLY:N	1:A:115:GLY:CA	1:A:115:GLY:C	17	97.5
(1,70)	1:A:44:VAL:C	1:A:45:VAL:N	1:A:45:VAL:CA	1:A:45:VAL:C	14	97.4
(1,3)	1:A:2:THR:C	1:A:3:GLU:N	1:A:3:GLU:CA	1:A:3:GLU:C	16	97.4
(1,11)	1:A:6:LEU:C	1:A:7:VAL:N	1:A:7:VAL:CA	1:A:7:VAL:C	11	97.4
(1,1)	1:A:1:MET:C	1:A:2:THR:N	1:A:2:THR:CA	1:A:2:THR:C	3	97.4
(1,8)	1:A:5:LYS:N	1:A:5:LYS:CA	1:A:5:LYS:C	1:A:6:LEU:N	15	97.3
(1,251)	1:A:145:SER:N	1:A:145:SER:CA	1:A:145:SER:C	1:A:146:ALA:N	16	97.3
(1,145)	1:A:86:ASN:N	1:A:86:ASN:CA	1:A:86:ASN:C	1:A:87:THR:N	7	97.3
(1,237)	1:A:136:SER:C	1:A:137:TYR:N	1:A:137:TYR:CA	1:A:137:TYR:C	17	97.2
(1,209)	1:A:122:ALA:C	1:A:123:ARG:N	1:A:123:ARG:CA	1:A:123:ARG:C	15	97.2
(1,187)	1:A:108:ASP:N	1:A:108:ASP:CA	1:A:108:ASP:C	1:A:109:VAL:N	1	97.2
(1,145)	1:A:86:ASN:N	1:A:86:ASN:CA	1:A:86:ASN:C	1:A:87:THR:N	10	97.2
(1,145)	1:A:86:ASN:N	1:A:86:ASN:CA	1:A:86:ASN:C	1:A:87:THR:N	16	97.2
(1,110)	1:A:67:MET:C	1:A:68:ARG:N	1:A:68:ARG:CA	1:A:68:ARG:C	19	97.2
(1,104)	1:A:64:TYR:C	1:A:65:SER:N	1:A:65:SER:CA	1:A:65:SER:C	13	97.2
(1,100)	1:A:62:GLU:C	1:A:63:GLU:N	1:A:63:GLU:CA	1:A:63:GLU:C	9	97.2
(1,201)	1:A:115:GLY:C	1:A:116:ASN:N	1:A:116:ASN:CA	1:A:116:ASN:C	6	97.1
(1,201)	1:A:115:GLY:C	1:A:116:ASN:N	1:A:116:ASN:CA	1:A:116:ASN:C	11	97.1
(1,201)	1:A:115:GLY:C	1:A:116:ASN:N	1:A:116:ASN:CA	1:A:116:ASN:C	18	97.1
(1,201)	1:A:115:GLY:C	1:A:116:ASN:N	1:A:116:ASN:CA	1:A:116:ASN:C	20	97.1
(1,145)	1:A:86:ASN:N	1:A:86:ASN:CA	1:A:86:ASN:C	1:A:87:THR:N	15	97.1

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Atom-3	Atom-4	Model ID	Violation (°)
(1,70)	1:A:44:VAL:C	1:A:45:VAL:N	1:A:45:VAL:CA	1:A:45:VAL:C	18	97.0
(1,237)	1:A:136:SER:C	1:A:137:TYR:N	1:A:137:TYR:CA	1:A:137:TYR:C	12	97.0
(1,201)	1:A:115:GLY:C	1:A:116:ASN:N	1:A:116:ASN:CA	1:A:116:ASN:C	5	97.0
(1,86)	1:A:53:LEU:C	1:A:54:ASP:N	1:A:54:ASP:CA	1:A:54:ASP:C	6	96.9
(1,7)	1:A:4:TYR:C	1:A:5:LYS:N	1:A:5:LYS:CA	1:A:5:LYS:C	3	96.9
(1,58)	1:A:38:ASP:C	1:A:39:SER:N	1:A:39:SER:CA	1:A:39:SER:C	17	96.9
(1,201)	1:A:115:GLY:C	1:A:116:ASN:N	1:A:116:ASN:CA	1:A:116:ASN:C	7	96.9
(1,86)	1:A:53:LEU:C	1:A:54:ASP:N	1:A:54:ASP:CA	1:A:54:ASP:C	15	96.8
(1,58)	1:A:38:ASP:C	1:A:39:SER:N	1:A:39:SER:CA	1:A:39:SER:C	18	96.8
(1,182)	1:A:105:ASP:C	1:A:106:SER:N	1:A:106:SER:CA	1:A:106:SER:C	7	96.8
(1,138)	1:A:82:PHE:C	1:A:83:ALA:N	1:A:83:ALA:CA	1:A:83:ALA:C	11	96.8
(1,82)	1:A:51:CYS:C	1:A:52:LEU:N	1:A:52:LEU:CA	1:A:52:LEU:C	17	96.7
(1,53)	1:A:32:TYR:C	1:A:33:ASP:N	1:A:33:ASP:CA	1:A:33:ASP:C	7	96.7
(1,142)	1:A:84:ILE:C	1:A:85:ASN:N	1:A:85:ASN:CA	1:A:85:ASN:C	12	96.7
(1,13)	1:A:7:VAL:C	1:A:8:VAL:N	1:A:8:VAL:CA	1:A:8:VAL:C	10	96.7
(1,84)	1:A:52:LEU:C	1:A:53:LEU:N	1:A:53:LEU:CA	1:A:53:LEU:C	18	96.6
(1,70)	1:A:44:VAL:C	1:A:45:VAL:N	1:A:45:VAL:CA	1:A:45:VAL:C	15	96.6
(1,138)	1:A:82:PHE:C	1:A:83:ALA:N	1:A:83:ALA:CA	1:A:83:ALA:C	17	96.6
(1,47)	1:A:27:HIS:C	1:A:28:PHE:N	1:A:28:PHE:CA	1:A:28:PHE:C	15	96.5
(1,182)	1:A:105:ASP:C	1:A:106:SER:N	1:A:106:SER:CA	1:A:106:SER:C	6	96.5
(1,47)	1:A:27:HIS:C	1:A:28:PHE:N	1:A:28:PHE:CA	1:A:28:PHE:C	16	96.4
(1,246)	1:A:142:ILE:C	1:A:143:GLU:N	1:A:143:GLU:CA	1:A:143:GLU:C	16	96.4
(1,205)	1:A:118:CYS:C	1:A:119:ASP:N	1:A:119:ASP:CA	1:A:119:ASP:C	4	96.4
(1,1)	1:A:1:MET:C	1:A:2:THR:N	1:A:2:THR:CA	1:A:2:THR:C	18	96.3
(1,145)	1:A:86:ASN:N	1:A:86:ASN:CA	1:A:86:ASN:C	1:A:87:THR:N	5	96.2
(1,13)	1:A:7:VAL:C	1:A:8:VAL:N	1:A:8:VAL:CA	1:A:8:VAL:C	13	96.2
(1,7)	1:A:4:TYR:C	1:A:5:LYS:N	1:A:5:LYS:CA	1:A:5:LYS:C	2	96.1
(1,142)	1:A:84:ILE:C	1:A:85:ASN:N	1:A:85:ASN:CA	1:A:85:ASN:C	2	96.1
(1,11)	1:A:6:LEU:C	1:A:7:VAL:N	1:A:7:VAL:CA	1:A:7:VAL:C	12	96.1
(1,1)	1:A:1:MET:C	1:A:2:THR:N	1:A:2:THR:CA	1:A:2:THR:C	7	96.1
(1,195)	1:A:112:VAL:C	1:A:113:LEU:N	1:A:113:LEU:CA	1:A:113:LEU:C	18	96.0
(1,1)	1:A:1:MET:C	1:A:2:THR:N	1:A:2:THR:CA	1:A:2:THR:C	4	96.0
(1,138)	1:A:82:PHE:C	1:A:83:ALA:N	1:A:83:ALA:CA	1:A:83:ALA:C	12	95.9
(1,201)	1:A:115:GLY:C	1:A:116:ASN:N	1:A:116:ASN:CA	1:A:116:ASN:C	10	95.8
(1,188)	1:A:108:ASP:C	1:A:109:VAL:N	1:A:109:VAL:CA	1:A:109:VAL:C	6	95.8
(1,94)	1:A:57:ASP:C	1:A:58:THR:N	1:A:58:THR:CA	1:A:58:THR:C	18	95.7
(1,195)	1:A:112:VAL:C	1:A:113:LEU:N	1:A:113:LEU:CA	1:A:113:LEU:C	9	95.7
(1,195)	1:A:112:VAL:C	1:A:113:LEU:N	1:A:113:LEU:CA	1:A:113:LEU:C	2	95.6
(1,11)	1:A:6:LEU:C	1:A:7:VAL:N	1:A:7:VAL:CA	1:A:7:VAL:C	15	95.6
(1,86)	1:A:53:LEU:C	1:A:54:ASP:N	1:A:54:ASP:CA	1:A:54:ASP:C	14	95.5
(1,201)	1:A:115:GLY:C	1:A:116:ASN:N	1:A:116:ASN:CA	1:A:116:ASN:C	17	95.5
(1,132)	1:A:79:LEU:C	1:A:80:CYS:N	1:A:80:CYS:CA	1:A:80:CYS:C	19	95.5
(1,92)	1:A:56:LEU:C	1:A:57:ASP:N	1:A:57:ASP:CA	1:A:57:ASP:C	15	95.4
(1,7)	1:A:4:TYR:C	1:A:5:LYS:N	1:A:5:LYS:CA	1:A:5:LYS:C	8	95.4
(1,43)	1:A:24:ILE:C	1:A:25:GLN:N	1:A:25:GLN:CA	1:A:25:GLN:C	10	95.4
(1,3)	1:A:2:THR:C	1:A:3:GLU:N	1:A:3:GLU:CA	1:A:3:GLU:C	5	95.4
(1,195)	1:A:112:VAL:C	1:A:113:LEU:N	1:A:113:LEU:CA	1:A:113:LEU:C	10	95.4
(1,180)	1:A:103:VAL:C	1:A:104:LYS:N	1:A:104:LYS:CA	1:A:104:LYS:C	19	95.4
(1,144)	1:A:85:ASN:C	1:A:86:ASN:N	1:A:86:ASN:CA	1:A:86:ASN:C	18	95.4
(1,100)	1:A:62:GLU:C	1:A:63:GLU:N	1:A:63:GLU:CA	1:A:63:GLU:C	16	95.4
(1,1)	1:A:1:MET:C	1:A:2:THR:N	1:A:2:THR:CA	1:A:2:THR:C	6	95.4

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Atom-3	Atom-4	Model ID	Violation (°)
(1,84)	1:A:52:LEU:C	1:A:53:LEU:N	1:A:53:LEU:CA	1:A:53:LEU:C	11	95.3
(1,246)	1:A:142:ILE:C	1:A:143:GLU:N	1:A:143:GLU:CA	1:A:143:GLU:C	1	95.3
(1,208)	1:A:122:ALA:N	1:A:122:ALA:CA	1:A:122:ALA:C	1:A:123:ARG:N	5	95.3
(1,195)	1:A:112:VAL:C	1:A:113:LEU:N	1:A:113:LEU:CA	1:A:113:LEU:C	15	95.3
(1,195)	1:A:112:VAL:C	1:A:113:LEU:N	1:A:113:LEU:CA	1:A:113:LEU:C	20	95.3
(1,145)	1:A:86:ASN:N	1:A:86:ASN:CA	1:A:86:ASN:C	1:A:87:THR:N	2	95.3
(1,92)	1:A:56:LEU:C	1:A:57:ASP:N	1:A:57:ASP:CA	1:A:57:ASP:C	1	95.2
(1,90)	1:A:55:ILE:C	1:A:56:LEU:N	1:A:56:LEU:CA	1:A:56:LEU:C	18	95.2
(1,88)	1:A:54:ASP:C	1:A:55:ILE:N	1:A:55:ILE:CA	1:A:55:ILE:C	4	95.2
(1,84)	1:A:52:LEU:C	1:A:53:LEU:N	1:A:53:LEU:CA	1:A:53:LEU:C	10	95.2
(1,256)	1:A:147:LYS:C	1:A:148:THR:N	1:A:148:THR:CA	1:A:148:THR:C	20	95.2
(1,205)	1:A:118:CYS:C	1:A:119:ASP:N	1:A:119:ASP:CA	1:A:119:ASP:C	19	95.2
(1,1)	1:A:1:MET:C	1:A:2:THR:N	1:A:2:THR:CA	1:A:2:THR:C	1	95.2
(1,86)	1:A:53:LEU:C	1:A:54:ASP:N	1:A:54:ASP:CA	1:A:54:ASP:C	7	95.1
(1,58)	1:A:38:ASP:C	1:A:39:SER:N	1:A:39:SER:CA	1:A:39:SER:C	7	95.1
(1,3)	1:A:2:THR:C	1:A:3:GLU:N	1:A:3:GLU:CA	1:A:3:GLU:C	9	95.1
(1,85)	1:A:53:LEU:N	1:A:53:LEU:CA	1:A:53:LEU:C	1:A:54:ASP:N	6	95.0
(1,76)	1:A:48:GLY:C	1:A:49:GLU:N	1:A:49:GLU:CA	1:A:49:GLU:C	11	95.0
(1,246)	1:A:142:ILE:C	1:A:143:GLU:N	1:A:143:GLU:CA	1:A:143:GLU:C	6	95.0
(1,180)	1:A:103:VAL:C	1:A:104:LYS:N	1:A:104:LYS:CA	1:A:104:LYS:C	1	95.0
(1,142)	1:A:84:ILE:C	1:A:85:ASN:N	1:A:85:ASN:CA	1:A:85:ASN:C	10	95.0
(1,132)	1:A:79:LEU:C	1:A:80:CYS:N	1:A:80:CYS:CA	1:A:80:CYS:C	3	95.0
(1,92)	1:A:56:LEU:C	1:A:57:ASP:N	1:A:57:ASP:CA	1:A:57:ASP:C	20	94.9
(1,86)	1:A:53:LEU:C	1:A:54:ASP:N	1:A:54:ASP:CA	1:A:54:ASP:C	17	94.9
(1,258)	1:A:149:ARG:C	1:A:150:GLN:N	1:A:150:GLN:CA	1:A:150:GLN:C	10	94.9
(1,134)	1:A:80:CYS:C	1:A:81:VAL:N	1:A:81:VAL:CA	1:A:81:VAL:C	20	94.9
(1,88)	1:A:54:ASP:C	1:A:55:ILE:N	1:A:55:ILE:CA	1:A:55:ILE:C	20	94.8
(1,7)	1:A:4:TYR:C	1:A:5:LYS:N	1:A:5:LYS:CA	1:A:5:LYS:C	7	94.8
(1,3)	1:A:2:THR:C	1:A:3:GLU:N	1:A:3:GLU:CA	1:A:3:GLU:C	20	94.8
(1,84)	1:A:52:LEU:C	1:A:53:LEU:N	1:A:53:LEU:CA	1:A:53:LEU:C	2	94.7
(1,246)	1:A:142:ILE:C	1:A:143:GLU:N	1:A:143:GLU:CA	1:A:143:GLU:C	12	94.7
(1,102)	1:A:63:GLU:C	1:A:64:TYR:N	1:A:64:TYR:CA	1:A:64:TYR:C	12	94.7
(1,201)	1:A:115:GLY:C	1:A:116:ASN:N	1:A:116:ASN:CA	1:A:116:ASN:C	9	94.6
(1,22)	1:A:12:GLY:N	1:A:12:GLY:CA	1:A:12:GLY:C	1:A:13:GLY:N	1	94.5
(1,208)	1:A:122:ALA:N	1:A:122:ALA:CA	1:A:122:ALA:C	1:A:123:ARG:N	6	94.5
(1,195)	1:A:112:VAL:C	1:A:113:LEU:N	1:A:113:LEU:CA	1:A:113:LEU:C	8	94.5
(1,13)	1:A:7:VAL:C	1:A:8:VAL:N	1:A:8:VAL:CA	1:A:8:VAL:C	3	94.5
(1,13)	1:A:7:VAL:C	1:A:8:VAL:N	1:A:8:VAL:CA	1:A:8:VAL:C	14	94.5
(1,11)	1:A:6:LEU:C	1:A:7:VAL:N	1:A:7:VAL:CA	1:A:7:VAL:C	16	94.5
(1,102)	1:A:63:GLU:C	1:A:64:TYR:N	1:A:64:TYR:CA	1:A:64:TYR:C	19	94.5
(1,94)	1:A:57:ASP:C	1:A:58:THR:N	1:A:58:THR:CA	1:A:58:THR:C	19	94.4
(1,1)	1:A:1:MET:C	1:A:2:THR:N	1:A:2:THR:CA	1:A:2:THR:C	13	94.4
(1,84)	1:A:52:LEU:C	1:A:53:LEU:N	1:A:53:LEU:CA	1:A:53:LEU:C	7	94.3
(1,43)	1:A:24:ILE:C	1:A:25:GLN:N	1:A:25:GLN:CA	1:A:25:GLN:C	5	94.3
(1,205)	1:A:118:CYS:C	1:A:119:ASP:N	1:A:119:ASP:CA	1:A:119:ASP:C	13	94.3
(1,11)	1:A:6:LEU:C	1:A:7:VAL:N	1:A:7:VAL:CA	1:A:7:VAL:C	3	94.3
(1,100)	1:A:62:GLU:C	1:A:63:GLU:N	1:A:63:GLU:CA	1:A:63:GLU:C	7	94.3
(1,1)	1:A:1:MET:C	1:A:2:THR:N	1:A:2:THR:CA	1:A:2:THR:C	2	94.3
(1,7)	1:A:4:TYR:C	1:A:5:LYS:N	1:A:5:LYS:CA	1:A:5:LYS:C	6	94.2
(1,145)	1:A:86:ASN:N	1:A:86:ASN:CA	1:A:86:ASN:C	1:A:87:THR:N	18	94.2
(1,43)	1:A:24:ILE:C	1:A:25:GLN:N	1:A:25:GLN:CA	1:A:25:GLN:C	9	94.1

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Atom-3	Atom-4	Model ID	Violation (°)
(1,3)	1:A:2:THR:C	1:A:3:GLU:N	1:A:3:GLU:CA	1:A:3:GLU:C	6	94.1
(1,11)	1:A:6:LEU:C	1:A:7:VAL:N	1:A:7:VAL:CA	1:A:7:VAL:C	1	94.1
(1,88)	1:A:54:ASP:C	1:A:55:ILE:N	1:A:55:ILE:CA	1:A:55:ILE:C	2	94.0
(1,7)	1:A:4:TYR:C	1:A:5:LYS:N	1:A:5:LYS:CA	1:A:5:LYS:C	19	94.0
(1,23)	1:A:14:VAL:C	1:A:15:GLY:N	1:A:15:GLY:CA	1:A:15:GLY:C	18	94.0
(1,88)	1:A:54:ASP:C	1:A:55:ILE:N	1:A:55:ILE:CA	1:A:55:ILE:C	16	93.9
(1,88)	1:A:54:ASP:C	1:A:55:ILE:N	1:A:55:ILE:CA	1:A:55:ILE:C	18	93.9
(1,208)	1:A:122:ALA:N	1:A:122:ALA:CA	1:A:122:ALA:C	1:A:123:ARG:N	15	93.9
(1,102)	1:A:63:GLU:C	1:A:64:TYR:N	1:A:64:TYR:CA	1:A:64:TYR:C	16	93.9
(1,76)	1:A:48:GLY:C	1:A:49:GLU:N	1:A:49:GLU:CA	1:A:49:GLU:C	13	93.8
(1,182)	1:A:105:ASP:C	1:A:106:SER:N	1:A:106:SER:CA	1:A:106:SER:C	5	93.8
(1,180)	1:A:103:VAL:C	1:A:104:LYS:N	1:A:104:LYS:CA	1:A:104:LYS:C	12	93.8
(1,13)	1:A:7:VAL:C	1:A:8:VAL:N	1:A:8:VAL:CA	1:A:8:VAL:C	6	93.7
(1,90)	1:A:55:ILE:C	1:A:56:LEU:N	1:A:56:LEU:CA	1:A:56:LEU:C	17	93.5
(1,201)	1:A:115:GLY:C	1:A:116:ASN:N	1:A:116:ASN:CA	1:A:116:ASN:C	4	93.5
(1,145)	1:A:86:ASN:N	1:A:86:ASN:CA	1:A:86:ASN:C	1:A:87:THR:N	6	93.5
(1,11)	1:A:6:LEU:C	1:A:7:VAL:N	1:A:7:VAL:CA	1:A:7:VAL:C	2	93.5
(1,7)	1:A:4:TYR:C	1:A:5:LYS:N	1:A:5:LYS:CA	1:A:5:LYS:C	18	93.3
(1,207)	1:A:121:ALA:C	1:A:122:ALA:N	1:A:122:ALA:CA	1:A:122:ALA:C	20	93.3
(1,186)	1:A:107:ASP:C	1:A:108:ASP:N	1:A:108:ASP:CA	1:A:108:ASP:C	3	93.3
(1,188)	1:A:108:ASP:C	1:A:109:VAL:N	1:A:109:VAL:CA	1:A:109:VAL:C	8	93.2
(1,13)	1:A:7:VAL:C	1:A:8:VAL:N	1:A:8:VAL:CA	1:A:8:VAL:C	2	93.2
(1,254)	1:A:146:ALA:C	1:A:147:LYS:N	1:A:147:LYS:CA	1:A:147:LYS:C	20	93.1
(1,254)	1:A:146:ALA:C	1:A:147:LYS:N	1:A:147:LYS:CA	1:A:147:LYS:C	7	93.0
(1,144)	1:A:85:ASN:C	1:A:86:ASN:N	1:A:86:ASN:CA	1:A:86:ASN:C	2	93.0
(1,21)	1:A:11:ALA:C	1:A:12:GLY:N	1:A:12:GLY:CA	1:A:12:GLY:C	15	92.9
(1,180)	1:A:103:VAL:C	1:A:104:LYS:N	1:A:104:LYS:CA	1:A:104:LYS:C	6	92.9
(1,180)	1:A:103:VAL:C	1:A:104:LYS:N	1:A:104:LYS:CA	1:A:104:LYS:C	13	92.9
(1,180)	1:A:103:VAL:C	1:A:104:LYS:N	1:A:104:LYS:CA	1:A:104:LYS:C	14	92.9
(1,11)	1:A:6:LEU:C	1:A:7:VAL:N	1:A:7:VAL:CA	1:A:7:VAL:C	18	92.8
(1,84)	1:A:52:LEU:C	1:A:53:LEU:N	1:A:53:LEU:CA	1:A:53:LEU:C	6	92.7
(1,195)	1:A:112:VAL:C	1:A:113:LEU:N	1:A:113:LEU:CA	1:A:113:LEU:C	11	92.7
(1,180)	1:A:103:VAL:C	1:A:104:LYS:N	1:A:104:LYS:CA	1:A:104:LYS:C	7	92.7
(1,142)	1:A:84:ILE:C	1:A:85:ASN:N	1:A:85:ASN:CA	1:A:85:ASN:C	11	92.7
(1,132)	1:A:79:LEU:C	1:A:80:CYS:N	1:A:80:CYS:CA	1:A:80:CYS:C	4	92.7
(1,132)	1:A:79:LEU:C	1:A:80:CYS:N	1:A:80:CYS:CA	1:A:80:CYS:C	20	92.7
(1,88)	1:A:54:ASP:C	1:A:55:ILE:N	1:A:55:ILE:CA	1:A:55:ILE:C	3	92.6
(1,7)	1:A:4:TYR:C	1:A:5:LYS:N	1:A:5:LYS:CA	1:A:5:LYS:C	16	92.6
(1,66)	1:A:42:LYS:C	1:A:43:GLN:N	1:A:43:GLN:CA	1:A:43:GLN:C	9	92.5
(1,205)	1:A:118:CYS:C	1:A:119:ASP:N	1:A:119:ASP:CA	1:A:119:ASP:C	10	92.5
(1,90)	1:A:55:ILE:C	1:A:56:LEU:N	1:A:56:LEU:CA	1:A:56:LEU:C	1	92.4
(1,7)	1:A:4:TYR:C	1:A:5:LYS:N	1:A:5:LYS:CA	1:A:5:LYS:C	15	92.4
(1,208)	1:A:122:ALA:N	1:A:122:ALA:CA	1:A:122:ALA:C	1:A:123:ARG:N	7	92.4
(1,205)	1:A:118:CYS:C	1:A:119:ASP:N	1:A:119:ASP:CA	1:A:119:ASP:C	2	92.4
(1,201)	1:A:115:GLY:C	1:A:116:ASN:N	1:A:116:ASN:CA	1:A:116:ASN:C	13	92.4
(1,122)	1:A:73:ARG:C	1:A:74:THR:N	1:A:74:THR:CA	1:A:74:THR:C	13	92.4
(1,86)	1:A:53:LEU:C	1:A:54:ASP:N	1:A:54:ASP:CA	1:A:54:ASP:C	9	92.3
(1,84)	1:A:52:LEU:C	1:A:53:LEU:N	1:A:53:LEU:CA	1:A:53:LEU:C	9	92.3
(1,47)	1:A:27:HIS:C	1:A:28:PHE:N	1:A:28:PHE:CA	1:A:28:PHE:C	5	92.3
(1,51)	1:A:31:GLU:C	1:A:32:TYR:N	1:A:32:TYR:CA	1:A:32:TYR:C	16	92.2
(1,237)	1:A:136:SER:C	1:A:137:TYR:N	1:A:137:TYR:CA	1:A:137:TYR:C	6	92.2

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Atom-3	Atom-4	Model ID	Violation (°)
(1,205)	1:A:118:CYS:C	1:A:119:ASP:N	1:A:119:ASP:CA	1:A:119:ASP:C	17	92.2
(1,102)	1:A:63:GLU:C	1:A:64:TYR:N	1:A:64:TYR:CA	1:A:64:TYR:C	11	92.2
(1,242)	1:A:140:PRO:C	1:A:141:TYR:N	1:A:141:TYR:CA	1:A:141:TYR:C	11	92.1
(1,144)	1:A:85:ASN:C	1:A:86:ASN:N	1:A:86:ASN:CA	1:A:86:ASN:C	1	92.1
(1,92)	1:A:56:LEU:C	1:A:57:ASP:N	1:A:57:ASP:CA	1:A:57:ASP:C	14	92.0
(1,66)	1:A:42:LYS:C	1:A:43:GLN:N	1:A:43:GLN:CA	1:A:43:GLN:C	14	91.9
(1,92)	1:A:56:LEU:C	1:A:57:ASP:N	1:A:57:ASP:CA	1:A:57:ASP:C	16	91.8
(1,110)	1:A:67:MET:C	1:A:68:ARG:N	1:A:68:ARG:CA	1:A:68:ARG:C	4	91.8
(1,7)	1:A:4:TYR:C	1:A:5:LYS:N	1:A:5:LYS:CA	1:A:5:LYS:C	12	91.7
(1,53)	1:A:32:TYR:C	1:A:33:ASP:N	1:A:33:ASP:CA	1:A:33:ASP:C	19	91.7
(1,237)	1:A:136:SER:C	1:A:137:TYR:N	1:A:137:TYR:CA	1:A:137:TYR:C	16	91.7
(1,201)	1:A:115:GLY:C	1:A:116:ASN:N	1:A:116:ASN:CA	1:A:116:ASN:C	12	91.7
(1,84)	1:A:52:LEU:C	1:A:53:LEU:N	1:A:53:LEU:CA	1:A:53:LEU:C	12	91.6
(1,23)	1:A:14:VAL:C	1:A:15:GLY:N	1:A:15:GLY:CA	1:A:15:GLY:C	17	91.6
(1,183)	1:A:106:SER:N	1:A:106:SER:CA	1:A:106:SER:C	1:A:107:ASP:N	4	91.6
(1,142)	1:A:84:ILE:C	1:A:85:ASN:N	1:A:85:ASN:CA	1:A:85:ASN:C	1	91.6
(1,90)	1:A:55:ILE:C	1:A:56:LEU:N	1:A:56:LEU:CA	1:A:56:LEU:C	5	91.5
(1,84)	1:A:52:LEU:C	1:A:53:LEU:N	1:A:53:LEU:CA	1:A:53:LEU:C	15	91.5
(1,94)	1:A:57:ASP:C	1:A:58:THR:N	1:A:58:THR:CA	1:A:58:THR:C	11	91.3
(1,208)	1:A:122:ALA:N	1:A:122:ALA:CA	1:A:122:ALA:C	1:A:123:ARG:N	19	91.3
(1,205)	1:A:118:CYS:C	1:A:119:ASP:N	1:A:119:ASP:CA	1:A:119:ASP:C	1	91.3
(1,195)	1:A:112:VAL:C	1:A:113:LEU:N	1:A:113:LEU:CA	1:A:113:LEU:C	7	91.2
(1,144)	1:A:85:ASN:C	1:A:86:ASN:N	1:A:86:ASN:CA	1:A:86:ASN:C	4	91.2
(1,92)	1:A:56:LEU:C	1:A:57:ASP:N	1:A:57:ASP:CA	1:A:57:ASP:C	5	91.1
(1,43)	1:A:24:ILE:C	1:A:25:GLN:N	1:A:25:GLN:CA	1:A:25:GLN:C	7	91.1
(1,203)	1:A:117:LYS:C	1:A:118:CYS:N	1:A:118:CYS:CA	1:A:118:CYS:C	5	91.1
(1,138)	1:A:82:PHE:C	1:A:83:ALA:N	1:A:83:ALA:CA	1:A:83:ALA:C	3	91.1
(1,13)	1:A:7:VAL:C	1:A:8:VAL:N	1:A:8:VAL:CA	1:A:8:VAL:C	5	91.1
(1,13)	1:A:7:VAL:C	1:A:8:VAL:N	1:A:8:VAL:CA	1:A:8:VAL:C	20	91.1
(1,86)	1:A:53:LEU:C	1:A:54:ASP:N	1:A:54:ASP:CA	1:A:54:ASP:C	5	91.0
(1,237)	1:A:136:SER:C	1:A:137:TYR:N	1:A:137:TYR:CA	1:A:137:TYR:C	13	91.0
(1,205)	1:A:118:CYS:C	1:A:119:ASP:N	1:A:119:ASP:CA	1:A:119:ASP:C	11	91.0
(1,254)	1:A:146:ALA:C	1:A:147:LYS:N	1:A:147:LYS:CA	1:A:147:LYS:C	17	90.9
(1,136)	1:A:81:VAL:C	1:A:82:PHE:N	1:A:82:PHE:CA	1:A:82:PHE:C	6	90.8
(1,43)	1:A:24:ILE:C	1:A:25:GLN:N	1:A:25:GLN:CA	1:A:25:GLN:C	6	90.7
(1,201)	1:A:115:GLY:C	1:A:116:ASN:N	1:A:116:ASN:CA	1:A:116:ASN:C	19	90.7
(1,66)	1:A:42:LYS:C	1:A:43:GLN:N	1:A:43:GLN:CA	1:A:43:GLN:C	5	90.6
(1,11)	1:A:6:LEU:C	1:A:7:VAL:N	1:A:7:VAL:CA	1:A:7:VAL:C	6	90.6
(1,86)	1:A:53:LEU:C	1:A:54:ASP:N	1:A:54:ASP:CA	1:A:54:ASP:C	18	90.5
(1,92)	1:A:56:LEU:C	1:A:57:ASP:N	1:A:57:ASP:CA	1:A:57:ASP:C	6	90.4
(1,132)	1:A:79:LEU:C	1:A:80:CYS:N	1:A:80:CYS:CA	1:A:80:CYS:C	6	90.4
(1,92)	1:A:56:LEU:C	1:A:57:ASP:N	1:A:57:ASP:CA	1:A:57:ASP:C	7	90.3
(1,208)	1:A:122:ALA:N	1:A:122:ALA:CA	1:A:122:ALA:C	1:A:123:ARG:N	1	90.3
(1,66)	1:A:42:LYS:C	1:A:43:GLN:N	1:A:43:GLN:CA	1:A:43:GLN:C	18	90.2
(1,1)	1:A:1:MET:C	1:A:2:THR:N	1:A:2:THR:CA	1:A:2:THR:C	10	90.2
(1,92)	1:A:56:LEU:C	1:A:57:ASP:N	1:A:57:ASP:CA	1:A:57:ASP:C	13	90.1
(1,3)	1:A:2:THR:C	1:A:3:GLU:N	1:A:3:GLU:CA	1:A:3:GLU:C	19	90.1
(1,22)	1:A:12:GLY:N	1:A:12:GLY:CA	1:A:12:GLY:C	1:A:13:GLY:N	12	90.1
(1,144)	1:A:85:ASN:C	1:A:86:ASN:N	1:A:86:ASN:CA	1:A:86:ASN:C	13	90.1
(1,1)	1:A:1:MET:C	1:A:2:THR:N	1:A:2:THR:CA	1:A:2:THR:C	12	89.9
(1,51)	1:A:31:GLU:C	1:A:32:TYR:N	1:A:32:TYR:CA	1:A:32:TYR:C	3	89.7

Continued on next page...



Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Atom-3	Atom-4	Model ID	Violation (°)
(1,144)	1:A:85:ASN:C	1:A:86:ASN:N	1:A:86:ASN:CA	1:A:86:ASN:C	9	89.7
(1,132)	1:A:79:LEU:C	1:A:80:CYS:N	1:A:80:CYS:CA	1:A:80:CYS:C	16	89.7
(1,47)	1:A:27:HIS:C	1:A:28:PHE:N	1:A:28:PHE:CA	1:A:28:PHE:C	8	89.6
(1,201)	1:A:115:GLY:C	1:A:116:ASN:N	1:A:116:ASN:CA	1:A:116:ASN:C	1	89.6
(1,201)	1:A:115:GLY:C	1:A:116:ASN:N	1:A:116:ASN:CA	1:A:116:ASN:C	14	89.6
(1,188)	1:A:108:ASP:C	1:A:109:VAL:N	1:A:109:VAL:CA	1:A:109:VAL:C	7	89.6
(1,138)	1:A:82:PHE:C	1:A:83:ALA:N	1:A:83:ALA:CA	1:A:83:ALA:C	2	89.6
(1,21)	1:A:11:ALA:C	1:A:12:GLY:N	1:A:12:GLY:CA	1:A:12:GLY:C	17	89.5
(1,205)	1:A:118:CYS:C	1:A:119:ASP:N	1:A:119:ASP:CA	1:A:119:ASP:C	12	89.5
(1,186)	1:A:107:ASP:C	1:A:108:ASP:N	1:A:108:ASP:CA	1:A:108:ASP:C	4	89.5
(1,122)	1:A:73:ARG:C	1:A:74:THR:N	1:A:74:THR:CA	1:A:74:THR:C	7	89.5
(1,1)	1:A:1:MET:C	1:A:2:THR:N	1:A:2:THR:CA	1:A:2:THR:C	5	89.5
(1,84)	1:A:52:LEU:C	1:A:53:LEU:N	1:A:53:LEU:CA	1:A:53:LEU:C	16	89.4
(1,242)	1:A:140:PRO:C	1:A:141:TYR:N	1:A:141:TYR:CA	1:A:141:TYR:C	18	89.4
(1,142)	1:A:84:ILE:C	1:A:85:ASN:N	1:A:85:ASN:CA	1:A:85:ASN:C	13	89.4
(1,142)	1:A:84:ILE:C	1:A:85:ASN:N	1:A:85:ASN:CA	1:A:85:ASN:C	14	89.4
(1,110)	1:A:67:MET:C	1:A:68:ARG:N	1:A:68:ARG:CA	1:A:68:ARG:C	15	89.4
(1,3)	1:A:2:THR:C	1:A:3:GLU:N	1:A:3:GLU:CA	1:A:3:GLU:C	7	89.3
(1,138)	1:A:82:PHE:C	1:A:83:ALA:N	1:A:83:ALA:CA	1:A:83:ALA:C	20	89.3
(1,86)	1:A:53:LEU:C	1:A:54:ASP:N	1:A:54:ASP:CA	1:A:54:ASP:C	19	89.2
(1,203)	1:A:117:LYS:C	1:A:118:CYS:N	1:A:118:CYS:CA	1:A:118:CYS:C	15	89.2
(1,13)	1:A:7:VAL:C	1:A:8:VAL:N	1:A:8:VAL:CA	1:A:8:VAL:C	4	89.1
(1,246)	1:A:142:ILE:C	1:A:143:GLU:N	1:A:143:GLU:CA	1:A:143:GLU:C	3	88.9
(1,237)	1:A:136:SER:C	1:A:137:TYR:N	1:A:137:TYR:CA	1:A:137:TYR:C	20	88.9
(1,203)	1:A:117:LYS:C	1:A:118:CYS:N	1:A:118:CYS:CA	1:A:118:CYS:C	2	88.9
(1,144)	1:A:85:ASN:C	1:A:86:ASN:N	1:A:86:ASN:CA	1:A:86:ASN:C	17	88.9
(1,13)	1:A:7:VAL:C	1:A:8:VAL:N	1:A:8:VAL:CA	1:A:8:VAL:C	19	88.9
(1,203)	1:A:117:LYS:C	1:A:118:CYS:N	1:A:118:CYS:CA	1:A:118:CYS:C	4	88.8
(1,201)	1:A:115:GLY:C	1:A:116:ASN:N	1:A:116:ASN:CA	1:A:116:ASN:C	3	88.8
(1,144)	1:A:85:ASN:C	1:A:86:ASN:N	1:A:86:ASN:CA	1:A:86:ASN:C	20	88.8
(1,100)	1:A:62:GLU:C	1:A:63:GLU:N	1:A:63:GLU:CA	1:A:63:GLU:C	18	88.8
(1,259)	1:A:150:GLN:N	1:A:150:GLN:CA	1:A:150:GLN:C	1:A:151:GLY:N	14	88.7
(1,186)	1:A:107:ASP:C	1:A:108:ASP:N	1:A:108:ASP:CA	1:A:108:ASP:C	5	88.7
(1,132)	1:A:79:LEU:C	1:A:80:CYS:N	1:A:80:CYS:CA	1:A:80:CYS:C	15	88.6
(1,258)	1:A:149:ARG:C	1:A:150:GLN:N	1:A:150:GLN:CA	1:A:150:GLN:C	1	88.5
(1,258)	1:A:149:ARG:C	1:A:150:GLN:N	1:A:150:GLN:CA	1:A:150:GLN:C	4	88.5
(1,94)	1:A:57:ASP:C	1:A:58:THR:N	1:A:58:THR:CA	1:A:58:THR:C	2	88.4
(1,138)	1:A:82:PHE:C	1:A:83:ALA:N	1:A:83:ALA:CA	1:A:83:ALA:C	10	88.4
(1,138)	1:A:82:PHE:C	1:A:83:ALA:N	1:A:83:ALA:CA	1:A:83:ALA:C	1	88.3
(1,258)	1:A:149:ARG:C	1:A:150:GLN:N	1:A:150:GLN:CA	1:A:150:GLN:C	6	88.2
(1,176)	1:A:101:LYS:C	1:A:102:ARG:N	1:A:102:ARG:CA	1:A:102:ARG:C	5	88.2
(1,140)	1:A:83:ALA:C	1:A:84:ILE:N	1:A:84:ILE:CA	1:A:84:ILE:C	5	88.2
(1,122)	1:A:73:ARG:C	1:A:74:THR:N	1:A:74:THR:CA	1:A:74:THR:C	14	88.2
(1,53)	1:A:32:TYR:C	1:A:33:ASP:N	1:A:33:ASP:CA	1:A:33:ASP:C	8	88.1
(1,3)	1:A:2:THR:C	1:A:3:GLU:N	1:A:3:GLU:CA	1:A:3:GLU:C	8	88.1
(1,258)	1:A:149:ARG:C	1:A:150:GLN:N	1:A:150:GLN:CA	1:A:150:GLN:C	3	88.1
(1,258)	1:A:149:ARG:C	1:A:150:GLN:N	1:A:150:GLN:CA	1:A:150:GLN:C	5	88.1
(1,258)	1:A:149:ARG:C	1:A:150:GLN:N	1:A:150:GLN:CA	1:A:150:GLN:C	13	88.1
(1,110)	1:A:67:MET:C	1:A:68:ARG:N	1:A:68:ARG:CA	1:A:68:ARG:C	1	88.0
(1,199)	1:A:114:VAL:C	1:A:115:GLY:N	1:A:115:GLY:CA	1:A:115:GLY:C	12	87.9
(1,142)	1:A:84:ILE:C	1:A:85:ASN:N	1:A:85:ASN:CA	1:A:85:ASN:C	20	87.9

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Atom-3	Atom-4	Model ID	Violation (°)
(1,122)	1:A:73:ARG:C	1:A:74:THR:N	1:A:74:THR:CA	1:A:74:THR:C	19	87.9
(1,203)	1:A:117:LYS:C	1:A:118:CYS:N	1:A:118:CYS:CA	1:A:118:CYS:C	3	87.8
(1,258)	1:A:149:ARG:C	1:A:150:GLN:N	1:A:150:GLN:CA	1:A:150:GLN:C	9	87.7
(1,201)	1:A:115:GLY:C	1:A:116:ASN:N	1:A:116:ASN:CA	1:A:116:ASN:C	2	87.7
(1,254)	1:A:146:ALA:C	1:A:147:LYS:N	1:A:147:LYS:CA	1:A:147:LYS:C	13	87.6
(1,237)	1:A:136:SER:C	1:A:137:TYR:N	1:A:137:TYR:CA	1:A:137:TYR:C	19	87.6
(1,138)	1:A:82:PHE:C	1:A:83:ALA:N	1:A:83:ALA:CA	1:A:83:ALA:C	5	87.6
(1,94)	1:A:57:ASP:C	1:A:58:THR:N	1:A:58:THR:CA	1:A:58:THR:C	5	87.5
(1,92)	1:A:56:LEU:C	1:A:57:ASP:N	1:A:57:ASP:CA	1:A:57:ASP:C	9	87.5
(1,58)	1:A:38:ASP:C	1:A:39:SER:N	1:A:39:SER:CA	1:A:39:SER:C	15	87.5
(1,237)	1:A:136:SER:C	1:A:137:TYR:N	1:A:137:TYR:CA	1:A:137:TYR:C	4	87.5
(1,51)	1:A:31:GLU:C	1:A:32:TYR:N	1:A:32:TYR:CA	1:A:32:TYR:C	11	87.4
(1,140)	1:A:83:ALA:C	1:A:84:ILE:N	1:A:84:ILE:CA	1:A:84:ILE:C	10	87.4
(1,13)	1:A:7:VAL:C	1:A:8:VAL:N	1:A:8:VAL:CA	1:A:8:VAL:C	1	87.4
(1,66)	1:A:42:LYS:C	1:A:43:GLN:N	1:A:43:GLN:CA	1:A:43:GLN:C	8	87.3
(1,237)	1:A:136:SER:C	1:A:137:TYR:N	1:A:137:TYR:CA	1:A:137:TYR:C	2	87.3
(1,47)	1:A:27:HIS:C	1:A:28:PHE:N	1:A:28:PHE:CA	1:A:28:PHE:C	1	87.2
(1,144)	1:A:85:ASN:C	1:A:86:ASN:N	1:A:86:ASN:CA	1:A:86:ASN:C	3	87.2
(1,100)	1:A:62:GLU:C	1:A:63:GLU:N	1:A:63:GLU:CA	1:A:63:GLU:C	4	87.2
(1,41)	1:A:23:LEU:C	1:A:24:ILE:N	1:A:24:ILE:CA	1:A:24:ILE:C	13	87.0
(1,209)	1:A:122:ALA:C	1:A:123:ARG:N	1:A:123:ARG:CA	1:A:123:ARG:C	18	87.0
(1,180)	1:A:103:VAL:C	1:A:104:LYS:N	1:A:104:LYS:CA	1:A:104:LYS:C	20	87.0
(1,258)	1:A:149:ARG:C	1:A:150:GLN:N	1:A:150:GLN:CA	1:A:150:GLN:C	18	86.9
(1,210)	1:A:123:ARG:N	1:A:123:ARG:CA	1:A:123:ARG:C	1:A:124:THR:N	17	86.9
(1,47)	1:A:27:HIS:C	1:A:28:PHE:N	1:A:28:PHE:CA	1:A:28:PHE:C	2	86.8
(1,47)	1:A:27:HIS:C	1:A:28:PHE:N	1:A:28:PHE:CA	1:A:28:PHE:C	10	86.8
(1,58)	1:A:38:ASP:C	1:A:39:SER:N	1:A:39:SER:CA	1:A:39:SER:C	6	86.7
(1,1)	1:A:1:MET:C	1:A:2:THR:N	1:A:2:THR:CA	1:A:2:THR:C	11	86.7
(1,88)	1:A:54:ASP:C	1:A:55:ILE:N	1:A:55:ILE:CA	1:A:55:ILE:C	15	86.6
(1,144)	1:A:85:ASN:C	1:A:86:ASN:N	1:A:86:ASN:CA	1:A:86:ASN:C	8	86.5
(1,144)	1:A:85:ASN:C	1:A:86:ASN:N	1:A:86:ASN:CA	1:A:86:ASN:C	11	86.5
(1,41)	1:A:23:LEU:C	1:A:24:ILE:N	1:A:24:ILE:CA	1:A:24:ILE:C	16	86.4
(1,144)	1:A:85:ASN:C	1:A:86:ASN:N	1:A:86:ASN:CA	1:A:86:ASN:C	19	86.4
(1,138)	1:A:82:PHE:C	1:A:83:ALA:N	1:A:83:ALA:CA	1:A:83:ALA:C	4	86.4
(1,100)	1:A:62:GLU:C	1:A:63:GLU:N	1:A:63:GLU:CA	1:A:63:GLU:C	1	86.4
(1,180)	1:A:103:VAL:C	1:A:104:LYS:N	1:A:104:LYS:CA	1:A:104:LYS:C	11	86.3
(1,144)	1:A:85:ASN:C	1:A:86:ASN:N	1:A:86:ASN:CA	1:A:86:ASN:C	5	86.3
(1,122)	1:A:73:ARG:C	1:A:74:THR:N	1:A:74:THR:CA	1:A:74:THR:C	5	86.3
(1,1)	1:A:1:MET:C	1:A:2:THR:N	1:A:2:THR:CA	1:A:2:THR:C	16	86.0
(1,142)	1:A:84:ILE:C	1:A:85:ASN:N	1:A:85:ASN:CA	1:A:85:ASN:C	18	85.9
(1,258)	1:A:149:ARG:C	1:A:150:GLN:N	1:A:150:GLN:CA	1:A:150:GLN:C	19	85.7
(1,142)	1:A:84:ILE:C	1:A:85:ASN:N	1:A:85:ASN:CA	1:A:85:ASN:C	17	85.7
(1,140)	1:A:83:ALA:C	1:A:84:ILE:N	1:A:84:ILE:CA	1:A:84:ILE:C	11	85.7
(1,138)	1:A:82:PHE:C	1:A:83:ALA:N	1:A:83:ALA:CA	1:A:83:ALA:C	14	85.7
(1,188)	1:A:108:ASP:C	1:A:109:VAL:N	1:A:109:VAL:CA	1:A:109:VAL:C	18	85.6
(1,180)	1:A:103:VAL:C	1:A:104:LYS:N	1:A:104:LYS:CA	1:A:104:LYS:C	5	85.5
(1,41)	1:A:23:LEU:C	1:A:24:ILE:N	1:A:24:ILE:CA	1:A:24:ILE:C	2	85.3
(1,203)	1:A:117:LYS:C	1:A:118:CYS:N	1:A:118:CYS:CA	1:A:118:CYS:C	7	85.2
(1,180)	1:A:103:VAL:C	1:A:104:LYS:N	1:A:104:LYS:CA	1:A:104:LYS:C	8	85.2
(1,122)	1:A:73:ARG:C	1:A:74:THR:N	1:A:74:THR:CA	1:A:74:THR:C	12	85.2
(1,94)	1:A:57:ASP:C	1:A:58:THR:N	1:A:58:THR:CA	1:A:58:THR:C	10	85.1

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Atom-3	Atom-4	Model ID	Violation (°)
(1,51)	1:A:31:GLU:C	1:A:32:TYR:N	1:A:32:TYR:CA	1:A:32:TYR:C	5	85.1
(1,254)	1:A:146:ALA:C	1:A:147:LYS:N	1:A:147:LYS:CA	1:A:147:LYS:C	14	85.1
(1,208)	1:A:122:ALA:N	1:A:122:ALA:CA	1:A:122:ALA:C	1:A:123:ARG:N	13	85.1
(1,138)	1:A:82:PHE:C	1:A:83:ALA:N	1:A:83:ALA:CA	1:A:83:ALA:C	19	85.1
(1,258)	1:A:149:ARG:C	1:A:150:GLN:N	1:A:150:GLN:CA	1:A:150:GLN:C	12	84.9
(1,138)	1:A:82:PHE:C	1:A:83:ALA:N	1:A:83:ALA:CA	1:A:83:ALA:C	13	84.9
(1,103)	1:A:64:TYR:N	1:A:64:TYR:CA	1:A:64:TYR:C	1:A:65:SER:N	11	84.9
(1,203)	1:A:117:LYS:C	1:A:118:CYS:N	1:A:118:CYS:CA	1:A:118:CYS:C	16	84.8
(1,176)	1:A:101:LYS:C	1:A:102:ARG:N	1:A:102:ARG:CA	1:A:102:ARG:C	7	84.8
(1,122)	1:A:73:ARG:C	1:A:74:THR:N	1:A:74:THR:CA	1:A:74:THR:C	11	84.8
(1,41)	1:A:23:LEU:C	1:A:24:ILE:N	1:A:24:ILE:CA	1:A:24:ILE:C	1	84.7
(1,124)	1:A:74:THR:C	1:A:75:GLY:N	1:A:75:GLY:CA	1:A:75:GLY:C	14	84.7
(1,78)	1:A:49:GLU:C	1:A:50:THR:N	1:A:50:THR:CA	1:A:50:THR:C	17	84.6
(1,3)	1:A:2:THR:C	1:A:3:GLU:N	1:A:3:GLU:CA	1:A:3:GLU:C	15	84.5
(1,203)	1:A:117:LYS:C	1:A:118:CYS:N	1:A:118:CYS:CA	1:A:118:CYS:C	8	84.5
(1,144)	1:A:85:ASN:C	1:A:86:ASN:N	1:A:86:ASN:CA	1:A:86:ASN:C	14	84.4
(1,205)	1:A:118:CYS:C	1:A:119:ASP:N	1:A:119:ASP:CA	1:A:119:ASP:C	16	84.0
(1,110)	1:A:67:MET:C	1:A:68:ARG:N	1:A:68:ARG:CA	1:A:68:ARG:C	2	84.0
(1,104)	1:A:64:TYR:C	1:A:65:SER:N	1:A:65:SER:CA	1:A:65:SER:C	14	84.0
(1,92)	1:A:56:LEU:C	1:A:57:ASP:N	1:A:57:ASP:CA	1:A:57:ASP:C	10	83.9
(1,205)	1:A:118:CYS:C	1:A:119:ASP:N	1:A:119:ASP:CA	1:A:119:ASP:C	20	83.9
(1,97)	1:A:59:ALA:N	1:A:59:ALA:CA	1:A:59:ALA:C	1:A:60:GLY:N	12	83.7
(1,122)	1:A:73:ARG:C	1:A:74:THR:N	1:A:74:THR:CA	1:A:74:THR:C	17	83.7
(1,205)	1:A:118:CYS:C	1:A:119:ASP:N	1:A:119:ASP:CA	1:A:119:ASP:C	15	83.6
(1,58)	1:A:38:ASP:C	1:A:39:SER:N	1:A:39:SER:CA	1:A:39:SER:C	19	83.5
(1,215)	1:A:125:VAL:C	1:A:126:GLU:N	1:A:126:GLU:CA	1:A:126:GLU:C	12	83.5
(1,94)	1:A:57:ASP:C	1:A:58:THR:N	1:A:58:THR:CA	1:A:58:THR:C	8	83.4
(1,74)	1:A:47:ASP:C	1:A:48:GLY:N	1:A:48:GLY:CA	1:A:48:GLY:C	11	83.4
(1,74)	1:A:47:ASP:C	1:A:48:GLY:N	1:A:48:GLY:CA	1:A:48:GLY:C	13	83.4
(1,208)	1:A:122:ALA:N	1:A:122:ALA:CA	1:A:122:ALA:C	1:A:123:ARG:N	10	83.4
(1,187)	1:A:108:ASP:N	1:A:108:ASP:CA	1:A:108:ASP:C	1:A:109:VAL:N	3	83.4
(1,108)	1:A:66:ALA:C	1:A:67:MET:N	1:A:67:MET:CA	1:A:67:MET:C	18	83.4
(1,98)	1:A:61:GLN:C	1:A:62:GLU:N	1:A:62:GLU:CA	1:A:62:GLU:C	19	83.3
(1,74)	1:A:47:ASP:C	1:A:48:GLY:N	1:A:48:GLY:CA	1:A:48:GLY:C	19	83.3
(1,199)	1:A:114:VAL:C	1:A:115:GLY:N	1:A:115:GLY:CA	1:A:115:GLY:C	8	83.3
(1,103)	1:A:64:TYR:N	1:A:64:TYR:CA	1:A:64:TYR:C	1:A:65:SER:N	2	83.3
(1,74)	1:A:47:ASP:C	1:A:48:GLY:N	1:A:48:GLY:CA	1:A:48:GLY:C	8	83.2
(1,188)	1:A:108:ASP:C	1:A:109:VAL:N	1:A:109:VAL:CA	1:A:109:VAL:C	9	83.2
(1,144)	1:A:85:ASN:C	1:A:86:ASN:N	1:A:86:ASN:CA	1:A:86:ASN:C	10	83.2
(1,74)	1:A:47:ASP:C	1:A:48:GLY:N	1:A:48:GLY:CA	1:A:48:GLY:C	2	83.1
(1,258)	1:A:149:ARG:C	1:A:150:GLN:N	1:A:150:GLN:CA	1:A:150:GLN:C	17	83.1
(1,144)	1:A:85:ASN:C	1:A:86:ASN:N	1:A:86:ASN:CA	1:A:86:ASN:C	6	83.1
(1,92)	1:A:56:LEU:C	1:A:57:ASP:N	1:A:57:ASP:CA	1:A:57:ASP:C	8	83.0
(1,74)	1:A:47:ASP:C	1:A:48:GLY:N	1:A:48:GLY:CA	1:A:48:GLY:C	15	83.0
(1,74)	1:A:47:ASP:C	1:A:48:GLY:N	1:A:48:GLY:CA	1:A:48:GLY:C	9	82.9
(1,254)	1:A:146:ALA:C	1:A:147:LYS:N	1:A:147:LYS:CA	1:A:147:LYS:C	18	82.9
(1,203)	1:A:117:LYS:C	1:A:118:CYS:N	1:A:118:CYS:CA	1:A:118:CYS:C	6	82.9
(1,97)	1:A:59:ALA:N	1:A:59:ALA:CA	1:A:59:ALA:C	1:A:60:GLY:N	10	82.8
(1,21)	1:A:11:ALA:C	1:A:12:GLY:N	1:A:12:GLY:CA	1:A:12:GLY:C	1	82.8
(1,207)	1:A:121:ALA:C	1:A:122:ALA:N	1:A:122:ALA:CA	1:A:122:ALA:C	17	82.8
(1,74)	1:A:47:ASP:C	1:A:48:GLY:N	1:A:48:GLY:CA	1:A:48:GLY:C	1	82.6

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Atom-3	Atom-4	Model ID	Violation (°)
(1,124)	1:A:74:THR:C	1:A:75:GLY:N	1:A:75:GLY:CA	1:A:75:GLY:C	4	82.6
(1,74)	1:A:47:ASP:C	1:A:48:GLY:N	1:A:48:GLY:CA	1:A:48:GLY:C	7	82.5
(1,242)	1:A:140:PRO:C	1:A:141:TYR:N	1:A:141:TYR:CA	1:A:141:TYR:C	10	82.5
(1,184)	1:A:106:SER:C	1:A:107:ASP:N	1:A:107:ASP:CA	1:A:107:ASP:C	13	82.5
(1,110)	1:A:67:MET:C	1:A:68:ARG:N	1:A:68:ARG:CA	1:A:68:ARG:C	13	82.5
(1,94)	1:A:57:ASP:C	1:A:58:THR:N	1:A:58:THR:CA	1:A:58:THR:C	9	82.4
(1,74)	1:A:47:ASP:C	1:A:48:GLY:N	1:A:48:GLY:CA	1:A:48:GLY:C	20	82.4
(1,180)	1:A:103:VAL:C	1:A:104:LYS:N	1:A:104:LYS:CA	1:A:104:LYS:C	10	82.4
(1,27)	1:A:16:LYS:C	1:A:17:SER:N	1:A:17:SER:CA	1:A:17:SER:C	6	82.3
(1,208)	1:A:122:ALA:N	1:A:122:ALA:CA	1:A:122:ALA:C	1:A:123:ARG:N	12	82.3
(1,186)	1:A:107:ASP:C	1:A:108:ASP:N	1:A:108:ASP:CA	1:A:108:ASP:C	15	82.3
(1,74)	1:A:47:ASP:C	1:A:48:GLY:N	1:A:48:GLY:CA	1:A:48:GLY:C	18	82.2
(1,254)	1:A:146:ALA:C	1:A:147:LYS:N	1:A:147:LYS:CA	1:A:147:LYS:C	15	82.2
(1,211)	1:A:123:ARG:C	1:A:124:THR:N	1:A:124:THR:CA	1:A:124:THR:C	18	82.2
(1,21)	1:A:11:ALA:C	1:A:12:GLY:N	1:A:12:GLY:CA	1:A:12:GLY:C	3	82.2
(1,51)	1:A:31:GLU:C	1:A:32:TYR:N	1:A:32:TYR:CA	1:A:32:TYR:C	2	82.1
(1,211)	1:A:123:ARG:C	1:A:124:THR:N	1:A:124:THR:CA	1:A:124:THR:C	2	82.1
(1,211)	1:A:123:ARG:C	1:A:124:THR:N	1:A:124:THR:CA	1:A:124:THR:C	6	82.1
(1,211)	1:A:123:ARG:C	1:A:124:THR:N	1:A:124:THR:CA	1:A:124:THR:C	19	82.1
(1,74)	1:A:47:ASP:C	1:A:48:GLY:N	1:A:48:GLY:CA	1:A:48:GLY:C	3	82.0
(1,186)	1:A:107:ASP:C	1:A:108:ASP:N	1:A:108:ASP:CA	1:A:108:ASP:C	8	82.0
(1,74)	1:A:47:ASP:C	1:A:48:GLY:N	1:A:48:GLY:CA	1:A:48:GLY:C	17	81.9
(1,184)	1:A:106:SER:C	1:A:107:ASP:N	1:A:107:ASP:CA	1:A:107:ASP:C	14	81.8
(1,138)	1:A:82:PHE:C	1:A:83:ALA:N	1:A:83:ALA:CA	1:A:83:ALA:C	8	81.7
(1,182)	1:A:105:ASP:C	1:A:106:SER:N	1:A:106:SER:CA	1:A:106:SER:C	3	81.6
(1,41)	1:A:23:LEU:C	1:A:24:ILE:N	1:A:24:ILE:CA	1:A:24:ILE:C	14	81.5
(1,33)	1:A:19:LEU:C	1:A:20:THR:N	1:A:20:THR:CA	1:A:20:THR:C	6	81.5
(1,211)	1:A:123:ARG:C	1:A:124:THR:N	1:A:124:THR:CA	1:A:124:THR:C	13	81.5
(1,142)	1:A:84:ILE:C	1:A:85:ASN:N	1:A:85:ASN:CA	1:A:85:ASN:C	9	81.5
(1,140)	1:A:83:ALA:C	1:A:84:ILE:N	1:A:84:ILE:CA	1:A:84:ILE:C	7	81.5
(1,124)	1:A:74:THR:C	1:A:75:GLY:N	1:A:75:GLY:CA	1:A:75:GLY:C	15	81.5
(1,53)	1:A:32:TYR:C	1:A:33:ASP:N	1:A:33:ASP:CA	1:A:33:ASP:C	1	81.4
(1,47)	1:A:27:HIS:C	1:A:28:PHE:N	1:A:28:PHE:CA	1:A:28:PHE:C	18	81.4
(1,74)	1:A:47:ASP:C	1:A:48:GLY:N	1:A:48:GLY:CA	1:A:48:GLY:C	4	81.1
(1,78)	1:A:49:GLU:C	1:A:50:THR:N	1:A:50:THR:CA	1:A:50:THR:C	13	81.0
(1,74)	1:A:47:ASP:C	1:A:48:GLY:N	1:A:48:GLY:CA	1:A:48:GLY:C	5	81.0
(1,21)	1:A:11:ALA:C	1:A:12:GLY:N	1:A:12:GLY:CA	1:A:12:GLY:C	11	81.0
(1,144)	1:A:85:ASN:C	1:A:86:ASN:N	1:A:86:ASN:CA	1:A:86:ASN:C	12	80.9
(1,207)	1:A:121:ALA:C	1:A:122:ALA:N	1:A:122:ALA:CA	1:A:122:ALA:C	14	80.8
(1,102)	1:A:63:GLU:C	1:A:64:TYR:N	1:A:64:TYR:CA	1:A:64:TYR:C	5	80.8
(1,78)	1:A:49:GLU:C	1:A:50:THR:N	1:A:50:THR:CA	1:A:50:THR:C	20	80.7
(1,74)	1:A:47:ASP:C	1:A:48:GLY:N	1:A:48:GLY:CA	1:A:48:GLY:C	14	80.7
(1,58)	1:A:38:ASP:C	1:A:39:SER:N	1:A:39:SER:CA	1:A:39:SER:C	12	80.6
(1,47)	1:A:27:HIS:C	1:A:28:PHE:N	1:A:28:PHE:CA	1:A:28:PHE:C	3	80.6
(1,47)	1:A:27:HIS:C	1:A:28:PHE:N	1:A:28:PHE:CA	1:A:28:PHE:C	17	80.6
(1,19)	1:A:10:GLY:C	1:A:11:ALA:N	1:A:11:ALA:CA	1:A:11:ALA:C	15	80.6
(1,66)	1:A:42:LYS:C	1:A:43:GLN:N	1:A:43:GLN:CA	1:A:43:GLN:C	7	80.5
(1,41)	1:A:23:LEU:C	1:A:24:ILE:N	1:A:24:ILE:CA	1:A:24:ILE:C	4	80.5
(1,74)	1:A:47:ASP:C	1:A:48:GLY:N	1:A:48:GLY:CA	1:A:48:GLY:C	6	80.4
(1,207)	1:A:121:ALA:C	1:A:122:ALA:N	1:A:122:ALA:CA	1:A:122:ALA:C	12	80.4
(1,103)	1:A:64:TYR:N	1:A:64:TYR:CA	1:A:64:TYR:C	1:A:65:SER:N	1	80.3

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Atom-3	Atom-4	Model ID	Violation (°)
(1,215)	1:A:125:VAL:C	1:A:126:GLU:N	1:A:126:GLU:CA	1:A:126:GLU:C	10	80.2
(1,41)	1:A:23:LEU:C	1:A:24:ILE:N	1:A:24:ILE:CA	1:A:24:ILE:C	19	80.1
(1,205)	1:A:118:CYS:C	1:A:119:ASP:N	1:A:119:ASP:CA	1:A:119:ASP:C	18	80.1
(1,124)	1:A:74:THR:C	1:A:75:GLY:N	1:A:75:GLY:CA	1:A:75:GLY:C	20	80.1
(1,184)	1:A:106:SER:C	1:A:107:ASP:N	1:A:107:ASP:CA	1:A:107:ASP:C	20	80.0
(1,108)	1:A:66:ALA:C	1:A:67:MET:N	1:A:67:MET:CA	1:A:67:MET:C	20	79.8
(1,74)	1:A:47:ASP:C	1:A:48:GLY:N	1:A:48:GLY:CA	1:A:48:GLY:C	12	79.7
(1,41)	1:A:23:LEU:C	1:A:24:ILE:N	1:A:24:ILE:CA	1:A:24:ILE:C	3	79.7
(1,187)	1:A:108:ASP:N	1:A:108:ASP:CA	1:A:108:ASP:C	1:A:109:VAL:N	19	79.7
(1,124)	1:A:74:THR:C	1:A:75:GLY:N	1:A:75:GLY:CA	1:A:75:GLY:C	13	79.7
(1,66)	1:A:42:LYS:C	1:A:43:GLN:N	1:A:43:GLN:CA	1:A:43:GLN:C	4	79.6
(1,51)	1:A:31:GLU:C	1:A:32:TYR:N	1:A:32:TYR:CA	1:A:32:TYR:C	6	79.6
(1,51)	1:A:31:GLU:C	1:A:32:TYR:N	1:A:32:TYR:CA	1:A:32:TYR:C	14	79.6
(1,211)	1:A:123:ARG:C	1:A:124:THR:N	1:A:124:THR:CA	1:A:124:THR:C	17	79.6
(1,74)	1:A:47:ASP:C	1:A:48:GLY:N	1:A:48:GLY:CA	1:A:48:GLY:C	16	79.5
(1,51)	1:A:31:GLU:C	1:A:32:TYR:N	1:A:32:TYR:CA	1:A:32:TYR:C	4	79.5
(1,186)	1:A:107:ASP:C	1:A:108:ASP:N	1:A:108:ASP:CA	1:A:108:ASP:C	9	79.5
(1,41)	1:A:23:LEU:C	1:A:24:ILE:N	1:A:24:ILE:CA	1:A:24:ILE:C	9	79.3
(1,41)	1:A:23:LEU:C	1:A:24:ILE:N	1:A:24:ILE:CA	1:A:24:ILE:C	11	79.2
(1,211)	1:A:123:ARG:C	1:A:124:THR:N	1:A:124:THR:CA	1:A:124:THR:C	3	79.2
(1,270)	1:A:156:PHE:C	1:A:157:TYR:N	1:A:157:TYR:CA	1:A:157:TYR:C	5	79.1
(1,78)	1:A:49:GLU:C	1:A:50:THR:N	1:A:50:THR:CA	1:A:50:THR:C	19	79.0
(1,144)	1:A:85:ASN:C	1:A:86:ASN:N	1:A:86:ASN:CA	1:A:86:ASN:C	16	79.0
(1,140)	1:A:83:ALA:C	1:A:84:ILE:N	1:A:84:ILE:CA	1:A:84:ILE:C	6	79.0
(1,78)	1:A:49:GLU:C	1:A:50:THR:N	1:A:50:THR:CA	1:A:50:THR:C	2	78.9
(1,74)	1:A:47:ASP:C	1:A:48:GLY:N	1:A:48:GLY:CA	1:A:48:GLY:C	10	78.9
(1,58)	1:A:38:ASP:C	1:A:39:SER:N	1:A:39:SER:CA	1:A:39:SER:C	16	78.9
(1,211)	1:A:123:ARG:C	1:A:124:THR:N	1:A:124:THR:CA	1:A:124:THR:C	15	78.9
(1,187)	1:A:108:ASP:N	1:A:108:ASP:CA	1:A:108:ASP:C	1:A:109:VAL:N	4	78.9
(1,108)	1:A:66:ALA:C	1:A:67:MET:N	1:A:67:MET:CA	1:A:67:MET:C	17	78.9
(1,258)	1:A:149:ARG:C	1:A:150:GLN:N	1:A:150:GLN:CA	1:A:150:GLN:C	16	78.8
(1,1)	1:A:1:MET:C	1:A:2:THR:N	1:A:2:THR:CA	1:A:2:THR:C	15	78.8
(1,140)	1:A:83:ALA:C	1:A:84:ILE:N	1:A:84:ILE:CA	1:A:84:ILE:C	8	78.7
(1,13)	1:A:7:VAL:C	1:A:8:VAL:N	1:A:8:VAL:CA	1:A:8:VAL:C	16	78.7
(1,211)	1:A:123:ARG:C	1:A:124:THR:N	1:A:124:THR:CA	1:A:124:THR:C	5	78.6
(1,180)	1:A:103:VAL:C	1:A:104:LYS:N	1:A:104:LYS:CA	1:A:104:LYS:C	9	78.6
(1,144)	1:A:85:ASN:C	1:A:86:ASN:N	1:A:86:ASN:CA	1:A:86:ASN:C	7	78.6
(1,124)	1:A:74:THR:C	1:A:75:GLY:N	1:A:75:GLY:CA	1:A:75:GLY:C	18	78.6
(1,122)	1:A:73:ARG:C	1:A:74:THR:N	1:A:74:THR:CA	1:A:74:THR:C	6	78.6
(1,41)	1:A:23:LEU:C	1:A:24:ILE:N	1:A:24:ILE:CA	1:A:24:ILE:C	10	78.5
(1,41)	1:A:23:LEU:C	1:A:24:ILE:N	1:A:24:ILE:CA	1:A:24:ILE:C	12	78.5
(1,41)	1:A:23:LEU:C	1:A:24:ILE:N	1:A:24:ILE:CA	1:A:24:ILE:C	15	78.5
(1,144)	1:A:85:ASN:C	1:A:86:ASN:N	1:A:86:ASN:CA	1:A:86:ASN:C	15	78.5
(1,124)	1:A:74:THR:C	1:A:75:GLY:N	1:A:75:GLY:CA	1:A:75:GLY:C	2	78.5
(1,108)	1:A:66:ALA:C	1:A:67:MET:N	1:A:67:MET:CA	1:A:67:MET:C	6	78.5
(1,108)	1:A:66:ALA:C	1:A:67:MET:N	1:A:67:MET:CA	1:A:67:MET:C	15	78.5
(1,110)	1:A:67:MET:C	1:A:68:ARG:N	1:A:68:ARG:CA	1:A:68:ARG:C	6	78.4
(1,108)	1:A:66:ALA:C	1:A:67:MET:N	1:A:67:MET:CA	1:A:67:MET:C	19	78.4
(1,258)	1:A:149:ARG:C	1:A:150:GLN:N	1:A:150:GLN:CA	1:A:150:GLN:C	2	78.2
(1,254)	1:A:146:ALA:C	1:A:147:LYS:N	1:A:147:LYS:CA	1:A:147:LYS:C	16	78.2
(1,215)	1:A:125:VAL:C	1:A:126:GLU:N	1:A:126:GLU:CA	1:A:126:GLU:C	20	78.2

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Atom-3	Atom-4	Model ID	Violation (°)
(1,110)	1:A:67:MET:C	1:A:68:ARG:N	1:A:68:ARG:CA	1:A:68:ARG:C	12	78.2
(1,58)	1:A:38:ASP:C	1:A:39:SER:N	1:A:39:SER:CA	1:A:39:SER:C	14	78.1
(1,51)	1:A:31:GLU:C	1:A:32:TYR:N	1:A:32:TYR:CA	1:A:32:TYR:C	10	78.1
(1,39)	1:A:22:GLN:C	1:A:23:LEU:N	1:A:23:LEU:CA	1:A:23:LEU:C	10	78.1
(1,254)	1:A:146:ALA:C	1:A:147:LYS:N	1:A:147:LYS:CA	1:A:147:LYS:C	3	78.1
(1,47)	1:A:27:HIS:C	1:A:28:PHE:N	1:A:28:PHE:CA	1:A:28:PHE:C	4	78.0
(1,110)	1:A:67:MET:C	1:A:68:ARG:N	1:A:68:ARG:CA	1:A:68:ARG:C	11	78.0
(1,78)	1:A:49:GLU:C	1:A:50:THR:N	1:A:50:THR:CA	1:A:50:THR:C	7	77.9
(1,140)	1:A:83:ALA:C	1:A:84:ILE:N	1:A:84:ILE:CA	1:A:84:ILE:C	9	77.9
(1,140)	1:A:83:ALA:C	1:A:84:ILE:N	1:A:84:ILE:CA	1:A:84:ILE:C	12	77.9
(1,280)	1:A:161:ARG:C	1:A:162:GLU:N	1:A:162:GLU:CA	1:A:162:GLU:C	12	77.8
(1,25)	1:A:15:GLY:C	1:A:16:LYS:N	1:A:16:LYS:CA	1:A:16:LYS:C	14	77.8
(1,122)	1:A:73:ARG:C	1:A:74:THR:N	1:A:74:THR:CA	1:A:74:THR:C	10	77.7
(1,138)	1:A:82:PHE:C	1:A:83:ALA:N	1:A:83:ALA:CA	1:A:83:ALA:C	6	77.6
(1,47)	1:A:27:HIS:C	1:A:28:PHE:N	1:A:28:PHE:CA	1:A:28:PHE:C	7	77.5
(1,25)	1:A:15:GLY:C	1:A:16:LYS:N	1:A:16:LYS:CA	1:A:16:LYS:C	13	77.5
(1,103)	1:A:64:TYR:N	1:A:64:TYR:CA	1:A:64:TYR:C	1:A:65:SER:N	7	77.5
(1,94)	1:A:57:ASP:C	1:A:58:THR:N	1:A:58:THR:CA	1:A:58:THR:C	12	77.4
(1,47)	1:A:27:HIS:C	1:A:28:PHE:N	1:A:28:PHE:CA	1:A:28:PHE:C	6	77.3
(1,39)	1:A:22:GLN:C	1:A:23:LEU:N	1:A:23:LEU:CA	1:A:23:LEU:C	11	77.3
(1,211)	1:A:123:ARG:C	1:A:124:THR:N	1:A:124:THR:CA	1:A:124:THR:C	7	77.3
(1,211)	1:A:123:ARG:C	1:A:124:THR:N	1:A:124:THR:CA	1:A:124:THR:C	16	77.3
(1,116)	1:A:70:GLN:C	1:A:71:TYR:N	1:A:71:TYR:CA	1:A:71:TYR:C	15	77.3
(1,104)	1:A:64:TYR:C	1:A:65:SER:N	1:A:65:SER:CA	1:A:65:SER:C	8	77.3
(1,58)	1:A:38:ASP:C	1:A:39:SER:N	1:A:39:SER:CA	1:A:39:SER:C	10	77.2
(1,51)	1:A:31:GLU:C	1:A:32:TYR:N	1:A:32:TYR:CA	1:A:32:TYR:C	17	77.2
(1,211)	1:A:123:ARG:C	1:A:124:THR:N	1:A:124:THR:CA	1:A:124:THR:C	14	77.2
(1,207)	1:A:121:ALA:C	1:A:122:ALA:N	1:A:122:ALA:CA	1:A:122:ALA:C	19	77.2
(1,184)	1:A:106:SER:C	1:A:107:ASP:N	1:A:107:ASP:CA	1:A:107:ASP:C	16	77.2
(1,108)	1:A:66:ALA:C	1:A:67:MET:N	1:A:67:MET:CA	1:A:67:MET:C	4	77.2
(1,39)	1:A:22:GLN:C	1:A:23:LEU:N	1:A:23:LEU:CA	1:A:23:LEU:C	19	77.1
(1,78)	1:A:49:GLU:C	1:A:50:THR:N	1:A:50:THR:CA	1:A:50:THR:C	11	77.0
(1,104)	1:A:64:TYR:C	1:A:65:SER:N	1:A:65:SER:CA	1:A:65:SER:C	9	77.0
(1,41)	1:A:23:LEU:C	1:A:24:ILE:N	1:A:24:ILE:CA	1:A:24:ILE:C	17	76.9
(1,39)	1:A:22:GLN:C	1:A:23:LEU:N	1:A:23:LEU:CA	1:A:23:LEU:C	12	76.9
(1,1)	1:A:1:MET:C	1:A:2:THR:N	1:A:2:THR:CA	1:A:2:THR:C	9	76.9
(1,78)	1:A:49:GLU:C	1:A:50:THR:N	1:A:50:THR:CA	1:A:50:THR:C	3	76.8
(1,78)	1:A:49:GLU:C	1:A:50:THR:N	1:A:50:THR:CA	1:A:50:THR:C	8	76.8
(1,66)	1:A:42:LYS:C	1:A:43:GLN:N	1:A:43:GLN:CA	1:A:43:GLN:C	1	76.8
(1,41)	1:A:23:LEU:C	1:A:24:ILE:N	1:A:24:ILE:CA	1:A:24:ILE:C	18	76.8
(1,27)	1:A:16:LYS:C	1:A:17:SER:N	1:A:17:SER:CA	1:A:17:SER:C	2	76.8
(1,215)	1:A:125:VAL:C	1:A:126:GLU:N	1:A:126:GLU:CA	1:A:126:GLU:C	11	76.8
(1,13)	1:A:7:VAL:C	1:A:8:VAL:N	1:A:8:VAL:CA	1:A:8:VAL:C	15	76.8
(1,124)	1:A:74:THR:C	1:A:75:GLY:N	1:A:75:GLY:CA	1:A:75:GLY:C	16	76.8
(1,19)	1:A:10:GLY:C	1:A:11:ALA:N	1:A:11:ALA:CA	1:A:11:ALA:C	9	76.7
(1,184)	1:A:106:SER:C	1:A:107:ASP:N	1:A:107:ASP:CA	1:A:107:ASP:C	6	76.7
(1,66)	1:A:42:LYS:C	1:A:43:GLN:N	1:A:43:GLN:CA	1:A:43:GLN:C	19	76.5
(1,41)	1:A:23:LEU:C	1:A:24:ILE:N	1:A:24:ILE:CA	1:A:24:ILE:C	8	76.5
(1,66)	1:A:42:LYS:C	1:A:43:GLN:N	1:A:43:GLN:CA	1:A:43:GLN:C	17	76.4
(1,19)	1:A:10:GLY:C	1:A:11:ALA:N	1:A:11:ALA:CA	1:A:11:ALA:C	20	76.4
(1,122)	1:A:73:ARG:C	1:A:74:THR:N	1:A:74:THR:CA	1:A:74:THR:C	9	76.4

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Atom-3	Atom-4	Model ID	Violation (°)
(1,116)	1:A:70:GLN:C	1:A:71:TYR:N	1:A:71:TYR:CA	1:A:71:TYR:C	6	76.4
(1,78)	1:A:49:GLU:C	1:A:50:THR:N	1:A:50:THR:CA	1:A:50:THR:C	4	76.3
(1,94)	1:A:57:ASP:C	1:A:58:THR:N	1:A:58:THR:CA	1:A:58:THR:C	7	76.2
(1,66)	1:A:42:LYS:C	1:A:43:GLN:N	1:A:43:GLN:CA	1:A:43:GLN:C	2	76.2
(1,210)	1:A:123:ARG:N	1:A:123:ARG:CA	1:A:123:ARG:C	1:A:124:THR:N	18	76.2
(1,140)	1:A:83:ALA:C	1:A:84:ILE:N	1:A:84:ILE:CA	1:A:84:ILE:C	17	76.2
(1,66)	1:A:42:LYS:C	1:A:43:GLN:N	1:A:43:GLN:CA	1:A:43:GLN:C	15	76.0
(1,66)	1:A:42:LYS:C	1:A:43:GLN:N	1:A:43:GLN:CA	1:A:43:GLN:C	20	76.0
(1,207)	1:A:121:ALA:C	1:A:122:ALA:N	1:A:122:ALA:CA	1:A:122:ALA:C	10	75.9
(1,66)	1:A:42:LYS:C	1:A:43:GLN:N	1:A:43:GLN:CA	1:A:43:GLN:C	3	75.8
(1,58)	1:A:38:ASP:C	1:A:39:SER:N	1:A:39:SER:CA	1:A:39:SER:C	13	75.8
(1,25)	1:A:15:GLY:C	1:A:16:LYS:N	1:A:16:LYS:CA	1:A:16:LYS:C	10	75.8
(1,140)	1:A:83:ALA:C	1:A:84:ILE:N	1:A:84:ILE:CA	1:A:84:ILE:C	20	75.8
(1,124)	1:A:74:THR:C	1:A:75:GLY:N	1:A:75:GLY:CA	1:A:75:GLY:C	1	75.8
(1,37)	1:A:21:ILE:C	1:A:22:GLN:N	1:A:22:GLN:CA	1:A:22:GLN:C	20	75.7
(1,211)	1:A:123:ARG:C	1:A:124:THR:N	1:A:124:THR:CA	1:A:124:THR:C	4	75.7
(1,122)	1:A:73:ARG:C	1:A:74:THR:N	1:A:74:THR:CA	1:A:74:THR:C	4	75.7
(1,66)	1:A:42:LYS:C	1:A:43:GLN:N	1:A:43:GLN:CA	1:A:43:GLN:C	16	75.6
(1,254)	1:A:146:ALA:C	1:A:147:LYS:N	1:A:147:LYS:CA	1:A:147:LYS:C	2	75.6
(1,116)	1:A:70:GLN:C	1:A:71:TYR:N	1:A:71:TYR:CA	1:A:71:TYR:C	4	75.6
(1,108)	1:A:66:ALA:C	1:A:67:MET:N	1:A:67:MET:CA	1:A:67:MET:C	16	75.6
(1,116)	1:A:70:GLN:C	1:A:71:TYR:N	1:A:71:TYR:CA	1:A:71:TYR:C	7	75.5
(1,103)	1:A:64:TYR:N	1:A:64:TYR:CA	1:A:64:TYR:C	1:A:65:SER:N	4	75.5
(1,178)	1:A:102:ARG:C	1:A:103:VAL:N	1:A:103:VAL:CA	1:A:103:VAL:C	4	75.3
(1,207)	1:A:121:ALA:C	1:A:122:ALA:N	1:A:122:ALA:CA	1:A:122:ALA:C	6	75.2
(1,124)	1:A:74:THR:C	1:A:75:GLY:N	1:A:75:GLY:CA	1:A:75:GLY:C	3	75.2
(1,110)	1:A:67:MET:C	1:A:68:ARG:N	1:A:68:ARG:CA	1:A:68:ARG:C	8	75.2
(1,98)	1:A:61:GLN:C	1:A:62:GLU:N	1:A:62:GLU:CA	1:A:62:GLU:C	7	75.1
(1,56)	1:A:35:SER:C	1:A:36:ILE:N	1:A:36:ILE:CA	1:A:36:ILE:C	4	75.1
(1,21)	1:A:11:ALA:C	1:A:12:GLY:N	1:A:12:GLY:CA	1:A:12:GLY:C	7	75.1
(1,215)	1:A:125:VAL:C	1:A:126:GLU:N	1:A:126:GLU:CA	1:A:126:GLU:C	18	75.0
(1,178)	1:A:102:ARG:C	1:A:103:VAL:N	1:A:103:VAL:CA	1:A:103:VAL:C	2	75.0
(1,78)	1:A:49:GLU:C	1:A:50:THR:N	1:A:50:THR:CA	1:A:50:THR:C	9	74.9
(1,254)	1:A:146:ALA:C	1:A:147:LYS:N	1:A:147:LYS:CA	1:A:147:LYS:C	1	74.9
(1,21)	1:A:11:ALA:C	1:A:12:GLY:N	1:A:12:GLY:CA	1:A:12:GLY:C	20	74.9
(1,19)	1:A:10:GLY:C	1:A:11:ALA:N	1:A:11:ALA:CA	1:A:11:ALA:C	2	74.9
(1,103)	1:A:64:TYR:N	1:A:64:TYR:CA	1:A:64:TYR:C	1:A:65:SER:N	10	74.9
(1,39)	1:A:22:GLN:C	1:A:23:LEU:N	1:A:23:LEU:CA	1:A:23:LEU:C	13	74.8
(1,116)	1:A:70:GLN:C	1:A:71:TYR:N	1:A:71:TYR:CA	1:A:71:TYR:C	10	74.8
(1,103)	1:A:64:TYR:N	1:A:64:TYR:CA	1:A:64:TYR:C	1:A:65:SER:N	12	74.8
(1,21)	1:A:11:ALA:C	1:A:12:GLY:N	1:A:12:GLY:CA	1:A:12:GLY:C	12	74.7
(1,19)	1:A:10:GLY:C	1:A:11:ALA:N	1:A:11:ALA:CA	1:A:11:ALA:C	8	74.7
(1,103)	1:A:64:TYR:N	1:A:64:TYR:CA	1:A:64:TYR:C	1:A:65:SER:N	6	74.7
(1,33)	1:A:19:LEU:C	1:A:20:THR:N	1:A:20:THR:CA	1:A:20:THR:C	2	74.6
(1,207)	1:A:121:ALA:C	1:A:122:ALA:N	1:A:122:ALA:CA	1:A:122:ALA:C	7	74.6
(1,183)	1:A:106:SER:N	1:A:106:SER:CA	1:A:106:SER:C	1:A:107:ASP:N	2	74.6
(1,116)	1:A:70:GLN:C	1:A:71:TYR:N	1:A:71:TYR:CA	1:A:71:TYR:C	5	74.6
(1,35)	1:A:20:THR:C	1:A:21:ILE:N	1:A:21:ILE:CA	1:A:21:ILE:C	13	74.5
(1,184)	1:A:106:SER:C	1:A:107:ASP:N	1:A:107:ASP:CA	1:A:107:ASP:C	17	74.5
(1,58)	1:A:38:ASP:C	1:A:39:SER:N	1:A:39:SER:CA	1:A:39:SER:C	1	74.4
(1,58)	1:A:38:ASP:C	1:A:39:SER:N	1:A:39:SER:CA	1:A:39:SER:C	9	74.4

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Atom-3	Atom-4	Model ID	Violation (°)
(1,27)	1:A:16:LYS:C	1:A:17:SER:N	1:A:17:SER:CA	1:A:17:SER:C	16	74.4
(1,184)	1:A:106:SER:C	1:A:107:ASP:N	1:A:107:ASP:CA	1:A:107:ASP:C	9	74.4
(1,110)	1:A:67:MET:C	1:A:68:ARG:N	1:A:68:ARG:CA	1:A:68:ARG:C	10	74.4
(1,27)	1:A:16:LYS:C	1:A:17:SER:N	1:A:17:SER:CA	1:A:17:SER:C	5	74.2
(1,203)	1:A:117:LYS:C	1:A:118:CYS:N	1:A:118:CYS:CA	1:A:118:CYS:C	14	74.2
(1,116)	1:A:70:GLN:C	1:A:71:TYR:N	1:A:71:TYR:CA	1:A:71:TYR:C	1	74.2
(1,98)	1:A:61:GLN:C	1:A:62:GLU:N	1:A:62:GLU:CA	1:A:62:GLU:C	6	74.1
(1,186)	1:A:107:ASP:C	1:A:108:ASP:N	1:A:108:ASP:CA	1:A:108:ASP:C	6	74.1
(1,208)	1:A:122:ALA:N	1:A:122:ALA:CA	1:A:122:ALA:C	1:A:123:ARG:N	18	74.0
(1,140)	1:A:83:ALA:C	1:A:84:ILE:N	1:A:84:ILE:CA	1:A:84:ILE:C	18	74.0
(1,98)	1:A:61:GLN:C	1:A:62:GLU:N	1:A:62:GLU:CA	1:A:62:GLU:C	17	73.9
(1,53)	1:A:32:TYR:C	1:A:33:ASP:N	1:A:33:ASP:CA	1:A:33:ASP:C	3	73.9
(1,98)	1:A:61:GLN:C	1:A:62:GLU:N	1:A:62:GLU:CA	1:A:62:GLU:C	13	73.8
(1,66)	1:A:42:LYS:C	1:A:43:GLN:N	1:A:43:GLN:CA	1:A:43:GLN:C	11	73.8
(1,254)	1:A:146:ALA:C	1:A:147:LYS:N	1:A:147:LYS:CA	1:A:147:LYS:C	19	73.8
(1,221)	1:A:128:ARG:C	1:A:129:GLN:N	1:A:129:GLN:CA	1:A:129:GLN:C	15	73.8
(1,112)	1:A:68:ARG:C	1:A:69:ASP:N	1:A:69:ASP:CA	1:A:69:ASP:C	4	73.8
(1,21)	1:A:11:ALA:C	1:A:12:GLY:N	1:A:12:GLY:CA	1:A:12:GLY:C	18	73.7
(1,148)	1:A:87:THR:C	1:A:88:LYS:N	1:A:88:LYS:CA	1:A:88:LYS:C	14	73.7
(1,110)	1:A:67:MET:C	1:A:68:ARG:N	1:A:68:ARG:CA	1:A:68:ARG:C	9	73.7
(1,53)	1:A:32:TYR:C	1:A:33:ASP:N	1:A:33:ASP:CA	1:A:33:ASP:C	13	73.6
(1,180)	1:A:103:VAL:C	1:A:104:LYS:N	1:A:104:LYS:CA	1:A:104:LYS:C	18	73.6
(1,112)	1:A:68:ARG:C	1:A:69:ASP:N	1:A:69:ASP:CA	1:A:69:ASP:C	19	73.6
(1,103)	1:A:64:TYR:N	1:A:64:TYR:CA	1:A:64:TYR:C	1:A:65:SER:N	5	73.5
(1,39)	1:A:22:GLN:C	1:A:23:LEU:N	1:A:23:LEU:CA	1:A:23:LEU:C	4	73.4
(1,178)	1:A:102:ARG:C	1:A:103:VAL:N	1:A:103:VAL:CA	1:A:103:VAL:C	15	73.4
(1,178)	1:A:102:ARG:C	1:A:103:VAL:N	1:A:103:VAL:CA	1:A:103:VAL:C	16	73.4
(1,98)	1:A:61:GLN:C	1:A:62:GLU:N	1:A:62:GLU:CA	1:A:62:GLU:C	18	73.3
(1,221)	1:A:128:ARG:C	1:A:129:GLN:N	1:A:129:GLN:CA	1:A:129:GLN:C	7	73.3
(1,116)	1:A:70:GLN:C	1:A:71:TYR:N	1:A:71:TYR:CA	1:A:71:TYR:C	2	73.3
(1,94)	1:A:57:ASP:C	1:A:58:THR:N	1:A:58:THR:CA	1:A:58:THR:C	15	73.2
(1,56)	1:A:35:SER:C	1:A:36:ILE:N	1:A:36:ILE:CA	1:A:36:ILE:C	8	73.1
(1,258)	1:A:149:ARG:C	1:A:150:GLN:N	1:A:150:GLN:CA	1:A:150:GLN:C	7	73.1
(1,254)	1:A:146:ALA:C	1:A:147:LYS:N	1:A:147:LYS:CA	1:A:147:LYS:C	6	73.1
(1,203)	1:A:117:LYS:C	1:A:118:CYS:N	1:A:118:CYS:CA	1:A:118:CYS:C	17	73.1
(1,140)	1:A:83:ALA:C	1:A:84:ILE:N	1:A:84:ILE:CA	1:A:84:ILE:C	13	73.1
(1,124)	1:A:74:THR:C	1:A:75:GLY:N	1:A:75:GLY:CA	1:A:75:GLY:C	8	73.1
(1,116)	1:A:70:GLN:C	1:A:71:TYR:N	1:A:71:TYR:CA	1:A:71:TYR:C	16	73.1
(1,203)	1:A:117:LYS:C	1:A:118:CYS:N	1:A:118:CYS:CA	1:A:118:CYS:C	10	73.0
(1,140)	1:A:83:ALA:C	1:A:84:ILE:N	1:A:84:ILE:CA	1:A:84:ILE:C	3	73.0
(1,124)	1:A:74:THR:C	1:A:75:GLY:N	1:A:75:GLY:CA	1:A:75:GLY:C	7	73.0
(1,98)	1:A:61:GLN:C	1:A:62:GLU:N	1:A:62:GLU:CA	1:A:62:GLU:C	5	72.9
(1,207)	1:A:121:ALA:C	1:A:122:ALA:N	1:A:122:ALA:CA	1:A:122:ALA:C	5	72.9
(1,203)	1:A:117:LYS:C	1:A:118:CYS:N	1:A:118:CYS:CA	1:A:118:CYS:C	19	72.9
(1,94)	1:A:57:ASP:C	1:A:58:THR:N	1:A:58:THR:CA	1:A:58:THR:C	1	72.8
(1,284)	1:A:163:ILE:C	1:A:164:ARG:N	1:A:164:ARG:CA	1:A:164:ARG:C	17	72.8
(1,254)	1:A:146:ALA:C	1:A:147:LYS:N	1:A:147:LYS:CA	1:A:147:LYS:C	4	72.8
(1,124)	1:A:74:THR:C	1:A:75:GLY:N	1:A:75:GLY:CA	1:A:75:GLY:C	9	72.8
(1,124)	1:A:74:THR:C	1:A:75:GLY:N	1:A:75:GLY:CA	1:A:75:GLY:C	10	72.8
(1,122)	1:A:73:ARG:C	1:A:74:THR:N	1:A:74:THR:CA	1:A:74:THR:C	2	72.8
(1,51)	1:A:31:GLU:C	1:A:32:TYR:N	1:A:32:TYR:CA	1:A:32:TYR:C	13	72.7

Continued on next page...



Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Atom-3	Atom-4	Model ID	Violation (°)
(1,208)	1:A:122:ALA:N	1:A:122:ALA:CA	1:A:122:ALA:C	1:A:123:ARG:N	14	72.7
(1,187)	1:A:108:ASP:N	1:A:108:ASP:CA	1:A:108:ASP:C	1:A:109:VAL:N	10	72.7
(1,116)	1:A:70:GLN:C	1:A:71:TYR:N	1:A:71:TYR:CA	1:A:71:TYR:C	11	72.7
(1,98)	1:A:61:GLN:C	1:A:62:GLU:N	1:A:62:GLU:CA	1:A:62:GLU:C	14	72.6
(1,25)	1:A:15:GLY:C	1:A:16:LYS:N	1:A:16:LYS:CA	1:A:16:LYS:C	12	72.6
(1,203)	1:A:117:LYS:C	1:A:118:CYS:N	1:A:118:CYS:CA	1:A:118:CYS:C	1	72.6
(1,176)	1:A:101:LYS:C	1:A:102:ARG:N	1:A:102:ARG:CA	1:A:102:ARG:C	17	72.6
(1,168)	1:A:97:ARG:C	1:A:98:GLU:N	1:A:98:GLU:CA	1:A:98:GLU:C	17	72.6
(1,66)	1:A:42:LYS:C	1:A:43:GLN:N	1:A:43:GLN:CA	1:A:43:GLN:C	6	72.5
(1,180)	1:A:103:VAL:C	1:A:104:LYS:N	1:A:104:LYS:CA	1:A:104:LYS:C	17	72.5
(1,148)	1:A:87:THR:C	1:A:88:LYS:N	1:A:88:LYS:CA	1:A:88:LYS:C	1	72.5
(1,33)	1:A:19:LEU:C	1:A:20:THR:N	1:A:20:THR:CA	1:A:20:THR:C	15	72.4
(1,221)	1:A:128:ARG:C	1:A:129:GLN:N	1:A:129:GLN:CA	1:A:129:GLN:C	18	72.4
(1,184)	1:A:106:SER:C	1:A:107:ASP:N	1:A:107:ASP:CA	1:A:107:ASP:C	7	72.4
(1,116)	1:A:70:GLN:C	1:A:71:TYR:N	1:A:71:TYR:CA	1:A:71:TYR:C	8	72.4
(1,56)	1:A:35:SER:C	1:A:36:ILE:N	1:A:36:ILE:CA	1:A:36:ILE:C	17	72.3
(1,19)	1:A:10:GLY:C	1:A:11:ALA:N	1:A:11:ALA:CA	1:A:11:ALA:C	16	72.3
(1,184)	1:A:106:SER:C	1:A:107:ASP:N	1:A:107:ASP:CA	1:A:107:ASP:C	8	72.3
(1,78)	1:A:49:GLU:C	1:A:50:THR:N	1:A:50:THR:CA	1:A:50:THR:C	14	72.2
(1,58)	1:A:38:ASP:C	1:A:39:SER:N	1:A:39:SER:CA	1:A:39:SER:C	8	72.2
(1,231)	1:A:133:LEU:C	1:A:134:ALA:N	1:A:134:ALA:CA	1:A:134:ALA:C	8	72.2
(1,207)	1:A:121:ALA:C	1:A:122:ALA:N	1:A:122:ALA:CA	1:A:122:ALA:C	1	72.2
(1,207)	1:A:121:ALA:C	1:A:122:ALA:N	1:A:122:ALA:CA	1:A:122:ALA:C	18	72.2
(1,138)	1:A:82:PHE:C	1:A:83:ALA:N	1:A:83:ALA:CA	1:A:83:ALA:C	16	72.2
(1,39)	1:A:22:GLN:C	1:A:23:LEU:N	1:A:23:LEU:CA	1:A:23:LEU:C	17	72.1
(1,258)	1:A:149:ARG:C	1:A:150:GLN:N	1:A:150:GLN:CA	1:A:150:GLN:C	14	72.1
(1,254)	1:A:146:ALA:C	1:A:147:LYS:N	1:A:147:LYS:CA	1:A:147:LYS:C	5	72.1
(1,207)	1:A:121:ALA:C	1:A:122:ALA:N	1:A:122:ALA:CA	1:A:122:ALA:C	13	72.1
(1,184)	1:A:106:SER:C	1:A:107:ASP:N	1:A:107:ASP:CA	1:A:107:ASP:C	18	72.1
(1,158)	1:A:92:ASP:C	1:A:93:ILE:N	1:A:93:ILE:CA	1:A:93:ILE:C	9	72.1
(1,56)	1:A:35:SER:C	1:A:36:ILE:N	1:A:36:ILE:CA	1:A:36:ILE:C	3	72.0
(1,254)	1:A:146:ALA:C	1:A:147:LYS:N	1:A:147:LYS:CA	1:A:147:LYS:C	11	72.0
(1,140)	1:A:83:ALA:C	1:A:84:ILE:N	1:A:84:ILE:CA	1:A:84:ILE:C	1	72.0
(1,78)	1:A:49:GLU:C	1:A:50:THR:N	1:A:50:THR:CA	1:A:50:THR:C	15	71.9
(1,29)	1:A:17:SER:C	1:A:18:ALA:N	1:A:18:ALA:CA	1:A:18:ALA:C	18	71.9
(1,19)	1:A:10:GLY:C	1:A:11:ALA:N	1:A:11:ALA:CA	1:A:11:ALA:C	4	71.9
(1,183)	1:A:106:SER:N	1:A:106:SER:CA	1:A:106:SER:C	1:A:107:ASP:N	1	71.9
(1,140)	1:A:83:ALA:C	1:A:84:ILE:N	1:A:84:ILE:CA	1:A:84:ILE:C	15	71.9
(1,116)	1:A:70:GLN:C	1:A:71:TYR:N	1:A:71:TYR:CA	1:A:71:TYR:C	18	71.9
(1,78)	1:A:49:GLU:C	1:A:50:THR:N	1:A:50:THR:CA	1:A:50:THR:C	5	71.8
(1,56)	1:A:35:SER:C	1:A:36:ILE:N	1:A:36:ILE:CA	1:A:36:ILE:C	2	71.8
(1,276)	1:A:159:LEU:C	1:A:160:VAL:N	1:A:160:VAL:CA	1:A:160:VAL:C	11	71.8
(1,235)	1:A:135:ARG:C	1:A:136:SER:N	1:A:136:SER:CA	1:A:136:SER:C	19	71.8
(1,212)	1:A:124:THR:N	1:A:124:THR:CA	1:A:124:THR:C	1:A:125:VAL:N	10	71.8
(1,176)	1:A:101:LYS:C	1:A:102:ARG:N	1:A:102:ARG:CA	1:A:102:ARG:C	18	71.8
(1,21)	1:A:11:ALA:C	1:A:12:GLY:N	1:A:12:GLY:CA	1:A:12:GLY:C	8	71.7
(1,98)	1:A:61:GLN:C	1:A:62:GLU:N	1:A:62:GLU:CA	1:A:62:GLU:C	10	71.6
(1,207)	1:A:121:ALA:C	1:A:122:ALA:N	1:A:122:ALA:CA	1:A:122:ALA:C	15	71.6
(1,183)	1:A:106:SER:N	1:A:106:SER:CA	1:A:106:SER:C	1:A:107:ASP:N	19	71.6
(1,124)	1:A:74:THR:C	1:A:75:GLY:N	1:A:75:GLY:CA	1:A:75:GLY:C	11	71.6
(1,154)	1:A:90:PHE:C	1:A:91:GLU:N	1:A:91:GLU:CA	1:A:91:GLU:C	10	71.5

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Atom-3	Atom-4	Model ID	Violation (°)
(1,203)	1:A:117:LYS:C	1:A:118:CYS:N	1:A:118:CYS:CA	1:A:118:CYS:C	13	71.4
(1,66)	1:A:42:LYS:C	1:A:43:GLN:N	1:A:43:GLN:CA	1:A:43:GLN:C	12	71.3
(1,56)	1:A:35:SER:C	1:A:36:ILE:N	1:A:36:ILE:CA	1:A:36:ILE:C	1	71.3
(1,53)	1:A:32:TYR:C	1:A:33:ASP:N	1:A:33:ASP:CA	1:A:33:ASP:C	20	71.3
(1,35)	1:A:20:THR:C	1:A:21:ILE:N	1:A:21:ILE:CA	1:A:21:ILE:C	8	71.3
(1,27)	1:A:16:LYS:C	1:A:17:SER:N	1:A:17:SER:CA	1:A:17:SER:C	13	71.3
(1,25)	1:A:15:GLY:C	1:A:16:LYS:N	1:A:16:LYS:CA	1:A:16:LYS:C	4	71.2
(1,21)	1:A:11:ALA:C	1:A:12:GLY:N	1:A:12:GLY:CA	1:A:12:GLY:C	19	71.2
(1,158)	1:A:92:ASP:C	1:A:93:ILE:N	1:A:93:ILE:CA	1:A:93:ILE:C	12	71.2
(1,39)	1:A:22:GLN:C	1:A:23:LEU:N	1:A:23:LEU:CA	1:A:23:LEU:C	18	71.0
(1,116)	1:A:70:GLN:C	1:A:71:TYR:N	1:A:71:TYR:CA	1:A:71:TYR:C	9	71.0
(1,116)	1:A:70:GLN:C	1:A:71:TYR:N	1:A:71:TYR:CA	1:A:71:TYR:C	14	71.0
(1,33)	1:A:19:LEU:C	1:A:20:THR:N	1:A:20:THR:CA	1:A:20:THR:C	20	70.9
(1,276)	1:A:159:LEU:C	1:A:160:VAL:N	1:A:160:VAL:CA	1:A:160:VAL:C	2	70.9
(1,180)	1:A:103:VAL:C	1:A:104:LYS:N	1:A:104:LYS:CA	1:A:104:LYS:C	16	70.9
(1,158)	1:A:92:ASP:C	1:A:93:ILE:N	1:A:93:ILE:CA	1:A:93:ILE:C	3	70.9
(1,51)	1:A:31:GLU:C	1:A:32:TYR:N	1:A:32:TYR:CA	1:A:32:TYR:C	12	70.8
(1,212)	1:A:124:THR:N	1:A:124:THR:CA	1:A:124:THR:C	1:A:125:VAL:N	8	70.8
(1,212)	1:A:124:THR:N	1:A:124:THR:CA	1:A:124:THR:C	1:A:125:VAL:N	9	70.8
(1,21)	1:A:11:ALA:C	1:A:12:GLY:N	1:A:12:GLY:CA	1:A:12:GLY:C	5	70.8
(1,176)	1:A:101:LYS:C	1:A:102:ARG:N	1:A:102:ARG:CA	1:A:102:ARG:C	13	70.8
(1,122)	1:A:73:ARG:C	1:A:74:THR:N	1:A:74:THR:CA	1:A:74:THR:C	8	70.7
(1,120)	1:A:72:MET:C	1:A:73:ARG:N	1:A:73:ARG:CA	1:A:73:ARG:C	14	70.7
(1,112)	1:A:68:ARG:C	1:A:69:ASP:N	1:A:69:ASP:CA	1:A:69:ASP:C	16	70.6
(1,122)	1:A:73:ARG:C	1:A:74:THR:N	1:A:74:THR:CA	1:A:74:THR:C	20	70.5
(1,106)	1:A:65:SER:C	1:A:66:ALA:N	1:A:66:ALA:CA	1:A:66:ALA:C	20	70.5
(1,21)	1:A:11:ALA:C	1:A:12:GLY:N	1:A:12:GLY:CA	1:A:12:GLY:C	6	70.4
(1,124)	1:A:74:THR:C	1:A:75:GLY:N	1:A:75:GLY:CA	1:A:75:GLY:C	19	70.4
(1,114)	1:A:69:ASP:C	1:A:70:GLN:N	1:A:70:GLN:CA	1:A:70:GLN:C	1	70.4
(1,103)	1:A:64:TYR:N	1:A:64:TYR:CA	1:A:64:TYR:C	1:A:65:SER:N	19	70.4
(1,39)	1:A:22:GLN:C	1:A:23:LEU:N	1:A:23:LEU:CA	1:A:23:LEU:C	14	70.3
(1,284)	1:A:163:ILE:C	1:A:164:ARG:N	1:A:164:ARG:CA	1:A:164:ARG:C	9	70.3
(1,180)	1:A:103:VAL:C	1:A:104:LYS:N	1:A:104:LYS:CA	1:A:104:LYS:C	15	70.3
(1,272)	1:A:157:TYR:C	1:A:158:THR:N	1:A:158:THR:CA	1:A:158:THR:C	14	70.2
(1,252)	1:A:145:SER:C	1:A:146:ALA:N	1:A:146:ALA:CA	1:A:146:ALA:C	15	70.2
(1,168)	1:A:97:ARG:C	1:A:98:GLU:N	1:A:98:GLU:CA	1:A:98:GLU:C	8	70.2
(1,51)	1:A:31:GLU:C	1:A:32:TYR:N	1:A:32:TYR:CA	1:A:32:TYR:C	19	70.1
(1,284)	1:A:163:ILE:C	1:A:164:ARG:N	1:A:164:ARG:CA	1:A:164:ARG:C	12	70.1
(1,162)	1:A:94:HIS:C	1:A:95:GLN:N	1:A:95:GLN:CA	1:A:95:GLN:C	3	70.1
(1,154)	1:A:90:PHE:C	1:A:91:GLU:N	1:A:91:GLU:CA	1:A:91:GLU:C	9	70.0
(1,78)	1:A:49:GLU:C	1:A:50:THR:N	1:A:50:THR:CA	1:A:50:THR:C	18	69.9
(1,280)	1:A:161:ARG:C	1:A:162:GLU:N	1:A:162:GLU:CA	1:A:162:GLU:C	19	69.9
(1,21)	1:A:11:ALA:C	1:A:12:GLY:N	1:A:12:GLY:CA	1:A:12:GLY:C	4	69.9
(1,138)	1:A:82:PHE:C	1:A:83:ALA:N	1:A:83:ALA:CA	1:A:83:ALA:C	15	69.9
(1,53)	1:A:32:TYR:C	1:A:33:ASP:N	1:A:33:ASP:CA	1:A:33:ASP:C	15	69.8
(1,27)	1:A:16:LYS:C	1:A:17:SER:N	1:A:17:SER:CA	1:A:17:SER:C	10	69.8
(1,19)	1:A:10:GLY:C	1:A:11:ALA:N	1:A:11:ALA:CA	1:A:11:ALA:C	6	69.8
(1,176)	1:A:101:LYS:C	1:A:102:ARG:N	1:A:102:ARG:CA	1:A:102:ARG:C	14	69.8
(1,254)	1:A:146:ALA:C	1:A:147:LYS:N	1:A:147:LYS:CA	1:A:147:LYS:C	12	69.7
(1,221)	1:A:128:ARG:C	1:A:129:GLN:N	1:A:129:GLN:CA	1:A:129:GLN:C	4	69.7
(1,158)	1:A:92:ASP:C	1:A:93:ILE:N	1:A:93:ILE:CA	1:A:93:ILE:C	18	69.7

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Atom-3	Atom-4	Model ID	Violation (°)
(1,154)	1:A:90:PHE:C	1:A:91:GLU:N	1:A:91:GLU:CA	1:A:91:GLU:C	13	69.7
(1,78)	1:A:49:GLU:C	1:A:50:THR:N	1:A:50:THR:CA	1:A:50:THR:C	16	69.6
(1,56)	1:A:35:SER:C	1:A:36:ILE:N	1:A:36:ILE:CA	1:A:36:ILE:C	9	69.6
(1,35)	1:A:20:THR:C	1:A:21:ILE:N	1:A:21:ILE:CA	1:A:21:ILE:C	20	69.5
(1,158)	1:A:92:ASP:C	1:A:93:ILE:N	1:A:93:ILE:CA	1:A:93:ILE:C	17	69.5
(1,94)	1:A:57:ASP:C	1:A:58:THR:N	1:A:58:THR:CA	1:A:58:THR:C	16	69.4
(1,33)	1:A:19:LEU:C	1:A:20:THR:N	1:A:20:THR:CA	1:A:20:THR:C	9	69.4
(1,221)	1:A:128:ARG:C	1:A:129:GLN:N	1:A:129:GLN:CA	1:A:129:GLN:C	16	69.4
(1,114)	1:A:69:ASP:C	1:A:70:GLN:N	1:A:70:GLN:CA	1:A:70:GLN:C	18	69.4
(1,39)	1:A:22:GLN:C	1:A:23:LEU:N	1:A:23:LEU:CA	1:A:23:LEU:C	8	69.3
(1,221)	1:A:128:ARG:C	1:A:129:GLN:N	1:A:129:GLN:CA	1:A:129:GLN:C	5	69.3
(1,178)	1:A:102:ARG:C	1:A:103:VAL:N	1:A:103:VAL:CA	1:A:103:VAL:C	5	69.3
(1,154)	1:A:90:PHE:C	1:A:91:GLU:N	1:A:91:GLU:CA	1:A:91:GLU:C	19	69.3
(1,35)	1:A:20:THR:C	1:A:21:ILE:N	1:A:21:ILE:CA	1:A:21:ILE:C	2	69.2
(1,233)	1:A:134:ALA:C	1:A:135:ARG:N	1:A:135:ARG:CA	1:A:135:ARG:C	10	69.2
(1,184)	1:A:106:SER:C	1:A:107:ASP:N	1:A:107:ASP:CA	1:A:107:ASP:C	15	69.2
(1,176)	1:A:101:LYS:C	1:A:102:ARG:N	1:A:102:ARG:CA	1:A:102:ARG:C	16	69.2
(1,168)	1:A:97:ARG:C	1:A:98:GLU:N	1:A:98:GLU:CA	1:A:98:GLU:C	9	69.2
(1,122)	1:A:73:ARG:C	1:A:74:THR:N	1:A:74:THR:CA	1:A:74:THR:C	18	69.2
(1,108)	1:A:66:ALA:C	1:A:67:MET:N	1:A:67:MET:CA	1:A:67:MET:C	2	69.2
(1,25)	1:A:15:GLY:C	1:A:16:LYS:N	1:A:16:LYS:CA	1:A:16:LYS:C	11	69.1
(1,284)	1:A:163:ILE:C	1:A:164:ARG:N	1:A:164:ARG:CA	1:A:164:ARG:C	11	69.0
(1,24)	1:A:15:GLY:N	1:A:15:GLY:CA	1:A:15:GLY:C	1:A:16:LYS:N	16	69.0
(1,98)	1:A:61:GLN:C	1:A:62:GLU:N	1:A:62:GLU:CA	1:A:62:GLU:C	1	68.9
(1,39)	1:A:22:GLN:C	1:A:23:LEU:N	1:A:23:LEU:CA	1:A:23:LEU:C	3	68.9
(1,37)	1:A:21:ILE:C	1:A:22:GLN:N	1:A:22:GLN:CA	1:A:22:GLN:C	5	68.9
(1,235)	1:A:135:ARG:C	1:A:136:SER:N	1:A:136:SER:CA	1:A:136:SER:C	2	68.9
(1,211)	1:A:123:ARG:C	1:A:124:THR:N	1:A:124:THR:CA	1:A:124:THR:C	1	68.9
(1,176)	1:A:101:LYS:C	1:A:102:ARG:N	1:A:102:ARG:CA	1:A:102:ARG:C	8	68.9
(1,124)	1:A:74:THR:C	1:A:75:GLY:N	1:A:75:GLY:CA	1:A:75:GLY:C	5	68.9
(1,282)	1:A:162:GLU:C	1:A:163:ILE:N	1:A:163:ILE:CA	1:A:163:ILE:C	5	68.8
(1,24)	1:A:15:GLY:N	1:A:15:GLY:CA	1:A:15:GLY:C	1:A:16:LYS:N	12	68.8
(1,215)	1:A:125:VAL:C	1:A:126:GLU:N	1:A:126:GLU:CA	1:A:126:GLU:C	9	68.8
(1,215)	1:A:125:VAL:C	1:A:126:GLU:N	1:A:126:GLU:CA	1:A:126:GLU:C	17	68.8
(1,154)	1:A:90:PHE:C	1:A:91:GLU:N	1:A:91:GLU:CA	1:A:91:GLU:C	8	68.8
(1,154)	1:A:90:PHE:C	1:A:91:GLU:N	1:A:91:GLU:CA	1:A:91:GLU:C	11	68.8
(1,124)	1:A:74:THR:C	1:A:75:GLY:N	1:A:75:GLY:CA	1:A:75:GLY:C	17	68.8
(1,53)	1:A:32:TYR:C	1:A:33:ASP:N	1:A:33:ASP:CA	1:A:33:ASP:C	4	68.6
(1,53)	1:A:32:TYR:C	1:A:33:ASP:N	1:A:33:ASP:CA	1:A:33:ASP:C	16	68.6
(1,255)	1:A:147:LYS:N	1:A:147:LYS:CA	1:A:147:LYS:C	1:A:148:THR:N	2	68.6
(1,174)	1:A:100:ILE:C	1:A:101:LYS:N	1:A:101:LYS:CA	1:A:101:LYS:C	7	68.6
(1,162)	1:A:94:HIS:C	1:A:95:GLN:N	1:A:95:GLN:CA	1:A:95:GLN:C	12	68.6
(1,98)	1:A:61:GLN:C	1:A:62:GLU:N	1:A:62:GLU:CA	1:A:62:GLU:C	3	68.5
(1,27)	1:A:16:LYS:C	1:A:17:SER:N	1:A:17:SER:CA	1:A:17:SER:C	9	68.5
(1,268)	1:A:155:ALA:C	1:A:156:PHE:N	1:A:156:PHE:CA	1:A:156:PHE:C	18	68.5
(1,221)	1:A:128:ARG:C	1:A:129:GLN:N	1:A:129:GLN:CA	1:A:129:GLN:C	2	68.5
(1,176)	1:A:101:LYS:C	1:A:102:ARG:N	1:A:102:ARG:CA	1:A:102:ARG:C	6	68.5
(1,108)	1:A:66:ALA:C	1:A:67:MET:N	1:A:67:MET:CA	1:A:67:MET:C	3	68.5
(1,98)	1:A:61:GLN:C	1:A:62:GLU:N	1:A:62:GLU:CA	1:A:62:GLU:C	2	68.4
(1,78)	1:A:49:GLU:C	1:A:50:THR:N	1:A:50:THR:CA	1:A:50:THR:C	10	68.4
(1,33)	1:A:19:LEU:C	1:A:20:THR:N	1:A:20:THR:CA	1:A:20:THR:C	1	68.4

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Atom-3	Atom-4	Model ID	Violation (°)
(1,284)	1:A:163:ILE:C	1:A:164:ARG:N	1:A:164:ARG:CA	1:A:164:ARG:C	10	68.4
(1,280)	1:A:161:ARG:C	1:A:162:GLU:N	1:A:162:GLU:CA	1:A:162:GLU:C	10	68.4
(1,264)	1:A:153:GLU:C	1:A:154:ASP:N	1:A:154:ASP:CA	1:A:154:ASP:C	5	68.4
(1,255)	1:A:147:LYS:N	1:A:147:LYS:CA	1:A:147:LYS:C	1:A:148:THR:N	3	68.4
(1,221)	1:A:128:ARG:C	1:A:129:GLN:N	1:A:129:GLN:CA	1:A:129:GLN:C	1	68.4
(1,178)	1:A:102:ARG:C	1:A:103:VAL:N	1:A:103:VAL:CA	1:A:103:VAL:C	19	68.4
(1,124)	1:A:74:THR:C	1:A:75:GLY:N	1:A:75:GLY:CA	1:A:75:GLY:C	6	68.4
(1,154)	1:A:90:PHE:C	1:A:91:GLU:N	1:A:91:GLU:CA	1:A:91:GLU:C	16	68.3
(1,258)	1:A:149:ARG:C	1:A:150:GLN:N	1:A:150:GLN:CA	1:A:150:GLN:C	11	68.2
(1,21)	1:A:11:ALA:C	1:A:12:GLY:N	1:A:12:GLY:CA	1:A:12:GLY:C	10	68.2
(1,168)	1:A:97:ARG:C	1:A:98:GLU:N	1:A:98:GLU:CA	1:A:98:GLU:C	14	68.2
(1,158)	1:A:92:ASP:C	1:A:93:ILE:N	1:A:93:ILE:CA	1:A:93:ILE:C	1	68.2
(1,122)	1:A:73:ARG:C	1:A:74:THR:N	1:A:74:THR:CA	1:A:74:THR:C	1	68.2
(1,120)	1:A:72:MET:C	1:A:73:ARG:N	1:A:73:ARG:CA	1:A:73:ARG:C	8	68.2
(1,120)	1:A:72:MET:C	1:A:73:ARG:N	1:A:73:ARG:CA	1:A:73:ARG:C	9	68.2
(1,120)	1:A:72:MET:C	1:A:73:ARG:N	1:A:73:ARG:CA	1:A:73:ARG:C	13	68.2
(1,78)	1:A:49:GLU:C	1:A:50:THR:N	1:A:50:THR:CA	1:A:50:THR:C	1	68.1
(1,31)	1:A:18:ALA:C	1:A:19:LEU:N	1:A:19:LEU:CA	1:A:19:LEU:C	13	68.1
(1,284)	1:A:163:ILE:C	1:A:164:ARG:N	1:A:164:ARG:CA	1:A:164:ARG:C	15	68.1
(1,264)	1:A:153:GLU:C	1:A:154:ASP:N	1:A:154:ASP:CA	1:A:154:ASP:C	11	68.1
(1,221)	1:A:128:ARG:C	1:A:129:GLN:N	1:A:129:GLN:CA	1:A:129:GLN:C	17	68.1
(1,178)	1:A:102:ARG:C	1:A:103:VAL:N	1:A:103:VAL:CA	1:A:103:VAL:C	3	68.1
(1,176)	1:A:101:LYS:C	1:A:102:ARG:N	1:A:102:ARG:CA	1:A:102:ARG:C	20	68.1
(1,140)	1:A:83:ALA:C	1:A:84:ILE:N	1:A:84:ILE:CA	1:A:84:ILE:C	14	68.1
(1,116)	1:A:70:GLN:C	1:A:71:TYR:N	1:A:71:TYR:CA	1:A:71:TYR:C	20	68.1
(1,255)	1:A:147:LYS:N	1:A:147:LYS:CA	1:A:147:LYS:C	1:A:148:THR:N	5	68.0
(1,225)	1:A:130:ALA:C	1:A:131:GLN:N	1:A:131:GLN:CA	1:A:131:GLN:C	8	68.0
(1,203)	1:A:117:LYS:C	1:A:118:CYS:N	1:A:118:CYS:CA	1:A:118:CYS:C	20	68.0
(1,186)	1:A:107:ASP:C	1:A:108:ASP:N	1:A:108:ASP:CA	1:A:108:ASP:C	13	68.0
(1,158)	1:A:92:ASP:C	1:A:93:ILE:N	1:A:93:ILE:CA	1:A:93:ILE:C	5	68.0
(1,53)	1:A:32:TYR:C	1:A:33:ASP:N	1:A:33:ASP:CA	1:A:33:ASP:C	5	67.9
(1,37)	1:A:21:ILE:C	1:A:22:GLN:N	1:A:22:GLN:CA	1:A:22:GLN:C	3	67.9
(1,280)	1:A:161:ARG:C	1:A:162:GLU:N	1:A:162:GLU:CA	1:A:162:GLU:C	15	67.9
(1,110)	1:A:67:MET:C	1:A:68:ARG:N	1:A:68:ARG:CA	1:A:68:ARG:C	3	67.9
(1,53)	1:A:32:TYR:C	1:A:33:ASP:N	1:A:33:ASP:CA	1:A:33:ASP:C	12	67.8
(1,280)	1:A:161:ARG:C	1:A:162:GLU:N	1:A:162:GLU:CA	1:A:162:GLU:C	14	67.8
(1,255)	1:A:147:LYS:N	1:A:147:LYS:CA	1:A:147:LYS:C	1:A:148:THR:N	4	67.8
(1,120)	1:A:72:MET:C	1:A:73:ARG:N	1:A:73:ARG:CA	1:A:73:ARG:C	18	67.8
(1,33)	1:A:19:LEU:C	1:A:20:THR:N	1:A:20:THR:CA	1:A:20:THR:C	17	67.7
(1,280)	1:A:161:ARG:C	1:A:162:GLU:N	1:A:162:GLU:CA	1:A:162:GLU:C	16	67.7
(1,264)	1:A:153:GLU:C	1:A:154:ASP:N	1:A:154:ASP:CA	1:A:154:ASP:C	13	67.7
(1,255)	1:A:147:LYS:N	1:A:147:LYS:CA	1:A:147:LYS:C	1:A:148:THR:N	1	67.7
(1,233)	1:A:134:ALA:C	1:A:135:ARG:N	1:A:135:ARG:CA	1:A:135:ARG:C	11	67.7
(1,21)	1:A:11:ALA:C	1:A:12:GLY:N	1:A:12:GLY:CA	1:A:12:GLY:C	2	67.7
(1,178)	1:A:102:ARG:C	1:A:103:VAL:N	1:A:103:VAL:CA	1:A:103:VAL:C	7	67.7
(1,122)	1:A:73:ARG:C	1:A:74:THR:N	1:A:74:THR:CA	1:A:74:THR:C	3	67.7
(1,264)	1:A:153:GLU:C	1:A:154:ASP:N	1:A:154:ASP:CA	1:A:154:ASP:C	18	67.6
(1,255)	1:A:147:LYS:N	1:A:147:LYS:CA	1:A:147:LYS:C	1:A:148:THR:N	7	67.6
(1,233)	1:A:134:ALA:C	1:A:135:ARG:N	1:A:135:ARG:CA	1:A:135:ARG:C	3	67.6
(1,231)	1:A:133:LEU:C	1:A:134:ALA:N	1:A:134:ALA:CA	1:A:134:ALA:C	18	67.6
(1,172)	1:A:99:GLN:C	1:A:100:ILE:N	1:A:100:ILE:CA	1:A:100:ILE:C	2	67.6

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Atom-3	Atom-4	Model ID	Violation (°)
(1,170)	1:A:98:GLU:C	1:A:99:GLN:N	1:A:99:GLN:CA	1:A:99:GLN:C	18	67.6
(1,140)	1:A:83:ALA:C	1:A:84:ILE:N	1:A:84:ILE:CA	1:A:84:ILE:C	16	67.6
(1,122)	1:A:73:ARG:C	1:A:74:THR:N	1:A:74:THR:CA	1:A:74:THR:C	15	67.6
(1,35)	1:A:20:THR:C	1:A:21:ILE:N	1:A:21:ILE:CA	1:A:21:ILE:C	18	67.5
(1,280)	1:A:161:ARG:C	1:A:162:GLU:N	1:A:162:GLU:CA	1:A:162:GLU:C	17	67.5
(1,272)	1:A:157:TYR:C	1:A:158:THR:N	1:A:158:THR:CA	1:A:158:THR:C	10	67.5
(1,252)	1:A:145:SER:C	1:A:146:ALA:N	1:A:146:ALA:CA	1:A:146:ALA:C	3	67.5
(1,221)	1:A:128:ARG:C	1:A:129:GLN:N	1:A:129:GLN:CA	1:A:129:GLN:C	3	67.5
(1,221)	1:A:128:ARG:C	1:A:129:GLN:N	1:A:129:GLN:CA	1:A:129:GLN:C	20	67.5
(1,168)	1:A:97:ARG:C	1:A:98:GLU:N	1:A:98:GLU:CA	1:A:98:GLU:C	13	67.5
(1,138)	1:A:82:PHE:C	1:A:83:ALA:N	1:A:83:ALA:CA	1:A:83:ALA:C	7	67.5
(1,98)	1:A:61:GLN:C	1:A:62:GLU:N	1:A:62:GLU:CA	1:A:62:GLU:C	8	67.4
(1,94)	1:A:57:ASP:C	1:A:58:THR:N	1:A:58:THR:CA	1:A:58:THR:C	3	67.4
(1,78)	1:A:49:GLU:C	1:A:50:THR:N	1:A:50:THR:CA	1:A:50:THR:C	6	67.4
(1,66)	1:A:42:LYS:C	1:A:43:GLN:N	1:A:43:GLN:CA	1:A:43:GLN:C	10	67.4
(1,25)	1:A:15:GLY:C	1:A:16:LYS:N	1:A:16:LYS:CA	1:A:16:LYS:C	2	67.4
(1,227)	1:A:131:GLN:C	1:A:132:ASP:N	1:A:132:ASP:CA	1:A:132:ASP:C	14	67.4
(1,178)	1:A:102:ARG:C	1:A:103:VAL:N	1:A:103:VAL:CA	1:A:103:VAL:C	1	67.4
(1,170)	1:A:98:GLU:C	1:A:99:GLN:N	1:A:99:GLN:CA	1:A:99:GLN:C	1	67.4
(1,162)	1:A:94:HIS:C	1:A:95:GLN:N	1:A:95:GLN:CA	1:A:95:GLN:C	9	67.4
(1,152)	1:A:89:SER:C	1:A:90:PHE:N	1:A:90:PHE:CA	1:A:90:PHE:C	14	67.4
(1,148)	1:A:87:THR:C	1:A:88:LYS:N	1:A:88:LYS:CA	1:A:88:LYS:C	19	67.4
(1,146)	1:A:86:ASN:C	1:A:87:THR:N	1:A:87:THR:CA	1:A:87:THR:C	3	67.4
(1,280)	1:A:161:ARG:C	1:A:162:GLU:N	1:A:162:GLU:CA	1:A:162:GLU:C	13	67.3
(1,27)	1:A:16:LYS:C	1:A:17:SER:N	1:A:17:SER:CA	1:A:17:SER:C	1	67.3
(1,231)	1:A:133:LEU:C	1:A:134:ALA:N	1:A:134:ALA:CA	1:A:134:ALA:C	5	67.3
(1,215)	1:A:125:VAL:C	1:A:126:GLU:N	1:A:126:GLU:CA	1:A:126:GLU:C	8	67.3
(1,176)	1:A:101:LYS:C	1:A:102:ARG:N	1:A:102:ARG:CA	1:A:102:ARG:C	15	67.3
(1,170)	1:A:98:GLU:C	1:A:99:GLN:N	1:A:99:GLN:CA	1:A:99:GLN:C	13	67.3
(1,170)	1:A:98:GLU:C	1:A:99:GLN:N	1:A:99:GLN:CA	1:A:99:GLN:C	19	67.3
(1,168)	1:A:97:ARG:C	1:A:98:GLU:N	1:A:98:GLU:CA	1:A:98:GLU:C	1	67.3
(1,168)	1:A:97:ARG:C	1:A:98:GLU:N	1:A:98:GLU:CA	1:A:98:GLU:C	2	67.3
(1,35)	1:A:20:THR:C	1:A:21:ILE:N	1:A:21:ILE:CA	1:A:21:ILE:C	6	67.2
(1,280)	1:A:161:ARG:C	1:A:162:GLU:N	1:A:162:GLU:CA	1:A:162:GLU:C	5	67.2
(1,280)	1:A:161:ARG:C	1:A:162:GLU:N	1:A:162:GLU:CA	1:A:162:GLU:C	9	67.2
(1,27)	1:A:16:LYS:C	1:A:17:SER:N	1:A:17:SER:CA	1:A:17:SER:C	4	67.2
(1,260)	1:A:151:GLY:C	1:A:152:VAL:N	1:A:152:VAL:CA	1:A:152:VAL:C	8	67.2
(1,221)	1:A:128:ARG:C	1:A:129:GLN:N	1:A:129:GLN:CA	1:A:129:GLN:C	12	67.2
(1,140)	1:A:83:ALA:C	1:A:84:ILE:N	1:A:84:ILE:CA	1:A:84:ILE:C	4	67.2
(1,31)	1:A:18:ALA:C	1:A:19:LEU:N	1:A:19:LEU:CA	1:A:19:LEU:C	10	67.1
(1,207)	1:A:121:ALA:C	1:A:122:ALA:N	1:A:122:ALA:CA	1:A:122:ALA:C	16	67.1
(1,168)	1:A:97:ARG:C	1:A:98:GLU:N	1:A:98:GLU:CA	1:A:98:GLU:C	10	67.1
(1,154)	1:A:90:PHE:C	1:A:91:GLU:N	1:A:91:GLU:CA	1:A:91:GLU:C	14	67.1
(1,146)	1:A:86:ASN:C	1:A:87:THR:N	1:A:87:THR:CA	1:A:87:THR:C	13	67.1
(1,53)	1:A:32:TYR:C	1:A:33:ASP:N	1:A:33:ASP:CA	1:A:33:ASP:C	6	67.0
(1,41)	1:A:23:LEU:C	1:A:24:ILE:N	1:A:24:ILE:CA	1:A:24:ILE:C	6	67.0
(1,37)	1:A:21:ILE:C	1:A:22:GLN:N	1:A:22:GLN:CA	1:A:22:GLN:C	1	67.0
(1,270)	1:A:156:PHE:C	1:A:157:TYR:N	1:A:157:TYR:CA	1:A:157:TYR:C	15	67.0
(1,252)	1:A:145:SER:C	1:A:146:ALA:N	1:A:146:ALA:CA	1:A:146:ALA:C	16	67.0
(1,231)	1:A:133:LEU:C	1:A:134:ALA:N	1:A:134:ALA:CA	1:A:134:ALA:C	3	67.0
(1,118)	1:A:71:TYR:C	1:A:72:MET:N	1:A:72:MET:CA	1:A:72:MET:C	12	67.0

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Atom-3	Atom-4	Model ID	Violation (°)
(1,272)	1:A:157:TYR:C	1:A:158:THR:N	1:A:158:THR:CA	1:A:158:THR:C	17	66.9
(1,24)	1:A:15:GLY:N	1:A:15:GLY:CA	1:A:15:GLY:C	1:A:16:LYS:N	15	66.9
(1,24)	1:A:15:GLY:N	1:A:15:GLY:CA	1:A:15:GLY:C	1:A:16:LYS:N	20	66.9
(1,231)	1:A:133:LEU:C	1:A:134:ALA:N	1:A:134:ALA:CA	1:A:134:ALA:C	7	66.9
(1,231)	1:A:133:LEU:C	1:A:134:ALA:N	1:A:134:ALA:CA	1:A:134:ALA:C	14	66.9
(1,221)	1:A:128:ARG:C	1:A:129:GLN:N	1:A:129:GLN:CA	1:A:129:GLN:C	6	66.9
(1,212)	1:A:124:THR:N	1:A:124:THR:CA	1:A:124:THR:C	1:A:125:VAL:N	11	66.9
(1,203)	1:A:117:LYS:C	1:A:118:CYS:N	1:A:118:CYS:CA	1:A:118:CYS:C	12	66.9
(1,106)	1:A:65:SER:C	1:A:66:ALA:N	1:A:66:ALA:CA	1:A:66:ALA:C	19	66.9
(1,31)	1:A:18:ALA:C	1:A:19:LEU:N	1:A:19:LEU:CA	1:A:19:LEU:C	2	66.8
(1,264)	1:A:153:GLU:C	1:A:154:ASP:N	1:A:154:ASP:CA	1:A:154:ASP:C	19	66.8
(1,225)	1:A:130:ALA:C	1:A:131:GLN:N	1:A:131:GLN:CA	1:A:131:GLN:C	17	66.8
(1,221)	1:A:128:ARG:C	1:A:129:GLN:N	1:A:129:GLN:CA	1:A:129:GLN:C	8	66.8
(1,184)	1:A:106:SER:C	1:A:107:ASP:N	1:A:107:ASP:CA	1:A:107:ASP:C	5	66.8
(1,33)	1:A:19:LEU:C	1:A:20:THR:N	1:A:20:THR:CA	1:A:20:THR:C	11	66.7
(1,31)	1:A:18:ALA:C	1:A:19:LEU:N	1:A:19:LEU:CA	1:A:19:LEU:C	16	66.7
(1,27)	1:A:16:LYS:C	1:A:17:SER:N	1:A:17:SER:CA	1:A:17:SER:C	11	66.7
(1,229)	1:A:132:ASP:C	1:A:133:LEU:N	1:A:133:LEU:CA	1:A:133:LEU:C	3	66.7
(1,19)	1:A:10:GLY:C	1:A:11:ALA:N	1:A:11:ALA:CA	1:A:11:ALA:C	14	66.7
(1,110)	1:A:67:MET:C	1:A:68:ARG:N	1:A:68:ARG:CA	1:A:68:ARG:C	20	66.7
(1,98)	1:A:61:GLN:C	1:A:62:GLU:N	1:A:62:GLU:CA	1:A:62:GLU:C	4	66.6
(1,264)	1:A:153:GLU:C	1:A:154:ASP:N	1:A:154:ASP:CA	1:A:154:ASP:C	17	66.6
(1,235)	1:A:135:ARG:C	1:A:136:SER:N	1:A:136:SER:CA	1:A:136:SER:C	16	66.6
(1,154)	1:A:90:PHE:C	1:A:91:GLU:N	1:A:91:GLU:CA	1:A:91:GLU:C	15	66.6
(1,108)	1:A:66:ALA:C	1:A:67:MET:N	1:A:67:MET:CA	1:A:67:MET:C	14	66.6
(1,98)	1:A:61:GLN:C	1:A:62:GLU:N	1:A:62:GLU:CA	1:A:62:GLU:C	15	66.5
(1,33)	1:A:19:LEU:C	1:A:20:THR:N	1:A:20:THR:CA	1:A:20:THR:C	5	66.5
(1,284)	1:A:163:ILE:C	1:A:164:ARG:N	1:A:164:ARG:CA	1:A:164:ARG:C	14	66.5
(1,284)	1:A:163:ILE:C	1:A:164:ARG:N	1:A:164:ARG:CA	1:A:164:ARG:C	18	66.5
(1,282)	1:A:162:GLU:C	1:A:163:ILE:N	1:A:163:ILE:CA	1:A:163:ILE:C	12	66.5
(1,252)	1:A:145:SER:C	1:A:146:ALA:N	1:A:146:ALA:CA	1:A:146:ALA:C	7	66.5
(1,116)	1:A:70:GLN:C	1:A:71:TYR:N	1:A:71:TYR:CA	1:A:71:TYR:C	13	66.5
(1,37)	1:A:21:ILE:C	1:A:22:GLN:N	1:A:22:GLN:CA	1:A:22:GLN:C	17	66.4
(1,37)	1:A:21:ILE:C	1:A:22:GLN:N	1:A:22:GLN:CA	1:A:22:GLN:C	18	66.4
(1,35)	1:A:20:THR:C	1:A:21:ILE:N	1:A:21:ILE:CA	1:A:21:ILE:C	9	66.4
(1,280)	1:A:161:ARG:C	1:A:162:GLU:N	1:A:162:GLU:CA	1:A:162:GLU:C	7	66.4
(1,264)	1:A:153:GLU:C	1:A:154:ASP:N	1:A:154:ASP:CA	1:A:154:ASP:C	14	66.4
(1,21)	1:A:11:ALA:C	1:A:12:GLY:N	1:A:12:GLY:CA	1:A:12:GLY:C	9	66.4
(1,186)	1:A:107:ASP:C	1:A:108:ASP:N	1:A:108:ASP:CA	1:A:108:ASP:C	14	66.4
(1,170)	1:A:98:GLU:C	1:A:99:GLN:N	1:A:99:GLN:CA	1:A:99:GLN:C	17	66.4
(1,168)	1:A:97:ARG:C	1:A:98:GLU:N	1:A:98:GLU:CA	1:A:98:GLU:C	3	66.4
(1,168)	1:A:97:ARG:C	1:A:98:GLU:N	1:A:98:GLU:CA	1:A:98:GLU:C	20	66.4
(1,156)	1:A:91:GLU:C	1:A:92:ASP:N	1:A:92:ASP:CA	1:A:92:ASP:C	14	66.4
(1,146)	1:A:86:ASN:C	1:A:87:THR:N	1:A:87:THR:CA	1:A:87:THR:C	14	66.4
(1,78)	1:A:49:GLU:C	1:A:50:THR:N	1:A:50:THR:CA	1:A:50:THR:C	12	66.3
(1,280)	1:A:161:ARG:C	1:A:162:GLU:N	1:A:162:GLU:CA	1:A:162:GLU:C	11	66.3
(1,229)	1:A:132:ASP:C	1:A:133:LEU:N	1:A:133:LEU:CA	1:A:133:LEU:C	10	66.3
(1,229)	1:A:132:ASP:C	1:A:133:LEU:N	1:A:133:LEU:CA	1:A:133:LEU:C	12	66.3
(1,174)	1:A:100:ILE:C	1:A:101:LYS:N	1:A:101:LYS:CA	1:A:101:LYS:C	5	66.3
(1,170)	1:A:98:GLU:C	1:A:99:GLN:N	1:A:99:GLN:CA	1:A:99:GLN:C	8	66.3
(1,166)	1:A:96:TYR:C	1:A:97:ARG:N	1:A:97:ARG:CA	1:A:97:ARG:C	1	66.3

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Atom-3	Atom-4	Model ID	Violation (°)
(1,162)	1:A:94:HIS:C	1:A:95:GLN:N	1:A:95:GLN:CA	1:A:95:GLN:C	18	66.3
(1,120)	1:A:72:MET:C	1:A:73:ARG:N	1:A:73:ARG:CA	1:A:73:ARG:C	20	66.3
(1,33)	1:A:19:LEU:C	1:A:20:THR:N	1:A:20:THR:CA	1:A:20:THR:C	4	66.2
(1,272)	1:A:157:TYR:C	1:A:158:THR:N	1:A:158:THR:CA	1:A:158:THR:C	7	66.2
(1,264)	1:A:153:GLU:C	1:A:154:ASP:N	1:A:154:ASP:CA	1:A:154:ASP:C	16	66.2
(1,235)	1:A:135:ARG:C	1:A:136:SER:N	1:A:136:SER:CA	1:A:136:SER:C	11	66.2
(1,146)	1:A:86:ASN:C	1:A:87:THR:N	1:A:87:THR:CA	1:A:87:THR:C	19	66.2
(1,102)	1:A:63:GLU:C	1:A:64:TYR:N	1:A:64:TYR:CA	1:A:64:TYR:C	17	66.2
(1,37)	1:A:21:ILE:C	1:A:22:GLN:N	1:A:22:GLN:CA	1:A:22:GLN:C	2	66.1
(1,31)	1:A:18:ALA:C	1:A:19:LEU:N	1:A:19:LEU:CA	1:A:19:LEU:C	1	66.1
(1,31)	1:A:18:ALA:C	1:A:19:LEU:N	1:A:19:LEU:CA	1:A:19:LEU:C	11	66.1
(1,264)	1:A:153:GLU:C	1:A:154:ASP:N	1:A:154:ASP:CA	1:A:154:ASP:C	15	66.1
(1,25)	1:A:15:GLY:C	1:A:16:LYS:N	1:A:16:LYS:CA	1:A:16:LYS:C	3	66.1
(1,25)	1:A:15:GLY:C	1:A:16:LYS:N	1:A:16:LYS:CA	1:A:16:LYS:C	5	66.1
(1,235)	1:A:135:ARG:C	1:A:136:SER:N	1:A:136:SER:CA	1:A:136:SER:C	12	66.1
(1,235)	1:A:135:ARG:C	1:A:136:SER:N	1:A:136:SER:CA	1:A:136:SER:C	17	66.1
(1,233)	1:A:134:ALA:C	1:A:135:ARG:N	1:A:135:ARG:CA	1:A:135:ARG:C	4	66.1
(1,225)	1:A:130:ALA:C	1:A:131:GLN:N	1:A:131:GLN:CA	1:A:131:GLN:C	18	66.1
(1,154)	1:A:90:PHE:C	1:A:91:GLU:N	1:A:91:GLU:CA	1:A:91:GLU:C	17	66.1
(1,39)	1:A:22:GLN:C	1:A:23:LEU:N	1:A:23:LEU:CA	1:A:23:LEU:C	6	66.0
(1,284)	1:A:163:ILE:C	1:A:164:ARG:N	1:A:164:ARG:CA	1:A:164:ARG:C	19	66.0
(1,268)	1:A:155:ALA:C	1:A:156:PHE:N	1:A:156:PHE:CA	1:A:156:PHE:C	8	66.0
(1,235)	1:A:135:ARG:C	1:A:136:SER:N	1:A:136:SER:CA	1:A:136:SER:C	4	66.0
(1,235)	1:A:135:ARG:C	1:A:136:SER:N	1:A:136:SER:CA	1:A:136:SER:C	10	66.0
(1,178)	1:A:102:ARG:C	1:A:103:VAL:N	1:A:103:VAL:CA	1:A:103:VAL:C	9	66.0
(1,170)	1:A:98:GLU:C	1:A:99:GLN:N	1:A:99:GLN:CA	1:A:99:GLN:C	16	66.0
(1,170)	1:A:98:GLU:C	1:A:99:GLN:N	1:A:99:GLN:CA	1:A:99:GLN:C	20	66.0
(1,166)	1:A:96:TYR:C	1:A:97:ARG:N	1:A:97:ARG:CA	1:A:97:ARG:C	3	66.0
(1,158)	1:A:92:ASP:C	1:A:93:ILE:N	1:A:93:ILE:CA	1:A:93:ILE:C	2	66.0
(1,148)	1:A:87:THR:C	1:A:88:LYS:N	1:A:88:LYS:CA	1:A:88:LYS:C	18	66.0
(1,108)	1:A:66:ALA:C	1:A:67:MET:N	1:A:67:MET:CA	1:A:67:MET:C	5	66.0
(1,39)	1:A:22:GLN:C	1:A:23:LEU:N	1:A:23:LEU:CA	1:A:23:LEU:C	2	65.9
(1,33)	1:A:19:LEU:C	1:A:20:THR:N	1:A:20:THR:CA	1:A:20:THR:C	3	65.9
(1,282)	1:A:162:GLU:C	1:A:163:ILE:N	1:A:163:ILE:CA	1:A:163:ILE:C	9	65.9
(1,268)	1:A:155:ALA:C	1:A:156:PHE:N	1:A:156:PHE:CA	1:A:156:PHE:C	15	65.9
(1,223)	1:A:129:GLN:C	1:A:130:ALA:N	1:A:130:ALA:CA	1:A:130:ALA:C	13	65.9
(1,178)	1:A:102:ARG:C	1:A:103:VAL:N	1:A:103:VAL:CA	1:A:103:VAL:C	18	65.9
(1,158)	1:A:92:ASP:C	1:A:93:ILE:N	1:A:93:ILE:CA	1:A:93:ILE:C	13	65.9
(1,110)	1:A:67:MET:C	1:A:68:ARG:N	1:A:68:ARG:CA	1:A:68:ARG:C	14	65.9
(1,51)	1:A:31:GLU:C	1:A:32:TYR:N	1:A:32:TYR:CA	1:A:32:TYR:C	7	65.8
(1,33)	1:A:19:LEU:C	1:A:20:THR:N	1:A:20:THR:CA	1:A:20:THR:C	18	65.8
(1,276)	1:A:159:LEU:C	1:A:160:VAL:N	1:A:160:VAL:CA	1:A:160:VAL:C	9	65.8
(1,264)	1:A:153:GLU:C	1:A:154:ASP:N	1:A:154:ASP:CA	1:A:154:ASP:C	7	65.8
(1,276)	1:A:159:LEU:C	1:A:160:VAL:N	1:A:160:VAL:CA	1:A:160:VAL:C	18	65.7
(1,264)	1:A:153:GLU:C	1:A:154:ASP:N	1:A:154:ASP:CA	1:A:154:ASP:C	4	65.7
(1,264)	1:A:153:GLU:C	1:A:154:ASP:N	1:A:154:ASP:CA	1:A:154:ASP:C	6	65.7
(1,233)	1:A:134:ALA:C	1:A:135:ARG:N	1:A:135:ARG:CA	1:A:135:ARG:C	6	65.7
(1,231)	1:A:133:LEU:C	1:A:134:ALA:N	1:A:134:ALA:CA	1:A:134:ALA:C	9	65.7
(1,223)	1:A:129:GLN:C	1:A:130:ALA:N	1:A:130:ALA:CA	1:A:130:ALA:C	14	65.7
(1,122)	1:A:73:ARG:C	1:A:74:THR:N	1:A:74:THR:CA	1:A:74:THR:C	16	65.7
(1,98)	1:A:61:GLN:C	1:A:62:GLU:N	1:A:62:GLU:CA	1:A:62:GLU:C	20	65.6

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Atom-3	Atom-4	Model ID	Violation (°)
(1,37)	1:A:21:ILE:C	1:A:22:GLN:N	1:A:22:GLN:CA	1:A:22:GLN:C	7	65.6
(1,264)	1:A:153:GLU:C	1:A:154:ASP:N	1:A:154:ASP:CA	1:A:154:ASP:C	2	65.6
(1,221)	1:A:128:ARG:C	1:A:129:GLN:N	1:A:129:GLN:CA	1:A:129:GLN:C	9	65.6
(1,140)	1:A:83:ALA:C	1:A:84:ILE:N	1:A:84:ILE:CA	1:A:84:ILE:C	19	65.6
(1,39)	1:A:22:GLN:C	1:A:23:LEU:N	1:A:23:LEU:CA	1:A:23:LEU:C	1	65.5
(1,29)	1:A:17:SER:C	1:A:18:ALA:N	1:A:18:ALA:CA	1:A:18:ALA:C	17	65.5
(1,272)	1:A:157:TYR:C	1:A:158:THR:N	1:A:158:THR:CA	1:A:158:THR:C	12	65.5
(1,264)	1:A:153:GLU:C	1:A:154:ASP:N	1:A:154:ASP:CA	1:A:154:ASP:C	12	65.5
(1,24)	1:A:15:GLY:N	1:A:15:GLY:CA	1:A:15:GLY:C	1:A:16:LYS:N	13	65.5
(1,235)	1:A:135:ARG:C	1:A:136:SER:N	1:A:136:SER:CA	1:A:136:SER:C	15	65.5
(1,176)	1:A:101:LYS:C	1:A:102:ARG:N	1:A:102:ARG:CA	1:A:102:ARG:C	10	65.5
(1,37)	1:A:21:ILE:C	1:A:22:GLN:N	1:A:22:GLN:CA	1:A:22:GLN:C	4	65.4
(1,33)	1:A:19:LEU:C	1:A:20:THR:N	1:A:20:THR:CA	1:A:20:THR:C	8	65.4
(1,284)	1:A:163:ILE:C	1:A:164:ARG:N	1:A:164:ARG:CA	1:A:164:ARG:C	13	65.4
(1,282)	1:A:162:GLU:C	1:A:163:ILE:N	1:A:163:ILE:CA	1:A:163:ILE:C	13	65.4
(1,272)	1:A:157:TYR:C	1:A:158:THR:N	1:A:158:THR:CA	1:A:158:THR:C	6	65.4
(1,272)	1:A:157:TYR:C	1:A:158:THR:N	1:A:158:THR:CA	1:A:158:THR:C	9	65.4
(1,268)	1:A:155:ALA:C	1:A:156:PHE:N	1:A:156:PHE:CA	1:A:156:PHE:C	11	65.4
(1,26)	1:A:16:LYS:N	1:A:16:LYS:CA	1:A:16:LYS:C	1:A:17:SER:N	9	65.4
(1,252)	1:A:145:SER:C	1:A:146:ALA:N	1:A:146:ALA:CA	1:A:146:ALA:C	2	65.4
(1,221)	1:A:128:ARG:C	1:A:129:GLN:N	1:A:129:GLN:CA	1:A:129:GLN:C	11	65.4
(1,19)	1:A:10:GLY:C	1:A:11:ALA:N	1:A:11:ALA:CA	1:A:11:ALA:C	13	65.4
(1,176)	1:A:101:LYS:C	1:A:102:ARG:N	1:A:102:ARG:CA	1:A:102:ARG:C	19	65.4
(1,120)	1:A:72:MET:C	1:A:73:ARG:N	1:A:73:ARG:CA	1:A:73:ARG:C	19	65.4
(1,108)	1:A:66:ALA:C	1:A:67:MET:N	1:A:67:MET:CA	1:A:67:MET:C	7	65.4
(1,27)	1:A:16:LYS:C	1:A:17:SER:N	1:A:17:SER:CA	1:A:17:SER:C	7	65.3
(1,27)	1:A:16:LYS:C	1:A:17:SER:N	1:A:17:SER:CA	1:A:17:SER:C	20	65.3
(1,203)	1:A:117:LYS:C	1:A:118:CYS:N	1:A:118:CYS:CA	1:A:118:CYS:C	9	65.3
(1,158)	1:A:92:ASP:C	1:A:93:ILE:N	1:A:93:ILE:CA	1:A:93:ILE:C	10	65.3
(1,112)	1:A:68:ARG:C	1:A:69:ASP:N	1:A:69:ASP:CA	1:A:69:ASP:C	15	65.3
(1,106)	1:A:65:SER:C	1:A:66:ALA:N	1:A:66:ALA:CA	1:A:66:ALA:C	18	65.3
(1,41)	1:A:23:LEU:C	1:A:24:ILE:N	1:A:24:ILE:CA	1:A:24:ILE:C	20	65.2
(1,25)	1:A:15:GLY:C	1:A:16:LYS:N	1:A:16:LYS:CA	1:A:16:LYS:C	7	65.2
(1,235)	1:A:135:ARG:C	1:A:136:SER:N	1:A:136:SER:CA	1:A:136:SER:C	13	65.2
(1,219)	1:A:127:SER:C	1:A:128:ARG:N	1:A:128:ARG:CA	1:A:128:ARG:C	4	65.2
(1,170)	1:A:98:GLU:C	1:A:99:GLN:N	1:A:99:GLN:CA	1:A:99:GLN:C	4	65.2
(1,158)	1:A:92:ASP:C	1:A:93:ILE:N	1:A:93:ILE:CA	1:A:93:ILE:C	19	65.2
(1,154)	1:A:90:PHE:C	1:A:91:GLU:N	1:A:91:GLU:CA	1:A:91:GLU:C	5	65.2
(1,148)	1:A:87:THR:C	1:A:88:LYS:N	1:A:88:LYS:CA	1:A:88:LYS:C	8	65.2
(1,41)	1:A:23:LEU:C	1:A:24:ILE:N	1:A:24:ILE:CA	1:A:24:ILE:C	5	65.1
(1,35)	1:A:20:THR:C	1:A:21:ILE:N	1:A:21:ILE:CA	1:A:21:ILE:C	15	65.1
(1,276)	1:A:159:LEU:C	1:A:160:VAL:N	1:A:160:VAL:CA	1:A:160:VAL:C	3	65.1
(1,272)	1:A:157:TYR:C	1:A:158:THR:N	1:A:158:THR:CA	1:A:158:THR:C	18	65.1
(1,25)	1:A:15:GLY:C	1:A:16:LYS:N	1:A:16:LYS:CA	1:A:16:LYS:C	1	65.1
(1,225)	1:A:130:ALA:C	1:A:131:GLN:N	1:A:131:GLN:CA	1:A:131:GLN:C	10	65.1
(1,203)	1:A:117:LYS:C	1:A:118:CYS:N	1:A:118:CYS:CA	1:A:118:CYS:C	11	65.1
(1,19)	1:A:10:GLY:C	1:A:11:ALA:N	1:A:11:ALA:CA	1:A:11:ALA:C	7	65.1
(1,170)	1:A:98:GLU:C	1:A:99:GLN:N	1:A:99:GLN:CA	1:A:99:GLN:C	14	65.1
(1,106)	1:A:65:SER:C	1:A:66:ALA:N	1:A:66:ALA:CA	1:A:66:ALA:C	11	65.1
(1,56)	1:A:35:SER:C	1:A:36:ILE:N	1:A:36:ILE:CA	1:A:36:ILE:C	18	65.0
(1,270)	1:A:156:PHE:C	1:A:157:TYR:N	1:A:157:TYR:CA	1:A:157:TYR:C	4	65.0

Continued on next page...



Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Atom-3	Atom-4	Model ID	Violation (°)
(1,203)	1:A:117:LYS:C	1:A:118:CYS:N	1:A:118:CYS:CA	1:A:118:CYS:C	18	65.0
(1,170)	1:A:98:GLU:C	1:A:99:GLN:N	1:A:99:GLN:CA	1:A:99:GLN:C	15	65.0
(1,168)	1:A:97:ARG:C	1:A:98:GLU:N	1:A:98:GLU:CA	1:A:98:GLU:C	12	65.0
(1,118)	1:A:71:TYR:C	1:A:72:MET:N	1:A:72:MET:CA	1:A:72:MET:C	20	65.0
(1,108)	1:A:66:ALA:C	1:A:67:MET:N	1:A:67:MET:CA	1:A:67:MET:C	8	65.0
(1,35)	1:A:20:THR:C	1:A:21:ILE:N	1:A:21:ILE:CA	1:A:21:ILE:C	3	64.9
(1,31)	1:A:18:ALA:C	1:A:19:LEU:N	1:A:19:LEU:CA	1:A:19:LEU:C	8	64.9
(1,221)	1:A:128:ARG:C	1:A:129:GLN:N	1:A:129:GLN:CA	1:A:129:GLN:C	10	64.9
(1,19)	1:A:10:GLY:C	1:A:11:ALA:N	1:A:11:ALA:CA	1:A:11:ALA:C	10	64.9
(1,186)	1:A:107:ASP:C	1:A:108:ASP:N	1:A:108:ASP:CA	1:A:108:ASP:C	20	64.9
(1,156)	1:A:91:GLU:C	1:A:92:ASP:N	1:A:92:ASP:CA	1:A:92:ASP:C	5	64.9
(1,148)	1:A:87:THR:C	1:A:88:LYS:N	1:A:88:LYS:CA	1:A:88:LYS:C	3	64.9
(1,278)	1:A:160:VAL:C	1:A:161:ARG:N	1:A:161:ARG:CA	1:A:161:ARG:C	10	64.8
(1,276)	1:A:159:LEU:C	1:A:160:VAL:N	1:A:160:VAL:CA	1:A:160:VAL:C	4	64.8
(1,264)	1:A:153:GLU:C	1:A:154:ASP:N	1:A:154:ASP:CA	1:A:154:ASP:C	10	64.8
(1,225)	1:A:130:ALA:C	1:A:131:GLN:N	1:A:131:GLN:CA	1:A:131:GLN:C	9	64.8
(1,170)	1:A:98:GLU:C	1:A:99:GLN:N	1:A:99:GLN:CA	1:A:99:GLN:C	6	64.8
(1,152)	1:A:89:SER:C	1:A:90:PHE:N	1:A:90:PHE:CA	1:A:90:PHE:C	9	64.8
(1,148)	1:A:87:THR:C	1:A:88:LYS:N	1:A:88:LYS:CA	1:A:88:LYS:C	9	64.8
(1,118)	1:A:71:TYR:C	1:A:72:MET:N	1:A:72:MET:CA	1:A:72:MET:C	11	64.8
(1,39)	1:A:22:GLN:C	1:A:23:LEU:N	1:A:23:LEU:CA	1:A:23:LEU:C	9	64.7
(1,31)	1:A:18:ALA:C	1:A:19:LEU:N	1:A:19:LEU:CA	1:A:19:LEU:C	3	64.7
(1,27)	1:A:16:LYS:C	1:A:17:SER:N	1:A:17:SER:CA	1:A:17:SER:C	14	64.7
(1,233)	1:A:134:ALA:C	1:A:135:ARG:N	1:A:135:ARG:CA	1:A:135:ARG:C	1	64.7
(1,233)	1:A:134:ALA:C	1:A:135:ARG:N	1:A:135:ARG:CA	1:A:135:ARG:C	5	64.7
(1,233)	1:A:134:ALA:C	1:A:135:ARG:N	1:A:135:ARG:CA	1:A:135:ARG:C	16	64.7
(1,217)	1:A:126:GLU:C	1:A:127:SER:N	1:A:127:SER:CA	1:A:127:SER:C	4	64.7
(1,53)	1:A:32:TYR:C	1:A:33:ASP:N	1:A:33:ASP:CA	1:A:33:ASP:C	11	64.6
(1,233)	1:A:134:ALA:C	1:A:135:ARG:N	1:A:135:ARG:CA	1:A:135:ARG:C	9	64.6
(1,162)	1:A:94:HIS:C	1:A:95:GLN:N	1:A:95:GLN:CA	1:A:95:GLN:C	17	64.6
(1,158)	1:A:92:ASP:C	1:A:93:ILE:N	1:A:93:ILE:CA	1:A:93:ILE:C	16	64.6
(1,154)	1:A:90:PHE:C	1:A:91:GLU:N	1:A:91:GLU:CA	1:A:91:GLU:C	18	64.6
(1,146)	1:A:86:ASN:C	1:A:87:THR:N	1:A:87:THR:CA	1:A:87:THR:C	1	64.6
(1,146)	1:A:86:ASN:C	1:A:87:THR:N	1:A:87:THR:CA	1:A:87:THR:C	9	64.6
(1,146)	1:A:86:ASN:C	1:A:87:THR:N	1:A:87:THR:CA	1:A:87:THR:C	17	64.6
(1,280)	1:A:161:ARG:C	1:A:162:GLU:N	1:A:162:GLU:CA	1:A:162:GLU:C	3	64.5
(1,264)	1:A:153:GLU:C	1:A:154:ASP:N	1:A:154:ASP:CA	1:A:154:ASP:C	1	64.5
(1,260)	1:A:151:GLY:C	1:A:152:VAL:N	1:A:152:VAL:CA	1:A:152:VAL:C	20	64.5
(1,233)	1:A:134:ALA:C	1:A:135:ARG:N	1:A:135:ARG:CA	1:A:135:ARG:C	18	64.5
(1,186)	1:A:107:ASP:C	1:A:108:ASP:N	1:A:108:ASP:CA	1:A:108:ASP:C	17	64.5
(1,160)	1:A:93:ILE:C	1:A:94:HIS:N	1:A:94:HIS:CA	1:A:94:HIS:C	13	64.5
(1,158)	1:A:92:ASP:C	1:A:93:ILE:N	1:A:93:ILE:CA	1:A:93:ILE:C	11	64.5
(1,152)	1:A:89:SER:C	1:A:90:PHE:N	1:A:90:PHE:CA	1:A:90:PHE:C	20	64.5
(1,148)	1:A:87:THR:C	1:A:88:LYS:N	1:A:88:LYS:CA	1:A:88:LYS:C	17	64.5
(1,110)	1:A:67:MET:C	1:A:68:ARG:N	1:A:68:ARG:CA	1:A:68:ARG:C	18	64.5
(1,284)	1:A:163:ILE:C	1:A:164:ARG:N	1:A:164:ARG:CA	1:A:164:ARG:C	1	64.4
(1,280)	1:A:161:ARG:C	1:A:162:GLU:N	1:A:162:GLU:CA	1:A:162:GLU:C	4	64.4
(1,264)	1:A:153:GLU:C	1:A:154:ASP:N	1:A:154:ASP:CA	1:A:154:ASP:C	8	64.4
(1,264)	1:A:153:GLU:C	1:A:154:ASP:N	1:A:154:ASP:CA	1:A:154:ASP:C	9	64.4
(1,170)	1:A:98:GLU:C	1:A:99:GLN:N	1:A:99:GLN:CA	1:A:99:GLN:C	11	64.4
(1,116)	1:A:70:GLN:C	1:A:71:TYR:N	1:A:71:TYR:CA	1:A:71:TYR:C	3	64.4

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Atom-3	Atom-4	Model ID	Violation (°)
(1,33)	1:A:19:LEU:C	1:A:20:THR:N	1:A:20:THR:CA	1:A:20:THR:C	7	64.3
(1,33)	1:A:19:LEU:C	1:A:20:THR:N	1:A:20:THR:CA	1:A:20:THR:C	13	64.3
(1,31)	1:A:18:ALA:C	1:A:19:LEU:N	1:A:19:LEU:CA	1:A:19:LEU:C	9	64.3
(1,158)	1:A:92:ASP:C	1:A:93:ILE:N	1:A:93:ILE:CA	1:A:93:ILE:C	6	64.3
(1,140)	1:A:83:ALA:C	1:A:84:ILE:N	1:A:84:ILE:CA	1:A:84:ILE:C	2	64.3
(1,124)	1:A:74:THR:C	1:A:75:GLY:N	1:A:75:GLY:CA	1:A:75:GLY:C	12	64.3
(1,51)	1:A:31:GLU:C	1:A:32:TYR:N	1:A:32:TYR:CA	1:A:32:TYR:C	20	64.2
(1,284)	1:A:163:ILE:C	1:A:164:ARG:N	1:A:164:ARG:CA	1:A:164:ARG:C	16	64.2
(1,282)	1:A:162:GLU:C	1:A:163:ILE:N	1:A:163:ILE:CA	1:A:163:ILE:C	15	64.2
(1,270)	1:A:156:PHE:C	1:A:157:TYR:N	1:A:157:TYR:CA	1:A:157:TYR:C	20	64.2
(1,268)	1:A:155:ALA:C	1:A:156:PHE:N	1:A:156:PHE:CA	1:A:156:PHE:C	7	64.2
(1,254)	1:A:146:ALA:C	1:A:147:LYS:N	1:A:147:LYS:CA	1:A:147:LYS:C	8	64.2
(1,229)	1:A:132:ASP:C	1:A:133:LEU:N	1:A:133:LEU:CA	1:A:133:LEU:C	19	64.2
(1,176)	1:A:101:LYS:C	1:A:102:ARG:N	1:A:102:ARG:CA	1:A:102:ARG:C	9	64.2
(1,176)	1:A:101:LYS:C	1:A:102:ARG:N	1:A:102:ARG:CA	1:A:102:ARG:C	11	64.2
(1,170)	1:A:98:GLU:C	1:A:99:GLN:N	1:A:99:GLN:CA	1:A:99:GLN:C	5	64.2
(1,170)	1:A:98:GLU:C	1:A:99:GLN:N	1:A:99:GLN:CA	1:A:99:GLN:C	9	64.2
(1,154)	1:A:90:PHE:C	1:A:91:GLU:N	1:A:91:GLU:CA	1:A:91:GLU:C	2	64.2
(1,148)	1:A:87:THR:C	1:A:88:LYS:N	1:A:88:LYS:CA	1:A:88:LYS:C	13	64.2
(1,39)	1:A:22:GLN:C	1:A:23:LEU:N	1:A:23:LEU:CA	1:A:23:LEU:C	7	64.1
(1,31)	1:A:18:ALA:C	1:A:19:LEU:N	1:A:19:LEU:CA	1:A:19:LEU:C	4	64.1
(1,266)	1:A:154:ASP:C	1:A:155:ALA:N	1:A:155:ALA:CA	1:A:155:ALA:C	1	64.1
(1,233)	1:A:134:ALA:C	1:A:135:ARG:N	1:A:135:ARG:CA	1:A:135:ARG:C	17	64.1
(1,223)	1:A:129:GLN:C	1:A:130:ALA:N	1:A:130:ALA:CA	1:A:130:ALA:C	1	64.1
(1,176)	1:A:101:LYS:C	1:A:102:ARG:N	1:A:102:ARG:CA	1:A:102:ARG:C	12	64.1
(1,162)	1:A:94:HIS:C	1:A:95:GLN:N	1:A:95:GLN:CA	1:A:95:GLN:C	1	64.1
(1,120)	1:A:72:MET:C	1:A:73:ARG:N	1:A:73:ARG:CA	1:A:73:ARG:C	3	64.1
(1,116)	1:A:70:GLN:C	1:A:71:TYR:N	1:A:71:TYR:CA	1:A:71:TYR:C	17	64.1
(1,31)	1:A:18:ALA:C	1:A:19:LEU:N	1:A:19:LEU:CA	1:A:19:LEU:C	12	64.0
(1,284)	1:A:163:ILE:C	1:A:164:ARG:N	1:A:164:ARG:CA	1:A:164:ARG:C	8	64.0
(1,278)	1:A:160:VAL:C	1:A:161:ARG:N	1:A:161:ARG:CA	1:A:161:ARG:C	9	64.0
(1,233)	1:A:134:ALA:C	1:A:135:ARG:N	1:A:135:ARG:CA	1:A:135:ARG:C	8	64.0
(1,229)	1:A:132:ASP:C	1:A:133:LEU:N	1:A:133:LEU:CA	1:A:133:LEU:C	1	64.0
(1,225)	1:A:130:ALA:C	1:A:131:GLN:N	1:A:131:GLN:CA	1:A:131:GLN:C	20	64.0
(1,166)	1:A:96:TYR:C	1:A:97:ARG:N	1:A:97:ARG:CA	1:A:97:ARG:C	18	64.0
(1,154)	1:A:90:PHE:C	1:A:91:GLU:N	1:A:91:GLU:CA	1:A:91:GLU:C	6	64.0
(1,148)	1:A:87:THR:C	1:A:88:LYS:N	1:A:88:LYS:CA	1:A:88:LYS:C	6	64.0
(1,118)	1:A:71:TYR:C	1:A:72:MET:N	1:A:72:MET:CA	1:A:72:MET:C	5	64.0
(1,39)	1:A:22:GLN:C	1:A:23:LEU:N	1:A:23:LEU:CA	1:A:23:LEU:C	20	63.9
(1,31)	1:A:18:ALA:C	1:A:19:LEU:N	1:A:19:LEU:CA	1:A:19:LEU:C	5	63.9
(1,276)	1:A:159:LEU:C	1:A:160:VAL:N	1:A:160:VAL:CA	1:A:160:VAL:C	13	63.9
(1,235)	1:A:135:ARG:C	1:A:136:SER:N	1:A:136:SER:CA	1:A:136:SER:C	3	63.9
(1,233)	1:A:134:ALA:C	1:A:135:ARG:N	1:A:135:ARG:CA	1:A:135:ARG:C	13	63.9
(1,231)	1:A:133:LEU:C	1:A:134:ALA:N	1:A:134:ALA:CA	1:A:134:ALA:C	13	63.9
(1,229)	1:A:132:ASP:C	1:A:133:LEU:N	1:A:133:LEU:CA	1:A:133:LEU:C	14	63.9
(1,207)	1:A:121:ALA:C	1:A:122:ALA:N	1:A:122:ALA:CA	1:A:122:ALA:C	4	63.9
(1,164)	1:A:95:GLN:C	1:A:96:TYR:N	1:A:96:TYR:CA	1:A:96:TYR:C	19	63.9
(1,152)	1:A:89:SER:C	1:A:90:PHE:N	1:A:90:PHE:CA	1:A:90:PHE:C	17	63.9
(1,118)	1:A:71:TYR:C	1:A:72:MET:N	1:A:72:MET:CA	1:A:72:MET:C	14	63.9
(1,114)	1:A:69:ASP:C	1:A:70:GLN:N	1:A:70:GLN:CA	1:A:70:GLN:C	5	63.9
(1,112)	1:A:68:ARG:C	1:A:69:ASP:N	1:A:69:ASP:CA	1:A:69:ASP:C	12	63.9

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Atom-3	Atom-4	Model ID	Violation (°)
(1,106)	1:A:65:SER:C	1:A:66:ALA:N	1:A:66:ALA:CA	1:A:66:ALA:C	7	63.9
(1,33)	1:A:19:LEU:C	1:A:20:THR:N	1:A:20:THR:CA	1:A:20:THR:C	19	63.8
(1,280)	1:A:161:ARG:C	1:A:162:GLU:N	1:A:162:GLU:CA	1:A:162:GLU:C	2	63.8
(1,268)	1:A:155:ALA:C	1:A:156:PHE:N	1:A:156:PHE:CA	1:A:156:PHE:C	10	63.8
(1,235)	1:A:135:ARG:C	1:A:136:SER:N	1:A:136:SER:CA	1:A:136:SER:C	1	63.8
(1,219)	1:A:127:SER:C	1:A:128:ARG:N	1:A:128:ARG:CA	1:A:128:ARG:C	20	63.8
(1,170)	1:A:98:GLU:C	1:A:99:GLN:N	1:A:99:GLN:CA	1:A:99:GLN:C	10	63.8
(1,168)	1:A:97:ARG:C	1:A:98:GLU:N	1:A:98:GLU:CA	1:A:98:GLU:C	6	63.8
(1,162)	1:A:94:HIS:C	1:A:95:GLN:N	1:A:95:GLN:CA	1:A:95:GLN:C	14	63.8
(1,156)	1:A:91:GLU:C	1:A:92:ASP:N	1:A:92:ASP:CA	1:A:92:ASP:C	10	63.8
(1,154)	1:A:90:PHE:C	1:A:91:GLU:N	1:A:91:GLU:CA	1:A:91:GLU:C	1	63.8
(1,98)	1:A:61:GLN:C	1:A:62:GLU:N	1:A:62:GLU:CA	1:A:62:GLU:C	11	63.7
(1,58)	1:A:38:ASP:C	1:A:39:SER:N	1:A:39:SER:CA	1:A:39:SER:C	4	63.7
(1,37)	1:A:21:ILE:C	1:A:22:GLN:N	1:A:22:GLN:CA	1:A:22:GLN:C	15	63.7
(1,35)	1:A:20:THR:C	1:A:21:ILE:N	1:A:21:ILE:CA	1:A:21:ILE:C	5	63.7
(1,33)	1:A:19:LEU:C	1:A:20:THR:N	1:A:20:THR:CA	1:A:20:THR:C	12	63.7
(1,278)	1:A:160:VAL:C	1:A:161:ARG:N	1:A:161:ARG:CA	1:A:161:ARG:C	1	63.7
(1,270)	1:A:156:PHE:C	1:A:157:TYR:N	1:A:157:TYR:CA	1:A:157:TYR:C	17	63.7
(1,27)	1:A:16:LYS:C	1:A:17:SER:N	1:A:17:SER:CA	1:A:17:SER:C	19	63.7
(1,266)	1:A:154:ASP:C	1:A:155:ALA:N	1:A:155:ALA:CA	1:A:155:ALA:C	18	63.7
(1,252)	1:A:145:SER:C	1:A:146:ALA:N	1:A:146:ALA:CA	1:A:146:ALA:C	19	63.7
(1,233)	1:A:134:ALA:C	1:A:135:ARG:N	1:A:135:ARG:CA	1:A:135:ARG:C	7	63.7
(1,231)	1:A:133:LEU:C	1:A:134:ALA:N	1:A:134:ALA:CA	1:A:134:ALA:C	20	63.7
(1,229)	1:A:132:ASP:C	1:A:133:LEU:N	1:A:133:LEU:CA	1:A:133:LEU:C	2	63.7
(1,225)	1:A:130:ALA:C	1:A:131:GLN:N	1:A:131:GLN:CA	1:A:131:GLN:C	6	63.7
(1,223)	1:A:129:GLN:C	1:A:130:ALA:N	1:A:130:ALA:CA	1:A:130:ALA:C	2	63.7
(1,172)	1:A:99:GLN:C	1:A:100:ILE:N	1:A:100:ILE:CA	1:A:100:ILE:C	6	63.7
(1,168)	1:A:97:ARG:C	1:A:98:GLU:N	1:A:98:GLU:CA	1:A:98:GLU:C	15	63.7
(1,162)	1:A:94:HIS:C	1:A:95:GLN:N	1:A:95:GLN:CA	1:A:95:GLN:C	19	63.7
(1,156)	1:A:91:GLU:C	1:A:92:ASP:N	1:A:92:ASP:CA	1:A:92:ASP:C	13	63.7
(1,118)	1:A:71:TYR:C	1:A:72:MET:N	1:A:72:MET:CA	1:A:72:MET:C	3	63.7
(1,118)	1:A:71:TYR:C	1:A:72:MET:N	1:A:72:MET:CA	1:A:72:MET:C	10	63.7
(1,114)	1:A:69:ASP:C	1:A:70:GLN:N	1:A:70:GLN:CA	1:A:70:GLN:C	12	63.7
(1,37)	1:A:21:ILE:C	1:A:22:GLN:N	1:A:22:GLN:CA	1:A:22:GLN:C	14	63.6
(1,31)	1:A:18:ALA:C	1:A:19:LEU:N	1:A:19:LEU:CA	1:A:19:LEU:C	7	63.6
(1,31)	1:A:18:ALA:C	1:A:19:LEU:N	1:A:19:LEU:CA	1:A:19:LEU:C	19	63.6
(1,29)	1:A:17:SER:C	1:A:18:ALA:N	1:A:18:ALA:CA	1:A:18:ALA:C	19	63.6
(1,280)	1:A:161:ARG:C	1:A:162:GLU:N	1:A:162:GLU:CA	1:A:162:GLU:C	6	63.6
(1,274)	1:A:158:THR:C	1:A:159:LEU:N	1:A:159:LEU:CA	1:A:159:LEU:C	7	63.6
(1,272)	1:A:157:TYR:C	1:A:158:THR:N	1:A:158:THR:CA	1:A:158:THR:C	13	63.6
(1,272)	1:A:157:TYR:C	1:A:158:THR:N	1:A:158:THR:CA	1:A:158:THR:C	19	63.6
(1,27)	1:A:16:LYS:C	1:A:17:SER:N	1:A:17:SER:CA	1:A:17:SER:C	12	63.6
(1,268)	1:A:155:ALA:C	1:A:156:PHE:N	1:A:156:PHE:CA	1:A:156:PHE:C	1	63.6
(1,268)	1:A:155:ALA:C	1:A:156:PHE:N	1:A:156:PHE:CA	1:A:156:PHE:C	2	63.6
(1,268)	1:A:155:ALA:C	1:A:156:PHE:N	1:A:156:PHE:CA	1:A:156:PHE:C	14	63.6
(1,266)	1:A:154:ASP:C	1:A:155:ALA:N	1:A:155:ALA:CA	1:A:155:ALA:C	9	63.6
(1,235)	1:A:135:ARG:C	1:A:136:SER:N	1:A:136:SER:CA	1:A:136:SER:C	8	63.6
(1,233)	1:A:134:ALA:C	1:A:135:ARG:N	1:A:135:ARG:CA	1:A:135:ARG:C	14	63.6
(1,231)	1:A:133:LEU:C	1:A:134:ALA:N	1:A:134:ALA:CA	1:A:134:ALA:C	4	63.6
(1,231)	1:A:133:LEU:C	1:A:134:ALA:N	1:A:134:ALA:CA	1:A:134:ALA:C	11	63.6
(1,231)	1:A:133:LEU:C	1:A:134:ALA:N	1:A:134:ALA:CA	1:A:134:ALA:C	12	63.6

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Atom-3	Atom-4	Model ID	Violation (°)
(1,227)	1:A:131:GLN:C	1:A:132:ASP:N	1:A:132:ASP:CA	1:A:132:ASP:C	19	63.6
(1,225)	1:A:130:ALA:C	1:A:131:GLN:N	1:A:131:GLN:CA	1:A:131:GLN:C	11	63.6
(1,223)	1:A:129:GLN:C	1:A:130:ALA:N	1:A:130:ALA:CA	1:A:130:ALA:C	19	63.6
(1,219)	1:A:127:SER:C	1:A:128:ARG:N	1:A:128:ARG:CA	1:A:128:ARG:C	5	63.6
(1,219)	1:A:127:SER:C	1:A:128:ARG:N	1:A:128:ARG:CA	1:A:128:ARG:C	7	63.6
(1,219)	1:A:127:SER:C	1:A:128:ARG:N	1:A:128:ARG:CA	1:A:128:ARG:C	11	63.6
(1,186)	1:A:107:ASP:C	1:A:108:ASP:N	1:A:108:ASP:CA	1:A:108:ASP:C	18	63.6
(1,178)	1:A:102:ARG:C	1:A:103:VAL:N	1:A:103:VAL:CA	1:A:103:VAL:C	8	63.6
(1,174)	1:A:100:ILE:C	1:A:101:LYS:N	1:A:101:LYS:CA	1:A:101:LYS:C	12	63.6
(1,168)	1:A:97:ARG:C	1:A:98:GLU:N	1:A:98:GLU:CA	1:A:98:GLU:C	4	63.6
(1,168)	1:A:97:ARG:C	1:A:98:GLU:N	1:A:98:GLU:CA	1:A:98:GLU:C	5	63.6
(1,162)	1:A:94:HIS:C	1:A:95:GLN:N	1:A:95:GLN:CA	1:A:95:GLN:C	8	63.6
(1,162)	1:A:94:HIS:C	1:A:95:GLN:N	1:A:95:GLN:CA	1:A:95:GLN:C	10	63.6
(1,120)	1:A:72:MET:C	1:A:73:ARG:N	1:A:73:ARG:CA	1:A:73:ARG:C	16	63.6
(1,112)	1:A:68:ARG:C	1:A:69:ASP:N	1:A:69:ASP:CA	1:A:69:ASP:C	1	63.6
(1,112)	1:A:68:ARG:C	1:A:69:ASP:N	1:A:69:ASP:CA	1:A:69:ASP:C	6	63.6
(1,108)	1:A:66:ALA:C	1:A:67:MET:N	1:A:67:MET:CA	1:A:67:MET:C	1	63.6
(1,108)	1:A:66:ALA:C	1:A:67:MET:N	1:A:67:MET:CA	1:A:67:MET:C	10	63.6
(1,106)	1:A:65:SER:C	1:A:66:ALA:N	1:A:66:ALA:CA	1:A:66:ALA:C	4	63.6
(1,98)	1:A:61:GLN:C	1:A:62:GLU:N	1:A:62:GLU:CA	1:A:62:GLU:C	16	63.5
(1,39)	1:A:22:GLN:C	1:A:23:LEU:N	1:A:23:LEU:CA	1:A:23:LEU:C	16	63.5
(1,37)	1:A:21:ILE:C	1:A:22:GLN:N	1:A:22:GLN:CA	1:A:22:GLN:C	8	63.5
(1,282)	1:A:162:GLU:C	1:A:163:ILE:N	1:A:163:ILE:CA	1:A:163:ILE:C	2	63.5
(1,282)	1:A:162:GLU:C	1:A:163:ILE:N	1:A:163:ILE:CA	1:A:163:ILE:C	3	63.5
(1,282)	1:A:162:GLU:C	1:A:163:ILE:N	1:A:163:ILE:CA	1:A:163:ILE:C	6	63.5
(1,282)	1:A:162:GLU:C	1:A:163:ILE:N	1:A:163:ILE:CA	1:A:163:ILE:C	10	63.5
(1,282)	1:A:162:GLU:C	1:A:163:ILE:N	1:A:163:ILE:CA	1:A:163:ILE:C	18	63.5
(1,280)	1:A:161:ARG:C	1:A:162:GLU:N	1:A:162:GLU:CA	1:A:162:GLU:C	1	63.5
(1,280)	1:A:161:ARG:C	1:A:162:GLU:N	1:A:162:GLU:CA	1:A:162:GLU:C	8	63.5
(1,280)	1:A:161:ARG:C	1:A:162:GLU:N	1:A:162:GLU:CA	1:A:162:GLU:C	20	63.5
(1,278)	1:A:160:VAL:C	1:A:161:ARG:N	1:A:161:ARG:CA	1:A:161:ARG:C	13	63.5
(1,276)	1:A:159:LEU:C	1:A:160:VAL:N	1:A:160:VAL:CA	1:A:160:VAL:C	10	63.5
(1,27)	1:A:16:LYS:C	1:A:17:SER:N	1:A:17:SER:CA	1:A:17:SER:C	8	63.5
(1,266)	1:A:154:ASP:C	1:A:155:ALA:N	1:A:155:ALA:CA	1:A:155:ALA:C	6	63.5
(1,266)	1:A:154:ASP:C	1:A:155:ALA:N	1:A:155:ALA:CA	1:A:155:ALA:C	11	63.5
(1,266)	1:A:154:ASP:C	1:A:155:ALA:N	1:A:155:ALA:CA	1:A:155:ALA:C	12	63.5
(1,266)	1:A:154:ASP:C	1:A:155:ALA:N	1:A:155:ALA:CA	1:A:155:ALA:C	13	63.5
(1,266)	1:A:154:ASP:C	1:A:155:ALA:N	1:A:155:ALA:CA	1:A:155:ALA:C	20	63.5
(1,264)	1:A:153:GLU:C	1:A:154:ASP:N	1:A:154:ASP:CA	1:A:154:ASP:C	3	63.5
(1,264)	1:A:153:GLU:C	1:A:154:ASP:N	1:A:154:ASP:CA	1:A:154:ASP:C	20	63.5
(1,252)	1:A:145:SER:C	1:A:146:ALA:N	1:A:146:ALA:CA	1:A:146:ALA:C	4	63.5
(1,25)	1:A:15:GLY:C	1:A:16:LYS:N	1:A:16:LYS:CA	1:A:16:LYS:C	6	63.5
(1,235)	1:A:135:ARG:C	1:A:136:SER:N	1:A:136:SER:CA	1:A:136:SER:C	7	63.5
(1,231)	1:A:133:LEU:C	1:A:134:ALA:N	1:A:134:ALA:CA	1:A:134:ALA:C	16	63.5
(1,229)	1:A:132:ASP:C	1:A:133:LEU:N	1:A:133:LEU:CA	1:A:133:LEU:C	4	63.5
(1,229)	1:A:132:ASP:C	1:A:133:LEU:N	1:A:133:LEU:CA	1:A:133:LEU:C	5	63.5
(1,225)	1:A:130:ALA:C	1:A:131:GLN:N	1:A:131:GLN:CA	1:A:131:GLN:C	5	63.5
(1,225)	1:A:130:ALA:C	1:A:131:GLN:N	1:A:131:GLN:CA	1:A:131:GLN:C	19	63.5
(1,219)	1:A:127:SER:C	1:A:128:ARG:N	1:A:128:ARG:CA	1:A:128:ARG:C	9	63.5
(1,178)	1:A:102:ARG:C	1:A:103:VAL:N	1:A:103:VAL:CA	1:A:103:VAL:C	10	63.5
(1,176)	1:A:101:LYS:C	1:A:102:ARG:N	1:A:102:ARG:CA	1:A:102:ARG:C	3	63.5

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Atom-3	Atom-4	Model ID	Violation (°)
(1,170)	1:A:98:GLU:C	1:A:99:GLN:N	1:A:99:GLN:CA	1:A:99:GLN:C	7	63.5
(1,168)	1:A:97:ARG:C	1:A:98:GLU:N	1:A:98:GLU:CA	1:A:98:GLU:C	11	63.5
(1,162)	1:A:94:HIS:C	1:A:95:GLN:N	1:A:95:GLN:CA	1:A:95:GLN:C	2	63.5
(1,162)	1:A:94:HIS:C	1:A:95:GLN:N	1:A:95:GLN:CA	1:A:95:GLN:C	11	63.5
(1,158)	1:A:92:ASP:C	1:A:93:ILE:N	1:A:93:ILE:CA	1:A:93:ILE:C	4	63.5
(1,158)	1:A:92:ASP:C	1:A:93:ILE:N	1:A:93:ILE:CA	1:A:93:ILE:C	20	63.5
(1,152)	1:A:89:SER:C	1:A:90:PHE:N	1:A:90:PHE:CA	1:A:90:PHE:C	6	63.5
(1,114)	1:A:69:ASP:C	1:A:70:GLN:N	1:A:70:GLN:CA	1:A:70:GLN:C	16	63.5
(1,110)	1:A:67:MET:C	1:A:68:ARG:N	1:A:68:ARG:CA	1:A:68:ARG:C	17	63.5
(1,108)	1:A:66:ALA:C	1:A:67:MET:N	1:A:67:MET:CA	1:A:67:MET:C	13	63.5
(1,106)	1:A:65:SER:C	1:A:66:ALA:N	1:A:66:ALA:CA	1:A:66:ALA:C	9	63.5
(1,41)	1:A:23:LEU:C	1:A:24:ILE:N	1:A:24:ILE:CA	1:A:24:ILE:C	7	63.4
(1,31)	1:A:18:ALA:C	1:A:19:LEU:N	1:A:19:LEU:CA	1:A:19:LEU:C	18	63.4
(1,284)	1:A:163:ILE:C	1:A:164:ARG:N	1:A:164:ARG:CA	1:A:164:ARG:C	2	63.4
(1,284)	1:A:163:ILE:C	1:A:164:ARG:N	1:A:164:ARG:CA	1:A:164:ARG:C	3	63.4
(1,284)	1:A:163:ILE:C	1:A:164:ARG:N	1:A:164:ARG:CA	1:A:164:ARG:C	20	63.4
(1,276)	1:A:159:LEU:C	1:A:160:VAL:N	1:A:160:VAL:CA	1:A:160:VAL:C	7	63.4
(1,270)	1:A:156:PHE:C	1:A:157:TYR:N	1:A:157:TYR:CA	1:A:157:TYR:C	2	63.4
(1,260)	1:A:151:GLY:C	1:A:152:VAL:N	1:A:152:VAL:CA	1:A:152:VAL:C	10	63.4
(1,24)	1:A:15:GLY:N	1:A:15:GLY:CA	1:A:15:GLY:C	1:A:16:LYS:N	1	63.4
(1,235)	1:A:135:ARG:C	1:A:136:SER:N	1:A:136:SER:CA	1:A:136:SER:C	5	63.4
(1,235)	1:A:135:ARG:C	1:A:136:SER:N	1:A:136:SER:CA	1:A:136:SER:C	6	63.4
(1,235)	1:A:135:ARG:C	1:A:136:SER:N	1:A:136:SER:CA	1:A:136:SER:C	18	63.4
(1,233)	1:A:134:ALA:C	1:A:135:ARG:N	1:A:135:ARG:CA	1:A:135:ARG:C	2	63.4
(1,231)	1:A:133:LEU:C	1:A:134:ALA:N	1:A:134:ALA:CA	1:A:134:ALA:C	6	63.4
(1,231)	1:A:133:LEU:C	1:A:134:ALA:N	1:A:134:ALA:CA	1:A:134:ALA:C	15	63.4
(1,229)	1:A:132:ASP:C	1:A:133:LEU:N	1:A:133:LEU:CA	1:A:133:LEU:C	6	63.4
(1,229)	1:A:132:ASP:C	1:A:133:LEU:N	1:A:133:LEU:CA	1:A:133:LEU:C	7	63.4
(1,229)	1:A:132:ASP:C	1:A:133:LEU:N	1:A:133:LEU:CA	1:A:133:LEU:C	13	63.4
(1,221)	1:A:128:ARG:C	1:A:129:GLN:N	1:A:129:GLN:CA	1:A:129:GLN:C	13	63.4
(1,219)	1:A:127:SER:C	1:A:128:ARG:N	1:A:128:ARG:CA	1:A:128:ARG:C	12	63.4
(1,217)	1:A:126:GLU:C	1:A:127:SER:N	1:A:127:SER:CA	1:A:127:SER:C	1	63.4
(1,217)	1:A:126:GLU:C	1:A:127:SER:N	1:A:127:SER:CA	1:A:127:SER:C	2	63.4
(1,217)	1:A:126:GLU:C	1:A:127:SER:N	1:A:127:SER:CA	1:A:127:SER:C	8	63.4
(1,217)	1:A:126:GLU:C	1:A:127:SER:N	1:A:127:SER:CA	1:A:127:SER:C	15	63.4
(1,176)	1:A:101:LYS:C	1:A:102:ARG:N	1:A:102:ARG:CA	1:A:102:ARG:C	1	63.4
(1,168)	1:A:97:ARG:C	1:A:98:GLU:N	1:A:98:GLU:CA	1:A:98:GLU:C	16	63.4
(1,166)	1:A:96:TYR:C	1:A:97:ARG:N	1:A:97:ARG:CA	1:A:97:ARG:C	19	63.4
(1,156)	1:A:91:GLU:C	1:A:92:ASP:N	1:A:92:ASP:CA	1:A:92:ASP:C	3	63.4
(1,148)	1:A:87:THR:C	1:A:88:LYS:N	1:A:88:LYS:CA	1:A:88:LYS:C	5	63.4
(1,118)	1:A:71:TYR:C	1:A:72:MET:N	1:A:72:MET:CA	1:A:72:MET:C	9	63.4
(1,118)	1:A:71:TYR:C	1:A:72:MET:N	1:A:72:MET:CA	1:A:72:MET:C	17	63.4
(1,112)	1:A:68:ARG:C	1:A:69:ASP:N	1:A:69:ASP:CA	1:A:69:ASP:C	5	63.4
(1,106)	1:A:65:SER:C	1:A:66:ALA:N	1:A:66:ALA:CA	1:A:66:ALA:C	15	63.4
(1,278)	1:A:160:VAL:C	1:A:161:ARG:N	1:A:161:ARG:CA	1:A:161:ARG:C	2	63.3
(1,276)	1:A:159:LEU:C	1:A:160:VAL:N	1:A:160:VAL:CA	1:A:160:VAL:C	20	63.3
(1,272)	1:A:157:TYR:C	1:A:158:THR:N	1:A:158:THR:CA	1:A:158:THR:C	4	63.3
(1,270)	1:A:156:PHE:C	1:A:157:TYR:N	1:A:157:TYR:CA	1:A:157:TYR:C	3	63.3
(1,268)	1:A:155:ALA:C	1:A:156:PHE:N	1:A:156:PHE:CA	1:A:156:PHE:C	16	63.3
(1,266)	1:A:154:ASP:C	1:A:155:ALA:N	1:A:155:ALA:CA	1:A:155:ALA:C	16	63.3
(1,258)	1:A:149:ARG:C	1:A:150:GLN:N	1:A:150:GLN:CA	1:A:150:GLN:C	15	63.3

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Atom-3	Atom-4	Model ID	Violation (°)
(1,233)	1:A:134:ALA:C	1:A:135:ARG:N	1:A:135:ARG:CA	1:A:135:ARG:C	15	63.3
(1,225)	1:A:130:ALA:C	1:A:131:GLN:N	1:A:131:GLN:CA	1:A:131:GLN:C	12	63.3
(1,219)	1:A:127:SER:C	1:A:128:ARG:N	1:A:128:ARG:CA	1:A:128:ARG:C	17	63.3
(1,118)	1:A:71:TYR:C	1:A:72:MET:N	1:A:72:MET:CA	1:A:72:MET:C	1	63.3
(1,31)	1:A:18:ALA:C	1:A:19:LEU:N	1:A:19:LEU:CA	1:A:19:LEU:C	20	63.2
(1,284)	1:A:163:ILE:C	1:A:164:ARG:N	1:A:164:ARG:CA	1:A:164:ARG:C	6	63.2
(1,282)	1:A:162:GLU:C	1:A:163:ILE:N	1:A:163:ILE:CA	1:A:163:ILE:C	20	63.2
(1,276)	1:A:159:LEU:C	1:A:160:VAL:N	1:A:160:VAL:CA	1:A:160:VAL:C	1	63.2
(1,255)	1:A:147:LYS:N	1:A:147:LYS:CA	1:A:147:LYS:C	1:A:148:THR:N	6	63.2
(1,186)	1:A:107:ASP:C	1:A:108:ASP:N	1:A:108:ASP:CA	1:A:108:ASP:C	16	63.2
(1,172)	1:A:99:GLN:C	1:A:100:ILE:N	1:A:100:ILE:CA	1:A:100:ILE:C	17	63.2
(1,156)	1:A:91:GLU:C	1:A:92:ASP:N	1:A:92:ASP:CA	1:A:92:ASP:C	11	63.2
(1,156)	1:A:91:GLU:C	1:A:92:ASP:N	1:A:92:ASP:CA	1:A:92:ASP:C	19	63.2
(1,120)	1:A:72:MET:C	1:A:73:ARG:N	1:A:73:ARG:CA	1:A:73:ARG:C	17	63.2
(1,112)	1:A:68:ARG:C	1:A:69:ASP:N	1:A:69:ASP:CA	1:A:69:ASP:C	7	63.2
(1,35)	1:A:20:THR:C	1:A:21:ILE:N	1:A:21:ILE:CA	1:A:21:ILE:C	17	63.1
(1,284)	1:A:163:ILE:C	1:A:164:ARG:N	1:A:164:ARG:CA	1:A:164:ARG:C	5	63.1
(1,282)	1:A:162:GLU:C	1:A:163:ILE:N	1:A:163:ILE:CA	1:A:163:ILE:C	7	63.1
(1,282)	1:A:162:GLU:C	1:A:163:ILE:N	1:A:163:ILE:CA	1:A:163:ILE:C	8	63.1
(1,252)	1:A:145:SER:C	1:A:146:ALA:N	1:A:146:ALA:CA	1:A:146:ALA:C	14	63.1
(1,235)	1:A:135:ARG:C	1:A:136:SER:N	1:A:136:SER:CA	1:A:136:SER:C	9	63.1
(1,168)	1:A:97:ARG:C	1:A:98:GLU:N	1:A:98:GLU:CA	1:A:98:GLU:C	7	63.1
(1,154)	1:A:90:PHE:C	1:A:91:GLU:N	1:A:91:GLU:CA	1:A:91:GLU:C	4	63.1
(1,154)	1:A:90:PHE:C	1:A:91:GLU:N	1:A:91:GLU:CA	1:A:91:GLU:C	12	63.1
(1,152)	1:A:89:SER:C	1:A:90:PHE:N	1:A:90:PHE:CA	1:A:90:PHE:C	5	63.1
(1,118)	1:A:71:TYR:C	1:A:72:MET:N	1:A:72:MET:CA	1:A:72:MET:C	13	63.1
(1,118)	1:A:71:TYR:C	1:A:72:MET:N	1:A:72:MET:CA	1:A:72:MET:C	16	63.1
(1,35)	1:A:20:THR:C	1:A:21:ILE:N	1:A:21:ILE:CA	1:A:21:ILE:C	14	63.0
(1,33)	1:A:19:LEU:C	1:A:20:THR:N	1:A:20:THR:CA	1:A:20:THR:C	10	63.0
(1,276)	1:A:159:LEU:C	1:A:160:VAL:N	1:A:160:VAL:CA	1:A:160:VAL:C	17	63.0
(1,274)	1:A:158:THR:C	1:A:159:LEU:N	1:A:159:LEU:CA	1:A:159:LEU:C	9	63.0
(1,274)	1:A:158:THR:C	1:A:159:LEU:N	1:A:159:LEU:CA	1:A:159:LEU:C	14	63.0
(1,272)	1:A:157:TYR:C	1:A:158:THR:N	1:A:158:THR:CA	1:A:158:THR:C	5	63.0
(1,270)	1:A:156:PHE:C	1:A:157:TYR:N	1:A:157:TYR:CA	1:A:157:TYR:C	6	63.0
(1,266)	1:A:154:ASP:C	1:A:155:ALA:N	1:A:155:ALA:CA	1:A:155:ALA:C	3	63.0
(1,260)	1:A:151:GLY:C	1:A:152:VAL:N	1:A:152:VAL:CA	1:A:152:VAL:C	9	63.0
(1,229)	1:A:132:ASP:C	1:A:133:LEU:N	1:A:133:LEU:CA	1:A:133:LEU:C	17	63.0
(1,21)	1:A:11:ALA:C	1:A:12:GLY:N	1:A:12:GLY:CA	1:A:12:GLY:C	14	63.0
(1,178)	1:A:102:ARG:C	1:A:103:VAL:N	1:A:103:VAL:CA	1:A:103:VAL:C	6	63.0
(1,170)	1:A:98:GLU:C	1:A:99:GLN:N	1:A:99:GLN:CA	1:A:99:GLN:C	12	63.0
(1,164)	1:A:95:GLN:C	1:A:96:TYR:N	1:A:96:TYR:CA	1:A:96:TYR:C	8	63.0
(1,160)	1:A:93:ILE:C	1:A:94:HIS:N	1:A:94:HIS:CA	1:A:94:HIS:C	18	63.0
(1,152)	1:A:89:SER:C	1:A:90:PHE:N	1:A:90:PHE:CA	1:A:90:PHE:C	2	63.0
(1,146)	1:A:86:ASN:C	1:A:87:THR:N	1:A:87:THR:CA	1:A:87:THR:C	8	63.0
(1,118)	1:A:71:TYR:C	1:A:72:MET:N	1:A:72:MET:CA	1:A:72:MET:C	6	63.0
(1,280)	1:A:161:ARG:C	1:A:162:GLU:N	1:A:162:GLU:CA	1:A:162:GLU:C	18	62.9
(1,274)	1:A:158:THR:C	1:A:159:LEU:N	1:A:159:LEU:CA	1:A:159:LEU:C	11	62.9
(1,274)	1:A:158:THR:C	1:A:159:LEU:N	1:A:159:LEU:CA	1:A:159:LEU:C	20	62.9
(1,270)	1:A:156:PHE:C	1:A:157:TYR:N	1:A:157:TYR:CA	1:A:157:TYR:C	7	62.9
(1,270)	1:A:156:PHE:C	1:A:157:TYR:N	1:A:157:TYR:CA	1:A:157:TYR:C	9	62.9
(1,266)	1:A:154:ASP:C	1:A:155:ALA:N	1:A:155:ALA:CA	1:A:155:ALA:C	5	62.9

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Atom-3	Atom-4	Model ID	Violation (°)
(1,25)	1:A:15:GLY:C	1:A:16:LYS:N	1:A:16:LYS:CA	1:A:16:LYS:C	19	62.9
(1,233)	1:A:134:ALA:C	1:A:135:ARG:N	1:A:135:ARG:CA	1:A:135:ARG:C	19	62.9
(1,227)	1:A:131:GLN:C	1:A:132:ASP:N	1:A:132:ASP:CA	1:A:132:ASP:C	20	62.9
(1,223)	1:A:129:GLN:C	1:A:130:ALA:N	1:A:130:ALA:CA	1:A:130:ALA:C	3	62.9
(1,186)	1:A:107:ASP:C	1:A:108:ASP:N	1:A:108:ASP:CA	1:A:108:ASP:C	7	62.9
(1,164)	1:A:95:GLN:C	1:A:96:TYR:N	1:A:96:TYR:CA	1:A:96:TYR:C	3	62.9
(1,148)	1:A:87:THR:C	1:A:88:LYS:N	1:A:88:LYS:CA	1:A:88:LYS:C	20	62.9
(1,146)	1:A:86:ASN:C	1:A:87:THR:N	1:A:87:THR:CA	1:A:87:THR:C	7	62.9
(1,114)	1:A:69:ASP:C	1:A:70:GLN:N	1:A:70:GLN:CA	1:A:70:GLN:C	17	62.9
(1,108)	1:A:66:ALA:C	1:A:67:MET:N	1:A:67:MET:CA	1:A:67:MET:C	12	62.9
(1,53)	1:A:32:TYR:C	1:A:33:ASP:N	1:A:33:ASP:CA	1:A:33:ASP:C	2	62.8
(1,282)	1:A:162:GLU:C	1:A:163:ILE:N	1:A:163:ILE:CA	1:A:163:ILE:C	14	62.8
(1,266)	1:A:154:ASP:C	1:A:155:ALA:N	1:A:155:ALA:CA	1:A:155:ALA:C	19	62.8
(1,229)	1:A:132:ASP:C	1:A:133:LEU:N	1:A:133:LEU:CA	1:A:133:LEU:C	20	62.8
(1,170)	1:A:98:GLU:C	1:A:99:GLN:N	1:A:99:GLN:CA	1:A:99:GLN:C	2	62.8
(1,156)	1:A:91:GLU:C	1:A:92:ASP:N	1:A:92:ASP:CA	1:A:92:ASP:C	17	62.8
(1,53)	1:A:32:TYR:C	1:A:33:ASP:N	1:A:33:ASP:CA	1:A:33:ASP:C	9	62.7
(1,282)	1:A:162:GLU:C	1:A:163:ILE:N	1:A:163:ILE:CA	1:A:163:ILE:C	19	62.7
(1,276)	1:A:159:LEU:C	1:A:160:VAL:N	1:A:160:VAL:CA	1:A:160:VAL:C	5	62.7
(1,235)	1:A:135:ARG:C	1:A:136:SER:N	1:A:136:SER:CA	1:A:136:SER:C	14	62.7
(1,152)	1:A:89:SER:C	1:A:90:PHE:N	1:A:90:PHE:CA	1:A:90:PHE:C	4	62.7
(1,24)	1:A:15:GLY:N	1:A:15:GLY:CA	1:A:15:GLY:C	1:A:16:LYS:N	14	62.6
(1,227)	1:A:131:GLN:C	1:A:132:ASP:N	1:A:132:ASP:CA	1:A:132:ASP:C	18	62.6
(1,225)	1:A:130:ALA:C	1:A:131:GLN:N	1:A:131:GLN:CA	1:A:131:GLN:C	1	62.6
(1,217)	1:A:126:GLU:C	1:A:127:SER:N	1:A:127:SER:CA	1:A:127:SER:C	19	62.6
(1,158)	1:A:92:ASP:C	1:A:93:ILE:N	1:A:93:ILE:CA	1:A:93:ILE:C	7	62.6
(1,156)	1:A:91:GLU:C	1:A:92:ASP:N	1:A:92:ASP:CA	1:A:92:ASP:C	4	62.6
(1,156)	1:A:91:GLU:C	1:A:92:ASP:N	1:A:92:ASP:CA	1:A:92:ASP:C	12	62.6
(1,156)	1:A:91:GLU:C	1:A:92:ASP:N	1:A:92:ASP:CA	1:A:92:ASP:C	20	62.6
(1,152)	1:A:89:SER:C	1:A:90:PHE:N	1:A:90:PHE:CA	1:A:90:PHE:C	18	62.6
(1,118)	1:A:71:TYR:C	1:A:72:MET:N	1:A:72:MET:CA	1:A:72:MET:C	7	62.6
(1,110)	1:A:67:MET:C	1:A:68:ARG:N	1:A:68:ARG:CA	1:A:68:ARG:C	5	62.6
(1,53)	1:A:32:TYR:C	1:A:33:ASP:N	1:A:33:ASP:CA	1:A:33:ASP:C	14	62.5
(1,37)	1:A:21:ILE:C	1:A:22:GLN:N	1:A:22:GLN:CA	1:A:22:GLN:C	13	62.5
(1,35)	1:A:20:THR:C	1:A:21:ILE:N	1:A:21:ILE:CA	1:A:21:ILE:C	1	62.5
(1,29)	1:A:17:SER:C	1:A:18:ALA:N	1:A:18:ALA:CA	1:A:18:ALA:C	7	62.5
(1,272)	1:A:157:TYR:C	1:A:158:THR:N	1:A:158:THR:CA	1:A:158:THR:C	3	62.5
(1,270)	1:A:156:PHE:C	1:A:157:TYR:N	1:A:157:TYR:CA	1:A:157:TYR:C	1	62.5
(1,227)	1:A:131:GLN:C	1:A:132:ASP:N	1:A:132:ASP:CA	1:A:132:ASP:C	6	62.5
(1,217)	1:A:126:GLU:C	1:A:127:SER:N	1:A:127:SER:CA	1:A:127:SER:C	9	62.5
(1,178)	1:A:102:ARG:C	1:A:103:VAL:N	1:A:103:VAL:CA	1:A:103:VAL:C	13	62.5
(1,114)	1:A:69:ASP:C	1:A:70:GLN:N	1:A:70:GLN:CA	1:A:70:GLN:C	6	62.5
(1,108)	1:A:66:ALA:C	1:A:67:MET:N	1:A:67:MET:CA	1:A:67:MET:C	11	62.5
(1,282)	1:A:162:GLU:C	1:A:163:ILE:N	1:A:163:ILE:CA	1:A:163:ILE:C	17	62.4
(1,27)	1:A:16:LYS:C	1:A:17:SER:N	1:A:17:SER:CA	1:A:17:SER:C	3	62.4
(1,255)	1:A:147:LYS:N	1:A:147:LYS:CA	1:A:147:LYS:C	1:A:148:THR:N	9	62.4
(1,207)	1:A:121:ALA:C	1:A:122:ALA:N	1:A:122:ALA:CA	1:A:122:ALA:C	11	62.4
(1,152)	1:A:89:SER:C	1:A:90:PHE:N	1:A:90:PHE:CA	1:A:90:PHE:C	3	62.4
(1,148)	1:A:87:THR:C	1:A:88:LYS:N	1:A:88:LYS:CA	1:A:88:LYS:C	15	62.4
(1,112)	1:A:68:ARG:C	1:A:69:ASP:N	1:A:69:ASP:CA	1:A:69:ASP:C	18	62.4
(1,31)	1:A:18:ALA:C	1:A:19:LEU:N	1:A:19:LEU:CA	1:A:19:LEU:C	6	62.3

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Atom-3	Atom-4	Model ID	Violation (°)
(1,31)	1:A:18:ALA:C	1:A:19:LEU:N	1:A:19:LEU:CA	1:A:19:LEU:C	15	62.3
(1,276)	1:A:159:LEU:C	1:A:160:VAL:N	1:A:160:VAL:CA	1:A:160:VAL:C	19	62.3
(1,272)	1:A:157:TYR:C	1:A:158:THR:N	1:A:158:THR:CA	1:A:158:THR:C	2	62.3
(1,266)	1:A:154:ASP:C	1:A:155:ALA:N	1:A:155:ALA:CA	1:A:155:ALA:C	10	62.3
(1,266)	1:A:154:ASP:C	1:A:155:ALA:N	1:A:155:ALA:CA	1:A:155:ALA:C	17	62.3
(1,235)	1:A:135:ARG:C	1:A:136:SER:N	1:A:136:SER:CA	1:A:136:SER:C	20	62.3
(1,219)	1:A:127:SER:C	1:A:128:ARG:N	1:A:128:ARG:CA	1:A:128:ARG:C	10	62.3
(1,217)	1:A:126:GLU:C	1:A:127:SER:N	1:A:127:SER:CA	1:A:127:SER:C	3	62.3
(1,156)	1:A:91:GLU:C	1:A:92:ASP:N	1:A:92:ASP:CA	1:A:92:ASP:C	7	62.3
(1,116)	1:A:70:GLN:C	1:A:71:TYR:N	1:A:71:TYR:CA	1:A:71:TYR:C	12	62.3
(1,108)	1:A:66:ALA:C	1:A:67:MET:N	1:A:67:MET:CA	1:A:67:MET:C	9	62.3
(1,53)	1:A:32:TYR:C	1:A:33:ASP:N	1:A:33:ASP:CA	1:A:33:ASP:C	18	62.2
(1,231)	1:A:133:LEU:C	1:A:134:ALA:N	1:A:134:ALA:CA	1:A:134:ALA:C	1	62.2
(1,225)	1:A:130:ALA:C	1:A:131:GLN:N	1:A:131:GLN:CA	1:A:131:GLN:C	2	62.2
(1,225)	1:A:130:ALA:C	1:A:131:GLN:N	1:A:131:GLN:CA	1:A:131:GLN:C	16	62.2
(1,223)	1:A:129:GLN:C	1:A:130:ALA:N	1:A:130:ALA:CA	1:A:130:ALA:C	6	62.2
(1,208)	1:A:122:ALA:N	1:A:122:ALA:CA	1:A:122:ALA:C	1:A:123:ARG:N	20	62.2
(1,178)	1:A:102:ARG:C	1:A:103:VAL:N	1:A:103:VAL:CA	1:A:103:VAL:C	20	62.2
(1,166)	1:A:96:TYR:C	1:A:97:ARG:N	1:A:97:ARG:CA	1:A:97:ARG:C	16	62.2
(1,156)	1:A:91:GLU:C	1:A:92:ASP:N	1:A:92:ASP:CA	1:A:92:ASP:C	15	62.2
(1,156)	1:A:91:GLU:C	1:A:92:ASP:N	1:A:92:ASP:CA	1:A:92:ASP:C	18	62.2
(1,112)	1:A:68:ARG:C	1:A:69:ASP:N	1:A:69:ASP:CA	1:A:69:ASP:C	3	62.2
(1,278)	1:A:160:VAL:C	1:A:161:ARG:N	1:A:161:ARG:CA	1:A:161:ARG:C	4	62.1
(1,278)	1:A:160:VAL:C	1:A:161:ARG:N	1:A:161:ARG:CA	1:A:161:ARG:C	8	62.1
(1,272)	1:A:157:TYR:C	1:A:158:THR:N	1:A:158:THR:CA	1:A:158:THR:C	16	62.1
(1,268)	1:A:155:ALA:C	1:A:156:PHE:N	1:A:156:PHE:CA	1:A:156:PHE:C	9	62.1
(1,266)	1:A:154:ASP:C	1:A:155:ALA:N	1:A:155:ALA:CA	1:A:155:ALA:C	14	62.1
(1,252)	1:A:145:SER:C	1:A:146:ALA:N	1:A:146:ALA:CA	1:A:146:ALA:C	17	62.1
(1,219)	1:A:127:SER:C	1:A:128:ARG:N	1:A:128:ARG:CA	1:A:128:ARG:C	18	62.1
(1,217)	1:A:126:GLU:C	1:A:127:SER:N	1:A:127:SER:CA	1:A:127:SER:C	11	62.1
(1,172)	1:A:99:GLN:C	1:A:100:ILE:N	1:A:100:ILE:CA	1:A:100:ILE:C	4	62.1
(1,170)	1:A:98:GLU:C	1:A:99:GLN:N	1:A:99:GLN:CA	1:A:99:GLN:C	3	62.1
(1,160)	1:A:93:ILE:C	1:A:94:HIS:N	1:A:94:HIS:CA	1:A:94:HIS:C	8	62.1
(1,118)	1:A:71:TYR:C	1:A:72:MET:N	1:A:72:MET:CA	1:A:72:MET:C	8	62.1
(1,106)	1:A:65:SER:C	1:A:66:ALA:N	1:A:66:ALA:CA	1:A:66:ALA:C	5	62.1
(1,106)	1:A:65:SER:C	1:A:66:ALA:N	1:A:66:ALA:CA	1:A:66:ALA:C	12	62.1
(1,29)	1:A:17:SER:C	1:A:18:ALA:N	1:A:18:ALA:CA	1:A:18:ALA:C	10	62.0
(1,274)	1:A:158:THR:C	1:A:159:LEU:N	1:A:159:LEU:CA	1:A:159:LEU:C	6	62.0
(1,272)	1:A:157:TYR:C	1:A:158:THR:N	1:A:158:THR:CA	1:A:158:THR:C	8	62.0
(1,272)	1:A:157:TYR:C	1:A:158:THR:N	1:A:158:THR:CA	1:A:158:THR:C	20	62.0
(1,266)	1:A:154:ASP:C	1:A:155:ALA:N	1:A:155:ALA:CA	1:A:155:ALA:C	15	62.0
(1,25)	1:A:15:GLY:C	1:A:16:LYS:N	1:A:16:LYS:CA	1:A:16:LYS:C	15	62.0
(1,25)	1:A:15:GLY:C	1:A:16:LYS:N	1:A:16:LYS:CA	1:A:16:LYS:C	18	62.0
(1,221)	1:A:128:ARG:C	1:A:129:GLN:N	1:A:129:GLN:CA	1:A:129:GLN:C	14	62.0
(1,219)	1:A:127:SER:C	1:A:128:ARG:N	1:A:128:ARG:CA	1:A:128:ARG:C	16	62.0
(1,172)	1:A:99:GLN:C	1:A:100:ILE:N	1:A:100:ILE:CA	1:A:100:ILE:C	1	62.0
(1,172)	1:A:99:GLN:C	1:A:100:ILE:N	1:A:100:ILE:CA	1:A:100:ILE:C	14	62.0
(1,282)	1:A:162:GLU:C	1:A:163:ILE:N	1:A:163:ILE:CA	1:A:163:ILE:C	11	61.9
(1,278)	1:A:160:VAL:C	1:A:161:ARG:N	1:A:161:ARG:CA	1:A:161:ARG:C	15	61.9
(1,268)	1:A:155:ALA:C	1:A:156:PHE:N	1:A:156:PHE:CA	1:A:156:PHE:C	12	61.9
(1,266)	1:A:154:ASP:C	1:A:155:ALA:N	1:A:155:ALA:CA	1:A:155:ALA:C	8	61.9

Continued on next page...



Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Atom-3	Atom-4	Model ID	Violation (°)
(1,252)	1:A:145:SER:C	1:A:146:ALA:N	1:A:146:ALA:CA	1:A:146:ALA:C	1	61.9
(1,24)	1:A:15:GLY:N	1:A:15:GLY:CA	1:A:15:GLY:C	1:A:16:LYS:N	2	61.9
(1,221)	1:A:128:ARG:C	1:A:129:GLN:N	1:A:129:GLN:CA	1:A:129:GLN:C	19	61.9
(1,156)	1:A:91:GLU:C	1:A:92:ASP:N	1:A:92:ASP:CA	1:A:92:ASP:C	16	61.9
(1,152)	1:A:89:SER:C	1:A:90:PHE:N	1:A:90:PHE:CA	1:A:90:PHE:C	11	61.9
(1,120)	1:A:72:MET:C	1:A:73:ARG:N	1:A:73:ARG:CA	1:A:73:ARG:C	1	61.9
(1,112)	1:A:68:ARG:C	1:A:69:ASP:N	1:A:69:ASP:CA	1:A:69:ASP:C	13	61.9
(1,39)	1:A:22:GLN:C	1:A:23:LEU:N	1:A:23:LEU:CA	1:A:23:LEU:C	5	61.8
(1,276)	1:A:159:LEU:C	1:A:160:VAL:N	1:A:160:VAL:CA	1:A:160:VAL:C	12	61.8
(1,27)	1:A:16:LYS:C	1:A:17:SER:N	1:A:17:SER:CA	1:A:17:SER:C	17	61.8
(1,233)	1:A:134:ALA:C	1:A:135:ARG:N	1:A:135:ARG:CA	1:A:135:ARG:C	20	61.8
(1,227)	1:A:131:GLN:C	1:A:132:ASP:N	1:A:132:ASP:CA	1:A:132:ASP:C	7	61.8
(1,227)	1:A:131:GLN:C	1:A:132:ASP:N	1:A:132:ASP:CA	1:A:132:ASP:C	12	61.8
(1,162)	1:A:94:HIS:C	1:A:95:GLN:N	1:A:95:GLN:CA	1:A:95:GLN:C	6	61.8
(1,152)	1:A:89:SER:C	1:A:90:PHE:N	1:A:90:PHE:CA	1:A:90:PHE:C	10	61.8
(1,110)	1:A:67:MET:C	1:A:68:ARG:N	1:A:68:ARG:CA	1:A:68:ARG:C	16	61.8
(1,53)	1:A:32:TYR:C	1:A:33:ASP:N	1:A:33:ASP:CA	1:A:33:ASP:C	17	61.7
(1,274)	1:A:158:THR:C	1:A:159:LEU:N	1:A:159:LEU:CA	1:A:159:LEU:C	17	61.7
(1,274)	1:A:158:THR:C	1:A:159:LEU:N	1:A:159:LEU:CA	1:A:159:LEU:C	18	61.7
(1,268)	1:A:155:ALA:C	1:A:156:PHE:N	1:A:156:PHE:CA	1:A:156:PHE:C	19	61.7
(1,255)	1:A:147:LYS:N	1:A:147:LYS:CA	1:A:147:LYS:C	1:A:148:THR:N	10	61.7
(1,227)	1:A:131:GLN:C	1:A:132:ASP:N	1:A:132:ASP:CA	1:A:132:ASP:C	5	61.7
(1,219)	1:A:127:SER:C	1:A:128:ARG:N	1:A:128:ARG:CA	1:A:128:ARG:C	15	61.7
(1,212)	1:A:124:THR:N	1:A:124:THR:CA	1:A:124:THR:C	1:A:125:VAL:N	18	61.7
(1,172)	1:A:99:GLN:C	1:A:100:ILE:N	1:A:100:ILE:CA	1:A:100:ILE:C	3	61.7
(1,168)	1:A:97:ARG:C	1:A:98:GLU:N	1:A:98:GLU:CA	1:A:98:GLU:C	18	61.7
(1,162)	1:A:94:HIS:C	1:A:95:GLN:N	1:A:95:GLN:CA	1:A:95:GLN:C	13	61.7
(1,29)	1:A:17:SER:C	1:A:18:ALA:N	1:A:18:ALA:CA	1:A:18:ALA:C	3	61.6
(1,29)	1:A:17:SER:C	1:A:18:ALA:N	1:A:18:ALA:CA	1:A:18:ALA:C	11	61.6
(1,282)	1:A:162:GLU:C	1:A:163:ILE:N	1:A:163:ILE:CA	1:A:163:ILE:C	1	61.6
(1,274)	1:A:158:THR:C	1:A:159:LEU:N	1:A:159:LEU:CA	1:A:159:LEU:C	2	61.6
(1,217)	1:A:126:GLU:C	1:A:127:SER:N	1:A:127:SER:CA	1:A:127:SER:C	13	61.6
(1,178)	1:A:102:ARG:C	1:A:103:VAL:N	1:A:103:VAL:CA	1:A:103:VAL:C	14	61.6
(1,178)	1:A:102:ARG:C	1:A:103:VAL:N	1:A:103:VAL:CA	1:A:103:VAL:C	17	61.6
(1,150)	1:A:88:LYS:C	1:A:89:SER:N	1:A:89:SER:CA	1:A:89:SER:C	14	61.6
(1,112)	1:A:68:ARG:C	1:A:69:ASP:N	1:A:69:ASP:CA	1:A:69:ASP:C	17	61.6
(1,31)	1:A:18:ALA:C	1:A:19:LEU:N	1:A:19:LEU:CA	1:A:19:LEU:C	14	61.5
(1,31)	1:A:18:ALA:C	1:A:19:LEU:N	1:A:19:LEU:CA	1:A:19:LEU:C	17	61.5
(1,278)	1:A:160:VAL:C	1:A:161:ARG:N	1:A:161:ARG:CA	1:A:161:ARG:C	16	61.5
(1,268)	1:A:155:ALA:C	1:A:156:PHE:N	1:A:156:PHE:CA	1:A:156:PHE:C	4	61.5
(1,227)	1:A:131:GLN:C	1:A:132:ASP:N	1:A:132:ASP:CA	1:A:132:ASP:C	11	61.5
(1,225)	1:A:130:ALA:C	1:A:131:GLN:N	1:A:131:GLN:CA	1:A:131:GLN:C	14	61.5
(1,217)	1:A:126:GLU:C	1:A:127:SER:N	1:A:127:SER:CA	1:A:127:SER:C	17	61.5
(1,164)	1:A:95:GLN:C	1:A:96:TYR:N	1:A:96:TYR:CA	1:A:96:TYR:C	6	61.5
(1,156)	1:A:91:GLU:C	1:A:92:ASP:N	1:A:92:ASP:CA	1:A:92:ASP:C	2	61.5
(1,98)	1:A:61:GLN:C	1:A:62:GLU:N	1:A:62:GLU:CA	1:A:62:GLU:C	12	61.4
(1,37)	1:A:21:ILE:C	1:A:22:GLN:N	1:A:22:GLN:CA	1:A:22:GLN:C	16	61.4
(1,29)	1:A:17:SER:C	1:A:18:ALA:N	1:A:18:ALA:CA	1:A:18:ALA:C	16	61.4
(1,278)	1:A:160:VAL:C	1:A:161:ARG:N	1:A:161:ARG:CA	1:A:161:ARG:C	6	61.4
(1,276)	1:A:159:LEU:C	1:A:160:VAL:N	1:A:160:VAL:CA	1:A:160:VAL:C	8	61.4
(1,24)	1:A:15:GLY:N	1:A:15:GLY:CA	1:A:15:GLY:C	1:A:16:LYS:N	7	61.4

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Atom-3	Atom-4	Model ID	Violation (°)
(1,229)	1:A:132:ASP:C	1:A:133:LEU:N	1:A:133:LEU:CA	1:A:133:LEU:C	15	61.4
(1,227)	1:A:131:GLN:C	1:A:132:ASP:N	1:A:132:ASP:CA	1:A:132:ASP:C	17	61.4
(1,223)	1:A:129:GLN:C	1:A:130:ALA:N	1:A:130:ALA:CA	1:A:130:ALA:C	10	61.4
(1,217)	1:A:126:GLU:C	1:A:127:SER:N	1:A:127:SER:CA	1:A:127:SER:C	10	61.4
(1,217)	1:A:126:GLU:C	1:A:127:SER:N	1:A:127:SER:CA	1:A:127:SER:C	18	61.4
(1,21)	1:A:11:ALA:C	1:A:12:GLY:N	1:A:12:GLY:CA	1:A:12:GLY:C	13	61.4
(1,172)	1:A:99:GLN:C	1:A:100:ILE:N	1:A:100:ILE:CA	1:A:100:ILE:C	7	61.4
(1,162)	1:A:94:HIS:C	1:A:95:GLN:N	1:A:95:GLN:CA	1:A:95:GLN:C	15	61.4
(1,154)	1:A:90:PHE:C	1:A:91:GLU:N	1:A:91:GLU:CA	1:A:91:GLU:C	7	61.4
(1,146)	1:A:86:ASN:C	1:A:87:THR:N	1:A:87:THR:CA	1:A:87:THR:C	6	61.4
(1,112)	1:A:68:ARG:C	1:A:69:ASP:N	1:A:69:ASP:CA	1:A:69:ASP:C	10	61.4
(1,106)	1:A:65:SER:C	1:A:66:ALA:N	1:A:66:ALA:CA	1:A:66:ALA:C	8	61.4
(1,37)	1:A:21:ILE:C	1:A:22:GLN:N	1:A:22:GLN:CA	1:A:22:GLN:C	9	61.3
(1,35)	1:A:20:THR:C	1:A:21:ILE:N	1:A:21:ILE:CA	1:A:21:ILE:C	7	61.3
(1,274)	1:A:158:THR:C	1:A:159:LEU:N	1:A:159:LEU:CA	1:A:159:LEU:C	10	61.3
(1,270)	1:A:156:PHE:C	1:A:157:TYR:N	1:A:157:TYR:CA	1:A:157:TYR:C	10	61.3
(1,229)	1:A:132:ASP:C	1:A:133:LEU:N	1:A:133:LEU:CA	1:A:133:LEU:C	11	61.3
(1,178)	1:A:102:ARG:C	1:A:103:VAL:N	1:A:103:VAL:CA	1:A:103:VAL:C	12	61.3
(1,174)	1:A:100:ILE:C	1:A:101:LYS:N	1:A:101:LYS:CA	1:A:101:LYS:C	14	61.3
(1,162)	1:A:94:HIS:C	1:A:95:GLN:N	1:A:95:GLN:CA	1:A:95:GLN:C	4	61.3
(1,158)	1:A:92:ASP:C	1:A:93:ILE:N	1:A:93:ILE:CA	1:A:93:ILE:C	15	61.3
(1,152)	1:A:89:SER:C	1:A:90:PHE:N	1:A:90:PHE:CA	1:A:90:PHE:C	1	61.3
(1,112)	1:A:68:ARG:C	1:A:69:ASP:N	1:A:69:ASP:CA	1:A:69:ASP:C	9	61.3
(1,111)	1:A:68:ARG:N	1:A:68:ARG:CA	1:A:68:ARG:C	1:A:69:ASP:N	15	61.3
(1,51)	1:A:31:GLU:C	1:A:32:TYR:N	1:A:32:TYR:CA	1:A:32:TYR:C	18	61.2
(1,35)	1:A:20:THR:C	1:A:21:ILE:N	1:A:21:ILE:CA	1:A:21:ILE:C	16	61.2
(1,29)	1:A:17:SER:C	1:A:18:ALA:N	1:A:18:ALA:CA	1:A:18:ALA:C	12	61.2
(1,278)	1:A:160:VAL:C	1:A:161:ARG:N	1:A:161:ARG:CA	1:A:161:ARG:C	3	61.2
(1,272)	1:A:157:TYR:C	1:A:158:THR:N	1:A:158:THR:CA	1:A:158:THR:C	1	61.2
(1,223)	1:A:129:GLN:C	1:A:130:ALA:N	1:A:130:ALA:CA	1:A:130:ALA:C	4	61.2
(1,19)	1:A:10:GLY:C	1:A:11:ALA:N	1:A:11:ALA:CA	1:A:11:ALA:C	5	61.2
(1,166)	1:A:96:TYR:C	1:A:97:ARG:N	1:A:97:ARG:CA	1:A:97:ARG:C	11	61.2
(1,160)	1:A:93:ILE:C	1:A:94:HIS:N	1:A:94:HIS:CA	1:A:94:HIS:C	12	61.2
(1,154)	1:A:90:PHE:C	1:A:91:GLU:N	1:A:91:GLU:CA	1:A:91:GLU:C	20	61.2
(1,37)	1:A:21:ILE:C	1:A:22:GLN:N	1:A:22:GLN:CA	1:A:22:GLN:C	6	61.1
(1,278)	1:A:160:VAL:C	1:A:161:ARG:N	1:A:161:ARG:CA	1:A:161:ARG:C	11	61.1
(1,274)	1:A:158:THR:C	1:A:159:LEU:N	1:A:159:LEU:CA	1:A:159:LEU:C	3	61.1
(1,266)	1:A:154:ASP:C	1:A:155:ALA:N	1:A:155:ALA:CA	1:A:155:ALA:C	4	61.1
(1,229)	1:A:132:ASP:C	1:A:133:LEU:N	1:A:133:LEU:CA	1:A:133:LEU:C	18	61.1
(1,166)	1:A:96:TYR:C	1:A:97:ARG:N	1:A:97:ARG:CA	1:A:97:ARG:C	20	61.1
(1,160)	1:A:93:ILE:C	1:A:94:HIS:N	1:A:94:HIS:CA	1:A:94:HIS:C	17	61.1
(1,156)	1:A:91:GLU:C	1:A:92:ASP:N	1:A:92:ASP:CA	1:A:92:ASP:C	9	61.1
(1,148)	1:A:87:THR:C	1:A:88:LYS:N	1:A:88:LYS:CA	1:A:88:LYS:C	4	61.1
(1,114)	1:A:69:ASP:C	1:A:70:GLN:N	1:A:70:GLN:CA	1:A:70:GLN:C	14	61.1
(1,106)	1:A:65:SER:C	1:A:66:ALA:N	1:A:66:ALA:CA	1:A:66:ALA:C	16	61.1
(1,282)	1:A:162:GLU:C	1:A:163:ILE:N	1:A:163:ILE:CA	1:A:163:ILE:C	16	61.0
(1,231)	1:A:133:LEU:C	1:A:134:ALA:N	1:A:134:ALA:CA	1:A:134:ALA:C	2	61.0
(1,229)	1:A:132:ASP:C	1:A:133:LEU:N	1:A:133:LEU:CA	1:A:133:LEU:C	9	61.0
(1,227)	1:A:131:GLN:C	1:A:132:ASP:N	1:A:132:ASP:CA	1:A:132:ASP:C	13	61.0
(1,223)	1:A:129:GLN:C	1:A:130:ALA:N	1:A:130:ALA:CA	1:A:130:ALA:C	7	61.0
(1,219)	1:A:127:SER:C	1:A:128:ARG:N	1:A:128:ARG:CA	1:A:128:ARG:C	2	61.0

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Atom-3	Atom-4	Model ID	Violation (°)
(1,172)	1:A:99:GLN:C	1:A:100:ILE:N	1:A:100:ILE:CA	1:A:100:ILE:C	15	61.0
(1,166)	1:A:96:TYR:C	1:A:97:ARG:N	1:A:97:ARG:CA	1:A:97:ARG:C	15	61.0
(1,164)	1:A:95:GLN:C	1:A:96:TYR:N	1:A:96:TYR:CA	1:A:96:TYR:C	15	61.0
(1,148)	1:A:87:THR:C	1:A:88:LYS:N	1:A:88:LYS:CA	1:A:88:LYS:C	2	61.0
(1,148)	1:A:87:THR:C	1:A:88:LYS:N	1:A:88:LYS:CA	1:A:88:LYS:C	10	61.0
(1,148)	1:A:87:THR:C	1:A:88:LYS:N	1:A:88:LYS:CA	1:A:88:LYS:C	16	61.0
(1,106)	1:A:65:SER:C	1:A:66:ALA:N	1:A:66:ALA:CA	1:A:66:ALA:C	2	61.0
(1,39)	1:A:22:GLN:C	1:A:23:LEU:N	1:A:23:LEU:CA	1:A:23:LEU:C	15	60.9
(1,35)	1:A:20:THR:C	1:A:21:ILE:N	1:A:21:ILE:CA	1:A:21:ILE:C	4	60.9
(1,272)	1:A:157:TYR:C	1:A:158:THR:N	1:A:158:THR:CA	1:A:158:THR:C	15	60.9
(1,266)	1:A:154:ASP:C	1:A:155:ALA:N	1:A:155:ALA:CA	1:A:155:ALA:C	7	60.9
(1,219)	1:A:127:SER:C	1:A:128:ARG:N	1:A:128:ARG:CA	1:A:128:ARG:C	6	60.9
(1,178)	1:A:102:ARG:C	1:A:103:VAL:N	1:A:103:VAL:CA	1:A:103:VAL:C	11	60.9
(1,172)	1:A:99:GLN:C	1:A:100:ILE:N	1:A:100:ILE:CA	1:A:100:ILE:C	13	60.9
(1,156)	1:A:91:GLU:C	1:A:92:ASP:N	1:A:92:ASP:CA	1:A:92:ASP:C	6	60.9
(1,154)	1:A:90:PHE:C	1:A:91:GLU:N	1:A:91:GLU:CA	1:A:91:GLU:C	3	60.9
(1,148)	1:A:87:THR:C	1:A:88:LYS:N	1:A:88:LYS:CA	1:A:88:LYS:C	7	60.9
(1,114)	1:A:69:ASP:C	1:A:70:GLN:N	1:A:70:GLN:CA	1:A:70:GLN:C	13	60.9
(1,112)	1:A:68:ARG:C	1:A:69:ASP:N	1:A:69:ASP:CA	1:A:69:ASP:C	2	60.9
(1,106)	1:A:65:SER:C	1:A:66:ALA:N	1:A:66:ALA:CA	1:A:66:ALA:C	13	60.9
(1,29)	1:A:17:SER:C	1:A:18:ALA:N	1:A:18:ALA:CA	1:A:18:ALA:C	4	60.8
(1,227)	1:A:131:GLN:C	1:A:132:ASP:N	1:A:132:ASP:CA	1:A:132:ASP:C	10	60.8
(1,223)	1:A:129:GLN:C	1:A:130:ALA:N	1:A:130:ALA:CA	1:A:130:ALA:C	5	60.8
(1,217)	1:A:126:GLU:C	1:A:127:SER:N	1:A:127:SER:CA	1:A:127:SER:C	12	60.8
(1,217)	1:A:126:GLU:C	1:A:127:SER:N	1:A:127:SER:CA	1:A:127:SER:C	14	60.8
(1,166)	1:A:96:TYR:C	1:A:97:ARG:N	1:A:97:ARG:CA	1:A:97:ARG:C	12	60.8
(1,158)	1:A:92:ASP:C	1:A:93:ILE:N	1:A:93:ILE:CA	1:A:93:ILE:C	8	60.8
(1,106)	1:A:65:SER:C	1:A:66:ALA:N	1:A:66:ALA:CA	1:A:66:ALA:C	1	60.8
(1,274)	1:A:158:THR:C	1:A:159:LEU:N	1:A:159:LEU:CA	1:A:159:LEU:C	16	60.7
(1,268)	1:A:155:ALA:C	1:A:156:PHE:N	1:A:156:PHE:CA	1:A:156:PHE:C	6	60.7
(1,266)	1:A:154:ASP:C	1:A:155:ALA:N	1:A:155:ALA:CA	1:A:155:ALA:C	2	60.7
(1,262)	1:A:152:VAL:C	1:A:153:GLU:N	1:A:153:GLU:CA	1:A:153:GLU:C	13	60.7
(1,252)	1:A:145:SER:C	1:A:146:ALA:N	1:A:146:ALA:CA	1:A:146:ALA:C	5	60.7
(1,252)	1:A:145:SER:C	1:A:146:ALA:N	1:A:146:ALA:CA	1:A:146:ALA:C	12	60.7
(1,233)	1:A:134:ALA:C	1:A:135:ARG:N	1:A:135:ARG:CA	1:A:135:ARG:C	12	60.7
(1,231)	1:A:133:LEU:C	1:A:134:ALA:N	1:A:134:ALA:CA	1:A:134:ALA:C	17	60.7
(1,229)	1:A:132:ASP:C	1:A:133:LEU:N	1:A:133:LEU:CA	1:A:133:LEU:C	16	60.7
(1,223)	1:A:129:GLN:C	1:A:130:ALA:N	1:A:130:ALA:CA	1:A:130:ALA:C	20	60.7
(1,174)	1:A:100:ILE:C	1:A:101:LYS:N	1:A:101:LYS:CA	1:A:101:LYS:C	19	60.7
(1,162)	1:A:94:HIS:C	1:A:95:GLN:N	1:A:95:GLN:CA	1:A:95:GLN:C	16	60.7
(1,162)	1:A:94:HIS:C	1:A:95:GLN:N	1:A:95:GLN:CA	1:A:95:GLN:C	20	60.7
(1,118)	1:A:71:TYR:C	1:A:72:MET:N	1:A:72:MET:CA	1:A:72:MET:C	2	60.7
(1,114)	1:A:69:ASP:C	1:A:70:GLN:N	1:A:70:GLN:CA	1:A:70:GLN:C	7	60.7
(1,270)	1:A:156:PHE:C	1:A:157:TYR:N	1:A:157:TYR:CA	1:A:157:TYR:C	14	60.6
(1,227)	1:A:131:GLN:C	1:A:132:ASP:N	1:A:132:ASP:CA	1:A:132:ASP:C	9	60.6
(1,120)	1:A:72:MET:C	1:A:73:ARG:N	1:A:73:ARG:CA	1:A:73:ARG:C	10	60.6
(1,272)	1:A:157:TYR:C	1:A:158:THR:N	1:A:158:THR:CA	1:A:158:THR:C	11	60.5
(1,268)	1:A:155:ALA:C	1:A:156:PHE:N	1:A:156:PHE:CA	1:A:156:PHE:C	5	60.5
(1,255)	1:A:147:LYS:N	1:A:147:LYS:CA	1:A:147:LYS:C	1:A:148:THR:N	17	60.5
(1,227)	1:A:131:GLN:C	1:A:132:ASP:N	1:A:132:ASP:CA	1:A:132:ASP:C	1	60.5
(1,223)	1:A:129:GLN:C	1:A:130:ALA:N	1:A:130:ALA:CA	1:A:130:ALA:C	11	60.5

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Atom-3	Atom-4	Model ID	Violation (°)
(1,106)	1:A:65:SER:C	1:A:66:ALA:N	1:A:66:ALA:CA	1:A:66:ALA:C	14	60.5
(1,284)	1:A:163:ILE:C	1:A:164:ARG:N	1:A:164:ARG:CA	1:A:164:ARG:C	7	60.4
(1,262)	1:A:152:VAL:C	1:A:153:GLU:N	1:A:153:GLU:CA	1:A:153:GLU:C	8	60.4
(1,219)	1:A:127:SER:C	1:A:128:ARG:N	1:A:128:ARG:CA	1:A:128:ARG:C	8	60.4
(1,164)	1:A:95:GLN:C	1:A:96:TYR:N	1:A:96:TYR:CA	1:A:96:TYR:C	20	60.4
(1,160)	1:A:93:ILE:C	1:A:94:HIS:N	1:A:94:HIS:CA	1:A:94:HIS:C	9	60.4
(1,158)	1:A:92:ASP:C	1:A:93:ILE:N	1:A:93:ILE:CA	1:A:93:ILE:C	14	60.4
(1,120)	1:A:72:MET:C	1:A:73:ARG:N	1:A:73:ARG:CA	1:A:73:ARG:C	5	60.4
(1,274)	1:A:158:THR:C	1:A:159:LEU:N	1:A:159:LEU:CA	1:A:159:LEU:C	8	60.3
(1,274)	1:A:158:THR:C	1:A:159:LEU:N	1:A:159:LEU:CA	1:A:159:LEU:C	13	60.3
(1,207)	1:A:121:ALA:C	1:A:122:ALA:N	1:A:122:ALA:CA	1:A:122:ALA:C	3	60.3
(1,174)	1:A:100:ILE:C	1:A:101:LYS:N	1:A:101:LYS:CA	1:A:101:LYS:C	13	60.3
(1,162)	1:A:94:HIS:C	1:A:95:GLN:N	1:A:95:GLN:CA	1:A:95:GLN:C	5	60.3
(1,160)	1:A:93:ILE:C	1:A:94:HIS:N	1:A:94:HIS:CA	1:A:94:HIS:C	3	60.3
(1,29)	1:A:17:SER:C	1:A:18:ALA:N	1:A:18:ALA:CA	1:A:18:ALA:C	1	60.2
(1,27)	1:A:16:LYS:C	1:A:17:SER:N	1:A:17:SER:CA	1:A:17:SER:C	15	60.2
(1,150)	1:A:88:LYS:C	1:A:89:SER:N	1:A:89:SER:CA	1:A:89:SER:C	1	60.2
(1,106)	1:A:65:SER:C	1:A:66:ALA:N	1:A:66:ALA:CA	1:A:66:ALA:C	6	60.2
(1,284)	1:A:163:ILE:C	1:A:164:ARG:N	1:A:164:ARG:CA	1:A:164:ARG:C	4	60.1
(1,276)	1:A:159:LEU:C	1:A:160:VAL:N	1:A:160:VAL:CA	1:A:160:VAL:C	14	60.1
(1,270)	1:A:156:PHE:C	1:A:157:TYR:N	1:A:157:TYR:CA	1:A:157:TYR:C	8	60.1
(1,225)	1:A:130:ALA:C	1:A:131:GLN:N	1:A:131:GLN:CA	1:A:131:GLN:C	13	60.1
(1,223)	1:A:129:GLN:C	1:A:130:ALA:N	1:A:130:ALA:CA	1:A:130:ALA:C	9	60.1
(1,35)	1:A:20:THR:C	1:A:21:ILE:N	1:A:21:ILE:CA	1:A:21:ILE:C	10	60.0
(1,29)	1:A:17:SER:C	1:A:18:ALA:N	1:A:18:ALA:CA	1:A:18:ALA:C	5	60.0
(1,270)	1:A:156:PHE:C	1:A:157:TYR:N	1:A:157:TYR:CA	1:A:157:TYR:C	12	60.0
(1,168)	1:A:97:ARG:C	1:A:98:GLU:N	1:A:98:GLU:CA	1:A:98:GLU:C	19	60.0
(1,150)	1:A:88:LYS:C	1:A:89:SER:N	1:A:89:SER:CA	1:A:89:SER:C	13	60.0
(1,146)	1:A:86:ASN:C	1:A:87:THR:N	1:A:87:THR:CA	1:A:87:THR:C	15	60.0
(1,114)	1:A:69:ASP:C	1:A:70:GLN:N	1:A:70:GLN:CA	1:A:70:GLN:C	10	60.0
(1,110)	1:A:67:MET:C	1:A:68:ARG:N	1:A:68:ARG:CA	1:A:68:ARG:C	7	60.0
(1,53)	1:A:32:TYR:C	1:A:33:ASP:N	1:A:33:ASP:CA	1:A:33:ASP:C	10	59.9
(1,35)	1:A:20:THR:C	1:A:21:ILE:N	1:A:21:ILE:CA	1:A:21:ILE:C	12	59.9
(1,29)	1:A:17:SER:C	1:A:18:ALA:N	1:A:18:ALA:CA	1:A:18:ALA:C	8	59.9
(1,274)	1:A:158:THR:C	1:A:159:LEU:N	1:A:159:LEU:CA	1:A:159:LEU:C	5	59.9
(1,270)	1:A:156:PHE:C	1:A:157:TYR:N	1:A:157:TYR:CA	1:A:157:TYR:C	13	59.9
(1,217)	1:A:126:GLU:C	1:A:127:SER:N	1:A:127:SER:CA	1:A:127:SER:C	20	59.9
(1,146)	1:A:86:ASN:C	1:A:87:THR:N	1:A:87:THR:CA	1:A:87:THR:C	16	59.9
(1,114)	1:A:69:ASP:C	1:A:70:GLN:N	1:A:70:GLN:CA	1:A:70:GLN:C	3	59.9
(1,112)	1:A:68:ARG:C	1:A:69:ASP:N	1:A:69:ASP:CA	1:A:69:ASP:C	14	59.9
(1,111)	1:A:68:ARG:N	1:A:68:ARG:CA	1:A:68:ARG:C	1:A:69:ASP:N	4	59.9
(1,278)	1:A:160:VAL:C	1:A:161:ARG:N	1:A:161:ARG:CA	1:A:161:ARG:C	18	59.8
(1,276)	1:A:159:LEU:C	1:A:160:VAL:N	1:A:160:VAL:CA	1:A:160:VAL:C	6	59.8
(1,274)	1:A:158:THR:C	1:A:159:LEU:N	1:A:159:LEU:CA	1:A:159:LEU:C	4	59.8
(1,262)	1:A:152:VAL:C	1:A:153:GLU:N	1:A:153:GLU:CA	1:A:153:GLU:C	1	59.8
(1,227)	1:A:131:GLN:C	1:A:132:ASP:N	1:A:132:ASP:CA	1:A:132:ASP:C	3	59.8
(1,225)	1:A:130:ALA:C	1:A:131:GLN:N	1:A:131:GLN:CA	1:A:131:GLN:C	15	59.8
(1,223)	1:A:129:GLN:C	1:A:130:ALA:N	1:A:130:ALA:CA	1:A:130:ALA:C	8	59.8
(1,172)	1:A:99:GLN:C	1:A:100:ILE:N	1:A:100:ILE:CA	1:A:100:ILE:C	5	59.8
(1,166)	1:A:96:TYR:C	1:A:97:ARG:N	1:A:97:ARG:CA	1:A:97:ARG:C	2	59.8
(1,148)	1:A:87:THR:C	1:A:88:LYS:N	1:A:88:LYS:CA	1:A:88:LYS:C	11	59.8

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Atom-3	Atom-4	Model ID	Violation (°)
(1,146)	1:A:86:ASN:C	1:A:87:THR:N	1:A:87:THR:CA	1:A:87:THR:C	5	59.8
(1,278)	1:A:160:VAL:C	1:A:161:ARG:N	1:A:161:ARG:CA	1:A:161:ARG:C	20	59.7
(1,166)	1:A:96:TYR:C	1:A:97:ARG:N	1:A:97:ARG:CA	1:A:97:ARG:C	4	59.7
(1,162)	1:A:94:HIS:C	1:A:95:GLN:N	1:A:95:GLN:CA	1:A:95:GLN:C	7	59.7
(1,114)	1:A:69:ASP:C	1:A:70:GLN:N	1:A:70:GLN:CA	1:A:70:GLN:C	20	59.7
(1,33)	1:A:19:LEU:C	1:A:20:THR:N	1:A:20:THR:CA	1:A:20:THR:C	16	59.6
(1,29)	1:A:17:SER:C	1:A:18:ALA:N	1:A:18:ALA:CA	1:A:18:ALA:C	20	59.6
(1,262)	1:A:152:VAL:C	1:A:153:GLU:N	1:A:153:GLU:CA	1:A:153:GLU:C	3	59.6
(1,223)	1:A:129:GLN:C	1:A:130:ALA:N	1:A:130:ALA:CA	1:A:130:ALA:C	17	59.6
(1,152)	1:A:89:SER:C	1:A:90:PHE:N	1:A:90:PHE:CA	1:A:90:PHE:C	8	59.6
(1,33)	1:A:19:LEU:C	1:A:20:THR:N	1:A:20:THR:CA	1:A:20:THR:C	14	59.5
(1,282)	1:A:162:GLU:C	1:A:163:ILE:N	1:A:163:ILE:CA	1:A:163:ILE:C	4	59.5
(1,268)	1:A:155:ALA:C	1:A:156:PHE:N	1:A:156:PHE:CA	1:A:156:PHE:C	13	59.4
(1,262)	1:A:152:VAL:C	1:A:153:GLU:N	1:A:153:GLU:CA	1:A:153:GLU:C	14	59.4
(1,120)	1:A:72:MET:C	1:A:73:ARG:N	1:A:73:ARG:CA	1:A:73:ARG:C	11	59.4
(1,112)	1:A:68:ARG:C	1:A:69:ASP:N	1:A:69:ASP:CA	1:A:69:ASP:C	20	59.4
(1,111)	1:A:68:ARG:N	1:A:68:ARG:CA	1:A:68:ARG:C	1:A:69:ASP:N	6	59.4
(1,278)	1:A:160:VAL:C	1:A:161:ARG:N	1:A:161:ARG:CA	1:A:161:ARG:C	19	59.3
(1,252)	1:A:145:SER:C	1:A:146:ALA:N	1:A:146:ALA:CA	1:A:146:ALA:C	8	59.3
(1,25)	1:A:15:GLY:C	1:A:16:LYS:N	1:A:16:LYS:CA	1:A:16:LYS:C	20	59.3
(1,227)	1:A:131:GLN:C	1:A:132:ASP:N	1:A:132:ASP:CA	1:A:132:ASP:C	2	59.3
(1,227)	1:A:131:GLN:C	1:A:132:ASP:N	1:A:132:ASP:CA	1:A:132:ASP:C	16	59.3
(1,166)	1:A:96:TYR:C	1:A:97:ARG:N	1:A:97:ARG:CA	1:A:97:ARG:C	13	59.3
(1,152)	1:A:89:SER:C	1:A:90:PHE:N	1:A:90:PHE:CA	1:A:90:PHE:C	7	59.3
(1,219)	1:A:127:SER:C	1:A:128:ARG:N	1:A:128:ARG:CA	1:A:128:ARG:C	19	59.2
(1,260)	1:A:151:GLY:C	1:A:152:VAL:N	1:A:152:VAL:CA	1:A:152:VAL:C	12	59.1
(1,164)	1:A:95:GLN:C	1:A:96:TYR:N	1:A:96:TYR:CA	1:A:96:TYR:C	18	59.1
(1,160)	1:A:93:ILE:C	1:A:94:HIS:N	1:A:94:HIS:CA	1:A:94:HIS:C	5	59.1
(1,150)	1:A:88:LYS:C	1:A:89:SER:N	1:A:89:SER:CA	1:A:89:SER:C	18	59.1
(1,106)	1:A:65:SER:C	1:A:66:ALA:N	1:A:66:ALA:CA	1:A:66:ALA:C	10	59.1
(1,101)	1:A:63:GLU:N	1:A:63:GLU:CA	1:A:63:GLU:C	1:A:64:TYR:N	13	59.1
(1,223)	1:A:129:GLN:C	1:A:130:ALA:N	1:A:130:ALA:CA	1:A:130:ALA:C	18	59.0
(1,219)	1:A:127:SER:C	1:A:128:ARG:N	1:A:128:ARG:CA	1:A:128:ARG:C	14	59.0
(1,164)	1:A:95:GLN:C	1:A:96:TYR:N	1:A:96:TYR:CA	1:A:96:TYR:C	13	59.0
(1,150)	1:A:88:LYS:C	1:A:89:SER:N	1:A:89:SER:CA	1:A:89:SER:C	11	59.0
(1,262)	1:A:152:VAL:C	1:A:153:GLU:N	1:A:153:GLU:CA	1:A:153:GLU:C	9	58.9
(1,260)	1:A:151:GLY:C	1:A:152:VAL:N	1:A:152:VAL:CA	1:A:152:VAL:C	3	58.9
(1,223)	1:A:129:GLN:C	1:A:130:ALA:N	1:A:130:ALA:CA	1:A:130:ALA:C	16	58.9
(1,219)	1:A:127:SER:C	1:A:128:ARG:N	1:A:128:ARG:CA	1:A:128:ARG:C	13	58.9
(1,164)	1:A:95:GLN:C	1:A:96:TYR:N	1:A:96:TYR:CA	1:A:96:TYR:C	14	58.9
(1,106)	1:A:65:SER:C	1:A:66:ALA:N	1:A:66:ALA:CA	1:A:66:ALA:C	17	58.9
(1,172)	1:A:99:GLN:C	1:A:100:ILE:N	1:A:100:ILE:CA	1:A:100:ILE:C	9	58.8
(1,172)	1:A:99:GLN:C	1:A:100:ILE:N	1:A:100:ILE:CA	1:A:100:ILE:C	11	58.8
(1,172)	1:A:99:GLN:C	1:A:100:ILE:N	1:A:100:ILE:CA	1:A:100:ILE:C	20	58.8
(1,164)	1:A:95:GLN:C	1:A:96:TYR:N	1:A:96:TYR:CA	1:A:96:TYR:C	7	58.8
(1,152)	1:A:89:SER:C	1:A:90:PHE:N	1:A:90:PHE:CA	1:A:90:PHE:C	13	58.8
(1,146)	1:A:86:ASN:C	1:A:87:THR:N	1:A:87:THR:CA	1:A:87:THR:C	2	58.8
(1,120)	1:A:72:MET:C	1:A:73:ARG:N	1:A:73:ARG:CA	1:A:73:ARG:C	12	58.8
(1,56)	1:A:35:SER:C	1:A:36:ILE:N	1:A:36:ILE:CA	1:A:36:ILE:C	13	58.7
(1,278)	1:A:160:VAL:C	1:A:161:ARG:N	1:A:161:ARG:CA	1:A:161:ARG:C	14	58.7
(1,270)	1:A:156:PHE:C	1:A:157:TYR:N	1:A:157:TYR:CA	1:A:157:TYR:C	16	58.7

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Atom-3	Atom-4	Model ID	Violation (°)
(1,268)	1:A:155:ALA:C	1:A:156:PHE:N	1:A:156:PHE:CA	1:A:156:PHE:C	3	58.7
(1,260)	1:A:151:GLY:C	1:A:152:VAL:N	1:A:152:VAL:CA	1:A:152:VAL:C	14	58.7
(1,227)	1:A:131:GLN:C	1:A:132:ASP:N	1:A:132:ASP:CA	1:A:132:ASP:C	4	58.7
(1,217)	1:A:126:GLU:C	1:A:127:SER:N	1:A:127:SER:CA	1:A:127:SER:C	16	58.7
(1,160)	1:A:93:ILE:C	1:A:94:HIS:N	1:A:94:HIS:CA	1:A:94:HIS:C	6	58.7
(1,160)	1:A:93:ILE:C	1:A:94:HIS:N	1:A:94:HIS:CA	1:A:94:HIS:C	7	58.7
(1,37)	1:A:21:ILE:C	1:A:22:GLN:N	1:A:22:GLN:CA	1:A:22:GLN:C	10	58.6
(1,274)	1:A:158:THR:C	1:A:159:LEU:N	1:A:159:LEU:CA	1:A:159:LEU:C	1	58.6
(1,270)	1:A:156:PHE:C	1:A:157:TYR:N	1:A:157:TYR:CA	1:A:157:TYR:C	19	58.6
(1,252)	1:A:145:SER:C	1:A:146:ALA:N	1:A:146:ALA:CA	1:A:146:ALA:C	13	58.6
(1,183)	1:A:106:SER:N	1:A:106:SER:CA	1:A:106:SER:C	1:A:107:ASP:N	3	58.6
(1,166)	1:A:96:TYR:C	1:A:97:ARG:N	1:A:97:ARG:CA	1:A:97:ARG:C	14	58.6
(1,160)	1:A:93:ILE:C	1:A:94:HIS:N	1:A:94:HIS:CA	1:A:94:HIS:C	15	58.6
(1,29)	1:A:17:SER:C	1:A:18:ALA:N	1:A:18:ALA:CA	1:A:18:ALA:C	9	58.5
(1,172)	1:A:99:GLN:C	1:A:100:ILE:N	1:A:100:ILE:CA	1:A:100:ILE:C	16	58.5
(1,146)	1:A:86:ASN:C	1:A:87:THR:N	1:A:87:THR:CA	1:A:87:THR:C	20	58.5
(1,118)	1:A:71:TYR:C	1:A:72:MET:N	1:A:72:MET:CA	1:A:72:MET:C	19	58.5
(1,114)	1:A:69:ASP:C	1:A:70:GLN:N	1:A:70:GLN:CA	1:A:70:GLN:C	4	58.5
(1,270)	1:A:156:PHE:C	1:A:157:TYR:N	1:A:157:TYR:CA	1:A:157:TYR:C	11	58.4
(1,268)	1:A:155:ALA:C	1:A:156:PHE:N	1:A:156:PHE:CA	1:A:156:PHE:C	20	58.4
(1,227)	1:A:131:GLN:C	1:A:132:ASP:N	1:A:132:ASP:CA	1:A:132:ASP:C	8	58.4
(1,227)	1:A:131:GLN:C	1:A:132:ASP:N	1:A:132:ASP:CA	1:A:132:ASP:C	15	58.4
(1,164)	1:A:95:GLN:C	1:A:96:TYR:N	1:A:96:TYR:CA	1:A:96:TYR:C	12	58.4
(1,150)	1:A:88:LYS:C	1:A:89:SER:N	1:A:89:SER:CA	1:A:89:SER:C	20	58.4
(1,107)	1:A:66:ALA:N	1:A:66:ALA:CA	1:A:66:ALA:C	1:A:67:MET:N	20	58.4
(1,106)	1:A:65:SER:C	1:A:66:ALA:N	1:A:66:ALA:CA	1:A:66:ALA:C	3	58.4
(1,35)	1:A:20:THR:C	1:A:21:ILE:N	1:A:21:ILE:CA	1:A:21:ILE:C	19	58.3
(1,164)	1:A:95:GLN:C	1:A:96:TYR:N	1:A:96:TYR:CA	1:A:96:TYR:C	10	58.3
(1,150)	1:A:88:LYS:C	1:A:89:SER:N	1:A:89:SER:CA	1:A:89:SER:C	17	58.3
(1,120)	1:A:72:MET:C	1:A:73:ARG:N	1:A:73:ARG:CA	1:A:73:ARG:C	15	58.3
(1,112)	1:A:68:ARG:C	1:A:69:ASP:N	1:A:69:ASP:CA	1:A:69:ASP:C	8	58.3
(1,262)	1:A:152:VAL:C	1:A:153:GLU:N	1:A:153:GLU:CA	1:A:153:GLU:C	20	58.2
(1,174)	1:A:100:ILE:C	1:A:101:LYS:N	1:A:101:LYS:CA	1:A:101:LYS:C	3	58.2
(1,276)	1:A:159:LEU:C	1:A:160:VAL:N	1:A:160:VAL:CA	1:A:160:VAL:C	15	58.1
(1,274)	1:A:158:THR:C	1:A:159:LEU:N	1:A:159:LEU:CA	1:A:159:LEU:C	19	58.1
(1,254)	1:A:146:ALA:C	1:A:147:LYS:N	1:A:147:LYS:CA	1:A:147:LYS:C	10	58.1
(1,231)	1:A:133:LEU:C	1:A:134:ALA:N	1:A:134:ALA:CA	1:A:134:ALA:C	10	58.1
(1,152)	1:A:89:SER:C	1:A:90:PHE:N	1:A:90:PHE:CA	1:A:90:PHE:C	12	58.1
(1,146)	1:A:86:ASN:C	1:A:87:THR:N	1:A:87:THR:CA	1:A:87:THR:C	4	58.1
(1,262)	1:A:152:VAL:C	1:A:153:GLU:N	1:A:153:GLU:CA	1:A:153:GLU:C	18	58.0
(1,223)	1:A:129:GLN:C	1:A:130:ALA:N	1:A:130:ALA:CA	1:A:130:ALA:C	12	58.0
(1,174)	1:A:100:ILE:C	1:A:101:LYS:N	1:A:101:LYS:CA	1:A:101:LYS:C	18	58.0
(1,172)	1:A:99:GLN:C	1:A:100:ILE:N	1:A:100:ILE:CA	1:A:100:ILE:C	10	58.0
(1,164)	1:A:95:GLN:C	1:A:96:TYR:N	1:A:96:TYR:CA	1:A:96:TYR:C	17	58.0
(1,146)	1:A:86:ASN:C	1:A:87:THR:N	1:A:87:THR:CA	1:A:87:THR:C	10	58.0
(1,118)	1:A:71:TYR:C	1:A:72:MET:N	1:A:72:MET:CA	1:A:72:MET:C	4	58.0
(1,276)	1:A:159:LEU:C	1:A:160:VAL:N	1:A:160:VAL:CA	1:A:160:VAL:C	16	57.9
(1,274)	1:A:158:THR:C	1:A:159:LEU:N	1:A:159:LEU:CA	1:A:159:LEU:C	12	57.9
(1,175)	1:A:101:LYS:N	1:A:101:LYS:CA	1:A:101:LYS:C	1:A:102:ARG:N	7	57.9
(1,156)	1:A:91:GLU:C	1:A:92:ASP:N	1:A:92:ASP:CA	1:A:92:ASP:C	1	57.9
(1,114)	1:A:69:ASP:C	1:A:70:GLN:N	1:A:70:GLN:CA	1:A:70:GLN:C	2	57.9

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Atom-3	Atom-4	Model ID	Violation (°)
(1,29)	1:A:17:SER:C	1:A:18:ALA:N	1:A:18:ALA:CA	1:A:18:ALA:C	6	57.8
(1,252)	1:A:145:SER:C	1:A:146:ALA:N	1:A:146:ALA:CA	1:A:146:ALA:C	6	57.8
(1,174)	1:A:100:ILE:C	1:A:101:LYS:N	1:A:101:LYS:CA	1:A:101:LYS:C	17	57.8
(1,166)	1:A:96:TYR:C	1:A:97:ARG:N	1:A:97:ARG:CA	1:A:97:ARG:C	7	57.8
(1,164)	1:A:95:GLN:C	1:A:96:TYR:N	1:A:96:TYR:CA	1:A:96:TYR:C	1	57.8
(1,166)	1:A:96:TYR:C	1:A:97:ARG:N	1:A:97:ARG:CA	1:A:97:ARG:C	6	57.7
(1,150)	1:A:88:LYS:C	1:A:89:SER:N	1:A:89:SER:CA	1:A:89:SER:C	3	57.7
(1,150)	1:A:88:LYS:C	1:A:89:SER:N	1:A:89:SER:CA	1:A:89:SER:C	4	57.7
(1,268)	1:A:155:ALA:C	1:A:156:PHE:N	1:A:156:PHE:CA	1:A:156:PHE:C	17	57.6
(1,213)	1:A:124:THR:C	1:A:125:VAL:N	1:A:125:VAL:CA	1:A:125:VAL:C	16	57.6
(1,174)	1:A:100:ILE:C	1:A:101:LYS:N	1:A:101:LYS:CA	1:A:101:LYS:C	9	57.6
(1,150)	1:A:88:LYS:C	1:A:89:SER:N	1:A:89:SER:CA	1:A:89:SER:C	9	57.6
(1,146)	1:A:86:ASN:C	1:A:87:THR:N	1:A:87:THR:CA	1:A:87:THR:C	11	57.6
(1,100)	1:A:62:GLU:C	1:A:63:GLU:N	1:A:63:GLU:CA	1:A:63:GLU:C	11	57.6
(1,260)	1:A:151:GLY:C	1:A:152:VAL:N	1:A:152:VAL:CA	1:A:152:VAL:C	19	57.5
(1,252)	1:A:145:SER:C	1:A:146:ALA:N	1:A:146:ALA:CA	1:A:146:ALA:C	11	57.5
(1,219)	1:A:127:SER:C	1:A:128:ARG:N	1:A:128:ARG:CA	1:A:128:ARG:C	1	57.5
(1,109)	1:A:67:MET:N	1:A:67:MET:CA	1:A:67:MET:C	1:A:68:ARG:N	3	57.5
(1,98)	1:A:61:GLN:C	1:A:62:GLU:N	1:A:62:GLU:CA	1:A:62:GLU:C	9	57.4
(1,172)	1:A:99:GLN:C	1:A:100:ILE:N	1:A:100:ILE:CA	1:A:100:ILE:C	18	57.4
(1,160)	1:A:93:ILE:C	1:A:94:HIS:N	1:A:94:HIS:CA	1:A:94:HIS:C	4	57.4
(1,252)	1:A:145:SER:C	1:A:146:ALA:N	1:A:146:ALA:CA	1:A:146:ALA:C	18	57.3
(1,217)	1:A:126:GLU:C	1:A:127:SER:N	1:A:127:SER:CA	1:A:127:SER:C	5	57.3
(1,156)	1:A:91:GLU:C	1:A:92:ASP:N	1:A:92:ASP:CA	1:A:92:ASP:C	8	57.2
(1,152)	1:A:89:SER:C	1:A:90:PHE:N	1:A:90:PHE:CA	1:A:90:PHE:C	19	57.2
(1,231)	1:A:133:LEU:C	1:A:134:ALA:N	1:A:134:ALA:CA	1:A:134:ALA:C	19	57.1
(1,225)	1:A:130:ALA:C	1:A:131:GLN:N	1:A:131:GLN:CA	1:A:131:GLN:C	4	57.1
(1,172)	1:A:99:GLN:C	1:A:100:ILE:N	1:A:100:ILE:CA	1:A:100:ILE:C	19	57.1
(1,252)	1:A:145:SER:C	1:A:146:ALA:N	1:A:146:ALA:CA	1:A:146:ALA:C	9	57.0
(1,177)	1:A:102:ARG:N	1:A:102:ARG:CA	1:A:102:ARG:C	1:A:103:VAL:N	5	57.0
(1,160)	1:A:93:ILE:C	1:A:94:HIS:N	1:A:94:HIS:CA	1:A:94:HIS:C	16	57.0
(1,219)	1:A:127:SER:C	1:A:128:ARG:N	1:A:128:ARG:CA	1:A:128:ARG:C	3	56.9
(1,160)	1:A:93:ILE:C	1:A:94:HIS:N	1:A:94:HIS:CA	1:A:94:HIS:C	20	56.9
(1,150)	1:A:88:LYS:C	1:A:89:SER:N	1:A:89:SER:CA	1:A:89:SER:C	10	56.9
(1,223)	1:A:129:GLN:C	1:A:130:ALA:N	1:A:130:ALA:CA	1:A:130:ALA:C	15	56.8
(1,166)	1:A:96:TYR:C	1:A:97:ARG:N	1:A:97:ARG:CA	1:A:97:ARG:C	8	56.8
(1,164)	1:A:95:GLN:C	1:A:96:TYR:N	1:A:96:TYR:CA	1:A:96:TYR:C	16	56.8
(1,150)	1:A:88:LYS:C	1:A:89:SER:N	1:A:89:SER:CA	1:A:89:SER:C	5	56.8
(1,29)	1:A:17:SER:C	1:A:18:ALA:N	1:A:18:ALA:CA	1:A:18:ALA:C	2	56.7
(1,278)	1:A:160:VAL:C	1:A:161:ARG:N	1:A:161:ARG:CA	1:A:161:ARG:C	12	56.7
(1,27)	1:A:16:LYS:C	1:A:17:SER:N	1:A:17:SER:CA	1:A:17:SER:C	18	56.7
(1,229)	1:A:132:ASP:C	1:A:133:LEU:N	1:A:133:LEU:CA	1:A:133:LEU:C	8	56.7
(1,225)	1:A:130:ALA:C	1:A:131:GLN:N	1:A:131:GLN:CA	1:A:131:GLN:C	3	56.7
(1,151)	1:A:89:SER:N	1:A:89:SER:CA	1:A:89:SER:C	1:A:90:PHE:N	14	56.7
(1,150)	1:A:88:LYS:C	1:A:89:SER:N	1:A:89:SER:CA	1:A:89:SER:C	8	56.7
(1,100)	1:A:62:GLU:C	1:A:63:GLU:N	1:A:63:GLU:CA	1:A:63:GLU:C	12	56.7
(1,217)	1:A:126:GLU:C	1:A:127:SER:N	1:A:127:SER:CA	1:A:127:SER:C	6	56.6
(1,166)	1:A:96:TYR:C	1:A:97:ARG:N	1:A:97:ARG:CA	1:A:97:ARG:C	10	56.6
(1,146)	1:A:86:ASN:C	1:A:87:THR:N	1:A:87:THR:CA	1:A:87:THR:C	12	56.6
(1,94)	1:A:57:ASP:C	1:A:58:THR:N	1:A:58:THR:CA	1:A:58:THR:C	4	56.5
(1,37)	1:A:21:ILE:C	1:A:22:GLN:N	1:A:22:GLN:CA	1:A:22:GLN:C	19	56.5

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Atom-3	Atom-4	Model ID	Violation (°)
(1,225)	1:A:130:ALA:C	1:A:131:GLN:N	1:A:131:GLN:CA	1:A:131:GLN:C	7	56.5
(1,174)	1:A:100:ILE:C	1:A:101:LYS:N	1:A:101:LYS:CA	1:A:101:LYS:C	11	56.5
(1,160)	1:A:93:ILE:C	1:A:94:HIS:N	1:A:94:HIS:CA	1:A:94:HIS:C	10	56.5
(1,114)	1:A:69:ASP:C	1:A:70:GLN:N	1:A:70:GLN:CA	1:A:70:GLN:C	9	56.5
(1,260)	1:A:151:GLY:C	1:A:152:VAL:N	1:A:152:VAL:CA	1:A:152:VAL:C	13	56.4
(1,217)	1:A:126:GLU:C	1:A:127:SER:N	1:A:127:SER:CA	1:A:127:SER:C	7	56.4
(1,19)	1:A:10:GLY:C	1:A:11:ALA:N	1:A:11:ALA:CA	1:A:11:ALA:C	11	56.4
(1,29)	1:A:17:SER:C	1:A:18:ALA:N	1:A:18:ALA:CA	1:A:18:ALA:C	15	56.3
(1,278)	1:A:160:VAL:C	1:A:161:ARG:N	1:A:161:ARG:CA	1:A:161:ARG:C	5	56.3
(1,164)	1:A:95:GLN:C	1:A:96:TYR:N	1:A:96:TYR:CA	1:A:96:TYR:C	5	56.3
(1,262)	1:A:152:VAL:C	1:A:153:GLU:N	1:A:153:GLU:CA	1:A:153:GLU:C	16	56.2
(1,56)	1:A:35:SER:C	1:A:36:ILE:N	1:A:36:ILE:CA	1:A:36:ILE:C	14	56.1
(1,278)	1:A:160:VAL:C	1:A:161:ARG:N	1:A:161:ARG:CA	1:A:161:ARG:C	17	56.1
(1,160)	1:A:93:ILE:C	1:A:94:HIS:N	1:A:94:HIS:CA	1:A:94:HIS:C	19	56.1
(1,213)	1:A:124:THR:C	1:A:125:VAL:N	1:A:125:VAL:CA	1:A:125:VAL:C	15	56.0
(1,274)	1:A:158:THR:C	1:A:159:LEU:N	1:A:159:LEU:CA	1:A:159:LEU:C	15	55.9
(1,262)	1:A:152:VAL:C	1:A:153:GLU:N	1:A:153:GLU:CA	1:A:153:GLU:C	10	55.9
(1,19)	1:A:10:GLY:C	1:A:11:ALA:N	1:A:11:ALA:CA	1:A:11:ALA:C	3	55.9
(1,42)	1:A:24:ILE:N	1:A:24:ILE:CA	1:A:24:ILE:C	1:A:25:GLN:N	12	55.8
(1,262)	1:A:152:VAL:C	1:A:153:GLU:N	1:A:153:GLU:CA	1:A:153:GLU:C	4	55.8
(1,260)	1:A:151:GLY:C	1:A:152:VAL:N	1:A:152:VAL:CA	1:A:152:VAL:C	4	55.8
(1,25)	1:A:15:GLY:C	1:A:16:LYS:N	1:A:16:LYS:CA	1:A:16:LYS:C	16	55.8
(1,166)	1:A:96:TYR:C	1:A:97:ARG:N	1:A:97:ARG:CA	1:A:97:ARG:C	5	55.8
(1,166)	1:A:96:TYR:C	1:A:97:ARG:N	1:A:97:ARG:CA	1:A:97:ARG:C	9	55.8
(1,262)	1:A:152:VAL:C	1:A:153:GLU:N	1:A:153:GLU:CA	1:A:153:GLU:C	6	55.7
(1,207)	1:A:121:ALA:C	1:A:122:ALA:N	1:A:122:ALA:CA	1:A:122:ALA:C	8	55.7
(1,148)	1:A:87:THR:C	1:A:88:LYS:N	1:A:88:LYS:CA	1:A:88:LYS:C	12	55.7
(1,177)	1:A:102:ARG:N	1:A:102:ARG:CA	1:A:102:ARG:C	1:A:103:VAL:N	7	55.6
(1,164)	1:A:95:GLN:C	1:A:96:TYR:N	1:A:96:TYR:CA	1:A:96:TYR:C	4	55.6
(1,164)	1:A:95:GLN:C	1:A:96:TYR:N	1:A:96:TYR:CA	1:A:96:TYR:C	11	55.6
(1,120)	1:A:72:MET:C	1:A:73:ARG:N	1:A:73:ARG:CA	1:A:73:ARG:C	7	55.6
(1,102)	1:A:63:GLU:C	1:A:64:TYR:N	1:A:64:TYR:CA	1:A:64:TYR:C	20	55.6
(1,262)	1:A:152:VAL:C	1:A:153:GLU:N	1:A:153:GLU:CA	1:A:153:GLU:C	12	55.5
(1,160)	1:A:93:ILE:C	1:A:94:HIS:N	1:A:94:HIS:CA	1:A:94:HIS:C	11	55.5
(1,150)	1:A:88:LYS:C	1:A:89:SER:N	1:A:89:SER:CA	1:A:89:SER:C	2	55.5
(1,252)	1:A:145:SER:C	1:A:146:ALA:N	1:A:146:ALA:CA	1:A:146:ALA:C	10	55.4
(1,252)	1:A:145:SER:C	1:A:146:ALA:N	1:A:146:ALA:CA	1:A:146:ALA:C	20	55.4
(1,25)	1:A:15:GLY:C	1:A:16:LYS:N	1:A:16:LYS:CA	1:A:16:LYS:C	17	55.4
(1,174)	1:A:100:ILE:C	1:A:101:LYS:N	1:A:101:LYS:CA	1:A:101:LYS:C	8	55.4
(1,172)	1:A:99:GLN:C	1:A:100:ILE:N	1:A:100:ILE:CA	1:A:100:ILE:C	8	55.4
(1,260)	1:A:151:GLY:C	1:A:152:VAL:N	1:A:152:VAL:CA	1:A:152:VAL:C	16	55.3
(1,260)	1:A:151:GLY:C	1:A:152:VAL:N	1:A:152:VAL:CA	1:A:152:VAL:C	18	55.3
(1,174)	1:A:100:ILE:C	1:A:101:LYS:N	1:A:101:LYS:CA	1:A:101:LYS:C	16	55.3
(1,150)	1:A:88:LYS:C	1:A:89:SER:N	1:A:89:SER:CA	1:A:89:SER:C	6	55.3
(1,111)	1:A:68:ARG:N	1:A:68:ARG:CA	1:A:68:ARG:C	1:A:69:ASP:N	19	55.3
(1,270)	1:A:156:PHE:C	1:A:157:TYR:N	1:A:157:TYR:CA	1:A:157:TYR:C	18	55.2
(1,262)	1:A:152:VAL:C	1:A:153:GLU:N	1:A:153:GLU:CA	1:A:153:GLU:C	15	55.2
(1,260)	1:A:151:GLY:C	1:A:152:VAL:N	1:A:152:VAL:CA	1:A:152:VAL:C	7	55.2
(1,19)	1:A:10:GLY:C	1:A:11:ALA:N	1:A:11:ALA:CA	1:A:11:ALA:C	1	55.2
(1,174)	1:A:100:ILE:C	1:A:101:LYS:N	1:A:101:LYS:CA	1:A:101:LYS:C	4	55.2
(1,164)	1:A:95:GLN:C	1:A:96:TYR:N	1:A:96:TYR:CA	1:A:96:TYR:C	2	55.2

Continued on next page...



Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Atom-3	Atom-4	Model ID	Violation (°)
(1,37)	1:A:21:ILE:C	1:A:22:GLN:N	1:A:22:GLN:CA	1:A:22:GLN:C	11	55.1
(1,176)	1:A:101:LYS:C	1:A:102:ARG:N	1:A:102:ARG:CA	1:A:102:ARG:C	4	55.1
(1,174)	1:A:100:ILE:C	1:A:101:LYS:N	1:A:101:LYS:CA	1:A:101:LYS:C	10	55.1
(1,120)	1:A:72:MET:C	1:A:73:ARG:N	1:A:73:ARG:CA	1:A:73:ARG:C	2	55.1
(1,118)	1:A:71:TYR:C	1:A:72:MET:N	1:A:72:MET:CA	1:A:72:MET:C	15	55.1
(1,150)	1:A:88:LYS:C	1:A:89:SER:N	1:A:89:SER:CA	1:A:89:SER:C	7	55.0
(1,262)	1:A:152:VAL:C	1:A:153:GLU:N	1:A:153:GLU:CA	1:A:153:GLU:C	11	54.9
(1,101)	1:A:63:GLU:N	1:A:63:GLU:CA	1:A:63:GLU:C	1:A:64:TYR:N	14	54.9
(1,35)	1:A:20:THR:C	1:A:21:ILE:N	1:A:21:ILE:CA	1:A:21:ILE:C	11	54.8
(1,260)	1:A:151:GLY:C	1:A:152:VAL:N	1:A:152:VAL:CA	1:A:152:VAL:C	15	54.8
(1,24)	1:A:15:GLY:N	1:A:15:GLY:CA	1:A:15:GLY:C	1:A:16:LYS:N	8	54.8
(1,174)	1:A:100:ILE:C	1:A:101:LYS:N	1:A:101:LYS:CA	1:A:101:LYS:C	20	54.8
(1,37)	1:A:21:ILE:C	1:A:22:GLN:N	1:A:22:GLN:CA	1:A:22:GLN:C	12	54.7
(1,172)	1:A:99:GLN:C	1:A:100:ILE:N	1:A:100:ILE:CA	1:A:100:ILE:C	12	54.7
(1,160)	1:A:93:ILE:C	1:A:94:HIS:N	1:A:94:HIS:CA	1:A:94:HIS:C	1	54.7
(1,255)	1:A:147:LYS:N	1:A:147:LYS:CA	1:A:147:LYS:C	1:A:148:THR:N	20	54.6
(1,212)	1:A:124:THR:N	1:A:124:THR:CA	1:A:124:THR:C	1:A:125:VAL:N	17	54.6
(1,174)	1:A:100:ILE:C	1:A:101:LYS:N	1:A:101:LYS:CA	1:A:101:LYS:C	15	54.6
(1,152)	1:A:89:SER:C	1:A:90:PHE:N	1:A:90:PHE:CA	1:A:90:PHE:C	15	54.6
(1,112)	1:A:68:ARG:C	1:A:69:ASP:N	1:A:69:ASP:CA	1:A:69:ASP:C	11	54.6
(1,262)	1:A:152:VAL:C	1:A:153:GLU:N	1:A:153:GLU:CA	1:A:153:GLU:C	5	54.5
(1,150)	1:A:88:LYS:C	1:A:89:SER:N	1:A:89:SER:CA	1:A:89:SER:C	16	54.5
(1,260)	1:A:151:GLY:C	1:A:152:VAL:N	1:A:152:VAL:CA	1:A:152:VAL:C	5	54.4
(1,160)	1:A:93:ILE:C	1:A:94:HIS:N	1:A:94:HIS:CA	1:A:94:HIS:C	2	54.4
(1,260)	1:A:151:GLY:C	1:A:152:VAL:N	1:A:152:VAL:CA	1:A:152:VAL:C	6	54.2
(1,120)	1:A:72:MET:C	1:A:73:ARG:N	1:A:73:ARG:CA	1:A:73:ARG:C	4	54.2
(1,114)	1:A:69:ASP:C	1:A:70:GLN:N	1:A:70:GLN:CA	1:A:70:GLN:C	11	54.1
(1,262)	1:A:152:VAL:C	1:A:153:GLU:N	1:A:153:GLU:CA	1:A:153:GLU:C	19	54.0
(1,260)	1:A:151:GLY:C	1:A:152:VAL:N	1:A:152:VAL:CA	1:A:152:VAL:C	2	54.0
(1,174)	1:A:100:ILE:C	1:A:101:LYS:N	1:A:101:LYS:CA	1:A:101:LYS:C	6	53.9
(1,123)	1:A:74:THR:N	1:A:74:THR:CA	1:A:74:THR:C	1:A:75:GLY:N	14	53.9
(1,254)	1:A:146:ALA:C	1:A:147:LYS:N	1:A:147:LYS:CA	1:A:147:LYS:C	9	53.8
(1,114)	1:A:69:ASP:C	1:A:70:GLN:N	1:A:70:GLN:CA	1:A:70:GLN:C	8	53.8
(1,278)	1:A:160:VAL:C	1:A:161:ARG:N	1:A:161:ARG:CA	1:A:161:ARG:C	7	53.7
(1,260)	1:A:151:GLY:C	1:A:152:VAL:N	1:A:152:VAL:CA	1:A:152:VAL:C	1	53.6
(1,152)	1:A:89:SER:C	1:A:90:PHE:N	1:A:90:PHE:CA	1:A:90:PHE:C	16	53.6
(1,208)	1:A:122:ALA:N	1:A:122:ALA:CA	1:A:122:ALA:C	1:A:123:ARG:N	17	53.5
(1,176)	1:A:101:LYS:C	1:A:102:ARG:N	1:A:102:ARG:CA	1:A:102:ARG:C	2	53.5
(1,29)	1:A:17:SER:C	1:A:18:ALA:N	1:A:18:ALA:CA	1:A:18:ALA:C	13	53.4
(1,40)	1:A:23:LEU:N	1:A:23:LEU:CA	1:A:23:LEU:C	1:A:24:ILE:N	19	53.3
(1,160)	1:A:93:ILE:C	1:A:94:HIS:N	1:A:94:HIS:CA	1:A:94:HIS:C	14	53.3
(1,215)	1:A:125:VAL:C	1:A:126:GLU:N	1:A:126:GLU:CA	1:A:126:GLU:C	6	53.2
(1,207)	1:A:121:ALA:C	1:A:122:ALA:N	1:A:122:ALA:CA	1:A:122:ALA:C	2	53.1
(1,19)	1:A:10:GLY:C	1:A:11:ALA:N	1:A:11:ALA:CA	1:A:11:ALA:C	12	53.1
(1,56)	1:A:35:SER:C	1:A:36:ILE:N	1:A:36:ILE:CA	1:A:36:ILE:C	19	53.0
(1,262)	1:A:152:VAL:C	1:A:153:GLU:N	1:A:153:GLU:CA	1:A:153:GLU:C	17	53.0
(1,262)	1:A:152:VAL:C	1:A:153:GLU:N	1:A:153:GLU:CA	1:A:153:GLU:C	7	52.9
(1,123)	1:A:74:THR:N	1:A:74:THR:CA	1:A:74:THR:C	1:A:75:GLY:N	13	52.9
(1,164)	1:A:95:GLN:C	1:A:96:TYR:N	1:A:96:TYR:CA	1:A:96:TYR:C	9	52.7
(1,146)	1:A:86:ASN:C	1:A:87:THR:N	1:A:87:THR:CA	1:A:87:THR:C	18	52.7
(1,171)	1:A:99:GLN:N	1:A:99:GLN:CA	1:A:99:GLN:C	1:A:100:ILE:N	14	52.6

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Atom-3	Atom-4	Model ID	Violation (°)
(1,120)	1:A:72:MET:C	1:A:73:ARG:N	1:A:73:ARG:CA	1:A:73:ARG:C	6	52.6
(1,114)	1:A:69:ASP:C	1:A:70:GLN:N	1:A:70:GLN:CA	1:A:70:GLN:C	15	52.6
(1,174)	1:A:100:ILE:C	1:A:101:LYS:N	1:A:101:LYS:CA	1:A:101:LYS:C	2	52.5
(1,150)	1:A:88:LYS:C	1:A:89:SER:N	1:A:89:SER:CA	1:A:89:SER:C	15	52.5
(1,28)	1:A:17:SER:N	1:A:17:SER:CA	1:A:17:SER:C	1:A:18:ALA:N	17	52.4
(1,167)	1:A:97:ARG:N	1:A:97:ARG:CA	1:A:97:ARG:C	1:A:98:GLU:N	20	52.4
(1,166)	1:A:96:TYR:C	1:A:97:ARG:N	1:A:97:ARG:CA	1:A:97:ARG:C	17	52.3
(1,262)	1:A:152:VAL:C	1:A:153:GLU:N	1:A:153:GLU:CA	1:A:153:GLU:C	2	52.2
(1,260)	1:A:151:GLY:C	1:A:152:VAL:N	1:A:152:VAL:CA	1:A:152:VAL:C	11	52.2
(1,26)	1:A:16:LYS:N	1:A:16:LYS:CA	1:A:16:LYS:C	1:A:17:SER:N	11	52.1
(1,19)	1:A:10:GLY:C	1:A:11:ALA:N	1:A:11:ALA:CA	1:A:11:ALA:C	19	52.1
(1,161)	1:A:94:HIS:N	1:A:94:HIS:CA	1:A:94:HIS:C	1:A:95:GLN:N	18	52.1
(1,123)	1:A:74:THR:N	1:A:74:THR:CA	1:A:74:THR:C	1:A:75:GLY:N	12	52.1
(1,99)	1:A:62:GLU:N	1:A:62:GLU:CA	1:A:62:GLU:C	1:A:63:GLU:N	14	52.0
(1,40)	1:A:23:LEU:N	1:A:23:LEU:CA	1:A:23:LEU:C	1:A:24:ILE:N	5	51.9
(1,42)	1:A:24:ILE:N	1:A:24:ILE:CA	1:A:24:ILE:C	1:A:25:GLN:N	11	51.8
(1,171)	1:A:99:GLN:N	1:A:99:GLN:CA	1:A:99:GLN:C	1:A:100:ILE:N	6	51.8
(1,118)	1:A:71:TYR:C	1:A:72:MET:N	1:A:72:MET:CA	1:A:72:MET:C	18	51.8
(1,29)	1:A:17:SER:C	1:A:18:ALA:N	1:A:18:ALA:CA	1:A:18:ALA:C	14	51.7
(1,167)	1:A:97:ARG:N	1:A:97:ARG:CA	1:A:97:ARG:C	1:A:98:GLU:N	6	51.7
(1,99)	1:A:62:GLU:N	1:A:62:GLU:CA	1:A:62:GLU:C	1:A:63:GLU:N	17	51.6
(1,25)	1:A:15:GLY:C	1:A:16:LYS:N	1:A:16:LYS:CA	1:A:16:LYS:C	8	51.6
(1,171)	1:A:99:GLN:N	1:A:99:GLN:CA	1:A:99:GLN:C	1:A:100:ILE:N	13	51.6
(1,171)	1:A:99:GLN:N	1:A:99:GLN:CA	1:A:99:GLN:C	1:A:100:ILE:N	17	51.6
(1,100)	1:A:62:GLU:C	1:A:63:GLU:N	1:A:63:GLU:CA	1:A:63:GLU:C	10	51.6
(1,24)	1:A:15:GLY:N	1:A:15:GLY:CA	1:A:15:GLY:C	1:A:16:LYS:N	6	51.5
(1,177)	1:A:102:ARG:N	1:A:102:ARG:CA	1:A:102:ARG:C	1:A:103:VAL:N	15	51.5
(1,24)	1:A:15:GLY:N	1:A:15:GLY:CA	1:A:15:GLY:C	1:A:16:LYS:N	9	51.4
(1,24)	1:A:15:GLY:N	1:A:15:GLY:CA	1:A:15:GLY:C	1:A:16:LYS:N	10	51.4
(1,24)	1:A:15:GLY:N	1:A:15:GLY:CA	1:A:15:GLY:C	1:A:16:LYS:N	11	51.4
(1,24)	1:A:15:GLY:N	1:A:15:GLY:CA	1:A:15:GLY:C	1:A:16:LYS:N	19	51.4
(1,177)	1:A:102:ARG:N	1:A:102:ARG:CA	1:A:102:ARG:C	1:A:103:VAL:N	4	51.4
(1,115)	1:A:70:GLN:N	1:A:70:GLN:CA	1:A:70:GLN:C	1:A:71:TYR:N	18	51.4
(1,255)	1:A:147:LYS:N	1:A:147:LYS:CA	1:A:147:LYS:C	1:A:148:THR:N	13	51.3
(1,24)	1:A:15:GLY:N	1:A:15:GLY:CA	1:A:15:GLY:C	1:A:16:LYS:N	4	51.3
(1,171)	1:A:99:GLN:N	1:A:99:GLN:CA	1:A:99:GLN:C	1:A:100:ILE:N	20	51.3
(1,99)	1:A:62:GLU:N	1:A:62:GLU:CA	1:A:62:GLU:C	1:A:63:GLU:N	20	51.2
(1,275)	1:A:159:LEU:N	1:A:159:LEU:CA	1:A:159:LEU:C	1:A:160:VAL:N	18	51.2
(1,174)	1:A:100:ILE:C	1:A:101:LYS:N	1:A:101:LYS:CA	1:A:101:LYS:C	1	51.1
(1,115)	1:A:70:GLN:N	1:A:70:GLN:CA	1:A:70:GLN:C	1:A:71:TYR:N	8	51.1
(1,255)	1:A:147:LYS:N	1:A:147:LYS:CA	1:A:147:LYS:C	1:A:148:THR:N	11	51.0
(1,24)	1:A:15:GLY:N	1:A:15:GLY:CA	1:A:15:GLY:C	1:A:16:LYS:N	3	51.0
(1,150)	1:A:88:LYS:C	1:A:89:SER:N	1:A:89:SER:CA	1:A:89:SER:C	12	51.0
(1,260)	1:A:151:GLY:C	1:A:152:VAL:N	1:A:152:VAL:CA	1:A:152:VAL:C	17	50.9
(1,215)	1:A:125:VAL:C	1:A:126:GLU:N	1:A:126:GLU:CA	1:A:126:GLU:C	13	50.9
(1,175)	1:A:101:LYS:N	1:A:101:LYS:CA	1:A:101:LYS:C	1:A:102:ARG:N	5	50.9
(1,167)	1:A:97:ARG:N	1:A:97:ARG:CA	1:A:97:ARG:C	1:A:98:GLU:N	9	50.9
(1,109)	1:A:67:MET:N	1:A:67:MET:CA	1:A:67:MET:C	1:A:68:ARG:N	18	50.9
(1,255)	1:A:147:LYS:N	1:A:147:LYS:CA	1:A:147:LYS:C	1:A:148:THR:N	18	50.8
(1,24)	1:A:15:GLY:N	1:A:15:GLY:CA	1:A:15:GLY:C	1:A:16:LYS:N	5	50.8
(1,42)	1:A:24:ILE:N	1:A:24:ILE:CA	1:A:24:ILE:C	1:A:25:GLN:N	10	50.4

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Atom-3	Atom-4	Model ID	Violation (°)
(1,115)	1:A:70:GLN:N	1:A:70:GLN:CA	1:A:70:GLN:C	1:A:71:TYR:N	9	50.4
(1,171)	1:A:99:GLN:N	1:A:99:GLN:CA	1:A:99:GLN:C	1:A:100:ILE:N	2	50.3
(1,150)	1:A:88:LYS:C	1:A:89:SER:N	1:A:89:SER:CA	1:A:89:SER:C	19	50.3
(1,115)	1:A:70:GLN:N	1:A:70:GLN:CA	1:A:70:GLN:C	1:A:71:TYR:N	13	50.2
(1,177)	1:A:102:ARG:N	1:A:102:ARG:CA	1:A:102:ARG:C	1:A:103:VAL:N	16	50.1
(1,109)	1:A:67:MET:N	1:A:67:MET:CA	1:A:67:MET:C	1:A:68:ARG:N	16	50.1
(1,111)	1:A:68:ARG:N	1:A:68:ARG:CA	1:A:68:ARG:C	1:A:69:ASP:N	7	50.0
(1,167)	1:A:97:ARG:N	1:A:97:ARG:CA	1:A:97:ARG:C	1:A:98:GLU:N	7	49.9
(1,115)	1:A:70:GLN:N	1:A:70:GLN:CA	1:A:70:GLN:C	1:A:71:TYR:N	7	49.9
(1,255)	1:A:147:LYS:N	1:A:147:LYS:CA	1:A:147:LYS:C	1:A:148:THR:N	12	49.7
(1,115)	1:A:70:GLN:N	1:A:70:GLN:CA	1:A:70:GLN:C	1:A:71:TYR:N	14	49.7
(1,40)	1:A:23:LEU:N	1:A:23:LEU:CA	1:A:23:LEU:C	1:A:24:ILE:N	3	49.6
(1,171)	1:A:99:GLN:N	1:A:99:GLN:CA	1:A:99:GLN:C	1:A:100:ILE:N	4	49.3
(1,28)	1:A:17:SER:N	1:A:17:SER:CA	1:A:17:SER:C	1:A:18:ALA:N	6	49.2
(1,213)	1:A:124:THR:C	1:A:125:VAL:N	1:A:125:VAL:CA	1:A:125:VAL:C	5	49.2
(1,167)	1:A:97:ARG:N	1:A:97:ARG:CA	1:A:97:ARG:C	1:A:98:GLU:N	8	49.2
(1,161)	1:A:94:HIS:N	1:A:94:HIS:CA	1:A:94:HIS:C	1:A:95:GLN:N	12	49.2
(1,40)	1:A:23:LEU:N	1:A:23:LEU:CA	1:A:23:LEU:C	1:A:24:ILE:N	15	49.1
(1,215)	1:A:125:VAL:C	1:A:126:GLU:N	1:A:126:GLU:CA	1:A:126:GLU:C	19	49.0
(1,165)	1:A:96:TYR:N	1:A:96:TYR:CA	1:A:96:TYR:C	1:A:97:ARG:N	18	49.0
(1,38)	1:A:22:GLN:N	1:A:22:GLN:CA	1:A:22:GLN:C	1:A:23:LEU:N	7	48.9
(1,255)	1:A:147:LYS:N	1:A:147:LYS:CA	1:A:147:LYS:C	1:A:148:THR:N	8	48.9
(1,25)	1:A:15:GLY:C	1:A:16:LYS:N	1:A:16:LYS:CA	1:A:16:LYS:C	9	48.9
(1,123)	1:A:74:THR:N	1:A:74:THR:CA	1:A:74:THR:C	1:A:75:GLY:N	6	48.9
(1,111)	1:A:68:ARG:N	1:A:68:ARG:CA	1:A:68:ARG:C	1:A:69:ASP:N	16	48.9
(1,40)	1:A:23:LEU:N	1:A:23:LEU:CA	1:A:23:LEU:C	1:A:24:ILE:N	16	48.8
(1,269)	1:A:156:PHE:N	1:A:156:PHE:CA	1:A:156:PHE:C	1:A:157:TYR:N	5	48.8
(1,26)	1:A:16:LYS:N	1:A:16:LYS:CA	1:A:16:LYS:C	1:A:17:SER:N	12	48.8
(1,26)	1:A:16:LYS:N	1:A:16:LYS:CA	1:A:16:LYS:C	1:A:17:SER:N	13	48.8
(1,226)	1:A:131:GLN:N	1:A:131:GLN:CA	1:A:131:GLN:C	1:A:132:ASP:N	7	48.8
(1,123)	1:A:74:THR:N	1:A:74:THR:CA	1:A:74:THR:C	1:A:75:GLY:N	9	48.8
(1,123)	1:A:74:THR:N	1:A:74:THR:CA	1:A:74:THR:C	1:A:75:GLY:N	11	48.8
(1,40)	1:A:23:LEU:N	1:A:23:LEU:CA	1:A:23:LEU:C	1:A:24:ILE:N	14	48.7
(1,263)	1:A:153:GLU:N	1:A:153:GLU:CA	1:A:153:GLU:C	1:A:154:ASP:N	14	48.7
(1,226)	1:A:131:GLN:N	1:A:131:GLN:CA	1:A:131:GLN:C	1:A:132:ASP:N	11	48.7
(1,222)	1:A:129:GLN:N	1:A:129:GLN:CA	1:A:129:GLN:C	1:A:130:ALA:N	18	48.7
(1,171)	1:A:99:GLN:N	1:A:99:GLN:CA	1:A:99:GLN:C	1:A:100:ILE:N	5	48.6
(1,115)	1:A:70:GLN:N	1:A:70:GLN:CA	1:A:70:GLN:C	1:A:71:TYR:N	6	48.5
(1,275)	1:A:159:LEU:N	1:A:159:LEU:CA	1:A:159:LEU:C	1:A:160:VAL:N	17	48.4
(1,261)	1:A:152:VAL:N	1:A:152:VAL:CA	1:A:152:VAL:C	1:A:153:GLU:N	1	48.4
(1,28)	1:A:17:SER:N	1:A:17:SER:CA	1:A:17:SER:C	1:A:18:ALA:N	18	48.3
(1,226)	1:A:131:GLN:N	1:A:131:GLN:CA	1:A:131:GLN:C	1:A:132:ASP:N	3	48.3
(1,213)	1:A:124:THR:C	1:A:125:VAL:N	1:A:125:VAL:CA	1:A:125:VAL:C	6	48.3
(1,255)	1:A:147:LYS:N	1:A:147:LYS:CA	1:A:147:LYS:C	1:A:148:THR:N	14	48.2
(1,226)	1:A:131:GLN:N	1:A:131:GLN:CA	1:A:131:GLN:C	1:A:132:ASP:N	18	48.2
(1,26)	1:A:16:LYS:N	1:A:16:LYS:CA	1:A:16:LYS:C	1:A:17:SER:N	2	48.1
(1,113)	1:A:69:ASP:N	1:A:69:ASP:CA	1:A:69:ASP:C	1:A:70:GLN:N	15	48.1
(1,99)	1:A:62:GLU:N	1:A:62:GLU:CA	1:A:62:GLU:C	1:A:63:GLU:N	16	48.0
(1,226)	1:A:131:GLN:N	1:A:131:GLN:CA	1:A:131:GLN:C	1:A:132:ASP:N	15	48.0
(1,171)	1:A:99:GLN:N	1:A:99:GLN:CA	1:A:99:GLN:C	1:A:100:ILE:N	9	48.0
(1,165)	1:A:96:TYR:N	1:A:96:TYR:CA	1:A:96:TYR:C	1:A:97:ARG:N	1	47.9

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Atom-3	Atom-4	Model ID	Violation (°)
(1,115)	1:A:70:GLN:N	1:A:70:GLN:CA	1:A:70:GLN:C	1:A:71:TYR:N	1	47.9
(1,111)	1:A:68:ARG:N	1:A:68:ARG:CA	1:A:68:ARG:C	1:A:69:ASP:N	1	47.9
(1,275)	1:A:159:LEU:N	1:A:159:LEU:CA	1:A:159:LEU:C	1:A:160:VAL:N	13	47.8
(1,167)	1:A:97:ARG:N	1:A:97:ARG:CA	1:A:97:ARG:C	1:A:98:GLU:N	2	47.8
(1,114)	1:A:69:ASP:C	1:A:70:GLN:N	1:A:70:GLN:CA	1:A:70:GLN:C	19	47.8
(1,161)	1:A:94:HIS:N	1:A:94:HIS:CA	1:A:94:HIS:C	1:A:95:GLN:N	13	47.7
(1,165)	1:A:96:TYR:N	1:A:96:TYR:CA	1:A:96:TYR:C	1:A:97:ARG:N	13	47.6
(1,157)	1:A:92:ASP:N	1:A:92:ASP:CA	1:A:92:ASP:C	1:A:93:ILE:N	12	47.6
(1,40)	1:A:23:LEU:N	1:A:23:LEU:CA	1:A:23:LEU:C	1:A:24:ILE:N	8	47.5
(1,226)	1:A:131:GLN:N	1:A:131:GLN:CA	1:A:131:GLN:C	1:A:132:ASP:N	4	47.5
(1,165)	1:A:96:TYR:N	1:A:96:TYR:CA	1:A:96:TYR:C	1:A:97:ARG:N	3	47.5
(1,279)	1:A:161:ARG:N	1:A:161:ARG:CA	1:A:161:ARG:C	1:A:162:GLU:N	5	47.4
(1,26)	1:A:16:LYS:N	1:A:16:LYS:CA	1:A:16:LYS:C	1:A:17:SER:N	8	47.4
(1,153)	1:A:90:PHE:N	1:A:90:PHE:CA	1:A:90:PHE:C	1:A:91:GLU:N	6	47.4
(1,263)	1:A:153:GLU:N	1:A:153:GLU:CA	1:A:153:GLU:C	1:A:154:ASP:N	9	47.3
(1,283)	1:A:163:ILE:N	1:A:163:ILE:CA	1:A:163:ILE:C	1:A:164:ARG:N	15	47.2
(1,26)	1:A:16:LYS:N	1:A:16:LYS:CA	1:A:16:LYS:C	1:A:17:SER:N	14	47.2
(1,167)	1:A:97:ARG:N	1:A:97:ARG:CA	1:A:97:ARG:C	1:A:98:GLU:N	10	47.2
(1,115)	1:A:70:GLN:N	1:A:70:GLN:CA	1:A:70:GLN:C	1:A:71:TYR:N	16	47.2
(1,109)	1:A:67:MET:N	1:A:67:MET:CA	1:A:67:MET:C	1:A:68:ARG:N	17	47.2
(1,36)	1:A:21:ILE:N	1:A:21:ILE:CA	1:A:21:ILE:C	1:A:22:GLN:N	5	47.1
(1,263)	1:A:153:GLU:N	1:A:153:GLU:CA	1:A:153:GLU:C	1:A:154:ASP:N	18	47.1
(1,226)	1:A:131:GLN:N	1:A:131:GLN:CA	1:A:131:GLN:C	1:A:132:ASP:N	17	47.1
(1,40)	1:A:23:LEU:N	1:A:23:LEU:CA	1:A:23:LEU:C	1:A:24:ILE:N	13	47.0
(1,26)	1:A:16:LYS:N	1:A:16:LYS:CA	1:A:16:LYS:C	1:A:17:SER:N	10	47.0
(1,171)	1:A:99:GLN:N	1:A:99:GLN:CA	1:A:99:GLN:C	1:A:100:ILE:N	1	47.0
(1,281)	1:A:162:GLU:N	1:A:162:GLU:CA	1:A:162:GLU:C	1:A:163:ILE:N	12	46.9
(1,173)	1:A:100:ILE:N	1:A:100:ILE:CA	1:A:100:ILE:C	1:A:101:LYS:N	7	46.9
(1,40)	1:A:23:LEU:N	1:A:23:LEU:CA	1:A:23:LEU:C	1:A:24:ILE:N	18	46.8
(1,271)	1:A:157:TYR:N	1:A:157:TYR:CA	1:A:157:TYR:C	1:A:158:THR:N	18	46.8
(1,222)	1:A:129:GLN:N	1:A:129:GLN:CA	1:A:129:GLN:C	1:A:130:ALA:N	14	46.8
(1,157)	1:A:92:ASP:N	1:A:92:ASP:CA	1:A:92:ASP:C	1:A:93:ILE:N	18	46.8
(1,123)	1:A:74:THR:N	1:A:74:THR:CA	1:A:74:THR:C	1:A:75:GLY:N	8	46.8
(1,275)	1:A:159:LEU:N	1:A:159:LEU:CA	1:A:159:LEU:C	1:A:160:VAL:N	10	46.7
(1,26)	1:A:16:LYS:N	1:A:16:LYS:CA	1:A:16:LYS:C	1:A:17:SER:N	16	46.7
(1,215)	1:A:125:VAL:C	1:A:126:GLU:N	1:A:126:GLU:CA	1:A:126:GLU:C	2	46.6
(1,171)	1:A:99:GLN:N	1:A:99:GLN:CA	1:A:99:GLN:C	1:A:100:ILE:N	8	46.6
(1,157)	1:A:92:ASP:N	1:A:92:ASP:CA	1:A:92:ASP:C	1:A:93:ILE:N	3	46.6
(1,116)	1:A:70:GLN:C	1:A:71:TYR:N	1:A:71:TYR:CA	1:A:71:TYR:C	19	46.6
(1,263)	1:A:153:GLU:N	1:A:153:GLU:CA	1:A:153:GLU:C	1:A:154:ASP:N	11	46.5
(1,215)	1:A:125:VAL:C	1:A:126:GLU:N	1:A:126:GLU:CA	1:A:126:GLU:C	7	46.5
(1,171)	1:A:99:GLN:N	1:A:99:GLN:CA	1:A:99:GLN:C	1:A:100:ILE:N	3	46.5
(1,171)	1:A:99:GLN:N	1:A:99:GLN:CA	1:A:99:GLN:C	1:A:100:ILE:N	7	46.5
(1,171)	1:A:99:GLN:N	1:A:99:GLN:CA	1:A:99:GLN:C	1:A:100:ILE:N	19	46.5
(1,163)	1:A:95:GLN:N	1:A:95:GLN:CA	1:A:95:GLN:C	1:A:96:TYR:N	19	46.5
(1,163)	1:A:95:GLN:N	1:A:95:GLN:CA	1:A:95:GLN:C	1:A:96:TYR:N	20	46.5
(1,107)	1:A:66:ALA:N	1:A:66:ALA:CA	1:A:66:ALA:C	1:A:67:MET:N	17	46.4
(1,263)	1:A:153:GLU:N	1:A:153:GLU:CA	1:A:153:GLU:C	1:A:154:ASP:N	16	46.3
(1,222)	1:A:129:GLN:N	1:A:129:GLN:CA	1:A:129:GLN:C	1:A:130:ALA:N	9	46.3
(1,163)	1:A:95:GLN:N	1:A:95:GLN:CA	1:A:95:GLN:C	1:A:96:TYR:N	8	46.3
(1,273)	1:A:158:THR:N	1:A:158:THR:CA	1:A:158:THR:C	1:A:159:LEU:N	17	46.2

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Atom-3	Atom-4	Model ID	Violation (°)
(1,171)	1:A:99:GLN:N	1:A:99:GLN:CA	1:A:99:GLN:C	1:A:100:ILE:N	12	46.2
(1,161)	1:A:94:HIS:N	1:A:94:HIS:CA	1:A:94:HIS:C	1:A:95:GLN:N	19	46.2
(1,40)	1:A:23:LEU:N	1:A:23:LEU:CA	1:A:23:LEU:C	1:A:24:ILE:N	2	46.1
(1,34)	1:A:20:THR:N	1:A:20:THR:CA	1:A:20:THR:C	1:A:21:ILE:N	5	46.1
(1,279)	1:A:161:ARG:N	1:A:161:ARG:CA	1:A:161:ARG:C	1:A:162:GLU:N	12	46.1
(1,263)	1:A:153:GLU:N	1:A:153:GLU:CA	1:A:153:GLU:C	1:A:154:ASP:N	8	46.1
(1,213)	1:A:124:THR:C	1:A:125:VAL:N	1:A:125:VAL:CA	1:A:125:VAL:C	4	46.1
(1,171)	1:A:99:GLN:N	1:A:99:GLN:CA	1:A:99:GLN:C	1:A:100:ILE:N	16	46.1
(1,167)	1:A:97:ARG:N	1:A:97:ARG:CA	1:A:97:ARG:C	1:A:98:GLU:N	5	46.1
(1,167)	1:A:97:ARG:N	1:A:97:ARG:CA	1:A:97:ARG:C	1:A:98:GLU:N	14	46.1
(1,117)	1:A:71:TYR:N	1:A:71:TYR:CA	1:A:71:TYR:C	1:A:72:MET:N	5	46.1
(1,115)	1:A:70:GLN:N	1:A:70:GLN:CA	1:A:70:GLN:C	1:A:71:TYR:N	5	46.1
(1,115)	1:A:70:GLN:N	1:A:70:GLN:CA	1:A:70:GLN:C	1:A:71:TYR:N	10	46.1
(1,230)	1:A:133:LEU:N	1:A:133:LEU:CA	1:A:133:LEU:C	1:A:134:ALA:N	8	46.0
(1,226)	1:A:131:GLN:N	1:A:131:GLN:CA	1:A:131:GLN:C	1:A:132:ASP:N	19	46.0
(1,161)	1:A:94:HIS:N	1:A:94:HIS:CA	1:A:94:HIS:C	1:A:95:GLN:N	15	46.0
(1,123)	1:A:74:THR:N	1:A:74:THR:CA	1:A:74:THR:C	1:A:75:GLY:N	16	46.0
(1,34)	1:A:20:THR:N	1:A:20:THR:CA	1:A:20:THR:C	1:A:21:ILE:N	7	45.9
(1,226)	1:A:131:GLN:N	1:A:131:GLN:CA	1:A:131:GLN:C	1:A:132:ASP:N	13	45.9
(1,215)	1:A:125:VAL:C	1:A:126:GLU:N	1:A:126:GLU:CA	1:A:126:GLU:C	15	45.9
(1,123)	1:A:74:THR:N	1:A:74:THR:CA	1:A:74:THR:C	1:A:75:GLY:N	4	45.9
(1,275)	1:A:159:LEU:N	1:A:159:LEU:CA	1:A:159:LEU:C	1:A:160:VAL:N	9	45.8
(1,177)	1:A:102:ARG:N	1:A:102:ARG:CA	1:A:102:ARG:C	1:A:103:VAL:N	2	45.8
(1,173)	1:A:100:ILE:N	1:A:100:ILE:CA	1:A:100:ILE:C	1:A:101:LYS:N	8	45.8
(1,157)	1:A:92:ASP:N	1:A:92:ASP:CA	1:A:92:ASP:C	1:A:93:ILE:N	1	45.8
(1,263)	1:A:153:GLU:N	1:A:153:GLU:CA	1:A:153:GLU:C	1:A:154:ASP:N	13	45.7
(1,207)	1:A:121:ALA:C	1:A:122:ALA:N	1:A:122:ALA:CA	1:A:122:ALA:C	9	45.7
(1,163)	1:A:95:GLN:N	1:A:95:GLN:CA	1:A:95:GLN:C	1:A:96:TYR:N	3	45.7
(1,161)	1:A:94:HIS:N	1:A:94:HIS:CA	1:A:94:HIS:C	1:A:95:GLN:N	17	45.7
(1,117)	1:A:71:TYR:N	1:A:71:TYR:CA	1:A:71:TYR:C	1:A:72:MET:N	10	45.5
(1,99)	1:A:62:GLU:N	1:A:62:GLU:CA	1:A:62:GLU:C	1:A:63:GLU:N	19	45.4
(1,40)	1:A:23:LEU:N	1:A:23:LEU:CA	1:A:23:LEU:C	1:A:24:ILE:N	1	45.4
(1,283)	1:A:163:ILE:N	1:A:163:ILE:CA	1:A:163:ILE:C	1:A:164:ARG:N	10	45.4
(1,283)	1:A:163:ILE:N	1:A:163:ILE:CA	1:A:163:ILE:C	1:A:164:ARG:N	12	45.4
(1,263)	1:A:153:GLU:N	1:A:153:GLU:CA	1:A:153:GLU:C	1:A:154:ASP:N	1	45.4
(1,222)	1:A:129:GLN:N	1:A:129:GLN:CA	1:A:129:GLN:C	1:A:130:ALA:N	5	45.4
(1,187)	1:A:108:ASP:N	1:A:108:ASP:CA	1:A:108:ASP:C	1:A:109:VAL:N	12	45.4
(1,165)	1:A:96:TYR:N	1:A:96:TYR:CA	1:A:96:TYR:C	1:A:97:ARG:N	20	45.4
(1,123)	1:A:74:THR:N	1:A:74:THR:CA	1:A:74:THR:C	1:A:75:GLY:N	10	45.4
(1,42)	1:A:24:ILE:N	1:A:24:ILE:CA	1:A:24:ILE:C	1:A:25:GLN:N	13	45.3
(1,275)	1:A:159:LEU:N	1:A:159:LEU:CA	1:A:159:LEU:C	1:A:160:VAL:N	2	45.3
(1,275)	1:A:159:LEU:N	1:A:159:LEU:CA	1:A:159:LEU:C	1:A:160:VAL:N	11	45.3
(1,226)	1:A:131:GLN:N	1:A:131:GLN:CA	1:A:131:GLN:C	1:A:132:ASP:N	6	45.3
(1,226)	1:A:131:GLN:N	1:A:131:GLN:CA	1:A:131:GLN:C	1:A:132:ASP:N	10	45.3
(1,171)	1:A:99:GLN:N	1:A:99:GLN:CA	1:A:99:GLN:C	1:A:100:ILE:N	11	45.3
(1,109)	1:A:67:MET:N	1:A:67:MET:CA	1:A:67:MET:C	1:A:68:ARG:N	19	45.3
(1,40)	1:A:23:LEU:N	1:A:23:LEU:CA	1:A:23:LEU:C	1:A:24:ILE:N	4	45.2
(1,275)	1:A:159:LEU:N	1:A:159:LEU:CA	1:A:159:LEU:C	1:A:160:VAL:N	15	45.2
(1,263)	1:A:153:GLU:N	1:A:153:GLU:CA	1:A:153:GLU:C	1:A:154:ASP:N	5	45.2
(1,215)	1:A:125:VAL:C	1:A:126:GLU:N	1:A:126:GLU:CA	1:A:126:GLU:C	4	45.2
(1,40)	1:A:23:LEU:N	1:A:23:LEU:CA	1:A:23:LEU:C	1:A:24:ILE:N	7	45.1

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Atom-3	Atom-4	Model ID	Violation (°)
(1,222)	1:A:129:GLN:N	1:A:129:GLN:CA	1:A:129:GLN:C	1:A:130:ALA:N	6	45.1
(1,215)	1:A:125:VAL:C	1:A:126:GLU:N	1:A:126:GLU:CA	1:A:126:GLU:C	14	45.1
(1,171)	1:A:99:GLN:N	1:A:99:GLN:CA	1:A:99:GLN:C	1:A:100:ILE:N	18	45.1
(1,167)	1:A:97:ARG:N	1:A:97:ARG:CA	1:A:97:ARG:C	1:A:98:GLU:N	12	45.1
(1,226)	1:A:131:GLN:N	1:A:131:GLN:CA	1:A:131:GLN:C	1:A:132:ASP:N	1	45.0
(1,175)	1:A:101:LYS:N	1:A:101:LYS:CA	1:A:101:LYS:C	1:A:102:ARG:N	6	45.0
(1,263)	1:A:153:GLU:N	1:A:153:GLU:CA	1:A:153:GLU:C	1:A:154:ASP:N	19	44.9
(1,230)	1:A:133:LEU:N	1:A:133:LEU:CA	1:A:133:LEU:C	1:A:134:ALA:N	11	44.9
(1,40)	1:A:23:LEU:N	1:A:23:LEU:CA	1:A:23:LEU:C	1:A:24:ILE:N	10	44.8
(1,283)	1:A:163:ILE:N	1:A:163:ILE:CA	1:A:163:ILE:C	1:A:164:ARG:N	11	44.8
(1,113)	1:A:69:ASP:N	1:A:69:ASP:CA	1:A:69:ASP:C	1:A:70:GLN:N	1	44.8
(1,267)	1:A:155:ALA:N	1:A:155:ALA:CA	1:A:155:ALA:C	1:A:156:PHE:N	18	44.7
(1,269)	1:A:156:PHE:N	1:A:156:PHE:CA	1:A:156:PHE:C	1:A:157:TYR:N	17	44.6
(1,26)	1:A:16:LYS:N	1:A:16:LYS:CA	1:A:16:LYS:C	1:A:17:SER:N	20	44.6
(1,226)	1:A:131:GLN:N	1:A:131:GLN:CA	1:A:131:GLN:C	1:A:132:ASP:N	2	44.6
(1,175)	1:A:101:LYS:N	1:A:101:LYS:CA	1:A:101:LYS:C	1:A:102:ARG:N	14	44.6
(1,165)	1:A:96:TYR:N	1:A:96:TYR:CA	1:A:96:TYR:C	1:A:97:ARG:N	2	44.6
(1,269)	1:A:156:PHE:N	1:A:156:PHE:CA	1:A:156:PHE:C	1:A:157:TYR:N	20	44.5
(1,204)	1:A:118:CYS:N	1:A:118:CYS:CA	1:A:118:CYS:C	1:A:119:ASP:N	9	44.5
(1,167)	1:A:97:ARG:N	1:A:97:ARG:CA	1:A:97:ARG:C	1:A:98:GLU:N	4	44.5
(1,275)	1:A:159:LEU:N	1:A:159:LEU:CA	1:A:159:LEU:C	1:A:160:VAL:N	12	44.4
(1,273)	1:A:158:THR:N	1:A:158:THR:CA	1:A:158:THR:C	1:A:159:LEU:N	18	44.4
(1,226)	1:A:131:GLN:N	1:A:131:GLN:CA	1:A:131:GLN:C	1:A:132:ASP:N	5	44.4
(1,226)	1:A:131:GLN:N	1:A:131:GLN:CA	1:A:131:GLN:C	1:A:132:ASP:N	8	44.4
(1,226)	1:A:131:GLN:N	1:A:131:GLN:CA	1:A:131:GLN:C	1:A:132:ASP:N	9	44.4
(1,226)	1:A:131:GLN:N	1:A:131:GLN:CA	1:A:131:GLN:C	1:A:132:ASP:N	20	44.4
(1,171)	1:A:99:GLN:N	1:A:99:GLN:CA	1:A:99:GLN:C	1:A:100:ILE:N	10	44.4
(1,167)	1:A:97:ARG:N	1:A:97:ARG:CA	1:A:97:ARG:C	1:A:98:GLU:N	1	44.4
(1,163)	1:A:95:GLN:N	1:A:95:GLN:CA	1:A:95:GLN:C	1:A:96:TYR:N	1	44.4
(1,32)	1:A:19:LEU:N	1:A:19:LEU:CA	1:A:19:LEU:C	1:A:20:THR:N	13	44.3
(1,271)	1:A:157:TYR:N	1:A:157:TYR:CA	1:A:157:TYR:C	1:A:158:THR:N	17	44.3
(1,226)	1:A:131:GLN:N	1:A:131:GLN:CA	1:A:131:GLN:C	1:A:132:ASP:N	16	44.3
(1,220)	1:A:128:ARG:N	1:A:128:ARG:CA	1:A:128:ARG:C	1:A:129:GLN:N	7	44.3
(1,165)	1:A:96:TYR:N	1:A:96:TYR:CA	1:A:96:TYR:C	1:A:97:ARG:N	12	44.3
(1,153)	1:A:90:PHE:N	1:A:90:PHE:CA	1:A:90:PHE:C	1:A:91:GLU:N	19	44.3
(1,269)	1:A:156:PHE:N	1:A:156:PHE:CA	1:A:156:PHE:C	1:A:157:TYR:N	15	44.2
(1,257)	1:A:148:THR:N	1:A:148:THR:CA	1:A:148:THR:C	1:A:149:ARG:N	1	44.2
(1,257)	1:A:148:THR:N	1:A:148:THR:CA	1:A:148:THR:C	1:A:149:ARG:N	2	44.2
(1,257)	1:A:148:THR:N	1:A:148:THR:CA	1:A:148:THR:C	1:A:149:ARG:N	6	44.2
(1,226)	1:A:131:GLN:N	1:A:131:GLN:CA	1:A:131:GLN:C	1:A:132:ASP:N	12	44.2
(1,222)	1:A:129:GLN:N	1:A:129:GLN:CA	1:A:129:GLN:C	1:A:130:ALA:N	10	44.2
(1,171)	1:A:99:GLN:N	1:A:99:GLN:CA	1:A:99:GLN:C	1:A:100:ILE:N	15	44.2
(1,263)	1:A:153:GLU:N	1:A:153:GLU:CA	1:A:153:GLU:C	1:A:154:ASP:N	12	44.1
(1,257)	1:A:148:THR:N	1:A:148:THR:CA	1:A:148:THR:C	1:A:149:ARG:N	3	44.1
(1,257)	1:A:148:THR:N	1:A:148:THR:CA	1:A:148:THR:C	1:A:149:ARG:N	5	44.1
(1,222)	1:A:129:GLN:N	1:A:129:GLN:CA	1:A:129:GLN:C	1:A:130:ALA:N	8	44.1
(1,169)	1:A:98:GLU:N	1:A:98:GLU:CA	1:A:98:GLU:C	1:A:99:GLN:N	9	44.1
(1,161)	1:A:94:HIS:N	1:A:94:HIS:CA	1:A:94:HIS:C	1:A:95:GLN:N	14	44.1
(1,161)	1:A:94:HIS:N	1:A:94:HIS:CA	1:A:94:HIS:C	1:A:95:GLN:N	20	44.1
(1,115)	1:A:70:GLN:N	1:A:70:GLN:CA	1:A:70:GLN:C	1:A:71:TYR:N	2	44.1
(1,34)	1:A:20:THR:N	1:A:20:THR:CA	1:A:20:THR:C	1:A:21:ILE:N	17	44.0

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Atom-3	Atom-4	Model ID	Violation (°)
(1,275)	1:A:159:LEU:N	1:A:159:LEU:CA	1:A:159:LEU:C	1:A:160:VAL:N	4	44.0
(1,261)	1:A:152:VAL:N	1:A:152:VAL:CA	1:A:152:VAL:C	1:A:153:GLU:N	3	44.0
(1,213)	1:A:124:THR:C	1:A:125:VAL:N	1:A:125:VAL:CA	1:A:125:VAL:C	7	44.0
(1,175)	1:A:101:LYS:N	1:A:101:LYS:CA	1:A:101:LYS:C	1:A:102:ARG:N	12	44.0
(1,165)	1:A:96:TYR:N	1:A:96:TYR:CA	1:A:96:TYR:C	1:A:97:ARG:N	9	44.0
(1,283)	1:A:163:ILE:N	1:A:163:ILE:CA	1:A:163:ILE:C	1:A:164:ARG:N	14	43.9
(1,277)	1:A:160:VAL:N	1:A:160:VAL:CA	1:A:160:VAL:C	1:A:161:ARG:N	12	43.9
(1,277)	1:A:160:VAL:N	1:A:160:VAL:CA	1:A:160:VAL:C	1:A:161:ARG:N	16	43.9
(1,275)	1:A:159:LEU:N	1:A:159:LEU:CA	1:A:159:LEU:C	1:A:160:VAL:N	5	43.9
(1,257)	1:A:148:THR:N	1:A:148:THR:CA	1:A:148:THR:C	1:A:149:ARG:N	17	43.9
(1,230)	1:A:133:LEU:N	1:A:133:LEU:CA	1:A:133:LEU:C	1:A:134:ALA:N	15	43.9
(1,230)	1:A:133:LEU:N	1:A:133:LEU:CA	1:A:133:LEU:C	1:A:134:ALA:N	16	43.9
(1,167)	1:A:97:ARG:N	1:A:97:ARG:CA	1:A:97:ARG:C	1:A:98:GLU:N	13	43.9
(1,157)	1:A:92:ASP:N	1:A:92:ASP:CA	1:A:92:ASP:C	1:A:93:ILE:N	17	43.9
(1,115)	1:A:70:GLN:N	1:A:70:GLN:CA	1:A:70:GLN:C	1:A:71:TYR:N	4	43.9
(1,115)	1:A:70:GLN:N	1:A:70:GLN:CA	1:A:70:GLN:C	1:A:71:TYR:N	20	43.9
(1,109)	1:A:67:MET:N	1:A:67:MET:CA	1:A:67:MET:C	1:A:68:ARG:N	2	43.9
(1,99)	1:A:62:GLU:N	1:A:62:GLU:CA	1:A:62:GLU:C	1:A:63:GLU:N	15	43.8
(1,40)	1:A:23:LEU:N	1:A:23:LEU:CA	1:A:23:LEU:C	1:A:24:ILE:N	17	43.8
(1,34)	1:A:20:THR:N	1:A:20:THR:CA	1:A:20:THR:C	1:A:21:ILE:N	19	43.8
(1,30)	1:A:18:ALA:N	1:A:18:ALA:CA	1:A:18:ALA:C	1:A:19:LEU:N	10	43.8
(1,109)	1:A:67:MET:N	1:A:67:MET:CA	1:A:67:MET:C	1:A:68:ARG:N	9	43.8
(1,269)	1:A:156:PHE:N	1:A:156:PHE:CA	1:A:156:PHE:C	1:A:157:TYR:N	6	43.7
(1,263)	1:A:153:GLU:N	1:A:153:GLU:CA	1:A:153:GLU:C	1:A:154:ASP:N	3	43.7
(1,99)	1:A:62:GLU:N	1:A:62:GLU:CA	1:A:62:GLU:C	1:A:63:GLU:N	5	43.6
(1,99)	1:A:62:GLU:N	1:A:62:GLU:CA	1:A:62:GLU:C	1:A:63:GLU:N	13	43.6
(1,34)	1:A:20:THR:N	1:A:20:THR:CA	1:A:20:THR:C	1:A:21:ILE:N	18	43.6
(1,155)	1:A:91:GLU:N	1:A:91:GLU:CA	1:A:91:GLU:C	1:A:92:ASP:N	15	43.6
(1,111)	1:A:68:ARG:N	1:A:68:ARG:CA	1:A:68:ARG:C	1:A:69:ASP:N	18	43.6
(1,34)	1:A:20:THR:N	1:A:20:THR:CA	1:A:20:THR:C	1:A:21:ILE:N	8	43.5
(1,277)	1:A:160:VAL:N	1:A:160:VAL:CA	1:A:160:VAL:C	1:A:161:ARG:N	5	43.5
(1,271)	1:A:157:TYR:N	1:A:157:TYR:CA	1:A:157:TYR:C	1:A:158:THR:N	7	43.5
(1,175)	1:A:101:LYS:N	1:A:101:LYS:CA	1:A:101:LYS:C	1:A:102:ARG:N	13	43.5
(1,163)	1:A:95:GLN:N	1:A:95:GLN:CA	1:A:95:GLN:C	1:A:96:TYR:N	6	43.5
(1,111)	1:A:68:ARG:N	1:A:68:ARG:CA	1:A:68:ARG:C	1:A:69:ASP:N	3	43.5
(1,109)	1:A:67:MET:N	1:A:67:MET:CA	1:A:67:MET:C	1:A:68:ARG:N	15	43.5
(1,283)	1:A:163:ILE:N	1:A:163:ILE:CA	1:A:163:ILE:C	1:A:164:ARG:N	17	43.4
(1,267)	1:A:155:ALA:N	1:A:155:ALA:CA	1:A:155:ALA:C	1:A:156:PHE:N	8	43.4
(1,263)	1:A:153:GLU:N	1:A:153:GLU:CA	1:A:153:GLU:C	1:A:154:ASP:N	7	43.4
(1,257)	1:A:148:THR:N	1:A:148:THR:CA	1:A:148:THR:C	1:A:149:ARG:N	4	43.4
(1,165)	1:A:96:TYR:N	1:A:96:TYR:CA	1:A:96:TYR:C	1:A:97:ARG:N	4	43.4
(1,161)	1:A:94:HIS:N	1:A:94:HIS:CA	1:A:94:HIS:C	1:A:95:GLN:N	4	43.4
(1,153)	1:A:90:PHE:N	1:A:90:PHE:CA	1:A:90:PHE:C	1:A:91:GLU:N	15	43.4
(1,147)	1:A:87:THR:N	1:A:87:THR:CA	1:A:87:THR:C	1:A:88:LYS:N	17	43.4
(1,283)	1:A:163:ILE:N	1:A:163:ILE:CA	1:A:163:ILE:C	1:A:164:ARG:N	13	43.3
(1,261)	1:A:152:VAL:N	1:A:152:VAL:CA	1:A:152:VAL:C	1:A:153:GLU:N	18	43.3
(1,220)	1:A:128:ARG:N	1:A:128:ARG:CA	1:A:128:ARG:C	1:A:129:GLN:N	15	43.3
(1,163)	1:A:95:GLN:N	1:A:95:GLN:CA	1:A:95:GLN:C	1:A:96:TYR:N	5	43.3
(1,147)	1:A:87:THR:N	1:A:87:THR:CA	1:A:87:THR:C	1:A:88:LYS:N	3	43.3
(1,147)	1:A:87:THR:N	1:A:87:THR:CA	1:A:87:THR:C	1:A:88:LYS:N	13	43.3
(1,283)	1:A:163:ILE:N	1:A:163:ILE:CA	1:A:163:ILE:C	1:A:164:ARG:N	16	43.2

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Atom-3	Atom-4	Model ID	Violation (°)
(1,263)	1:A:153:GLU:N	1:A:153:GLU:CA	1:A:153:GLU:C	1:A:154:ASP:N	10	43.2
(1,232)	1:A:134:ALA:N	1:A:134:ALA:CA	1:A:134:ALA:C	1:A:135:ARG:N	16	43.2
(1,175)	1:A:101:LYS:N	1:A:101:LYS:CA	1:A:101:LYS:C	1:A:102:ARG:N	3	43.2
(1,175)	1:A:101:LYS:N	1:A:101:LYS:CA	1:A:101:LYS:C	1:A:102:ARG:N	19	43.2
(1,159)	1:A:93:ILE:N	1:A:93:ILE:CA	1:A:93:ILE:C	1:A:94:HIS:N	8	43.2
(1,159)	1:A:93:ILE:N	1:A:93:ILE:CA	1:A:93:ILE:C	1:A:94:HIS:N	15	43.2
(1,153)	1:A:90:PHE:N	1:A:90:PHE:CA	1:A:90:PHE:C	1:A:91:GLU:N	16	43.2
(1,147)	1:A:87:THR:N	1:A:87:THR:CA	1:A:87:THR:C	1:A:88:LYS:N	8	43.2
(1,115)	1:A:70:GLN:N	1:A:70:GLN:CA	1:A:70:GLN:C	1:A:71:TYR:N	11	43.2
(1,40)	1:A:23:LEU:N	1:A:23:LEU:CA	1:A:23:LEU:C	1:A:24:ILE:N	9	43.1
(1,34)	1:A:20:THR:N	1:A:20:THR:CA	1:A:20:THR:C	1:A:21:ILE:N	3	43.1
(1,275)	1:A:159:LEU:N	1:A:159:LEU:CA	1:A:159:LEU:C	1:A:160:VAL:N	7	43.1
(1,213)	1:A:124:THR:C	1:A:125:VAL:N	1:A:125:VAL:CA	1:A:125:VAL:C	1	43.1
(1,167)	1:A:97:ARG:N	1:A:97:ARG:CA	1:A:97:ARG:C	1:A:98:GLU:N	17	43.1
(1,161)	1:A:94:HIS:N	1:A:94:HIS:CA	1:A:94:HIS:C	1:A:95:GLN:N	16	43.1
(1,157)	1:A:92:ASP:N	1:A:92:ASP:CA	1:A:92:ASP:C	1:A:93:ILE:N	5	43.1
(1,32)	1:A:19:LEU:N	1:A:19:LEU:CA	1:A:19:LEU:C	1:A:20:THR:N	20	43.0
(1,30)	1:A:18:ALA:N	1:A:18:ALA:CA	1:A:18:ALA:C	1:A:19:LEU:N	5	43.0
(1,285)	1:A:164:ARG:N	1:A:164:ARG:CA	1:A:164:ARG:C	1:A:165:GLN:N	2	43.0
(1,273)	1:A:158:THR:N	1:A:158:THR:CA	1:A:158:THR:C	1:A:159:LEU:N	5	43.0
(1,230)	1:A:133:LEU:N	1:A:133:LEU:CA	1:A:133:LEU:C	1:A:134:ALA:N	17	43.0
(1,163)	1:A:95:GLN:N	1:A:95:GLN:CA	1:A:95:GLN:C	1:A:96:TYR:N	15	43.0
(1,123)	1:A:74:THR:N	1:A:74:THR:CA	1:A:74:THR:C	1:A:75:GLY:N	2	43.0
(1,30)	1:A:18:ALA:N	1:A:18:ALA:CA	1:A:18:ALA:C	1:A:19:LEU:N	2	42.9
(1,271)	1:A:157:TYR:N	1:A:157:TYR:CA	1:A:157:TYR:C	1:A:158:THR:N	6	42.9
(1,175)	1:A:101:LYS:N	1:A:101:LYS:CA	1:A:101:LYS:C	1:A:102:ARG:N	8	42.9
(1,161)	1:A:94:HIS:N	1:A:94:HIS:CA	1:A:94:HIS:C	1:A:95:GLN:N	10	42.9
(1,277)	1:A:160:VAL:N	1:A:160:VAL:CA	1:A:160:VAL:C	1:A:161:ARG:N	1	42.8
(1,277)	1:A:160:VAL:N	1:A:160:VAL:CA	1:A:160:VAL:C	1:A:161:ARG:N	8	42.8
(1,261)	1:A:152:VAL:N	1:A:152:VAL:CA	1:A:152:VAL:C	1:A:153:GLU:N	20	42.8
(1,222)	1:A:129:GLN:N	1:A:129:GLN:CA	1:A:129:GLN:C	1:A:130:ALA:N	20	42.8
(1,161)	1:A:94:HIS:N	1:A:94:HIS:CA	1:A:94:HIS:C	1:A:95:GLN:N	11	42.8
(1,123)	1:A:74:THR:N	1:A:74:THR:CA	1:A:74:THR:C	1:A:75:GLY:N	18	42.8
(1,36)	1:A:21:ILE:N	1:A:21:ILE:CA	1:A:21:ILE:C	1:A:22:GLN:N	17	42.7
(1,279)	1:A:161:ARG:N	1:A:161:ARG:CA	1:A:161:ARG:C	1:A:162:GLU:N	17	42.7
(1,273)	1:A:158:THR:N	1:A:158:THR:CA	1:A:158:THR:C	1:A:159:LEU:N	13	42.7
(1,267)	1:A:155:ALA:N	1:A:155:ALA:CA	1:A:155:ALA:C	1:A:156:PHE:N	15	42.7
(1,175)	1:A:101:LYS:N	1:A:101:LYS:CA	1:A:101:LYS:C	1:A:102:ARG:N	17	42.7
(1,167)	1:A:97:ARG:N	1:A:97:ARG:CA	1:A:97:ARG:C	1:A:98:GLU:N	16	42.7
(1,125)	1:A:75:GLY:N	1:A:75:GLY:CA	1:A:75:GLY:C	1:A:76:GLU:N	10	42.7
(1,115)	1:A:70:GLN:N	1:A:70:GLN:CA	1:A:70:GLN:C	1:A:71:TYR:N	3	42.7
(1,109)	1:A:67:MET:N	1:A:67:MET:CA	1:A:67:MET:C	1:A:68:ARG:N	20	42.7
(1,32)	1:A:19:LEU:N	1:A:19:LEU:CA	1:A:19:LEU:C	1:A:20:THR:N	14	42.6
(1,265)	1:A:154:ASP:N	1:A:154:ASP:CA	1:A:154:ASP:C	1:A:155:ALA:N	5	42.6
(1,263)	1:A:153:GLU:N	1:A:153:GLU:CA	1:A:153:GLU:C	1:A:154:ASP:N	2	42.6
(1,230)	1:A:133:LEU:N	1:A:133:LEU:CA	1:A:133:LEU:C	1:A:134:ALA:N	13	42.6
(1,175)	1:A:101:LYS:N	1:A:101:LYS:CA	1:A:101:LYS:C	1:A:102:ARG:N	10	42.6
(1,167)	1:A:97:ARG:N	1:A:97:ARG:CA	1:A:97:ARG:C	1:A:98:GLU:N	18	42.6
(1,155)	1:A:91:GLU:N	1:A:91:GLU:CA	1:A:91:GLU:C	1:A:92:ASP:N	14	42.6
(1,153)	1:A:90:PHE:N	1:A:90:PHE:CA	1:A:90:PHE:C	1:A:91:GLU:N	11	42.6
(1,111)	1:A:68:ARG:N	1:A:68:ARG:CA	1:A:68:ARG:C	1:A:69:ASP:N	2	42.6

Continued on next page...



Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Atom-3	Atom-4	Model ID	Violation (°)
(1,36)	1:A:21:ILE:N	1:A:21:ILE:CA	1:A:21:ILE:C	1:A:22:GLN:N	1	42.5
(1,36)	1:A:21:ILE:N	1:A:21:ILE:CA	1:A:21:ILE:C	1:A:22:GLN:N	20	42.5
(1,273)	1:A:158:THR:N	1:A:158:THR:CA	1:A:158:THR:C	1:A:159:LEU:N	7	42.5
(1,263)	1:A:153:GLU:N	1:A:153:GLU:CA	1:A:153:GLU:C	1:A:154:ASP:N	6	42.5
(1,161)	1:A:94:HIS:N	1:A:94:HIS:CA	1:A:94:HIS:C	1:A:95:GLN:N	6	42.5
(1,263)	1:A:153:GLU:N	1:A:153:GLU:CA	1:A:153:GLU:C	1:A:154:ASP:N	4	42.4
(1,224)	1:A:130:ALA:N	1:A:130:ALA:CA	1:A:130:ALA:C	1:A:131:GLN:N	18	42.4
(1,222)	1:A:129:GLN:N	1:A:129:GLN:CA	1:A:129:GLN:C	1:A:130:ALA:N	17	42.4
(1,173)	1:A:100:ILE:N	1:A:100:ILE:CA	1:A:100:ILE:C	1:A:101:LYS:N	12	42.4
(1,169)	1:A:98:GLU:N	1:A:98:GLU:CA	1:A:98:GLU:C	1:A:99:GLN:N	19	42.4
(1,165)	1:A:96:TYR:N	1:A:96:TYR:CA	1:A:96:TYR:C	1:A:97:ARG:N	7	42.4
(1,157)	1:A:92:ASP:N	1:A:92:ASP:CA	1:A:92:ASP:C	1:A:93:ILE:N	9	42.4
(1,147)	1:A:87:THR:N	1:A:87:THR:CA	1:A:87:THR:C	1:A:88:LYS:N	9	42.4
(1,109)	1:A:67:MET:N	1:A:67:MET:CA	1:A:67:MET:C	1:A:68:ARG:N	5	42.4
(1,263)	1:A:153:GLU:N	1:A:153:GLU:CA	1:A:153:GLU:C	1:A:154:ASP:N	20	42.3
(1,224)	1:A:130:ALA:N	1:A:130:ALA:CA	1:A:130:ALA:C	1:A:131:GLN:N	17	42.3
(1,222)	1:A:129:GLN:N	1:A:129:GLN:CA	1:A:129:GLN:C	1:A:130:ALA:N	12	42.3
(1,179)	1:A:103:VAL:N	1:A:103:VAL:CA	1:A:103:VAL:C	1:A:104:LYS:N	9	42.3
(1,177)	1:A:102:ARG:N	1:A:102:ARG:CA	1:A:102:ARG:C	1:A:103:VAL:N	8	42.3
(1,155)	1:A:91:GLU:N	1:A:91:GLU:CA	1:A:91:GLU:C	1:A:92:ASP:N	11	42.3
(1,115)	1:A:70:GLN:N	1:A:70:GLN:CA	1:A:70:GLN:C	1:A:71:TYR:N	12	42.3
(1,113)	1:A:69:ASP:N	1:A:69:ASP:CA	1:A:69:ASP:C	1:A:70:GLN:N	5	42.3
(1,99)	1:A:62:GLU:N	1:A:62:GLU:CA	1:A:62:GLU:C	1:A:63:GLU:N	1	42.2
(1,99)	1:A:62:GLU:N	1:A:62:GLU:CA	1:A:62:GLU:C	1:A:63:GLU:N	2	42.2
(1,263)	1:A:153:GLU:N	1:A:153:GLU:CA	1:A:153:GLU:C	1:A:154:ASP:N	15	42.2
(1,230)	1:A:133:LEU:N	1:A:133:LEU:CA	1:A:133:LEU:C	1:A:134:ALA:N	18	42.2
(1,175)	1:A:101:LYS:N	1:A:101:LYS:CA	1:A:101:LYS:C	1:A:102:ARG:N	20	42.2
(1,161)	1:A:94:HIS:N	1:A:94:HIS:CA	1:A:94:HIS:C	1:A:95:GLN:N	3	42.2
(1,161)	1:A:94:HIS:N	1:A:94:HIS:CA	1:A:94:HIS:C	1:A:95:GLN:N	9	42.2
(1,157)	1:A:92:ASP:N	1:A:92:ASP:CA	1:A:92:ASP:C	1:A:93:ILE:N	2	42.2
(1,115)	1:A:70:GLN:N	1:A:70:GLN:CA	1:A:70:GLN:C	1:A:71:TYR:N	17	42.2
(1,34)	1:A:20:THR:N	1:A:20:THR:CA	1:A:20:THR:C	1:A:21:ILE:N	16	42.1
(1,273)	1:A:158:THR:N	1:A:158:THR:CA	1:A:158:THR:C	1:A:159:LEU:N	3	42.1
(1,271)	1:A:157:TYR:N	1:A:157:TYR:CA	1:A:157:TYR:C	1:A:158:THR:N	14	42.1
(1,222)	1:A:129:GLN:N	1:A:129:GLN:CA	1:A:129:GLN:C	1:A:130:ALA:N	4	42.1
(1,175)	1:A:101:LYS:N	1:A:101:LYS:CA	1:A:101:LYS:C	1:A:102:ARG:N	9	42.1
(1,169)	1:A:98:GLU:N	1:A:98:GLU:CA	1:A:98:GLU:C	1:A:99:GLN:N	3	42.1
(1,163)	1:A:95:GLN:N	1:A:95:GLN:CA	1:A:95:GLN:C	1:A:96:TYR:N	14	42.1
(1,161)	1:A:94:HIS:N	1:A:94:HIS:CA	1:A:94:HIS:C	1:A:95:GLN:N	2	42.1
(1,153)	1:A:90:PHE:N	1:A:90:PHE:CA	1:A:90:PHE:C	1:A:91:GLU:N	10	42.1
(1,121)	1:A:73:ARG:N	1:A:73:ARG:CA	1:A:73:ARG:C	1:A:74:THR:N	13	42.1
(1,119)	1:A:72:MET:N	1:A:72:MET:CA	1:A:72:MET:C	1:A:73:ARG:N	9	42.1
(1,101)	1:A:63:GLU:N	1:A:63:GLU:CA	1:A:63:GLU:C	1:A:64:TYR:N	8	42.1
(1,279)	1:A:161:ARG:N	1:A:161:ARG:CA	1:A:161:ARG:C	1:A:162:GLU:N	7	42.0
(1,179)	1:A:103:VAL:N	1:A:103:VAL:CA	1:A:103:VAL:C	1:A:104:LYS:N	20	42.0
(1,167)	1:A:97:ARG:N	1:A:97:ARG:CA	1:A:97:ARG:C	1:A:98:GLU:N	11	42.0
(1,161)	1:A:94:HIS:N	1:A:94:HIS:CA	1:A:94:HIS:C	1:A:95:GLN:N	7	42.0
(1,159)	1:A:93:ILE:N	1:A:93:ILE:CA	1:A:93:ILE:C	1:A:94:HIS:N	6	42.0
(1,99)	1:A:62:GLU:N	1:A:62:GLU:CA	1:A:62:GLU:C	1:A:63:GLU:N	3	41.9
(1,30)	1:A:18:ALA:N	1:A:18:ALA:CA	1:A:18:ALA:C	1:A:19:LEU:N	15	41.9
(1,281)	1:A:162:GLU:N	1:A:162:GLU:CA	1:A:162:GLU:C	1:A:163:ILE:N	5	41.9

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Atom-3	Atom-4	Model ID	Violation (°)
(1,28)	1:A:17:SER:N	1:A:17:SER:CA	1:A:17:SER:C	1:A:18:ALA:N	15	41.9
(1,277)	1:A:160:VAL:N	1:A:160:VAL:CA	1:A:160:VAL:C	1:A:161:ARG:N	18	41.9
(1,273)	1:A:158:THR:N	1:A:158:THR:CA	1:A:158:THR:C	1:A:159:LEU:N	19	41.9
(1,269)	1:A:156:PHE:N	1:A:156:PHE:CA	1:A:156:PHE:C	1:A:157:TYR:N	3	41.9
(1,215)	1:A:125:VAL:C	1:A:126:GLU:N	1:A:126:GLU:CA	1:A:126:GLU:C	16	41.9
(1,173)	1:A:100:ILE:N	1:A:100:ILE:CA	1:A:100:ILE:C	1:A:101:LYS:N	3	41.9
(1,163)	1:A:95:GLN:N	1:A:95:GLN:CA	1:A:95:GLN:C	1:A:96:TYR:N	13	41.9
(1,163)	1:A:95:GLN:N	1:A:95:GLN:CA	1:A:95:GLN:C	1:A:96:TYR:N	17	41.9
(1,155)	1:A:91:GLU:N	1:A:91:GLU:CA	1:A:91:GLU:C	1:A:92:ASP:N	16	41.9
(1,155)	1:A:91:GLU:N	1:A:91:GLU:CA	1:A:91:GLU:C	1:A:92:ASP:N	19	41.9
(1,153)	1:A:90:PHE:N	1:A:90:PHE:CA	1:A:90:PHE:C	1:A:91:GLU:N	12	41.9
(1,153)	1:A:90:PHE:N	1:A:90:PHE:CA	1:A:90:PHE:C	1:A:91:GLU:N	20	41.9
(1,32)	1:A:19:LEU:N	1:A:19:LEU:CA	1:A:19:LEU:C	1:A:20:THR:N	18	41.8
(1,273)	1:A:158:THR:N	1:A:158:THR:CA	1:A:158:THR:C	1:A:159:LEU:N	11	41.8
(1,220)	1:A:128:ARG:N	1:A:128:ARG:CA	1:A:128:ARG:C	1:A:129:GLN:N	16	41.8
(1,215)	1:A:125:VAL:C	1:A:126:GLU:N	1:A:126:GLU:CA	1:A:126:GLU:C	1	41.8
(1,215)	1:A:125:VAL:C	1:A:126:GLU:N	1:A:126:GLU:CA	1:A:126:GLU:C	3	41.8
(1,155)	1:A:91:GLU:N	1:A:91:GLU:CA	1:A:91:GLU:C	1:A:92:ASP:N	10	41.8
(1,109)	1:A:67:MET:N	1:A:67:MET:CA	1:A:67:MET:C	1:A:68:ARG:N	4	41.8
(1,109)	1:A:67:MET:N	1:A:67:MET:CA	1:A:67:MET:C	1:A:68:ARG:N	12	41.8
(1,36)	1:A:21:ILE:N	1:A:21:ILE:CA	1:A:21:ILE:C	1:A:22:GLN:N	15	41.7
(1,28)	1:A:17:SER:N	1:A:17:SER:CA	1:A:17:SER:C	1:A:18:ALA:N	3	41.7
(1,273)	1:A:158:THR:N	1:A:158:THR:CA	1:A:158:THR:C	1:A:159:LEU:N	2	41.7
(1,269)	1:A:156:PHE:N	1:A:156:PHE:CA	1:A:156:PHE:C	1:A:157:TYR:N	10	41.7
(1,263)	1:A:153:GLU:N	1:A:153:GLU:CA	1:A:153:GLU:C	1:A:154:ASP:N	17	41.7
(1,222)	1:A:129:GLN:N	1:A:129:GLN:CA	1:A:129:GLN:C	1:A:130:ALA:N	11	41.7
(1,215)	1:A:125:VAL:C	1:A:126:GLU:N	1:A:126:GLU:CA	1:A:126:GLU:C	5	41.7
(1,161)	1:A:94:HIS:N	1:A:94:HIS:CA	1:A:94:HIS:C	1:A:95:GLN:N	8	41.7
(1,153)	1:A:90:PHE:N	1:A:90:PHE:CA	1:A:90:PHE:C	1:A:91:GLU:N	5	41.7
(1,143)	1:A:85:ASN:N	1:A:85:ASN:CA	1:A:85:ASN:C	1:A:86:ASN:N	5	41.7
(1,40)	1:A:23:LEU:N	1:A:23:LEU:CA	1:A:23:LEU:C	1:A:24:ILE:N	12	41.6
(1,30)	1:A:18:ALA:N	1:A:18:ALA:CA	1:A:18:ALA:C	1:A:19:LEU:N	9	41.6
(1,275)	1:A:159:LEU:N	1:A:159:LEU:CA	1:A:159:LEU:C	1:A:160:VAL:N	1	41.6
(1,275)	1:A:159:LEU:N	1:A:159:LEU:CA	1:A:159:LEU:C	1:A:160:VAL:N	14	41.6
(1,273)	1:A:158:THR:N	1:A:158:THR:CA	1:A:158:THR:C	1:A:159:LEU:N	8	41.6
(1,273)	1:A:158:THR:N	1:A:158:THR:CA	1:A:158:THR:C	1:A:159:LEU:N	15	41.6
(1,273)	1:A:158:THR:N	1:A:158:THR:CA	1:A:158:THR:C	1:A:159:LEU:N	20	41.6
(1,226)	1:A:131:GLN:N	1:A:131:GLN:CA	1:A:131:GLN:C	1:A:132:ASP:N	14	41.6
(1,213)	1:A:124:THR:C	1:A:125:VAL:N	1:A:125:VAL:CA	1:A:125:VAL:C	3	41.6
(1,153)	1:A:90:PHE:N	1:A:90:PHE:CA	1:A:90:PHE:C	1:A:91:GLU:N	8	41.6
(1,34)	1:A:20:THR:N	1:A:20:THR:CA	1:A:20:THR:C	1:A:21:ILE:N	4	41.5
(1,283)	1:A:163:ILE:N	1:A:163:ILE:CA	1:A:163:ILE:C	1:A:164:ARG:N	9	41.5
(1,277)	1:A:160:VAL:N	1:A:160:VAL:CA	1:A:160:VAL:C	1:A:161:ARG:N	6	41.5
(1,175)	1:A:101:LYS:N	1:A:101:LYS:CA	1:A:101:LYS:C	1:A:102:ARG:N	1	41.5
(1,165)	1:A:96:TYR:N	1:A:96:TYR:CA	1:A:96:TYR:C	1:A:97:ARG:N	16	41.5
(1,159)	1:A:93:ILE:N	1:A:93:ILE:CA	1:A:93:ILE:C	1:A:94:HIS:N	20	41.5
(1,153)	1:A:90:PHE:N	1:A:90:PHE:CA	1:A:90:PHE:C	1:A:91:GLU:N	3	41.5
(1,109)	1:A:67:MET:N	1:A:67:MET:CA	1:A:67:MET:C	1:A:68:ARG:N	13	41.5
(1,36)	1:A:21:ILE:N	1:A:21:ILE:CA	1:A:21:ILE:C	1:A:22:GLN:N	14	41.4
(1,281)	1:A:162:GLU:N	1:A:162:GLU:CA	1:A:162:GLU:C	1:A:163:ILE:N	2	41.4
(1,275)	1:A:159:LEU:N	1:A:159:LEU:CA	1:A:159:LEU:C	1:A:160:VAL:N	3	41.4

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Atom-3	Atom-4	Model ID	Violation (°)
(1,269)	1:A:156:PHE:N	1:A:156:PHE:CA	1:A:156:PHE:C	1:A:157:TYR:N	13	41.4
(1,173)	1:A:100:ILE:N	1:A:100:ILE:CA	1:A:100:ILE:C	1:A:101:LYS:N	9	41.4
(1,167)	1:A:97:ARG:N	1:A:97:ARG:CA	1:A:97:ARG:C	1:A:98:GLU:N	15	41.4
(1,155)	1:A:91:GLU:N	1:A:91:GLU:CA	1:A:91:GLU:C	1:A:92:ASP:N	5	41.4
(1,151)	1:A:89:SER:N	1:A:89:SER:CA	1:A:89:SER:C	1:A:90:PHE:N	20	41.4
(1,111)	1:A:68:ARG:N	1:A:68:ARG:CA	1:A:68:ARG:C	1:A:69:ASP:N	5	41.4
(1,26)	1:A:16:LYS:N	1:A:16:LYS:CA	1:A:16:LYS:C	1:A:17:SER:N	4	41.3
(1,222)	1:A:129:GLN:N	1:A:129:GLN:CA	1:A:129:GLN:C	1:A:130:ALA:N	19	41.3
(1,165)	1:A:96:TYR:N	1:A:96:TYR:CA	1:A:96:TYR:C	1:A:97:ARG:N	8	41.3
(1,147)	1:A:87:THR:N	1:A:87:THR:CA	1:A:87:THR:C	1:A:88:LYS:N	19	41.3
(1,115)	1:A:70:GLN:N	1:A:70:GLN:CA	1:A:70:GLN:C	1:A:71:TYR:N	15	41.3
(1,109)	1:A:67:MET:N	1:A:67:MET:CA	1:A:67:MET:C	1:A:68:ARG:N	10	41.3
(1,269)	1:A:156:PHE:N	1:A:156:PHE:CA	1:A:156:PHE:C	1:A:157:TYR:N	7	41.2
(1,163)	1:A:95:GLN:N	1:A:95:GLN:CA	1:A:95:GLN:C	1:A:96:TYR:N	2	41.2
(1,159)	1:A:93:ILE:N	1:A:93:ILE:CA	1:A:93:ILE:C	1:A:94:HIS:N	19	41.2
(1,157)	1:A:92:ASP:N	1:A:92:ASP:CA	1:A:92:ASP:C	1:A:93:ILE:N	11	41.2
(1,34)	1:A:20:THR:N	1:A:20:THR:CA	1:A:20:THR:C	1:A:21:ILE:N	10	41.1
(1,32)	1:A:19:LEU:N	1:A:19:LEU:CA	1:A:19:LEU:C	1:A:20:THR:N	5	41.1
(1,28)	1:A:17:SER:N	1:A:17:SER:CA	1:A:17:SER:C	1:A:18:ALA:N	1	41.1
(1,232)	1:A:134:ALA:N	1:A:134:ALA:CA	1:A:134:ALA:C	1:A:135:ARG:N	11	41.1
(1,222)	1:A:129:GLN:N	1:A:129:GLN:CA	1:A:129:GLN:C	1:A:130:ALA:N	16	41.1
(1,173)	1:A:100:ILE:N	1:A:100:ILE:CA	1:A:100:ILE:C	1:A:101:LYS:N	5	41.1
(1,173)	1:A:100:ILE:N	1:A:100:ILE:CA	1:A:100:ILE:C	1:A:101:LYS:N	10	41.1
(1,163)	1:A:95:GLN:N	1:A:95:GLN:CA	1:A:95:GLN:C	1:A:96:TYR:N	4	41.1
(1,123)	1:A:74:THR:N	1:A:74:THR:CA	1:A:74:THR:C	1:A:75:GLY:N	15	41.1
(1,40)	1:A:23:LEU:N	1:A:23:LEU:CA	1:A:23:LEU:C	1:A:24:ILE:N	20	41.0
(1,36)	1:A:21:ILE:N	1:A:21:ILE:CA	1:A:21:ILE:C	1:A:22:GLN:N	2	41.0
(1,273)	1:A:158:THR:N	1:A:158:THR:CA	1:A:158:THR:C	1:A:159:LEU:N	1	41.0
(1,232)	1:A:134:ALA:N	1:A:134:ALA:CA	1:A:134:ALA:C	1:A:135:ARG:N	10	41.0
(1,179)	1:A:103:VAL:N	1:A:103:VAL:CA	1:A:103:VAL:C	1:A:104:LYS:N	8	41.0
(1,173)	1:A:100:ILE:N	1:A:100:ILE:CA	1:A:100:ILE:C	1:A:101:LYS:N	20	41.0
(1,163)	1:A:95:GLN:N	1:A:95:GLN:CA	1:A:95:GLN:C	1:A:96:TYR:N	7	41.0
(1,113)	1:A:69:ASP:N	1:A:69:ASP:CA	1:A:69:ASP:C	1:A:70:GLN:N	6	41.0
(1,107)	1:A:66:ALA:N	1:A:66:ALA:CA	1:A:66:ALA:C	1:A:67:MET:N	18	41.0
(1,32)	1:A:19:LEU:N	1:A:19:LEU:CA	1:A:19:LEU:C	1:A:20:THR:N	15	40.9
(1,279)	1:A:161:ARG:N	1:A:161:ARG:CA	1:A:161:ARG:C	1:A:162:GLU:N	13	40.9
(1,265)	1:A:154:ASP:N	1:A:154:ASP:CA	1:A:154:ASP:C	1:A:155:ALA:N	12	40.9
(1,230)	1:A:133:LEU:N	1:A:133:LEU:CA	1:A:133:LEU:C	1:A:134:ALA:N	4	40.9
(1,228)	1:A:132:ASP:N	1:A:132:ASP:CA	1:A:132:ASP:C	1:A:133:LEU:N	10	40.9
(1,42)	1:A:24:ILE:N	1:A:24:ILE:CA	1:A:24:ILE:C	1:A:25:GLN:N	14	40.8
(1,36)	1:A:21:ILE:N	1:A:21:ILE:CA	1:A:21:ILE:C	1:A:22:GLN:N	4	40.8
(1,34)	1:A:20:THR:N	1:A:20:THR:CA	1:A:20:THR:C	1:A:21:ILE:N	9	40.8
(1,285)	1:A:164:ARG:N	1:A:164:ARG:CA	1:A:164:ARG:C	1:A:165:GLN:N	11	40.8
(1,28)	1:A:17:SER:N	1:A:17:SER:CA	1:A:17:SER:C	1:A:18:ALA:N	19	40.8
(1,275)	1:A:159:LEU:N	1:A:159:LEU:CA	1:A:159:LEU:C	1:A:160:VAL:N	8	40.8
(1,271)	1:A:157:TYR:N	1:A:157:TYR:CA	1:A:157:TYR:C	1:A:158:THR:N	4	40.8
(1,224)	1:A:130:ALA:N	1:A:130:ALA:CA	1:A:130:ALA:C	1:A:131:GLN:N	16	40.8
(1,213)	1:A:124:THR:C	1:A:125:VAL:N	1:A:125:VAL:CA	1:A:125:VAL:C	14	40.8
(1,163)	1:A:95:GLN:N	1:A:95:GLN:CA	1:A:95:GLN:C	1:A:96:TYR:N	11	40.8
(1,30)	1:A:18:ALA:N	1:A:18:ALA:CA	1:A:18:ALA:C	1:A:19:LEU:N	16	40.7
(1,269)	1:A:156:PHE:N	1:A:156:PHE:CA	1:A:156:PHE:C	1:A:157:TYR:N	9	40.7

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Atom-3	Atom-4	Model ID	Violation (°)
(1,175)	1:A:101:LYS:N	1:A:101:LYS:CA	1:A:101:LYS:C	1:A:102:ARG:N	11	40.7
(1,109)	1:A:67:MET:N	1:A:67:MET:CA	1:A:67:MET:C	1:A:68:ARG:N	14	40.7
(1,32)	1:A:19:LEU:N	1:A:19:LEU:CA	1:A:19:LEU:C	1:A:20:THR:N	11	40.6
(1,30)	1:A:18:ALA:N	1:A:18:ALA:CA	1:A:18:ALA:C	1:A:19:LEU:N	8	40.6
(1,265)	1:A:154:ASP:N	1:A:154:ASP:CA	1:A:154:ASP:C	1:A:155:ALA:N	11	40.6
(1,113)	1:A:69:ASP:N	1:A:69:ASP:CA	1:A:69:ASP:C	1:A:70:GLN:N	4	40.6
(1,269)	1:A:156:PHE:N	1:A:156:PHE:CA	1:A:156:PHE:C	1:A:157:TYR:N	4	40.5
(1,269)	1:A:156:PHE:N	1:A:156:PHE:CA	1:A:156:PHE:C	1:A:157:TYR:N	19	40.5
(1,267)	1:A:155:ALA:N	1:A:155:ALA:CA	1:A:155:ALA:C	1:A:156:PHE:N	2	40.5
(1,173)	1:A:100:ILE:N	1:A:100:ILE:CA	1:A:100:ILE:C	1:A:101:LYS:N	11	40.5
(1,155)	1:A:91:GLU:N	1:A:91:GLU:CA	1:A:91:GLU:C	1:A:92:ASP:N	20	40.5
(1,275)	1:A:159:LEU:N	1:A:159:LEU:CA	1:A:159:LEU:C	1:A:160:VAL:N	19	40.4
(1,273)	1:A:158:THR:N	1:A:158:THR:CA	1:A:158:THR:C	1:A:159:LEU:N	4	40.4
(1,273)	1:A:158:THR:N	1:A:158:THR:CA	1:A:158:THR:C	1:A:159:LEU:N	16	40.4
(1,179)	1:A:103:VAL:N	1:A:103:VAL:CA	1:A:103:VAL:C	1:A:104:LYS:N	5	40.4
(1,179)	1:A:103:VAL:N	1:A:103:VAL:CA	1:A:103:VAL:C	1:A:104:LYS:N	7	40.4
(1,163)	1:A:95:GLN:N	1:A:95:GLN:CA	1:A:95:GLN:C	1:A:96:TYR:N	16	40.4
(1,153)	1:A:90:PHE:N	1:A:90:PHE:CA	1:A:90:PHE:C	1:A:91:GLU:N	13	40.4
(1,111)	1:A:68:ARG:N	1:A:68:ARG:CA	1:A:68:ARG:C	1:A:69:ASP:N	17	40.4
(1,99)	1:A:62:GLU:N	1:A:62:GLU:CA	1:A:62:GLU:C	1:A:63:GLU:N	6	40.3
(1,99)	1:A:62:GLU:N	1:A:62:GLU:CA	1:A:62:GLU:C	1:A:63:GLU:N	18	40.3
(1,283)	1:A:163:ILE:N	1:A:163:ILE:CA	1:A:163:ILE:C	1:A:164:ARG:N	8	40.3
(1,277)	1:A:160:VAL:N	1:A:160:VAL:CA	1:A:160:VAL:C	1:A:161:ARG:N	15	40.3
(1,230)	1:A:133:LEU:N	1:A:133:LEU:CA	1:A:133:LEU:C	1:A:134:ALA:N	1	40.3
(1,40)	1:A:23:LEU:N	1:A:23:LEU:CA	1:A:23:LEU:C	1:A:24:ILE:N	6	40.2
(1,32)	1:A:19:LEU:N	1:A:19:LEU:CA	1:A:19:LEU:C	1:A:20:THR:N	17	40.2
(1,281)	1:A:162:GLU:N	1:A:162:GLU:CA	1:A:162:GLU:C	1:A:163:ILE:N	8	40.2
(1,28)	1:A:17:SER:N	1:A:17:SER:CA	1:A:17:SER:C	1:A:18:ALA:N	10	40.2
(1,279)	1:A:161:ARG:N	1:A:161:ARG:CA	1:A:161:ARG:C	1:A:162:GLU:N	2	40.2
(1,255)	1:A:147:LYS:N	1:A:147:LYS:CA	1:A:147:LYS:C	1:A:148:THR:N	19	40.2
(1,232)	1:A:134:ALA:N	1:A:134:ALA:CA	1:A:134:ALA:C	1:A:135:ARG:N	6	40.2
(1,230)	1:A:133:LEU:N	1:A:133:LEU:CA	1:A:133:LEU:C	1:A:134:ALA:N	19	40.2
(1,147)	1:A:87:THR:N	1:A:87:THR:CA	1:A:87:THR:C	1:A:88:LYS:N	14	40.2
(1,36)	1:A:21:ILE:N	1:A:21:ILE:CA	1:A:21:ILE:C	1:A:22:GLN:N	18	40.1
(1,30)	1:A:18:ALA:N	1:A:18:ALA:CA	1:A:18:ALA:C	1:A:19:LEU:N	18	40.1
(1,281)	1:A:162:GLU:N	1:A:162:GLU:CA	1:A:162:GLU:C	1:A:163:ILE:N	4	40.1
(1,279)	1:A:161:ARG:N	1:A:161:ARG:CA	1:A:161:ARG:C	1:A:162:GLU:N	9	40.1
(1,261)	1:A:152:VAL:N	1:A:152:VAL:CA	1:A:152:VAL:C	1:A:153:GLU:N	10	40.1
(1,230)	1:A:133:LEU:N	1:A:133:LEU:CA	1:A:133:LEU:C	1:A:134:ALA:N	10	40.1
(1,222)	1:A:129:GLN:N	1:A:129:GLN:CA	1:A:129:GLN:C	1:A:130:ALA:N	7	40.1
(1,222)	1:A:129:GLN:N	1:A:129:GLN:CA	1:A:129:GLN:C	1:A:130:ALA:N	15	40.1
(1,163)	1:A:95:GLN:N	1:A:95:GLN:CA	1:A:95:GLN:C	1:A:96:TYR:N	10	40.1
(1,155)	1:A:91:GLU:N	1:A:91:GLU:CA	1:A:91:GLU:C	1:A:92:ASP:N	2	40.1
(1,143)	1:A:85:ASN:N	1:A:85:ASN:CA	1:A:85:ASN:C	1:A:86:ASN:N	7	40.1
(1,165)	1:A:96:TYR:N	1:A:96:TYR:CA	1:A:96:TYR:C	1:A:97:ARG:N	19	40.0
(1,267)	1:A:155:ALA:N	1:A:155:ALA:CA	1:A:155:ALA:C	1:A:156:PHE:N	1	39.9
(1,230)	1:A:133:LEU:N	1:A:133:LEU:CA	1:A:133:LEU:C	1:A:134:ALA:N	2	39.9
(1,230)	1:A:133:LEU:N	1:A:133:LEU:CA	1:A:133:LEU:C	1:A:134:ALA:N	6	39.9
(1,173)	1:A:100:ILE:N	1:A:100:ILE:CA	1:A:100:ILE:C	1:A:101:LYS:N	19	39.9
(1,165)	1:A:96:TYR:N	1:A:96:TYR:CA	1:A:96:TYR:C	1:A:97:ARG:N	17	39.9
(1,157)	1:A:92:ASP:N	1:A:92:ASP:CA	1:A:92:ASP:C	1:A:93:ILE:N	6	39.9

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Atom-3	Atom-4	Model ID	Violation (°)
(1,157)	1:A:92:ASP:N	1:A:92:ASP:CA	1:A:92:ASP:C	1:A:93:ILE:N	10	39.9
(1,143)	1:A:85:ASN:N	1:A:85:ASN:CA	1:A:85:ASN:C	1:A:86:ASN:N	6	39.9
(1,36)	1:A:21:ILE:N	1:A:21:ILE:CA	1:A:21:ILE:C	1:A:22:GLN:N	9	39.8
(1,285)	1:A:164:ARG:N	1:A:164:ARG:CA	1:A:164:ARG:C	1:A:165:GLN:N	5	39.8
(1,277)	1:A:160:VAL:N	1:A:160:VAL:CA	1:A:160:VAL:C	1:A:161:ARG:N	4	39.8
(1,271)	1:A:157:TYR:N	1:A:157:TYR:CA	1:A:157:TYR:C	1:A:158:THR:N	9	39.8
(1,271)	1:A:157:TYR:N	1:A:157:TYR:CA	1:A:157:TYR:C	1:A:158:THR:N	11	39.8
(1,261)	1:A:152:VAL:N	1:A:152:VAL:CA	1:A:152:VAL:C	1:A:153:GLU:N	9	39.8
(1,224)	1:A:130:ALA:N	1:A:130:ALA:CA	1:A:130:ALA:C	1:A:131:GLN:N	8	39.8
(1,175)	1:A:101:LYS:N	1:A:101:LYS:CA	1:A:101:LYS:C	1:A:102:ARG:N	4	39.8
(1,173)	1:A:100:ILE:N	1:A:100:ILE:CA	1:A:100:ILE:C	1:A:101:LYS:N	16	39.8
(1,169)	1:A:98:GLU:N	1:A:98:GLU:CA	1:A:98:GLU:C	1:A:99:GLN:N	8	39.8
(1,165)	1:A:96:TYR:N	1:A:96:TYR:CA	1:A:96:TYR:C	1:A:97:ARG:N	11	39.8
(1,123)	1:A:74:THR:N	1:A:74:THR:CA	1:A:74:THR:C	1:A:75:GLY:N	1	39.8
(1,123)	1:A:74:THR:N	1:A:74:THR:CA	1:A:74:THR:C	1:A:75:GLY:N	3	39.8
(1,30)	1:A:18:ALA:N	1:A:18:ALA:CA	1:A:18:ALA:C	1:A:19:LEU:N	4	39.7
(1,141)	1:A:84:ILE:N	1:A:84:ILE:CA	1:A:84:ILE:C	1:A:85:ASN:N	7	39.7
(1,213)	1:A:124:THR:C	1:A:125:VAL:N	1:A:125:VAL:CA	1:A:125:VAL:C	2	39.6
(1,157)	1:A:92:ASP:N	1:A:92:ASP:CA	1:A:92:ASP:C	1:A:93:ILE:N	13	39.6
(1,283)	1:A:163:ILE:N	1:A:163:ILE:CA	1:A:163:ILE:C	1:A:164:ARG:N	1	39.5
(1,273)	1:A:158:THR:N	1:A:158:THR:CA	1:A:158:THR:C	1:A:159:LEU:N	12	39.5
(1,283)	1:A:163:ILE:N	1:A:163:ILE:CA	1:A:163:ILE:C	1:A:164:ARG:N	20	39.4
(1,279)	1:A:161:ARG:N	1:A:161:ARG:CA	1:A:161:ARG:C	1:A:162:GLU:N	18	39.4
(1,273)	1:A:158:THR:N	1:A:158:THR:CA	1:A:158:THR:C	1:A:159:LEU:N	6	39.4
(1,269)	1:A:156:PHE:N	1:A:156:PHE:CA	1:A:156:PHE:C	1:A:157:TYR:N	16	39.4
(1,179)	1:A:103:VAL:N	1:A:103:VAL:CA	1:A:103:VAL:C	1:A:104:LYS:N	13	39.4
(1,179)	1:A:103:VAL:N	1:A:103:VAL:CA	1:A:103:VAL:C	1:A:104:LYS:N	18	39.4
(1,177)	1:A:102:ARG:N	1:A:102:ARG:CA	1:A:102:ARG:C	1:A:103:VAL:N	3	39.4
(1,159)	1:A:93:ILE:N	1:A:93:ILE:CA	1:A:93:ILE:C	1:A:94:HIS:N	7	39.4
(1,159)	1:A:93:ILE:N	1:A:93:ILE:CA	1:A:93:ILE:C	1:A:94:HIS:N	16	39.4
(1,179)	1:A:103:VAL:N	1:A:103:VAL:CA	1:A:103:VAL:C	1:A:104:LYS:N	14	39.3
(1,179)	1:A:103:VAL:N	1:A:103:VAL:CA	1:A:103:VAL:C	1:A:104:LYS:N	19	39.3
(1,30)	1:A:18:ALA:N	1:A:18:ALA:CA	1:A:18:ALA:C	1:A:19:LEU:N	3	39.2
(1,283)	1:A:163:ILE:N	1:A:163:ILE:CA	1:A:163:ILE:C	1:A:164:ARG:N	6	39.2
(1,28)	1:A:17:SER:N	1:A:17:SER:CA	1:A:17:SER:C	1:A:18:ALA:N	4	39.2
(1,269)	1:A:156:PHE:N	1:A:156:PHE:CA	1:A:156:PHE:C	1:A:157:TYR:N	12	39.2
(1,267)	1:A:155:ALA:N	1:A:155:ALA:CA	1:A:155:ALA:C	1:A:156:PHE:N	3	39.2
(1,267)	1:A:155:ALA:N	1:A:155:ALA:CA	1:A:155:ALA:C	1:A:156:PHE:N	4	39.2
(1,267)	1:A:155:ALA:N	1:A:155:ALA:CA	1:A:155:ALA:C	1:A:156:PHE:N	7	39.2
(1,265)	1:A:154:ASP:N	1:A:154:ASP:CA	1:A:154:ASP:C	1:A:155:ALA:N	15	39.2
(1,179)	1:A:103:VAL:N	1:A:103:VAL:CA	1:A:103:VAL:C	1:A:104:LYS:N	3	39.2
(1,161)	1:A:94:HIS:N	1:A:94:HIS:CA	1:A:94:HIS:C	1:A:95:GLN:N	1	39.2
(1,155)	1:A:91:GLU:N	1:A:91:GLU:CA	1:A:91:GLU:C	1:A:92:ASP:N	4	39.2
(1,32)	1:A:19:LEU:N	1:A:19:LEU:CA	1:A:19:LEU:C	1:A:20:THR:N	8	39.1
(1,28)	1:A:17:SER:N	1:A:17:SER:CA	1:A:17:SER:C	1:A:18:ALA:N	5	39.1
(1,279)	1:A:161:ARG:N	1:A:161:ARG:CA	1:A:161:ARG:C	1:A:162:GLU:N	8	39.1
(1,271)	1:A:157:TYR:N	1:A:157:TYR:CA	1:A:157:TYR:C	1:A:158:THR:N	10	39.1
(1,267)	1:A:155:ALA:N	1:A:155:ALA:CA	1:A:155:ALA:C	1:A:156:PHE:N	9	39.1
(1,179)	1:A:103:VAL:N	1:A:103:VAL:CA	1:A:103:VAL:C	1:A:104:LYS:N	10	39.1
(1,179)	1:A:103:VAL:N	1:A:103:VAL:CA	1:A:103:VAL:C	1:A:104:LYS:N	11	39.1
(1,159)	1:A:93:ILE:N	1:A:93:ILE:CA	1:A:93:ILE:C	1:A:94:HIS:N	4	39.1

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Atom-3	Atom-4	Model ID	Violation (°)
(1,153)	1:A:90:PHE:N	1:A:90:PHE:CA	1:A:90:PHE:C	1:A:91:GLU:N	7	39.1
(1,109)	1:A:67:MET:N	1:A:67:MET:CA	1:A:67:MET:C	1:A:68:ARG:N	6	39.1
(1,283)	1:A:163:ILE:N	1:A:163:ILE:CA	1:A:163:ILE:C	1:A:164:ARG:N	19	39.0
(1,28)	1:A:17:SER:N	1:A:17:SER:CA	1:A:17:SER:C	1:A:18:ALA:N	7	39.0
(1,279)	1:A:161:ARG:N	1:A:161:ARG:CA	1:A:161:ARG:C	1:A:162:GLU:N	20	39.0
(1,277)	1:A:160:VAL:N	1:A:160:VAL:CA	1:A:160:VAL:C	1:A:161:ARG:N	14	39.0
(1,271)	1:A:157:TYR:N	1:A:157:TYR:CA	1:A:157:TYR:C	1:A:158:THR:N	12	39.0
(1,230)	1:A:133:LEU:N	1:A:133:LEU:CA	1:A:133:LEU:C	1:A:134:ALA:N	20	39.0
(1,167)	1:A:97:ARG:N	1:A:97:ARG:CA	1:A:97:ARG:C	1:A:98:GLU:N	19	39.0
(1,163)	1:A:95:GLN:N	1:A:95:GLN:CA	1:A:95:GLN:C	1:A:96:TYR:N	9	39.0
(1,159)	1:A:93:ILE:N	1:A:93:ILE:CA	1:A:93:ILE:C	1:A:94:HIS:N	11	39.0
(1,125)	1:A:75:GLY:N	1:A:75:GLY:CA	1:A:75:GLY:C	1:A:76:GLU:N	11	39.0
(1,36)	1:A:21:ILE:N	1:A:21:ILE:CA	1:A:21:ILE:C	1:A:22:GLN:N	16	38.9
(1,34)	1:A:20:THR:N	1:A:20:THR:CA	1:A:20:THR:C	1:A:21:ILE:N	14	38.9
(1,283)	1:A:163:ILE:N	1:A:163:ILE:CA	1:A:163:ILE:C	1:A:164:ARG:N	3	38.9
(1,283)	1:A:163:ILE:N	1:A:163:ILE:CA	1:A:163:ILE:C	1:A:164:ARG:N	4	38.9
(1,281)	1:A:162:GLU:N	1:A:162:GLU:CA	1:A:162:GLU:C	1:A:163:ILE:N	11	38.9
(1,28)	1:A:17:SER:N	1:A:17:SER:CA	1:A:17:SER:C	1:A:18:ALA:N	9	38.9
(1,28)	1:A:17:SER:N	1:A:17:SER:CA	1:A:17:SER:C	1:A:18:ALA:N	12	38.9
(1,277)	1:A:160:VAL:N	1:A:160:VAL:CA	1:A:160:VAL:C	1:A:161:ARG:N	20	38.9
(1,273)	1:A:158:THR:N	1:A:158:THR:CA	1:A:158:THR:C	1:A:159:LEU:N	10	38.9
(1,265)	1:A:154:ASP:N	1:A:154:ASP:CA	1:A:154:ASP:C	1:A:155:ALA:N	10	38.9
(1,234)	1:A:135:ARG:N	1:A:135:ARG:CA	1:A:135:ARG:C	1:A:136:SER:N	19	38.9
(1,224)	1:A:130:ALA:N	1:A:130:ALA:CA	1:A:130:ALA:C	1:A:131:GLN:N	11	38.9
(1,177)	1:A:102:ARG:N	1:A:102:ARG:CA	1:A:102:ARG:C	1:A:103:VAL:N	19	38.9
(1,167)	1:A:97:ARG:N	1:A:97:ARG:CA	1:A:97:ARG:C	1:A:98:GLU:N	3	38.9
(1,159)	1:A:93:ILE:N	1:A:93:ILE:CA	1:A:93:ILE:C	1:A:94:HIS:N	5	38.9
(1,159)	1:A:93:ILE:N	1:A:93:ILE:CA	1:A:93:ILE:C	1:A:94:HIS:N	10	38.9
(1,159)	1:A:93:ILE:N	1:A:93:ILE:CA	1:A:93:ILE:C	1:A:94:HIS:N	14	38.9
(1,157)	1:A:92:ASP:N	1:A:92:ASP:CA	1:A:92:ASP:C	1:A:93:ILE:N	4	38.9
(1,147)	1:A:87:THR:N	1:A:87:THR:CA	1:A:87:THR:C	1:A:88:LYS:N	1	38.9
(1,123)	1:A:74:THR:N	1:A:74:THR:CA	1:A:74:THR:C	1:A:75:GLY:N	20	38.9
(1,38)	1:A:22:GLN:N	1:A:22:GLN:CA	1:A:22:GLN:C	1:A:23:LEU:N	11	38.8
(1,36)	1:A:21:ILE:N	1:A:21:ILE:CA	1:A:21:ILE:C	1:A:22:GLN:N	3	38.8
(1,283)	1:A:163:ILE:N	1:A:163:ILE:CA	1:A:163:ILE:C	1:A:164:ARG:N	18	38.8
(1,28)	1:A:17:SER:N	1:A:17:SER:CA	1:A:17:SER:C	1:A:18:ALA:N	8	38.8
(1,277)	1:A:160:VAL:N	1:A:160:VAL:CA	1:A:160:VAL:C	1:A:161:ARG:N	3	38.8
(1,261)	1:A:152:VAL:N	1:A:152:VAL:CA	1:A:152:VAL:C	1:A:153:GLU:N	12	38.8
(1,232)	1:A:134:ALA:N	1:A:134:ALA:CA	1:A:134:ALA:C	1:A:135:ARG:N	1	38.8
(1,173)	1:A:100:ILE:N	1:A:100:ILE:CA	1:A:100:ILE:C	1:A:101:LYS:N	6	38.8
(1,173)	1:A:100:ILE:N	1:A:100:ILE:CA	1:A:100:ILE:C	1:A:101:LYS:N	15	38.8
(1,121)	1:A:73:ARG:N	1:A:73:ARG:CA	1:A:73:ARG:C	1:A:74:THR:N	14	38.8
(1,32)	1:A:19:LEU:N	1:A:19:LEU:CA	1:A:19:LEU:C	1:A:20:THR:N	7	38.7
(1,283)	1:A:163:ILE:N	1:A:163:ILE:CA	1:A:163:ILE:C	1:A:164:ARG:N	5	38.7
(1,275)	1:A:159:LEU:N	1:A:159:LEU:CA	1:A:159:LEU:C	1:A:160:VAL:N	20	38.7
(1,269)	1:A:156:PHE:N	1:A:156:PHE:CA	1:A:156:PHE:C	1:A:157:TYR:N	14	38.7
(1,267)	1:A:155:ALA:N	1:A:155:ALA:CA	1:A:155:ALA:C	1:A:156:PHE:N	14	38.7
(1,232)	1:A:134:ALA:N	1:A:134:ALA:CA	1:A:134:ALA:C	1:A:135:ARG:N	3	38.7
(1,232)	1:A:134:ALA:N	1:A:134:ALA:CA	1:A:134:ALA:C	1:A:135:ARG:N	17	38.7
(1,224)	1:A:130:ALA:N	1:A:130:ALA:CA	1:A:130:ALA:C	1:A:131:GLN:N	15	38.7
(1,222)	1:A:129:GLN:N	1:A:129:GLN:CA	1:A:129:GLN:C	1:A:130:ALA:N	13	38.7

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Atom-3	Atom-4	Model ID	Violation (°)
(1,169)	1:A:98:GLU:N	1:A:98:GLU:CA	1:A:98:GLU:C	1:A:99:GLN:N	20	38.7
(1,28)	1:A:17:SER:N	1:A:17:SER:CA	1:A:17:SER:C	1:A:18:ALA:N	20	38.6
(1,279)	1:A:161:ARG:N	1:A:161:ARG:CA	1:A:161:ARG:C	1:A:162:GLU:N	11	38.6
(1,224)	1:A:130:ALA:N	1:A:130:ALA:CA	1:A:130:ALA:C	1:A:131:GLN:N	10	38.6
(1,220)	1:A:128:ARG:N	1:A:128:ARG:CA	1:A:128:ARG:C	1:A:129:GLN:N	9	38.6
(1,179)	1:A:103:VAL:N	1:A:103:VAL:CA	1:A:103:VAL:C	1:A:104:LYS:N	4	38.6
(1,179)	1:A:103:VAL:N	1:A:103:VAL:CA	1:A:103:VAL:C	1:A:104:LYS:N	12	38.6
(1,107)	1:A:66:ALA:N	1:A:66:ALA:CA	1:A:66:ALA:C	1:A:67:MET:N	3	38.6
(1,283)	1:A:163:ILE:N	1:A:163:ILE:CA	1:A:163:ILE:C	1:A:164:ARG:N	2	38.5
(1,271)	1:A:157:TYR:N	1:A:157:TYR:CA	1:A:157:TYR:C	1:A:158:THR:N	19	38.5
(1,267)	1:A:155:ALA:N	1:A:155:ALA:CA	1:A:155:ALA:C	1:A:156:PHE:N	10	38.5
(1,220)	1:A:128:ARG:N	1:A:128:ARG:CA	1:A:128:ARG:C	1:A:129:GLN:N	18	38.5
(1,165)	1:A:96:TYR:N	1:A:96:TYR:CA	1:A:96:TYR:C	1:A:97:ARG:N	14	38.5
(1,113)	1:A:69:ASP:N	1:A:69:ASP:CA	1:A:69:ASP:C	1:A:70:GLN:N	10	38.5
(1,267)	1:A:155:ALA:N	1:A:155:ALA:CA	1:A:155:ALA:C	1:A:156:PHE:N	11	38.4
(1,228)	1:A:132:ASP:N	1:A:132:ASP:CA	1:A:132:ASP:C	1:A:133:LEU:N	1	38.4
(1,213)	1:A:124:THR:C	1:A:125:VAL:N	1:A:125:VAL:CA	1:A:125:VAL:C	19	38.4
(1,155)	1:A:91:GLU:N	1:A:91:GLU:CA	1:A:91:GLU:C	1:A:92:ASP:N	1	38.4
(1,143)	1:A:85:ASN:N	1:A:85:ASN:CA	1:A:85:ASN:C	1:A:86:ASN:N	11	38.4
(1,232)	1:A:134:ALA:N	1:A:134:ALA:CA	1:A:134:ALA:C	1:A:135:ARG:N	15	38.3
(1,173)	1:A:100:ILE:N	1:A:100:ILE:CA	1:A:100:ILE:C	1:A:101:LYS:N	4	38.3
(1,143)	1:A:85:ASN:N	1:A:85:ASN:CA	1:A:85:ASN:C	1:A:86:ASN:N	10	38.3
(1,121)	1:A:73:ARG:N	1:A:73:ARG:CA	1:A:73:ARG:C	1:A:74:THR:N	10	38.3
(1,119)	1:A:72:MET:N	1:A:72:MET:CA	1:A:72:MET:C	1:A:73:ARG:N	14	38.3
(1,113)	1:A:69:ASP:N	1:A:69:ASP:CA	1:A:69:ASP:C	1:A:70:GLN:N	11	38.3
(1,36)	1:A:21:ILE:N	1:A:21:ILE:CA	1:A:21:ILE:C	1:A:22:GLN:N	6	38.2
(1,285)	1:A:164:ARG:N	1:A:164:ARG:CA	1:A:164:ARG:C	1:A:165:GLN:N	6	38.2
(1,271)	1:A:157:TYR:N	1:A:157:TYR:CA	1:A:157:TYR:C	1:A:158:THR:N	1	38.2
(1,230)	1:A:133:LEU:N	1:A:133:LEU:CA	1:A:133:LEU:C	1:A:134:ALA:N	9	38.2
(1,220)	1:A:128:ARG:N	1:A:128:ARG:CA	1:A:128:ARG:C	1:A:129:GLN:N	8	38.2
(1,175)	1:A:101:LYS:N	1:A:101:LYS:CA	1:A:101:LYS:C	1:A:102:ARG:N	18	38.2
(1,30)	1:A:18:ALA:N	1:A:18:ALA:CA	1:A:18:ALA:C	1:A:19:LEU:N	13	38.1
(1,277)	1:A:160:VAL:N	1:A:160:VAL:CA	1:A:160:VAL:C	1:A:161:ARG:N	17	38.1
(1,273)	1:A:158:THR:N	1:A:158:THR:CA	1:A:158:THR:C	1:A:159:LEU:N	9	38.1
(1,261)	1:A:152:VAL:N	1:A:152:VAL:CA	1:A:152:VAL:C	1:A:153:GLU:N	6	38.1
(1,220)	1:A:128:ARG:N	1:A:128:ARG:CA	1:A:128:ARG:C	1:A:129:GLN:N	5	38.1
(1,177)	1:A:102:ARG:N	1:A:102:ARG:CA	1:A:102:ARG:C	1:A:103:VAL:N	6	38.1
(1,175)	1:A:101:LYS:N	1:A:101:LYS:CA	1:A:101:LYS:C	1:A:102:ARG:N	16	38.1
(1,36)	1:A:21:ILE:N	1:A:21:ILE:CA	1:A:21:ILE:C	1:A:22:GLN:N	19	38.0
(1,30)	1:A:18:ALA:N	1:A:18:ALA:CA	1:A:18:ALA:C	1:A:19:LEU:N	14	38.0
(1,277)	1:A:160:VAL:N	1:A:160:VAL:CA	1:A:160:VAL:C	1:A:161:ARG:N	19	38.0
(1,265)	1:A:154:ASP:N	1:A:154:ASP:CA	1:A:154:ASP:C	1:A:155:ALA:N	16	38.0
(1,265)	1:A:154:ASP:N	1:A:154:ASP:CA	1:A:154:ASP:C	1:A:155:ALA:N	20	38.0
(1,179)	1:A:103:VAL:N	1:A:103:VAL:CA	1:A:103:VAL:C	1:A:104:LYS:N	17	38.0
(1,157)	1:A:92:ASP:N	1:A:92:ASP:CA	1:A:92:ASP:C	1:A:93:ILE:N	19	38.0
(1,155)	1:A:91:GLU:N	1:A:91:GLU:CA	1:A:91:GLU:C	1:A:92:ASP:N	7	38.0
(1,151)	1:A:89:SER:N	1:A:89:SER:CA	1:A:89:SER:C	1:A:90:PHE:N	3	38.0
(1,101)	1:A:63:GLU:N	1:A:63:GLU:CA	1:A:63:GLU:C	1:A:64:TYR:N	16	38.0
(1,271)	1:A:157:TYR:N	1:A:157:TYR:CA	1:A:157:TYR:C	1:A:158:THR:N	3	37.9
(1,271)	1:A:157:TYR:N	1:A:157:TYR:CA	1:A:157:TYR:C	1:A:158:THR:N	13	37.9
(1,177)	1:A:102:ARG:N	1:A:102:ARG:CA	1:A:102:ARG:C	1:A:103:VAL:N	12	37.9

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Atom-3	Atom-4	Model ID	Violation (°)
(1,175)	1:A:101:LYS:N	1:A:101:LYS:CA	1:A:101:LYS:C	1:A:102:ARG:N	15	37.9
(1,165)	1:A:96:TYR:N	1:A:96:TYR:CA	1:A:96:TYR:C	1:A:97:ARG:N	5	37.9
(1,153)	1:A:90:PHE:N	1:A:90:PHE:CA	1:A:90:PHE:C	1:A:91:GLU:N	18	37.9
(1,169)	1:A:98:GLU:N	1:A:98:GLU:CA	1:A:98:GLU:C	1:A:99:GLN:N	1	37.8
(1,169)	1:A:98:GLU:N	1:A:98:GLU:CA	1:A:98:GLU:C	1:A:99:GLN:N	11	37.8
(1,169)	1:A:98:GLU:N	1:A:98:GLU:CA	1:A:98:GLU:C	1:A:99:GLN:N	12	37.8
(1,151)	1:A:89:SER:N	1:A:89:SER:CA	1:A:89:SER:C	1:A:90:PHE:N	13	37.8
(1,34)	1:A:20:THR:N	1:A:20:THR:CA	1:A:20:THR:C	1:A:21:ILE:N	1	37.7
(1,30)	1:A:18:ALA:N	1:A:18:ALA:CA	1:A:18:ALA:C	1:A:19:LEU:N	1	37.7
(1,234)	1:A:135:ARG:N	1:A:135:ARG:CA	1:A:135:ARG:C	1:A:136:SER:N	2	37.7
(1,159)	1:A:93:ILE:N	1:A:93:ILE:CA	1:A:93:ILE:C	1:A:94:HIS:N	2	37.7
(1,157)	1:A:92:ASP:N	1:A:92:ASP:CA	1:A:92:ASP:C	1:A:93:ILE:N	20	37.7
(1,279)	1:A:161:ARG:N	1:A:161:ARG:CA	1:A:161:ARG:C	1:A:162:GLU:N	15	37.6
(1,275)	1:A:159:LEU:N	1:A:159:LEU:CA	1:A:159:LEU:C	1:A:160:VAL:N	16	37.6
(1,269)	1:A:156:PHE:N	1:A:156:PHE:CA	1:A:156:PHE:C	1:A:157:TYR:N	1	37.6
(1,255)	1:A:147:LYS:N	1:A:147:LYS:CA	1:A:147:LYS:C	1:A:148:THR:N	15	37.6
(1,218)	1:A:127:SER:N	1:A:127:SER:CA	1:A:127:SER:C	1:A:128:ARG:N	16	37.6
(1,213)	1:A:124:THR:C	1:A:125:VAL:N	1:A:125:VAL:CA	1:A:125:VAL:C	13	37.6
(1,161)	1:A:94:HIS:N	1:A:94:HIS:CA	1:A:94:HIS:C	1:A:95:GLN:N	5	37.6
(1,155)	1:A:91:GLU:N	1:A:91:GLU:CA	1:A:91:GLU:C	1:A:92:ASP:N	13	37.6
(1,147)	1:A:87:THR:N	1:A:87:THR:CA	1:A:87:THR:C	1:A:88:LYS:N	20	37.6
(1,117)	1:A:71:TYR:N	1:A:71:TYR:CA	1:A:71:TYR:C	1:A:72:MET:N	1	37.6
(1,40)	1:A:23:LEU:N	1:A:23:LEU:CA	1:A:23:LEU:C	1:A:24:ILE:N	11	37.5
(1,281)	1:A:162:GLU:N	1:A:162:GLU:CA	1:A:162:GLU:C	1:A:163:ILE:N	14	37.5
(1,267)	1:A:155:ALA:N	1:A:155:ALA:CA	1:A:155:ALA:C	1:A:156:PHE:N	13	37.5
(1,230)	1:A:133:LEU:N	1:A:133:LEU:CA	1:A:133:LEU:C	1:A:134:ALA:N	7	37.5
(1,157)	1:A:92:ASP:N	1:A:92:ASP:CA	1:A:92:ASP:C	1:A:93:ILE:N	7	37.5
(1,157)	1:A:92:ASP:N	1:A:92:ASP:CA	1:A:92:ASP:C	1:A:93:ILE:N	16	37.5
(1,155)	1:A:91:GLU:N	1:A:91:GLU:CA	1:A:91:GLU:C	1:A:92:ASP:N	6	37.5
(1,109)	1:A:67:MET:N	1:A:67:MET:CA	1:A:67:MET:C	1:A:68:ARG:N	7	37.5
(1,279)	1:A:161:ARG:N	1:A:161:ARG:CA	1:A:161:ARG:C	1:A:162:GLU:N	16	37.4
(1,275)	1:A:159:LEU:N	1:A:159:LEU:CA	1:A:159:LEU:C	1:A:160:VAL:N	6	37.4
(1,261)	1:A:152:VAL:N	1:A:152:VAL:CA	1:A:152:VAL:C	1:A:153:GLU:N	19	37.4
(1,151)	1:A:89:SER:N	1:A:89:SER:CA	1:A:89:SER:C	1:A:90:PHE:N	11	37.4
(1,111)	1:A:68:ARG:N	1:A:68:ARG:CA	1:A:68:ARG:C	1:A:69:ASP:N	20	37.4
(1,36)	1:A:21:ILE:N	1:A:21:ILE:CA	1:A:21:ILE:C	1:A:22:GLN:N	10	37.3
(1,30)	1:A:18:ALA:N	1:A:18:ALA:CA	1:A:18:ALA:C	1:A:19:LEU:N	7	37.3
(1,281)	1:A:162:GLU:N	1:A:162:GLU:CA	1:A:162:GLU:C	1:A:163:ILE:N	18	37.3
(1,279)	1:A:161:ARG:N	1:A:161:ARG:CA	1:A:161:ARG:C	1:A:162:GLU:N	14	37.3
(1,257)	1:A:148:THR:N	1:A:148:THR:CA	1:A:148:THR:C	1:A:149:ARG:N	7	37.3
(1,232)	1:A:134:ALA:N	1:A:134:ALA:CA	1:A:134:ALA:C	1:A:135:ARG:N	9	37.3
(1,224)	1:A:130:ALA:N	1:A:130:ALA:CA	1:A:130:ALA:C	1:A:131:GLN:N	3	37.3
(1,220)	1:A:128:ARG:N	1:A:128:ARG:CA	1:A:128:ARG:C	1:A:129:GLN:N	12	37.3
(1,153)	1:A:90:PHE:N	1:A:90:PHE:CA	1:A:90:PHE:C	1:A:91:GLU:N	17	37.3
(1,151)	1:A:89:SER:N	1:A:89:SER:CA	1:A:89:SER:C	1:A:90:PHE:N	4	37.3
(1,119)	1:A:72:MET:N	1:A:72:MET:CA	1:A:72:MET:C	1:A:73:ARG:N	8	37.3
(1,36)	1:A:21:ILE:N	1:A:21:ILE:CA	1:A:21:ILE:C	1:A:22:GLN:N	7	37.2
(1,30)	1:A:18:ALA:N	1:A:18:ALA:CA	1:A:18:ALA:C	1:A:19:LEU:N	11	37.2
(1,153)	1:A:90:PHE:N	1:A:90:PHE:CA	1:A:90:PHE:C	1:A:91:GLU:N	1	37.2
(1,38)	1:A:22:GLN:N	1:A:22:GLN:CA	1:A:22:GLN:C	1:A:23:LEU:N	13	37.1
(1,32)	1:A:19:LEU:N	1:A:19:LEU:CA	1:A:19:LEU:C	1:A:20:THR:N	6	37.1

Continued on next page...



Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Atom-3	Atom-4	Model ID	Violation (°)
(1,232)	1:A:134:ALA:N	1:A:134:ALA:CA	1:A:134:ALA:C	1:A:135:ARG:N	19	37.1
(1,218)	1:A:127:SER:N	1:A:127:SER:CA	1:A:127:SER:C	1:A:128:ARG:N	20	37.1
(1,179)	1:A:103:VAL:N	1:A:103:VAL:CA	1:A:103:VAL:C	1:A:104:LYS:N	6	37.1
(1,169)	1:A:98:GLU:N	1:A:98:GLU:CA	1:A:98:GLU:C	1:A:99:GLN:N	4	37.1
(1,169)	1:A:98:GLU:N	1:A:98:GLU:CA	1:A:98:GLU:C	1:A:99:GLN:N	15	37.1
(1,165)	1:A:96:TYR:N	1:A:96:TYR:CA	1:A:96:TYR:C	1:A:97:ARG:N	10	37.1
(1,113)	1:A:69:ASP:N	1:A:69:ASP:CA	1:A:69:ASP:C	1:A:70:GLN:N	18	37.1
(1,32)	1:A:19:LEU:N	1:A:19:LEU:CA	1:A:19:LEU:C	1:A:20:THR:N	12	37.0
(1,281)	1:A:162:GLU:N	1:A:162:GLU:CA	1:A:162:GLU:C	1:A:163:ILE:N	7	37.0
(1,220)	1:A:128:ARG:N	1:A:128:ARG:CA	1:A:128:ARG:C	1:A:129:GLN:N	4	37.0
(1,220)	1:A:128:ARG:N	1:A:128:ARG:CA	1:A:128:ARG:C	1:A:129:GLN:N	17	37.0
(1,36)	1:A:21:ILE:N	1:A:21:ILE:CA	1:A:21:ILE:C	1:A:22:GLN:N	13	36.9
(1,281)	1:A:162:GLU:N	1:A:162:GLU:CA	1:A:162:GLU:C	1:A:163:ILE:N	1	36.9
(1,277)	1:A:160:VAL:N	1:A:160:VAL:CA	1:A:160:VAL:C	1:A:161:ARG:N	7	36.9
(1,269)	1:A:156:PHE:N	1:A:156:PHE:CA	1:A:156:PHE:C	1:A:157:TYR:N	2	36.9
(1,267)	1:A:155:ALA:N	1:A:155:ALA:CA	1:A:155:ALA:C	1:A:156:PHE:N	16	36.9
(1,267)	1:A:155:ALA:N	1:A:155:ALA:CA	1:A:155:ALA:C	1:A:156:PHE:N	20	36.9
(1,265)	1:A:154:ASP:N	1:A:154:ASP:CA	1:A:154:ASP:C	1:A:155:ALA:N	19	36.9
(1,179)	1:A:103:VAL:N	1:A:103:VAL:CA	1:A:103:VAL:C	1:A:104:LYS:N	2	36.9
(1,177)	1:A:102:ARG:N	1:A:102:ARG:CA	1:A:102:ARG:C	1:A:103:VAL:N	1	36.9
(1,165)	1:A:96:TYR:N	1:A:96:TYR:CA	1:A:96:TYR:C	1:A:97:ARG:N	6	36.9
(1,117)	1:A:71:TYR:N	1:A:71:TYR:CA	1:A:71:TYR:C	1:A:72:MET:N	12	36.9
(1,111)	1:A:68:ARG:N	1:A:68:ARG:CA	1:A:68:ARG:C	1:A:69:ASP:N	8	36.9
(1,269)	1:A:156:PHE:N	1:A:156:PHE:CA	1:A:156:PHE:C	1:A:157:TYR:N	8	36.8
(1,234)	1:A:135:ARG:N	1:A:135:ARG:CA	1:A:135:ARG:C	1:A:136:SER:N	16	36.8
(1,99)	1:A:62:GLU:N	1:A:62:GLU:CA	1:A:62:GLU:C	1:A:63:GLU:N	4	36.7
(1,279)	1:A:161:ARG:N	1:A:161:ARG:CA	1:A:161:ARG:C	1:A:162:GLU:N	10	36.7
(1,230)	1:A:133:LEU:N	1:A:133:LEU:CA	1:A:133:LEU:C	1:A:134:ALA:N	5	36.7
(1,165)	1:A:96:TYR:N	1:A:96:TYR:CA	1:A:96:TYR:C	1:A:97:ARG:N	15	36.7
(1,147)	1:A:87:THR:N	1:A:87:THR:CA	1:A:87:THR:C	1:A:88:LYS:N	18	36.7
(1,279)	1:A:161:ARG:N	1:A:161:ARG:CA	1:A:161:ARG:C	1:A:162:GLU:N	6	36.6
(1,177)	1:A:102:ARG:N	1:A:102:ARG:CA	1:A:102:ARG:C	1:A:103:VAL:N	10	36.6
(1,159)	1:A:93:ILE:N	1:A:93:ILE:CA	1:A:93:ILE:C	1:A:94:HIS:N	1	36.6
(1,153)	1:A:90:PHE:N	1:A:90:PHE:CA	1:A:90:PHE:C	1:A:91:GLU:N	9	36.6
(1,36)	1:A:21:ILE:N	1:A:21:ILE:CA	1:A:21:ILE:C	1:A:22:GLN:N	8	36.5
(1,279)	1:A:161:ARG:N	1:A:161:ARG:CA	1:A:161:ARG:C	1:A:162:GLU:N	3	36.5
(1,271)	1:A:157:TYR:N	1:A:157:TYR:CA	1:A:157:TYR:C	1:A:158:THR:N	16	36.5
(1,169)	1:A:98:GLU:N	1:A:98:GLU:CA	1:A:98:GLU:C	1:A:99:GLN:N	16	36.5
(1,151)	1:A:89:SER:N	1:A:89:SER:CA	1:A:89:SER:C	1:A:90:PHE:N	10	36.5
(1,147)	1:A:87:THR:N	1:A:87:THR:CA	1:A:87:THR:C	1:A:88:LYS:N	11	36.5
(1,117)	1:A:71:TYR:N	1:A:71:TYR:CA	1:A:71:TYR:C	1:A:72:MET:N	7	36.5
(1,38)	1:A:22:GLN:N	1:A:22:GLN:CA	1:A:22:GLN:C	1:A:23:LEU:N	14	36.4
(1,32)	1:A:19:LEU:N	1:A:19:LEU:CA	1:A:19:LEU:C	1:A:20:THR:N	19	36.4
(1,281)	1:A:162:GLU:N	1:A:162:GLU:CA	1:A:162:GLU:C	1:A:163:ILE:N	16	36.4
(1,271)	1:A:157:TYR:N	1:A:157:TYR:CA	1:A:157:TYR:C	1:A:158:THR:N	2	36.4
(1,234)	1:A:135:ARG:N	1:A:135:ARG:CA	1:A:135:ARG:C	1:A:136:SER:N	13	36.4
(1,220)	1:A:128:ARG:N	1:A:128:ARG:CA	1:A:128:ARG:C	1:A:129:GLN:N	11	36.4
(1,177)	1:A:102:ARG:N	1:A:102:ARG:CA	1:A:102:ARG:C	1:A:103:VAL:N	9	36.4
(1,177)	1:A:102:ARG:N	1:A:102:ARG:CA	1:A:102:ARG:C	1:A:103:VAL:N	14	36.4
(1,173)	1:A:100:ILE:N	1:A:100:ILE:CA	1:A:100:ILE:C	1:A:101:LYS:N	1	36.4
(1,151)	1:A:89:SER:N	1:A:89:SER:CA	1:A:89:SER:C	1:A:90:PHE:N	12	36.4

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Atom-3	Atom-4	Model ID	Violation (°)
(1,119)	1:A:72:MET:N	1:A:72:MET:CA	1:A:72:MET:C	1:A:73:ARG:N	13	36.4
(1,113)	1:A:69:ASP:N	1:A:69:ASP:CA	1:A:69:ASP:C	1:A:70:GLN:N	17	36.4
(1,30)	1:A:18:ALA:N	1:A:18:ALA:CA	1:A:18:ALA:C	1:A:19:LEU:N	20	36.3
(1,269)	1:A:156:PHE:N	1:A:156:PHE:CA	1:A:156:PHE:C	1:A:157:TYR:N	11	36.3
(1,228)	1:A:132:ASP:N	1:A:132:ASP:CA	1:A:132:ASP:C	1:A:133:LEU:N	19	36.3
(1,222)	1:A:129:GLN:N	1:A:129:GLN:CA	1:A:129:GLN:C	1:A:130:ALA:N	3	36.3
(1,155)	1:A:91:GLU:N	1:A:91:GLU:CA	1:A:91:GLU:C	1:A:92:ASP:N	3	36.3
(1,34)	1:A:20:THR:N	1:A:20:THR:CA	1:A:20:THR:C	1:A:21:ILE:N	2	36.2
(1,32)	1:A:19:LEU:N	1:A:19:LEU:CA	1:A:19:LEU:C	1:A:20:THR:N	3	36.2
(1,267)	1:A:155:ALA:N	1:A:155:ALA:CA	1:A:155:ALA:C	1:A:156:PHE:N	6	36.2
(1,232)	1:A:134:ALA:N	1:A:134:ALA:CA	1:A:134:ALA:C	1:A:135:ARG:N	13	36.2
(1,175)	1:A:101:LYS:N	1:A:101:LYS:CA	1:A:101:LYS:C	1:A:102:ARG:N	2	36.2
(1,169)	1:A:98:GLU:N	1:A:98:GLU:CA	1:A:98:GLU:C	1:A:99:GLN:N	2	36.2
(1,153)	1:A:90:PHE:N	1:A:90:PHE:CA	1:A:90:PHE:C	1:A:91:GLU:N	2	36.2
(1,283)	1:A:163:ILE:N	1:A:163:ILE:CA	1:A:163:ILE:C	1:A:164:ARG:N	7	36.1
(1,279)	1:A:161:ARG:N	1:A:161:ARG:CA	1:A:161:ARG:C	1:A:162:GLU:N	4	36.1
(1,267)	1:A:155:ALA:N	1:A:155:ALA:CA	1:A:155:ALA:C	1:A:156:PHE:N	19	36.1
(1,265)	1:A:154:ASP:N	1:A:154:ASP:CA	1:A:154:ASP:C	1:A:155:ALA:N	18	36.1
(1,224)	1:A:130:ALA:N	1:A:130:ALA:CA	1:A:130:ALA:C	1:A:131:GLN:N	19	36.1
(1,220)	1:A:128:ARG:N	1:A:128:ARG:CA	1:A:128:ARG:C	1:A:129:GLN:N	6	36.1
(1,220)	1:A:128:ARG:N	1:A:128:ARG:CA	1:A:128:ARG:C	1:A:129:GLN:N	20	36.1
(1,141)	1:A:84:ILE:N	1:A:84:ILE:CA	1:A:84:ILE:C	1:A:85:ASN:N	16	36.1
(1,109)	1:A:67:MET:N	1:A:67:MET:CA	1:A:67:MET:C	1:A:68:ARG:N	11	36.1
(1,38)	1:A:22:GLN:N	1:A:22:GLN:CA	1:A:22:GLN:C	1:A:23:LEU:N	16	35.9
(1,228)	1:A:132:ASP:N	1:A:132:ASP:CA	1:A:132:ASP:C	1:A:133:LEU:N	6	35.9
(1,224)	1:A:130:ALA:N	1:A:130:ALA:CA	1:A:130:ALA:C	1:A:131:GLN:N	7	35.9
(1,173)	1:A:100:ILE:N	1:A:100:ILE:CA	1:A:100:ILE:C	1:A:101:LYS:N	18	35.9
(1,169)	1:A:98:GLU:N	1:A:98:GLU:CA	1:A:98:GLU:C	1:A:99:GLN:N	17	35.9
(1,155)	1:A:91:GLU:N	1:A:91:GLU:CA	1:A:91:GLU:C	1:A:92:ASP:N	12	35.9
(1,109)	1:A:67:MET:N	1:A:67:MET:CA	1:A:67:MET:C	1:A:68:ARG:N	8	35.9
(1,42)	1:A:24:ILE:N	1:A:24:ILE:CA	1:A:24:ILE:C	1:A:25:GLN:N	9	35.8
(1,281)	1:A:162:GLU:N	1:A:162:GLU:CA	1:A:162:GLU:C	1:A:163:ILE:N	13	35.8
(1,271)	1:A:157:TYR:N	1:A:157:TYR:CA	1:A:157:TYR:C	1:A:158:THR:N	5	35.8
(1,271)	1:A:157:TYR:N	1:A:157:TYR:CA	1:A:157:TYR:C	1:A:158:THR:N	8	35.8
(1,271)	1:A:157:TYR:N	1:A:157:TYR:CA	1:A:157:TYR:C	1:A:158:THR:N	15	35.8
(1,232)	1:A:134:ALA:N	1:A:134:ALA:CA	1:A:134:ALA:C	1:A:135:ARG:N	4	35.8
(1,224)	1:A:130:ALA:N	1:A:130:ALA:CA	1:A:130:ALA:C	1:A:131:GLN:N	2	35.8
(1,224)	1:A:130:ALA:N	1:A:130:ALA:CA	1:A:130:ALA:C	1:A:131:GLN:N	4	35.8
(1,224)	1:A:130:ALA:N	1:A:130:ALA:CA	1:A:130:ALA:C	1:A:131:GLN:N	9	35.8
(1,153)	1:A:90:PHE:N	1:A:90:PHE:CA	1:A:90:PHE:C	1:A:91:GLU:N	4	35.8
(1,147)	1:A:87:THR:N	1:A:87:THR:CA	1:A:87:THR:C	1:A:88:LYS:N	15	35.8
(1,117)	1:A:71:TYR:N	1:A:71:TYR:CA	1:A:71:TYR:C	1:A:72:MET:N	3	35.8
(1,281)	1:A:162:GLU:N	1:A:162:GLU:CA	1:A:162:GLU:C	1:A:163:ILE:N	6	35.7
(1,271)	1:A:157:TYR:N	1:A:157:TYR:CA	1:A:157:TYR:C	1:A:158:THR:N	20	35.7
(1,230)	1:A:133:LEU:N	1:A:133:LEU:CA	1:A:133:LEU:C	1:A:134:ALA:N	14	35.7
(1,177)	1:A:102:ARG:N	1:A:102:ARG:CA	1:A:102:ARG:C	1:A:103:VAL:N	13	35.7
(1,169)	1:A:98:GLU:N	1:A:98:GLU:CA	1:A:98:GLU:C	1:A:99:GLN:N	18	35.7
(1,147)	1:A:87:THR:N	1:A:87:THR:CA	1:A:87:THR:C	1:A:88:LYS:N	16	35.7
(1,143)	1:A:85:ASN:N	1:A:85:ASN:CA	1:A:85:ASN:C	1:A:86:ASN:N	12	35.7
(1,30)	1:A:18:ALA:N	1:A:18:ALA:CA	1:A:18:ALA:C	1:A:19:LEU:N	19	35.6
(1,28)	1:A:17:SER:N	1:A:17:SER:CA	1:A:17:SER:C	1:A:18:ALA:N	16	35.6

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Atom-3	Atom-4	Model ID	Violation (°)
(1,265)	1:A:154:ASP:N	1:A:154:ASP:CA	1:A:154:ASP:C	1:A:155:ALA:N	3	35.6
(1,230)	1:A:133:LEU:N	1:A:133:LEU:CA	1:A:133:LEU:C	1:A:134:ALA:N	12	35.6
(1,155)	1:A:91:GLU:N	1:A:91:GLU:CA	1:A:91:GLU:C	1:A:92:ASP:N	18	35.6
(1,121)	1:A:73:ARG:N	1:A:73:ARG:CA	1:A:73:ARG:C	1:A:74:THR:N	6	35.6
(1,32)	1:A:19:LEU:N	1:A:19:LEU:CA	1:A:19:LEU:C	1:A:20:THR:N	16	35.5
(1,267)	1:A:155:ALA:N	1:A:155:ALA:CA	1:A:155:ALA:C	1:A:156:PHE:N	12	35.5
(1,228)	1:A:132:ASP:N	1:A:132:ASP:CA	1:A:132:ASP:C	1:A:133:LEU:N	3	35.5
(1,220)	1:A:128:ARG:N	1:A:128:ARG:CA	1:A:128:ARG:C	1:A:129:GLN:N	10	35.5
(1,119)	1:A:72:MET:N	1:A:72:MET:CA	1:A:72:MET:C	1:A:73:ARG:N	17	35.5
(1,113)	1:A:69:ASP:N	1:A:69:ASP:CA	1:A:69:ASP:C	1:A:70:GLN:N	12	35.5
(1,99)	1:A:62:GLU:N	1:A:62:GLU:CA	1:A:62:GLU:C	1:A:63:GLU:N	7	35.4
(1,261)	1:A:152:VAL:N	1:A:152:VAL:CA	1:A:152:VAL:C	1:A:153:GLU:N	17	35.4
(1,26)	1:A:16:LYS:N	1:A:16:LYS:CA	1:A:16:LYS:C	1:A:17:SER:N	6	35.4
(1,147)	1:A:87:THR:N	1:A:87:THR:CA	1:A:87:THR:C	1:A:88:LYS:N	10	35.4
(1,99)	1:A:62:GLU:N	1:A:62:GLU:CA	1:A:62:GLU:C	1:A:63:GLU:N	8	35.3
(1,267)	1:A:155:ALA:N	1:A:155:ALA:CA	1:A:155:ALA:C	1:A:156:PHE:N	17	35.3
(1,234)	1:A:135:ARG:N	1:A:135:ARG:CA	1:A:135:ARG:C	1:A:136:SER:N	1	35.3
(1,232)	1:A:134:ALA:N	1:A:134:ALA:CA	1:A:134:ALA:C	1:A:135:ARG:N	20	35.3
(1,169)	1:A:98:GLU:N	1:A:98:GLU:CA	1:A:98:GLU:C	1:A:99:GLN:N	14	35.3
(1,147)	1:A:87:THR:N	1:A:87:THR:CA	1:A:87:THR:C	1:A:88:LYS:N	12	35.3
(1,121)	1:A:73:ARG:N	1:A:73:ARG:CA	1:A:73:ARG:C	1:A:74:THR:N	12	35.3
(1,26)	1:A:16:LYS:N	1:A:16:LYS:CA	1:A:16:LYS:C	1:A:17:SER:N	3	35.2
(1,177)	1:A:102:ARG:N	1:A:102:ARG:CA	1:A:102:ARG:C	1:A:103:VAL:N	20	35.2
(1,151)	1:A:89:SER:N	1:A:89:SER:CA	1:A:89:SER:C	1:A:90:PHE:N	17	35.2
(1,234)	1:A:135:ARG:N	1:A:135:ARG:CA	1:A:135:ARG:C	1:A:136:SER:N	4	35.1
(1,228)	1:A:132:ASP:N	1:A:132:ASP:CA	1:A:132:ASP:C	1:A:133:LEU:N	15	35.1
(1,173)	1:A:100:ILE:N	1:A:100:ILE:CA	1:A:100:ILE:C	1:A:101:LYS:N	2	35.1
(1,30)	1:A:18:ALA:N	1:A:18:ALA:CA	1:A:18:ALA:C	1:A:19:LEU:N	12	35.0
(1,232)	1:A:134:ALA:N	1:A:134:ALA:CA	1:A:134:ALA:C	1:A:135:ARG:N	14	35.0
(1,228)	1:A:132:ASP:N	1:A:132:ASP:CA	1:A:132:ASP:C	1:A:133:LEU:N	14	35.0
(1,228)	1:A:132:ASP:N	1:A:132:ASP:CA	1:A:132:ASP:C	1:A:133:LEU:N	16	35.0
(1,224)	1:A:130:ALA:N	1:A:130:ALA:CA	1:A:130:ALA:C	1:A:131:GLN:N	20	35.0
(1,151)	1:A:89:SER:N	1:A:89:SER:CA	1:A:89:SER:C	1:A:90:PHE:N	15	35.0
(1,111)	1:A:68:ARG:N	1:A:68:ARG:CA	1:A:68:ARG:C	1:A:69:ASP:N	11	35.0
(1,38)	1:A:22:GLN:N	1:A:22:GLN:CA	1:A:22:GLN:C	1:A:23:LEU:N	5	34.9
(1,281)	1:A:162:GLU:N	1:A:162:GLU:CA	1:A:162:GLU:C	1:A:163:ILE:N	9	34.9
(1,228)	1:A:132:ASP:N	1:A:132:ASP:CA	1:A:132:ASP:C	1:A:133:LEU:N	13	34.9
(1,224)	1:A:130:ALA:N	1:A:130:ALA:CA	1:A:130:ALA:C	1:A:131:GLN:N	5	34.9
(1,179)	1:A:103:VAL:N	1:A:103:VAL:CA	1:A:103:VAL:C	1:A:104:LYS:N	1	34.9
(1,169)	1:A:98:GLU:N	1:A:98:GLU:CA	1:A:98:GLU:C	1:A:99:GLN:N	13	34.9
(1,157)	1:A:92:ASP:N	1:A:92:ASP:CA	1:A:92:ASP:C	1:A:93:ILE:N	15	34.9
(1,151)	1:A:89:SER:N	1:A:89:SER:CA	1:A:89:SER:C	1:A:90:PHE:N	9	34.9
(1,279)	1:A:161:ARG:N	1:A:161:ARG:CA	1:A:161:ARG:C	1:A:162:GLU:N	19	34.8
(1,117)	1:A:71:TYR:N	1:A:71:TYR:CA	1:A:71:TYR:C	1:A:72:MET:N	8	34.8
(1,281)	1:A:162:GLU:N	1:A:162:GLU:CA	1:A:162:GLU:C	1:A:163:ILE:N	15	34.7
(1,141)	1:A:84:ILE:N	1:A:84:ILE:CA	1:A:84:ILE:C	1:A:85:ASN:N	6	34.7
(1,107)	1:A:66:ALA:N	1:A:66:ALA:CA	1:A:66:ALA:C	1:A:67:MET:N	5	34.7
(1,30)	1:A:18:ALA:N	1:A:18:ALA:CA	1:A:18:ALA:C	1:A:19:LEU:N	6	34.6
(1,265)	1:A:154:ASP:N	1:A:154:ASP:CA	1:A:154:ASP:C	1:A:155:ALA:N	14	34.6
(1,220)	1:A:128:ARG:N	1:A:128:ARG:CA	1:A:128:ARG:C	1:A:129:GLN:N	2	34.6
(1,151)	1:A:89:SER:N	1:A:89:SER:CA	1:A:89:SER:C	1:A:90:PHE:N	19	34.6

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Atom-3	Atom-4	Model ID	Violation (°)
(1,117)	1:A:71:TYR:N	1:A:71:TYR:CA	1:A:71:TYR:C	1:A:72:MET:N	9	34.6
(1,281)	1:A:162:GLU:N	1:A:162:GLU:CA	1:A:162:GLU:C	1:A:163:ILE:N	10	34.5
(1,265)	1:A:154:ASP:N	1:A:154:ASP:CA	1:A:154:ASP:C	1:A:155:ALA:N	17	34.5
(1,177)	1:A:102:ARG:N	1:A:102:ARG:CA	1:A:102:ARG:C	1:A:103:VAL:N	17	34.5
(1,117)	1:A:71:TYR:N	1:A:71:TYR:CA	1:A:71:TYR:C	1:A:72:MET:N	11	34.5
(1,265)	1:A:154:ASP:N	1:A:154:ASP:CA	1:A:154:ASP:C	1:A:155:ALA:N	13	34.4
(1,26)	1:A:16:LYS:N	1:A:16:LYS:CA	1:A:16:LYS:C	1:A:17:SER:N	5	34.4
(1,232)	1:A:134:ALA:N	1:A:134:ALA:CA	1:A:134:ALA:C	1:A:135:ARG:N	2	34.4
(1,111)	1:A:68:ARG:N	1:A:68:ARG:CA	1:A:68:ARG:C	1:A:69:ASP:N	14	34.4
(1,281)	1:A:162:GLU:N	1:A:162:GLU:CA	1:A:162:GLU:C	1:A:163:ILE:N	3	34.3
(1,265)	1:A:154:ASP:N	1:A:154:ASP:CA	1:A:154:ASP:C	1:A:155:ALA:N	9	34.3
(1,228)	1:A:132:ASP:N	1:A:132:ASP:CA	1:A:132:ASP:C	1:A:133:LEU:N	11	34.3
(1,177)	1:A:102:ARG:N	1:A:102:ARG:CA	1:A:102:ARG:C	1:A:103:VAL:N	18	34.3
(1,155)	1:A:91:GLU:N	1:A:91:GLU:CA	1:A:91:GLU:C	1:A:92:ASP:N	17	34.3
(1,265)	1:A:154:ASP:N	1:A:154:ASP:CA	1:A:154:ASP:C	1:A:155:ALA:N	7	34.2
(1,224)	1:A:130:ALA:N	1:A:130:ALA:CA	1:A:130:ALA:C	1:A:131:GLN:N	1	34.2
(1,151)	1:A:89:SER:N	1:A:89:SER:CA	1:A:89:SER:C	1:A:90:PHE:N	2	34.2
(1,107)	1:A:66:ALA:N	1:A:66:ALA:CA	1:A:66:ALA:C	1:A:67:MET:N	10	34.2
(1,265)	1:A:154:ASP:N	1:A:154:ASP:CA	1:A:154:ASP:C	1:A:155:ALA:N	8	34.1
(1,222)	1:A:129:GLN:N	1:A:129:GLN:CA	1:A:129:GLN:C	1:A:130:ALA:N	1	34.1
(1,141)	1:A:84:ILE:N	1:A:84:ILE:CA	1:A:84:ILE:C	1:A:85:ASN:N	20	34.1
(1,113)	1:A:69:ASP:N	1:A:69:ASP:CA	1:A:69:ASP:C	1:A:70:GLN:N	20	34.1
(1,285)	1:A:164:ARG:N	1:A:164:ARG:CA	1:A:164:ARG:C	1:A:165:GLN:N	18	34.0
(1,228)	1:A:132:ASP:N	1:A:132:ASP:CA	1:A:132:ASP:C	1:A:133:LEU:N	2	34.0
(1,228)	1:A:132:ASP:N	1:A:132:ASP:CA	1:A:132:ASP:C	1:A:133:LEU:N	4	34.0
(1,224)	1:A:130:ALA:N	1:A:130:ALA:CA	1:A:130:ALA:C	1:A:131:GLN:N	6	34.0
(1,177)	1:A:102:ARG:N	1:A:102:ARG:CA	1:A:102:ARG:C	1:A:103:VAL:N	11	34.0
(1,169)	1:A:98:GLU:N	1:A:98:GLU:CA	1:A:98:GLU:C	1:A:99:GLN:N	5	34.0
(1,157)	1:A:92:ASP:N	1:A:92:ASP:CA	1:A:92:ASP:C	1:A:93:ILE:N	14	34.0
(1,119)	1:A:72:MET:N	1:A:72:MET:CA	1:A:72:MET:C	1:A:73:ARG:N	3	34.0
(1,119)	1:A:72:MET:N	1:A:72:MET:CA	1:A:72:MET:C	1:A:73:ARG:N	20	34.0
(1,113)	1:A:69:ASP:N	1:A:69:ASP:CA	1:A:69:ASP:C	1:A:70:GLN:N	7	34.0
(1,113)	1:A:69:ASP:N	1:A:69:ASP:CA	1:A:69:ASP:C	1:A:70:GLN:N	16	34.0
(1,109)	1:A:67:MET:N	1:A:67:MET:CA	1:A:67:MET:C	1:A:68:ARG:N	1	34.0
(1,30)	1:A:18:ALA:N	1:A:18:ALA:CA	1:A:18:ALA:C	1:A:19:LEU:N	17	33.9
(1,279)	1:A:161:ARG:N	1:A:161:ARG:CA	1:A:161:ARG:C	1:A:162:GLU:N	1	33.9
(1,222)	1:A:129:GLN:N	1:A:129:GLN:CA	1:A:129:GLN:C	1:A:130:ALA:N	2	33.9
(1,117)	1:A:71:TYR:N	1:A:71:TYR:CA	1:A:71:TYR:C	1:A:72:MET:N	20	33.9
(1,107)	1:A:66:ALA:N	1:A:66:ALA:CA	1:A:66:ALA:C	1:A:67:MET:N	13	33.9
(1,281)	1:A:162:GLU:N	1:A:162:GLU:CA	1:A:162:GLU:C	1:A:163:ILE:N	19	33.8
(1,277)	1:A:160:VAL:N	1:A:160:VAL:CA	1:A:160:VAL:C	1:A:161:ARG:N	13	33.8
(1,265)	1:A:154:ASP:N	1:A:154:ASP:CA	1:A:154:ASP:C	1:A:155:ALA:N	2	33.8
(1,232)	1:A:134:ALA:N	1:A:134:ALA:CA	1:A:134:ALA:C	1:A:135:ARG:N	5	33.8
(1,232)	1:A:134:ALA:N	1:A:134:ALA:CA	1:A:134:ALA:C	1:A:135:ARG:N	7	33.8
(1,228)	1:A:132:ASP:N	1:A:132:ASP:CA	1:A:132:ASP:C	1:A:133:LEU:N	7	33.8
(1,224)	1:A:130:ALA:N	1:A:130:ALA:CA	1:A:130:ALA:C	1:A:131:GLN:N	12	33.8
(1,224)	1:A:130:ALA:N	1:A:130:ALA:CA	1:A:130:ALA:C	1:A:131:GLN:N	13	33.8
(1,224)	1:A:130:ALA:N	1:A:130:ALA:CA	1:A:130:ALA:C	1:A:131:GLN:N	14	33.8
(1,218)	1:A:127:SER:N	1:A:127:SER:CA	1:A:127:SER:C	1:A:128:ARG:N	6	33.8
(1,149)	1:A:88:LYS:N	1:A:88:LYS:CA	1:A:88:LYS:C	1:A:89:SER:N	13	33.8
(1,121)	1:A:73:ARG:N	1:A:73:ARG:CA	1:A:73:ARG:C	1:A:74:THR:N	19	33.8

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Atom-3	Atom-4	Model ID	Violation (°)
(1,119)	1:A:72:MET:N	1:A:72:MET:CA	1:A:72:MET:C	1:A:73:ARG:N	16	33.8
(1,117)	1:A:71:TYR:N	1:A:71:TYR:CA	1:A:71:TYR:C	1:A:72:MET:N	15	33.8
(1,107)	1:A:66:ALA:N	1:A:66:ALA:CA	1:A:66:ALA:C	1:A:67:MET:N	2	33.8
(1,26)	1:A:16:LYS:N	1:A:16:LYS:CA	1:A:16:LYS:C	1:A:17:SER:N	1	33.7
(1,147)	1:A:87:THR:N	1:A:87:THR:CA	1:A:87:THR:C	1:A:88:LYS:N	4	33.7
(1,285)	1:A:164:ARG:N	1:A:164:ARG:CA	1:A:164:ARG:C	1:A:165:GLN:N	4	33.6
(1,281)	1:A:162:GLU:N	1:A:162:GLU:CA	1:A:162:GLU:C	1:A:163:ILE:N	20	33.6
(1,265)	1:A:154:ASP:N	1:A:154:ASP:CA	1:A:154:ASP:C	1:A:155:ALA:N	1	33.6
(1,265)	1:A:154:ASP:N	1:A:154:ASP:CA	1:A:154:ASP:C	1:A:155:ALA:N	4	33.6
(1,38)	1:A:22:GLN:N	1:A:22:GLN:CA	1:A:22:GLN:C	1:A:23:LEU:N	20	33.5
(1,32)	1:A:19:LEU:N	1:A:19:LEU:CA	1:A:19:LEU:C	1:A:20:THR:N	4	33.5
(1,265)	1:A:154:ASP:N	1:A:154:ASP:CA	1:A:154:ASP:C	1:A:155:ALA:N	6	33.5
(1,234)	1:A:135:ARG:N	1:A:135:ARG:CA	1:A:135:ARG:C	1:A:136:SER:N	15	33.5
(1,232)	1:A:134:ALA:N	1:A:134:ALA:CA	1:A:134:ALA:C	1:A:135:ARG:N	18	33.5
(1,228)	1:A:132:ASP:N	1:A:132:ASP:CA	1:A:132:ASP:C	1:A:133:LEU:N	5	33.5
(1,169)	1:A:98:GLU:N	1:A:98:GLU:CA	1:A:98:GLU:C	1:A:99:GLN:N	6	33.5
(1,113)	1:A:69:ASP:N	1:A:69:ASP:CA	1:A:69:ASP:C	1:A:70:GLN:N	14	33.5
(1,101)	1:A:63:GLU:N	1:A:63:GLU:CA	1:A:63:GLU:C	1:A:64:TYR:N	9	33.5
(1,285)	1:A:164:ARG:N	1:A:164:ARG:CA	1:A:164:ARG:C	1:A:165:GLN:N	8	33.4
(1,34)	1:A:20:THR:N	1:A:20:THR:CA	1:A:20:THR:C	1:A:21:ILE:N	20	33.3
(1,187)	1:A:108:ASP:N	1:A:108:ASP:CA	1:A:108:ASP:C	1:A:109:VAL:N	11	33.3
(1,107)	1:A:66:ALA:N	1:A:66:ALA:CA	1:A:66:ALA:C	1:A:67:MET:N	16	33.3
(1,34)	1:A:20:THR:N	1:A:20:THR:CA	1:A:20:THR:C	1:A:21:ILE:N	15	33.2
(1,32)	1:A:19:LEU:N	1:A:19:LEU:CA	1:A:19:LEU:C	1:A:20:THR:N	2	33.2
(1,236)	1:A:136:SER:N	1:A:136:SER:CA	1:A:136:SER:C	1:A:137:TYR:N	10	33.2
(1,228)	1:A:132:ASP:N	1:A:132:ASP:CA	1:A:132:ASP:C	1:A:133:LEU:N	9	33.2
(1,147)	1:A:87:THR:N	1:A:87:THR:CA	1:A:87:THR:C	1:A:88:LYS:N	7	33.2
(1,26)	1:A:16:LYS:N	1:A:16:LYS:CA	1:A:16:LYS:C	1:A:17:SER:N	15	33.1
(1,147)	1:A:87:THR:N	1:A:87:THR:CA	1:A:87:THR:C	1:A:88:LYS:N	5	33.1
(1,119)	1:A:72:MET:N	1:A:72:MET:CA	1:A:72:MET:C	1:A:73:ARG:N	12	33.1
(1,117)	1:A:71:TYR:N	1:A:71:TYR:CA	1:A:71:TYR:C	1:A:72:MET:N	4	33.1
(1,28)	1:A:17:SER:N	1:A:17:SER:CA	1:A:17:SER:C	1:A:18:ALA:N	2	33.0
(1,234)	1:A:135:ARG:N	1:A:135:ARG:CA	1:A:135:ARG:C	1:A:136:SER:N	14	32.9
(1,232)	1:A:134:ALA:N	1:A:134:ALA:CA	1:A:134:ALA:C	1:A:135:ARG:N	12	32.9
(1,228)	1:A:132:ASP:N	1:A:132:ASP:CA	1:A:132:ASP:C	1:A:133:LEU:N	17	32.9
(1,220)	1:A:128:ARG:N	1:A:128:ARG:CA	1:A:128:ARG:C	1:A:129:GLN:N	13	32.9
(1,121)	1:A:73:ARG:N	1:A:73:ARG:CA	1:A:73:ARG:C	1:A:74:THR:N	4	32.9
(1,38)	1:A:22:GLN:N	1:A:22:GLN:CA	1:A:22:GLN:C	1:A:23:LEU:N	19	32.8
(1,220)	1:A:128:ARG:N	1:A:128:ARG:CA	1:A:128:ARG:C	1:A:129:GLN:N	1	32.8
(1,169)	1:A:98:GLU:N	1:A:98:GLU:CA	1:A:98:GLU:C	1:A:99:GLN:N	10	32.8
(1,117)	1:A:71:TYR:N	1:A:71:TYR:CA	1:A:71:TYR:C	1:A:72:MET:N	2	32.8
(1,230)	1:A:133:LEU:N	1:A:133:LEU:CA	1:A:133:LEU:C	1:A:134:ALA:N	3	32.7
(1,228)	1:A:132:ASP:N	1:A:132:ASP:CA	1:A:132:ASP:C	1:A:133:LEU:N	12	32.7
(1,163)	1:A:95:GLN:N	1:A:95:GLN:CA	1:A:95:GLN:C	1:A:96:TYR:N	18	32.7
(1,147)	1:A:87:THR:N	1:A:87:THR:CA	1:A:87:THR:C	1:A:88:LYS:N	2	32.7
(1,147)	1:A:87:THR:N	1:A:87:THR:CA	1:A:87:THR:C	1:A:88:LYS:N	6	32.7
(1,234)	1:A:135:ARG:N	1:A:135:ARG:CA	1:A:135:ARG:C	1:A:136:SER:N	18	32.6
(1,151)	1:A:89:SER:N	1:A:89:SER:CA	1:A:89:SER:C	1:A:90:PHE:N	6	32.6
(1,121)	1:A:73:ARG:N	1:A:73:ARG:CA	1:A:73:ARG:C	1:A:74:THR:N	7	32.6
(1,119)	1:A:72:MET:N	1:A:72:MET:CA	1:A:72:MET:C	1:A:73:ARG:N	19	32.6
(1,117)	1:A:71:TYR:N	1:A:71:TYR:CA	1:A:71:TYR:C	1:A:72:MET:N	17	32.6

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Atom-3	Atom-4	Model ID	Violation (°)
(1,113)	1:A:69:ASP:N	1:A:69:ASP:CA	1:A:69:ASP:C	1:A:70:GLN:N	3	32.6
(1,285)	1:A:164:ARG:N	1:A:164:ARG:CA	1:A:164:ARG:C	1:A:165:GLN:N	13	32.5
(1,228)	1:A:132:ASP:N	1:A:132:ASP:CA	1:A:132:ASP:C	1:A:133:LEU:N	18	32.5
(1,101)	1:A:63:GLU:N	1:A:63:GLU:CA	1:A:63:GLU:C	1:A:64:TYR:N	18	32.5
(1,42)	1:A:24:ILE:N	1:A:24:ILE:CA	1:A:24:ILE:C	1:A:25:GLN:N	19	32.4
(1,281)	1:A:162:GLU:N	1:A:162:GLU:CA	1:A:162:GLU:C	1:A:163:ILE:N	17	32.4
(1,218)	1:A:127:SER:N	1:A:127:SER:CA	1:A:127:SER:C	1:A:128:ARG:N	9	32.4
(1,121)	1:A:73:ARG:N	1:A:73:ARG:CA	1:A:73:ARG:C	1:A:74:THR:N	11	32.4
(1,34)	1:A:20:THR:N	1:A:20:THR:CA	1:A:20:THR:C	1:A:21:ILE:N	6	32.3
(1,232)	1:A:134:ALA:N	1:A:134:ALA:CA	1:A:134:ALA:C	1:A:135:ARG:N	8	32.3
(1,107)	1:A:66:ALA:N	1:A:66:ALA:CA	1:A:66:ALA:C	1:A:67:MET:N	7	32.3
(1,42)	1:A:24:ILE:N	1:A:24:ILE:CA	1:A:24:ILE:C	1:A:25:GLN:N	7	32.2
(1,151)	1:A:89:SER:N	1:A:89:SER:CA	1:A:89:SER:C	1:A:90:PHE:N	8	32.2
(1,32)	1:A:19:LEU:N	1:A:19:LEU:CA	1:A:19:LEU:C	1:A:20:THR:N	9	32.1
(1,234)	1:A:135:ARG:N	1:A:135:ARG:CA	1:A:135:ARG:C	1:A:136:SER:N	20	32.1
(1,220)	1:A:128:ARG:N	1:A:128:ARG:CA	1:A:128:ARG:C	1:A:129:GLN:N	3	32.1
(1,121)	1:A:73:ARG:N	1:A:73:ARG:CA	1:A:73:ARG:C	1:A:74:THR:N	3	32.1
(1,32)	1:A:19:LEU:N	1:A:19:LEU:CA	1:A:19:LEU:C	1:A:20:THR:N	10	32.0
(1,117)	1:A:71:TYR:N	1:A:71:TYR:CA	1:A:71:TYR:C	1:A:72:MET:N	6	32.0
(1,234)	1:A:135:ARG:N	1:A:135:ARG:CA	1:A:135:ARG:C	1:A:136:SER:N	10	31.9
(1,155)	1:A:91:GLU:N	1:A:91:GLU:CA	1:A:91:GLU:C	1:A:92:ASP:N	8	31.9
(1,151)	1:A:89:SER:N	1:A:89:SER:CA	1:A:89:SER:C	1:A:90:PHE:N	7	31.9
(1,119)	1:A:72:MET:N	1:A:72:MET:CA	1:A:72:MET:C	1:A:73:ARG:N	1	31.9
(1,38)	1:A:22:GLN:N	1:A:22:GLN:CA	1:A:22:GLN:C	1:A:23:LEU:N	12	31.8
(1,285)	1:A:164:ARG:N	1:A:164:ARG:CA	1:A:164:ARG:C	1:A:165:GLN:N	16	31.8
(1,121)	1:A:73:ARG:N	1:A:73:ARG:CA	1:A:73:ARG:C	1:A:74:THR:N	16	31.8
(1,107)	1:A:66:ALA:N	1:A:66:ALA:CA	1:A:66:ALA:C	1:A:67:MET:N	6	31.8
(1,107)	1:A:66:ALA:N	1:A:66:ALA:CA	1:A:66:ALA:C	1:A:67:MET:N	9	31.8
(1,28)	1:A:17:SER:N	1:A:17:SER:CA	1:A:17:SER:C	1:A:18:ALA:N	11	31.7
(1,121)	1:A:73:ARG:N	1:A:73:ARG:CA	1:A:73:ARG:C	1:A:74:THR:N	1	31.7
(1,107)	1:A:66:ALA:N	1:A:66:ALA:CA	1:A:66:ALA:C	1:A:67:MET:N	14	31.7
(1,277)	1:A:160:VAL:N	1:A:160:VAL:CA	1:A:160:VAL:C	1:A:161:ARG:N	10	31.6
(1,234)	1:A:135:ARG:N	1:A:135:ARG:CA	1:A:135:ARG:C	1:A:136:SER:N	12	31.6
(1,121)	1:A:73:ARG:N	1:A:73:ARG:CA	1:A:73:ARG:C	1:A:74:THR:N	2	31.6
(1,121)	1:A:73:ARG:N	1:A:73:ARG:CA	1:A:73:ARG:C	1:A:74:THR:N	8	31.6
(1,38)	1:A:22:GLN:N	1:A:22:GLN:CA	1:A:22:GLN:C	1:A:23:LEU:N	15	31.5
(1,32)	1:A:19:LEU:N	1:A:19:LEU:CA	1:A:19:LEU:C	1:A:20:THR:N	1	31.5
(1,155)	1:A:91:GLU:N	1:A:91:GLU:CA	1:A:91:GLU:C	1:A:92:ASP:N	9	31.5
(1,117)	1:A:71:TYR:N	1:A:71:TYR:CA	1:A:71:TYR:C	1:A:72:MET:N	19	31.5
(1,169)	1:A:98:GLU:N	1:A:98:GLU:CA	1:A:98:GLU:C	1:A:99:GLN:N	7	31.4
(1,159)	1:A:93:ILE:N	1:A:93:ILE:CA	1:A:93:ILE:C	1:A:94:HIS:N	13	31.4
(1,107)	1:A:66:ALA:N	1:A:66:ALA:CA	1:A:66:ALA:C	1:A:67:MET:N	12	31.4
(1,234)	1:A:135:ARG:N	1:A:135:ARG:CA	1:A:135:ARG:C	1:A:136:SER:N	17	31.3
(1,111)	1:A:68:ARG:N	1:A:68:ARG:CA	1:A:68:ARG:C	1:A:69:ASP:N	10	31.3
(1,42)	1:A:24:ILE:N	1:A:24:ILE:CA	1:A:24:ILE:C	1:A:25:GLN:N	5	31.2
(1,261)	1:A:152:VAL:N	1:A:152:VAL:CA	1:A:152:VAL:C	1:A:153:GLU:N	13	31.2
(1,151)	1:A:89:SER:N	1:A:89:SER:CA	1:A:89:SER:C	1:A:90:PHE:N	16	31.2
(1,141)	1:A:84:ILE:N	1:A:84:ILE:CA	1:A:84:ILE:C	1:A:85:ASN:N	15	31.2
(1,234)	1:A:135:ARG:N	1:A:135:ARG:CA	1:A:135:ARG:C	1:A:136:SER:N	8	31.1
(1,121)	1:A:73:ARG:N	1:A:73:ARG:CA	1:A:73:ARG:C	1:A:74:THR:N	20	31.1
(1,99)	1:A:62:GLU:N	1:A:62:GLU:CA	1:A:62:GLU:C	1:A:63:GLU:N	12	31.0

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Atom-3	Atom-4	Model ID	Violation (°)
(1,125)	1:A:75:GLY:N	1:A:75:GLY:CA	1:A:75:GLY:C	1:A:76:GLU:N	15	31.0
(1,117)	1:A:71:TYR:N	1:A:71:TYR:CA	1:A:71:TYR:C	1:A:72:MET:N	16	31.0
(1,123)	1:A:74:THR:N	1:A:74:THR:CA	1:A:74:THR:C	1:A:75:GLY:N	5	30.9
(1,119)	1:A:72:MET:N	1:A:72:MET:CA	1:A:72:MET:C	1:A:73:ARG:N	10	30.9
(1,285)	1:A:164:ARG:N	1:A:164:ARG:CA	1:A:164:ARG:C	1:A:165:GLN:N	1	30.8
(1,28)	1:A:17:SER:N	1:A:17:SER:CA	1:A:17:SER:C	1:A:18:ALA:N	14	30.8
(1,267)	1:A:155:ALA:N	1:A:155:ALA:CA	1:A:155:ALA:C	1:A:156:PHE:N	5	30.8
(1,234)	1:A:135:ARG:N	1:A:135:ARG:CA	1:A:135:ARG:C	1:A:136:SER:N	11	30.8
(1,204)	1:A:118:CYS:N	1:A:118:CYS:CA	1:A:118:CYS:C	1:A:119:ASP:N	18	30.8
(1,107)	1:A:66:ALA:N	1:A:66:ALA:CA	1:A:66:ALA:C	1:A:67:MET:N	4	30.8
(1,255)	1:A:147:LYS:N	1:A:147:LYS:CA	1:A:147:LYS:C	1:A:148:THR:N	16	30.7
(1,218)	1:A:127:SER:N	1:A:127:SER:CA	1:A:127:SER:C	1:A:128:ARG:N	11	30.7
(1,173)	1:A:100:ILE:N	1:A:100:ILE:CA	1:A:100:ILE:C	1:A:101:LYS:N	14	30.7
(1,125)	1:A:75:GLY:N	1:A:75:GLY:CA	1:A:75:GLY:C	1:A:76:GLU:N	18	30.7
(1,220)	1:A:128:ARG:N	1:A:128:ARG:CA	1:A:128:ARG:C	1:A:129:GLN:N	14	30.6
(1,173)	1:A:100:ILE:N	1:A:100:ILE:CA	1:A:100:ILE:C	1:A:101:LYS:N	13	30.6
(1,99)	1:A:62:GLU:N	1:A:62:GLU:CA	1:A:62:GLU:C	1:A:63:GLU:N	11	30.4
(1,38)	1:A:22:GLN:N	1:A:22:GLN:CA	1:A:22:GLN:C	1:A:23:LEU:N	10	30.4
(1,119)	1:A:72:MET:N	1:A:72:MET:CA	1:A:72:MET:C	1:A:73:ARG:N	18	30.4
(1,107)	1:A:66:ALA:N	1:A:66:ALA:CA	1:A:66:ALA:C	1:A:67:MET:N	15	30.4
(1,44)	1:A:25:GLN:N	1:A:25:GLN:CA	1:A:25:GLN:C	1:A:26:ASN:N	19	30.3
(1,113)	1:A:69:ASP:N	1:A:69:ASP:CA	1:A:69:ASP:C	1:A:70:GLN:N	9	30.3
(1,121)	1:A:73:ARG:N	1:A:73:ARG:CA	1:A:73:ARG:C	1:A:74:THR:N	5	30.2
(1,236)	1:A:136:SER:N	1:A:136:SER:CA	1:A:136:SER:C	1:A:137:TYR:N	6	30.1
(1,107)	1:A:66:ALA:N	1:A:66:ALA:CA	1:A:66:ALA:C	1:A:67:MET:N	19	30.1
(1,107)	1:A:66:ALA:N	1:A:66:ALA:CA	1:A:66:ALA:C	1:A:67:MET:N	1	30.0
(1,34)	1:A:20:THR:N	1:A:20:THR:CA	1:A:20:THR:C	1:A:21:ILE:N	13	29.9
(1,253)	1:A:146:ALA:N	1:A:146:ALA:CA	1:A:146:ALA:C	1:A:147:LYS:N	14	29.9
(1,42)	1:A:24:ILE:N	1:A:24:ILE:CA	1:A:24:ILE:C	1:A:25:GLN:N	6	29.8
(1,123)	1:A:74:THR:N	1:A:74:THR:CA	1:A:74:THR:C	1:A:75:GLY:N	17	29.8
(1,273)	1:A:158:THR:N	1:A:158:THR:CA	1:A:158:THR:C	1:A:159:LEU:N	14	29.7
(1,228)	1:A:132:ASP:N	1:A:132:ASP:CA	1:A:132:ASP:C	1:A:133:LEU:N	20	29.7
(1,218)	1:A:127:SER:N	1:A:127:SER:CA	1:A:127:SER:C	1:A:128:ARG:N	7	29.7
(1,119)	1:A:72:MET:N	1:A:72:MET:CA	1:A:72:MET:C	1:A:73:ARG:N	15	29.7
(1,261)	1:A:152:VAL:N	1:A:152:VAL:CA	1:A:152:VAL:C	1:A:153:GLU:N	14	29.6
(1,234)	1:A:135:ARG:N	1:A:135:ARG:CA	1:A:135:ARG:C	1:A:136:SER:N	5	29.6
(1,113)	1:A:69:ASP:N	1:A:69:ASP:CA	1:A:69:ASP:C	1:A:70:GLN:N	2	29.6
(1,234)	1:A:135:ARG:N	1:A:135:ARG:CA	1:A:135:ARG:C	1:A:136:SER:N	6	29.5
(1,121)	1:A:73:ARG:N	1:A:73:ARG:CA	1:A:73:ARG:C	1:A:74:THR:N	9	29.5
(1,285)	1:A:164:ARG:N	1:A:164:ARG:CA	1:A:164:ARG:C	1:A:165:GLN:N	3	29.4
(1,157)	1:A:92:ASP:N	1:A:92:ASP:CA	1:A:92:ASP:C	1:A:93:ILE:N	8	29.4
(1,143)	1:A:85:ASN:N	1:A:85:ASN:CA	1:A:85:ASN:C	1:A:86:ASN:N	15	29.4
(1,143)	1:A:85:ASN:N	1:A:85:ASN:CA	1:A:85:ASN:C	1:A:86:ASN:N	16	29.4
(1,141)	1:A:84:ILE:N	1:A:84:ILE:CA	1:A:84:ILE:C	1:A:85:ASN:N	17	29.4
(1,101)	1:A:63:GLU:N	1:A:63:GLU:CA	1:A:63:GLU:C	1:A:64:TYR:N	17	29.4
(1,125)	1:A:75:GLY:N	1:A:75:GLY:CA	1:A:75:GLY:C	1:A:76:GLU:N	12	29.3
(1,99)	1:A:62:GLU:N	1:A:62:GLU:CA	1:A:62:GLU:C	1:A:63:GLU:N	9	29.2
(1,141)	1:A:84:ILE:N	1:A:84:ILE:CA	1:A:84:ILE:C	1:A:85:ASN:N	9	29.2
(1,123)	1:A:74:THR:N	1:A:74:THR:CA	1:A:74:THR:C	1:A:75:GLY:N	19	29.2
(1,285)	1:A:164:ARG:N	1:A:164:ARG:CA	1:A:164:ARG:C	1:A:165:GLN:N	17	29.1
(1,269)	1:A:156:PHE:N	1:A:156:PHE:CA	1:A:156:PHE:C	1:A:157:TYR:N	18	29.1

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Atom-3	Atom-4	Model ID	Violation (°)
(1,261)	1:A:152:VAL:N	1:A:152:VAL:CA	1:A:152:VAL:C	1:A:153:GLU:N	11	29.1
(1,228)	1:A:132:ASP:N	1:A:132:ASP:CA	1:A:132:ASP:C	1:A:133:LEU:N	8	29.1
(1,212)	1:A:124:THR:N	1:A:124:THR:CA	1:A:124:THR:C	1:A:125:VAL:N	20	29.1
(1,163)	1:A:95:GLN:N	1:A:95:GLN:CA	1:A:95:GLN:C	1:A:96:TYR:N	12	29.1
(1,36)	1:A:21:ILE:N	1:A:21:ILE:CA	1:A:21:ILE:C	1:A:22:GLN:N	11	29.0
(1,236)	1:A:136:SER:N	1:A:136:SER:CA	1:A:136:SER:C	1:A:137:TYR:N	11	29.0
(1,218)	1:A:127:SER:N	1:A:127:SER:CA	1:A:127:SER:C	1:A:128:ARG:N	5	29.0
(1,121)	1:A:73:ARG:N	1:A:73:ARG:CA	1:A:73:ARG:C	1:A:74:THR:N	17	29.0
(1,101)	1:A:63:GLU:N	1:A:63:GLU:CA	1:A:63:GLU:C	1:A:64:TYR:N	15	29.0
(1,234)	1:A:135:ARG:N	1:A:135:ARG:CA	1:A:135:ARG:C	1:A:136:SER:N	9	28.9
(1,220)	1:A:128:ARG:N	1:A:128:ARG:CA	1:A:128:ARG:C	1:A:129:GLN:N	19	28.9
(1,218)	1:A:127:SER:N	1:A:127:SER:CA	1:A:127:SER:C	1:A:128:ARG:N	18	28.9
(1,28)	1:A:17:SER:N	1:A:17:SER:CA	1:A:17:SER:C	1:A:18:ALA:N	13	28.8
(1,26)	1:A:16:LYS:N	1:A:16:LYS:CA	1:A:16:LYS:C	1:A:17:SER:N	19	28.8
(1,117)	1:A:71:TYR:N	1:A:71:TYR:CA	1:A:71:TYR:C	1:A:72:MET:N	18	28.8
(1,218)	1:A:127:SER:N	1:A:127:SER:CA	1:A:127:SER:C	1:A:128:ARG:N	10	28.7
(1,111)	1:A:68:ARG:N	1:A:68:ARG:CA	1:A:68:ARG:C	1:A:69:ASP:N	9	28.7
(1,253)	1:A:146:ALA:N	1:A:146:ALA:CA	1:A:146:ALA:C	1:A:147:LYS:N	16	28.6
(1,119)	1:A:72:MET:N	1:A:72:MET:CA	1:A:72:MET:C	1:A:73:ARG:N	4	28.6
(1,107)	1:A:66:ALA:N	1:A:66:ALA:CA	1:A:66:ALA:C	1:A:67:MET:N	11	28.5
(1,218)	1:A:127:SER:N	1:A:127:SER:CA	1:A:127:SER:C	1:A:128:ARG:N	17	28.4
(1,261)	1:A:152:VAL:N	1:A:152:VAL:CA	1:A:152:VAL:C	1:A:153:GLU:N	4	28.3
(1,261)	1:A:152:VAL:N	1:A:152:VAL:CA	1:A:152:VAL:C	1:A:153:GLU:N	16	28.3
(1,125)	1:A:75:GLY:N	1:A:75:GLY:CA	1:A:75:GLY:C	1:A:76:GLU:N	17	28.2
(1,119)	1:A:72:MET:N	1:A:72:MET:CA	1:A:72:MET:C	1:A:73:ARG:N	2	28.2
(1,151)	1:A:89:SER:N	1:A:89:SER:CA	1:A:89:SER:C	1:A:90:PHE:N	5	28.1
(1,113)	1:A:69:ASP:N	1:A:69:ASP:CA	1:A:69:ASP:C	1:A:70:GLN:N	8	28.1
(1,261)	1:A:152:VAL:N	1:A:152:VAL:CA	1:A:152:VAL:C	1:A:153:GLU:N	15	28.0
(1,149)	1:A:88:LYS:N	1:A:88:LYS:CA	1:A:88:LYS:C	1:A:89:SER:N	8	28.0
(1,253)	1:A:146:ALA:N	1:A:146:ALA:CA	1:A:146:ALA:C	1:A:147:LYS:N	20	27.9
(1,125)	1:A:75:GLY:N	1:A:75:GLY:CA	1:A:75:GLY:C	1:A:76:GLU:N	2	27.9
(1,253)	1:A:146:ALA:N	1:A:146:ALA:CA	1:A:146:ALA:C	1:A:147:LYS:N	19	27.8
(1,38)	1:A:22:GLN:N	1:A:22:GLN:CA	1:A:22:GLN:C	1:A:23:LEU:N	17	27.7
(1,234)	1:A:135:ARG:N	1:A:135:ARG:CA	1:A:135:ARG:C	1:A:136:SER:N	3	27.6
(1,218)	1:A:127:SER:N	1:A:127:SER:CA	1:A:127:SER:C	1:A:128:ARG:N	12	27.6
(1,26)	1:A:16:LYS:N	1:A:16:LYS:CA	1:A:16:LYS:C	1:A:17:SER:N	17	27.4
(1,38)	1:A:22:GLN:N	1:A:22:GLN:CA	1:A:22:GLN:C	1:A:23:LEU:N	4	27.2
(1,277)	1:A:160:VAL:N	1:A:160:VAL:CA	1:A:160:VAL:C	1:A:161:ARG:N	9	27.2
(1,236)	1:A:136:SER:N	1:A:136:SER:CA	1:A:136:SER:C	1:A:137:TYR:N	3	27.2
(1,261)	1:A:152:VAL:N	1:A:152:VAL:CA	1:A:152:VAL:C	1:A:153:GLU:N	7	27.1
(1,149)	1:A:88:LYS:N	1:A:88:LYS:CA	1:A:88:LYS:C	1:A:89:SER:N	14	27.1
(1,149)	1:A:88:LYS:N	1:A:88:LYS:CA	1:A:88:LYS:C	1:A:89:SER:N	17	27.1
(1,121)	1:A:73:ARG:N	1:A:73:ARG:CA	1:A:73:ARG:C	1:A:74:THR:N	15	27.1
(1,257)	1:A:148:THR:N	1:A:148:THR:CA	1:A:148:THR:C	1:A:149:ARG:N	11	27.0
(1,125)	1:A:75:GLY:N	1:A:75:GLY:CA	1:A:75:GLY:C	1:A:76:GLU:N	9	27.0
(1,277)	1:A:160:VAL:N	1:A:160:VAL:CA	1:A:160:VAL:C	1:A:161:ARG:N	11	26.9
(1,261)	1:A:152:VAL:N	1:A:152:VAL:CA	1:A:152:VAL:C	1:A:153:GLU:N	2	26.9
(1,44)	1:A:25:GLN:N	1:A:25:GLN:CA	1:A:25:GLN:C	1:A:26:ASN:N	14	26.8
(1,36)	1:A:21:ILE:N	1:A:21:ILE:CA	1:A:21:ILE:C	1:A:22:GLN:N	12	26.8
(1,153)	1:A:90:PHE:N	1:A:90:PHE:CA	1:A:90:PHE:C	1:A:91:GLU:N	14	26.8
(1,44)	1:A:25:GLN:N	1:A:25:GLN:CA	1:A:25:GLN:C	1:A:26:ASN:N	15	26.6

Continued on next page...



Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Atom-3	Atom-4	Model ID	Violation (°)
(1,285)	1:A:164:ARG:N	1:A:164:ARG:CA	1:A:164:ARG:C	1:A:165:GLN:N	20	26.6
(1,125)	1:A:75:GLY:N	1:A:75:GLY:CA	1:A:75:GLY:C	1:A:76:GLU:N	8	26.6
(1,107)	1:A:66:ALA:N	1:A:66:ALA:CA	1:A:66:ALA:C	1:A:67:MET:N	8	26.6
(1,277)	1:A:160:VAL:N	1:A:160:VAL:CA	1:A:160:VAL:C	1:A:161:ARG:N	2	26.5
(1,26)	1:A:16:LYS:N	1:A:16:LYS:CA	1:A:16:LYS:C	1:A:17:SER:N	7	26.5
(1,149)	1:A:88:LYS:N	1:A:88:LYS:CA	1:A:88:LYS:C	1:A:89:SER:N	9	26.5
(1,236)	1:A:136:SER:N	1:A:136:SER:CA	1:A:136:SER:C	1:A:137:TYR:N	20	26.4
(1,149)	1:A:88:LYS:N	1:A:88:LYS:CA	1:A:88:LYS:C	1:A:89:SER:N	11	26.4
(1,173)	1:A:100:ILE:N	1:A:100:ILE:CA	1:A:100:ILE:C	1:A:101:LYS:N	17	26.3
(1,149)	1:A:88:LYS:N	1:A:88:LYS:CA	1:A:88:LYS:C	1:A:89:SER:N	3	26.3
(1,141)	1:A:84:ILE:N	1:A:84:ILE:CA	1:A:84:ILE:C	1:A:85:ASN:N	18	26.3
(1,38)	1:A:22:GLN:N	1:A:22:GLN:CA	1:A:22:GLN:C	1:A:23:LEU:N	18	26.2
(1,261)	1:A:152:VAL:N	1:A:152:VAL:CA	1:A:152:VAL:C	1:A:153:GLU:N	5	26.2
(1,123)	1:A:74:THR:N	1:A:74:THR:CA	1:A:74:THR:C	1:A:75:GLY:N	7	26.1
(1,113)	1:A:69:ASP:N	1:A:69:ASP:CA	1:A:69:ASP:C	1:A:70:GLN:N	13	26.1
(1,204)	1:A:118:CYS:N	1:A:118:CYS:CA	1:A:118:CYS:C	1:A:119:ASP:N	8	26.0
(1,125)	1:A:75:GLY:N	1:A:75:GLY:CA	1:A:75:GLY:C	1:A:76:GLU:N	6	26.0
(1,117)	1:A:71:TYR:N	1:A:71:TYR:CA	1:A:71:TYR:C	1:A:72:MET:N	13	26.0
(1,117)	1:A:71:TYR:N	1:A:71:TYR:CA	1:A:71:TYR:C	1:A:72:MET:N	14	26.0
(1,285)	1:A:164:ARG:N	1:A:164:ARG:CA	1:A:164:ARG:C	1:A:165:GLN:N	7	25.9
(1,253)	1:A:146:ALA:N	1:A:146:ALA:CA	1:A:146:ALA:C	1:A:147:LYS:N	13	25.9
(1,159)	1:A:93:ILE:N	1:A:93:ILE:CA	1:A:93:ILE:C	1:A:94:HIS:N	18	25.8
(1,119)	1:A:72:MET:N	1:A:72:MET:CA	1:A:72:MET:C	1:A:73:ARG:N	5	25.8
(1,261)	1:A:152:VAL:N	1:A:152:VAL:CA	1:A:152:VAL:C	1:A:153:GLU:N	8	25.7
(1,141)	1:A:84:ILE:N	1:A:84:ILE:CA	1:A:84:ILE:C	1:A:85:ASN:N	19	25.7
(1,125)	1:A:75:GLY:N	1:A:75:GLY:CA	1:A:75:GLY:C	1:A:76:GLU:N	5	25.6
(1,42)	1:A:24:ILE:N	1:A:24:ILE:CA	1:A:24:ILE:C	1:A:25:GLN:N	8	25.5
(1,151)	1:A:89:SER:N	1:A:89:SER:CA	1:A:89:SER:C	1:A:90:PHE:N	1	25.5
(1,34)	1:A:20:THR:N	1:A:20:THR:CA	1:A:20:THR:C	1:A:21:ILE:N	12	25.4
(1,218)	1:A:127:SER:N	1:A:127:SER:CA	1:A:127:SER:C	1:A:128:ARG:N	8	25.4
(1,218)	1:A:127:SER:N	1:A:127:SER:CA	1:A:127:SER:C	1:A:128:ARG:N	15	25.4
(1,159)	1:A:93:ILE:N	1:A:93:ILE:CA	1:A:93:ILE:C	1:A:94:HIS:N	17	25.3
(1,141)	1:A:84:ILE:N	1:A:84:ILE:CA	1:A:84:ILE:C	1:A:85:ASN:N	10	25.3
(1,149)	1:A:88:LYS:N	1:A:88:LYS:CA	1:A:88:LYS:C	1:A:89:SER:N	12	25.2
(1,125)	1:A:75:GLY:N	1:A:75:GLY:CA	1:A:75:GLY:C	1:A:76:GLU:N	1	25.2
(1,253)	1:A:146:ALA:N	1:A:146:ALA:CA	1:A:146:ALA:C	1:A:147:LYS:N	8	25.0
(1,253)	1:A:146:ALA:N	1:A:146:ALA:CA	1:A:146:ALA:C	1:A:147:LYS:N	11	25.0
(1,159)	1:A:93:ILE:N	1:A:93:ILE:CA	1:A:93:ILE:C	1:A:94:HIS:N	3	24.9
(1,125)	1:A:75:GLY:N	1:A:75:GLY:CA	1:A:75:GLY:C	1:A:76:GLU:N	3	24.8
(1,119)	1:A:72:MET:N	1:A:72:MET:CA	1:A:72:MET:C	1:A:73:ARG:N	11	24.8
(1,257)	1:A:148:THR:N	1:A:148:THR:CA	1:A:148:THR:C	1:A:149:ARG:N	16	24.7
(1,285)	1:A:164:ARG:N	1:A:164:ARG:CA	1:A:164:ARG:C	1:A:165:GLN:N	14	24.6
(1,159)	1:A:93:ILE:N	1:A:93:ILE:CA	1:A:93:ILE:C	1:A:94:HIS:N	12	24.5
(1,141)	1:A:84:ILE:N	1:A:84:ILE:CA	1:A:84:ILE:C	1:A:85:ASN:N	4	24.5
(1,181)	1:A:104:LYS:N	1:A:104:LYS:CA	1:A:104:LYS:C	1:A:105:ASP:N	18	24.4
(1,102)	1:A:63:GLU:C	1:A:64:TYR:N	1:A:64:TYR:CA	1:A:64:TYR:C	8	24.4
(1,253)	1:A:146:ALA:N	1:A:146:ALA:CA	1:A:146:ALA:C	1:A:147:LYS:N	18	24.2
(1,234)	1:A:135:ARG:N	1:A:135:ARG:CA	1:A:135:ARG:C	1:A:136:SER:N	7	24.2
(1,285)	1:A:164:ARG:N	1:A:164:ARG:CA	1:A:164:ARG:C	1:A:165:GLN:N	19	24.1
(1,149)	1:A:88:LYS:N	1:A:88:LYS:CA	1:A:88:LYS:C	1:A:89:SER:N	20	24.1
(1,141)	1:A:84:ILE:N	1:A:84:ILE:CA	1:A:84:ILE:C	1:A:85:ASN:N	2	24.1

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Atom-3	Atom-4	Model ID	Violation (°)
(1,236)	1:A:136:SER:N	1:A:136:SER:CA	1:A:136:SER:C	1:A:137:TYR:N	14	24.0
(1,149)	1:A:88:LYS:N	1:A:88:LYS:CA	1:A:88:LYS:C	1:A:89:SER:N	10	24.0
(1,125)	1:A:75:GLY:N	1:A:75:GLY:CA	1:A:75:GLY:C	1:A:76:GLU:N	14	24.0
(1,125)	1:A:75:GLY:N	1:A:75:GLY:CA	1:A:75:GLY:C	1:A:76:GLU:N	16	24.0
(1,253)	1:A:146:ALA:N	1:A:146:ALA:CA	1:A:146:ALA:C	1:A:147:LYS:N	15	23.9
(1,115)	1:A:70:GLN:N	1:A:70:GLN:CA	1:A:70:GLN:C	1:A:71:TYR:N	19	23.9
(1,257)	1:A:148:THR:N	1:A:148:THR:CA	1:A:148:THR:C	1:A:149:ARG:N	10	23.8
(1,257)	1:A:148:THR:N	1:A:148:THR:CA	1:A:148:THR:C	1:A:149:ARG:N	18	23.8
(1,236)	1:A:136:SER:N	1:A:136:SER:CA	1:A:136:SER:C	1:A:137:TYR:N	18	23.8
(1,159)	1:A:93:ILE:N	1:A:93:ILE:CA	1:A:93:ILE:C	1:A:94:HIS:N	9	23.8
(1,151)	1:A:89:SER:N	1:A:89:SER:CA	1:A:89:SER:C	1:A:90:PHE:N	18	23.8
(1,236)	1:A:136:SER:N	1:A:136:SER:CA	1:A:136:SER:C	1:A:137:TYR:N	1	23.7
(1,119)	1:A:72:MET:N	1:A:72:MET:CA	1:A:72:MET:C	1:A:73:ARG:N	6	23.7
(1,285)	1:A:164:ARG:N	1:A:164:ARG:CA	1:A:164:ARG:C	1:A:165:GLN:N	12	23.6
(1,38)	1:A:22:GLN:N	1:A:22:GLN:CA	1:A:22:GLN:C	1:A:23:LEU:N	6	23.4
(1,44)	1:A:25:GLN:N	1:A:25:GLN:CA	1:A:25:GLN:C	1:A:26:ASN:N	18	23.3
(1,253)	1:A:146:ALA:N	1:A:146:ALA:CA	1:A:146:ALA:C	1:A:147:LYS:N	1	23.3
(1,179)	1:A:103:VAL:N	1:A:103:VAL:CA	1:A:103:VAL:C	1:A:104:LYS:N	16	23.3
(1,149)	1:A:88:LYS:N	1:A:88:LYS:CA	1:A:88:LYS:C	1:A:89:SER:N	2	23.3
(1,101)	1:A:63:GLU:N	1:A:63:GLU:CA	1:A:63:GLU:C	1:A:64:TYR:N	4	23.3
(1,179)	1:A:103:VAL:N	1:A:103:VAL:CA	1:A:103:VAL:C	1:A:104:LYS:N	15	23.2
(1,111)	1:A:68:ARG:N	1:A:68:ARG:CA	1:A:68:ARG:C	1:A:69:ASP:N	12	23.2
(1,236)	1:A:136:SER:N	1:A:136:SER:CA	1:A:136:SER:C	1:A:137:TYR:N	8	23.1
(1,236)	1:A:136:SER:N	1:A:136:SER:CA	1:A:136:SER:C	1:A:137:TYR:N	9	23.1
(1,38)	1:A:22:GLN:N	1:A:22:GLN:CA	1:A:22:GLN:C	1:A:23:LEU:N	9	23.0
(1,149)	1:A:88:LYS:N	1:A:88:LYS:CA	1:A:88:LYS:C	1:A:89:SER:N	4	23.0
(1,121)	1:A:73:ARG:N	1:A:73:ARG:CA	1:A:73:ARG:C	1:A:74:THR:N	18	23.0
(1,44)	1:A:25:GLN:N	1:A:25:GLN:CA	1:A:25:GLN:C	1:A:26:ASN:N	8	22.9
(1,236)	1:A:136:SER:N	1:A:136:SER:CA	1:A:136:SER:C	1:A:137:TYR:N	13	22.7
(1,38)	1:A:22:GLN:N	1:A:22:GLN:CA	1:A:22:GLN:C	1:A:23:LEU:N	2	22.6
(1,236)	1:A:136:SER:N	1:A:136:SER:CA	1:A:136:SER:C	1:A:137:TYR:N	16	22.6
(1,125)	1:A:75:GLY:N	1:A:75:GLY:CA	1:A:75:GLY:C	1:A:76:GLU:N	13	22.6
(1,38)	1:A:22:GLN:N	1:A:22:GLN:CA	1:A:22:GLN:C	1:A:23:LEU:N	8	22.2
(1,119)	1:A:72:MET:N	1:A:72:MET:CA	1:A:72:MET:C	1:A:73:ARG:N	7	22.2
(1,285)	1:A:164:ARG:N	1:A:164:ARG:CA	1:A:164:ARG:C	1:A:165:GLN:N	10	22.1
(1,141)	1:A:84:ILE:N	1:A:84:ILE:CA	1:A:84:ILE:C	1:A:85:ASN:N	3	22.1
(1,253)	1:A:146:ALA:N	1:A:146:ALA:CA	1:A:146:ALA:C	1:A:147:LYS:N	12	22.0
(1,236)	1:A:136:SER:N	1:A:136:SER:CA	1:A:136:SER:C	1:A:137:TYR:N	7	22.0
(1,44)	1:A:25:GLN:N	1:A:25:GLN:CA	1:A:25:GLN:C	1:A:26:ASN:N	10	21.9
(1,285)	1:A:164:ARG:N	1:A:164:ARG:CA	1:A:164:ARG:C	1:A:165:GLN:N	15	21.9
(1,253)	1:A:146:ALA:N	1:A:146:ALA:CA	1:A:146:ALA:C	1:A:147:LYS:N	2	21.9
(1,236)	1:A:136:SER:N	1:A:136:SER:CA	1:A:136:SER:C	1:A:137:TYR:N	2	21.9
(1,285)	1:A:164:ARG:N	1:A:164:ARG:CA	1:A:164:ARG:C	1:A:165:GLN:N	9	21.8
(1,236)	1:A:136:SER:N	1:A:136:SER:CA	1:A:136:SER:C	1:A:137:TYR:N	12	21.7
(1,125)	1:A:75:GLY:N	1:A:75:GLY:CA	1:A:75:GLY:C	1:A:76:GLU:N	7	21.7
(1,236)	1:A:136:SER:N	1:A:136:SER:CA	1:A:136:SER:C	1:A:137:TYR:N	15	21.6
(1,125)	1:A:75:GLY:N	1:A:75:GLY:CA	1:A:75:GLY:C	1:A:76:GLU:N	4	21.6
(1,44)	1:A:25:GLN:N	1:A:25:GLN:CA	1:A:25:GLN:C	1:A:26:ASN:N	17	21.5
(1,236)	1:A:136:SER:N	1:A:136:SER:CA	1:A:136:SER:C	1:A:137:TYR:N	5	21.5
(1,141)	1:A:84:ILE:N	1:A:84:ILE:CA	1:A:84:ILE:C	1:A:85:ASN:N	5	21.5
(1,44)	1:A:25:GLN:N	1:A:25:GLN:CA	1:A:25:GLN:C	1:A:26:ASN:N	2	21.4

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Atom-3	Atom-4	Model ID	Violation (°)
(1,253)	1:A:146:ALA:N	1:A:146:ALA:CA	1:A:146:ALA:C	1:A:147:LYS:N	10	21.4
(1,38)	1:A:22:GLN:N	1:A:22:GLN:CA	1:A:22:GLN:C	1:A:23:LEU:N	1	21.3
(1,253)	1:A:146:ALA:N	1:A:146:ALA:CA	1:A:146:ALA:C	1:A:147:LYS:N	4	21.3
(1,236)	1:A:136:SER:N	1:A:136:SER:CA	1:A:136:SER:C	1:A:137:TYR:N	19	21.2
(1,212)	1:A:124:THR:N	1:A:124:THR:CA	1:A:124:THR:C	1:A:125:VAL:N	12	21.2
(1,111)	1:A:68:ARG:N	1:A:68:ARG:CA	1:A:68:ARG:C	1:A:69:ASP:N	13	21.2
(1,257)	1:A:148:THR:N	1:A:148:THR:CA	1:A:148:THR:C	1:A:149:ARG:N	9	20.9
(1,253)	1:A:146:ALA:N	1:A:146:ALA:CA	1:A:146:ALA:C	1:A:147:LYS:N	6	20.9
(1,143)	1:A:85:ASN:N	1:A:85:ASN:CA	1:A:85:ASN:C	1:A:86:ASN:N	18	20.8
(1,125)	1:A:75:GLY:N	1:A:75:GLY:CA	1:A:75:GLY:C	1:A:76:GLU:N	20	20.8
(1,149)	1:A:88:LYS:N	1:A:88:LYS:CA	1:A:88:LYS:C	1:A:89:SER:N	7	20.7
(1,42)	1:A:24:ILE:N	1:A:24:ILE:CA	1:A:24:ILE:C	1:A:25:GLN:N	4	20.5
(1,257)	1:A:148:THR:N	1:A:148:THR:CA	1:A:148:THR:C	1:A:149:ARG:N	19	20.4
(1,42)	1:A:24:ILE:N	1:A:24:ILE:CA	1:A:24:ILE:C	1:A:25:GLN:N	16	20.2
(1,257)	1:A:148:THR:N	1:A:148:THR:CA	1:A:148:THR:C	1:A:149:ARG:N	12	20.1
(1,101)	1:A:63:GLU:N	1:A:63:GLU:CA	1:A:63:GLU:C	1:A:64:TYR:N	12	20.1
(1,38)	1:A:22:GLN:N	1:A:22:GLN:CA	1:A:22:GLN:C	1:A:23:LEU:N	3	20.0
(1,253)	1:A:146:ALA:N	1:A:146:ALA:CA	1:A:146:ALA:C	1:A:147:LYS:N	9	20.0
(1,149)	1:A:88:LYS:N	1:A:88:LYS:CA	1:A:88:LYS:C	1:A:89:SER:N	19	20.0
(1,101)	1:A:63:GLU:N	1:A:63:GLU:CA	1:A:63:GLU:C	1:A:64:TYR:N	11	20.0
(1,236)	1:A:136:SER:N	1:A:136:SER:CA	1:A:136:SER:C	1:A:137:TYR:N	4	19.9
(1,44)	1:A:25:GLN:N	1:A:25:GLN:CA	1:A:25:GLN:C	1:A:26:ASN:N	1	19.8
(1,42)	1:A:24:ILE:N	1:A:24:ILE:CA	1:A:24:ILE:C	1:A:25:GLN:N	1	19.8
(1,236)	1:A:136:SER:N	1:A:136:SER:CA	1:A:136:SER:C	1:A:137:TYR:N	17	19.8
(1,218)	1:A:127:SER:N	1:A:127:SER:CA	1:A:127:SER:C	1:A:128:ARG:N	19	19.7
(1,149)	1:A:88:LYS:N	1:A:88:LYS:CA	1:A:88:LYS:C	1:A:89:SER:N	16	19.6
(1,141)	1:A:84:ILE:N	1:A:84:ILE:CA	1:A:84:ILE:C	1:A:85:ASN:N	1	19.6
(1,143)	1:A:85:ASN:N	1:A:85:ASN:CA	1:A:85:ASN:C	1:A:86:ASN:N	2	19.5
(1,141)	1:A:84:ILE:N	1:A:84:ILE:CA	1:A:84:ILE:C	1:A:85:ASN:N	8	19.4
(1,253)	1:A:146:ALA:N	1:A:146:ALA:CA	1:A:146:ALA:C	1:A:147:LYS:N	5	19.3
(1,141)	1:A:84:ILE:N	1:A:84:ILE:CA	1:A:84:ILE:C	1:A:85:ASN:N	12	19.3
(1,149)	1:A:88:LYS:N	1:A:88:LYS:CA	1:A:88:LYS:C	1:A:89:SER:N	1	19.2
(1,143)	1:A:85:ASN:N	1:A:85:ASN:CA	1:A:85:ASN:C	1:A:86:ASN:N	9	19.2
(1,141)	1:A:84:ILE:N	1:A:84:ILE:CA	1:A:84:ILE:C	1:A:85:ASN:N	13	19.1
(1,101)	1:A:63:GLU:N	1:A:63:GLU:CA	1:A:63:GLU:C	1:A:64:TYR:N	5	19.1
(1,101)	1:A:63:GLU:N	1:A:63:GLU:CA	1:A:63:GLU:C	1:A:64:TYR:N	10	19.1
(1,42)	1:A:24:ILE:N	1:A:24:ILE:CA	1:A:24:ILE:C	1:A:25:GLN:N	15	19.0
(1,42)	1:A:24:ILE:N	1:A:24:ILE:CA	1:A:24:ILE:C	1:A:25:GLN:N	20	19.0
(1,218)	1:A:127:SER:N	1:A:127:SER:CA	1:A:127:SER:C	1:A:128:ARG:N	4	19.0
(1,42)	1:A:24:ILE:N	1:A:24:ILE:CA	1:A:24:ILE:C	1:A:25:GLN:N	2	18.9
(1,42)	1:A:24:ILE:N	1:A:24:ILE:CA	1:A:24:ILE:C	1:A:25:GLN:N	3	18.9
(1,42)	1:A:24:ILE:N	1:A:24:ILE:CA	1:A:24:ILE:C	1:A:25:GLN:N	17	18.8
(1,257)	1:A:148:THR:N	1:A:148:THR:CA	1:A:148:THR:C	1:A:149:ARG:N	13	18.6
(1,42)	1:A:24:ILE:N	1:A:24:ILE:CA	1:A:24:ILE:C	1:A:25:GLN:N	18	18.5
(1,253)	1:A:146:ALA:N	1:A:146:ALA:CA	1:A:146:ALA:C	1:A:147:LYS:N	17	18.5
(1,149)	1:A:88:LYS:N	1:A:88:LYS:CA	1:A:88:LYS:C	1:A:89:SER:N	18	18.4
(1,257)	1:A:148:THR:N	1:A:148:THR:CA	1:A:148:THR:C	1:A:149:ARG:N	15	18.3
(1,125)	1:A:75:GLY:N	1:A:75:GLY:CA	1:A:75:GLY:C	1:A:76:GLU:N	19	18.2
(1,102)	1:A:63:GLU:C	1:A:64:TYR:N	1:A:64:TYR:CA	1:A:64:TYR:C	9	18.2
(1,218)	1:A:127:SER:N	1:A:127:SER:CA	1:A:127:SER:C	1:A:128:ARG:N	2	18.0
(1,101)	1:A:63:GLU:N	1:A:63:GLU:CA	1:A:63:GLU:C	1:A:64:TYR:N	1	18.0

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Atom-3	Atom-4	Model ID	Violation (°)
(1,44)	1:A:25:GLN:N	1:A:25:GLN:CA	1:A:25:GLN:C	1:A:26:ASN:N	3	17.9
(1,218)	1:A:127:SER:N	1:A:127:SER:CA	1:A:127:SER:C	1:A:128:ARG:N	14	17.8
(1,149)	1:A:88:LYS:N	1:A:88:LYS:CA	1:A:88:LYS:C	1:A:89:SER:N	15	17.8
(1,143)	1:A:85:ASN:N	1:A:85:ASN:CA	1:A:85:ASN:C	1:A:86:ASN:N	20	17.5
(1,143)	1:A:85:ASN:N	1:A:85:ASN:CA	1:A:85:ASN:C	1:A:86:ASN:N	13	17.4
(1,26)	1:A:16:LYS:N	1:A:16:LYS:CA	1:A:16:LYS:C	1:A:17:SER:N	18	17.1
(1,218)	1:A:127:SER:N	1:A:127:SER:CA	1:A:127:SER:C	1:A:128:ARG:N	13	17.1
(1,149)	1:A:88:LYS:N	1:A:88:LYS:CA	1:A:88:LYS:C	1:A:89:SER:N	6	17.0
(1,181)	1:A:104:LYS:N	1:A:104:LYS:CA	1:A:104:LYS:C	1:A:105:ASP:N	15	16.9
(1,181)	1:A:104:LYS:N	1:A:104:LYS:CA	1:A:104:LYS:C	1:A:105:ASP:N	16	16.9
(1,149)	1:A:88:LYS:N	1:A:88:LYS:CA	1:A:88:LYS:C	1:A:89:SER:N	5	16.9
(1,44)	1:A:25:GLN:N	1:A:25:GLN:CA	1:A:25:GLN:C	1:A:26:ASN:N	16	16.6
(1,181)	1:A:104:LYS:N	1:A:104:LYS:CA	1:A:104:LYS:C	1:A:105:ASP:N	2	16.6
(1,204)	1:A:118:CYS:N	1:A:118:CYS:CA	1:A:118:CYS:C	1:A:119:ASP:N	11	16.5
(1,143)	1:A:85:ASN:N	1:A:85:ASN:CA	1:A:85:ASN:C	1:A:86:ASN:N	3	16.5
(1,34)	1:A:20:THR:N	1:A:20:THR:CA	1:A:20:THR:C	1:A:21:ILE:N	11	16.4
(1,204)	1:A:118:CYS:N	1:A:118:CYS:CA	1:A:118:CYS:C	1:A:119:ASP:N	12	16.4
(1,143)	1:A:85:ASN:N	1:A:85:ASN:CA	1:A:85:ASN:C	1:A:86:ASN:N	4	16.3
(1,141)	1:A:84:ILE:N	1:A:84:ILE:CA	1:A:84:ILE:C	1:A:85:ASN:N	14	16.3
(1,143)	1:A:85:ASN:N	1:A:85:ASN:CA	1:A:85:ASN:C	1:A:86:ASN:N	19	16.2
(1,257)	1:A:148:THR:N	1:A:148:THR:CA	1:A:148:THR:C	1:A:149:ARG:N	8	16.0
(1,181)	1:A:104:LYS:N	1:A:104:LYS:CA	1:A:104:LYS:C	1:A:105:ASP:N	10	15.5
(1,143)	1:A:85:ASN:N	1:A:85:ASN:CA	1:A:85:ASN:C	1:A:86:ASN:N	8	15.3
(1,143)	1:A:85:ASN:N	1:A:85:ASN:CA	1:A:85:ASN:C	1:A:86:ASN:N	14	15.2
(1,257)	1:A:148:THR:N	1:A:148:THR:CA	1:A:148:THR:C	1:A:149:ARG:N	14	15.0
(1,204)	1:A:118:CYS:N	1:A:118:CYS:CA	1:A:118:CYS:C	1:A:119:ASP:N	20	14.9
(1,206)	1:A:119:ASP:N	1:A:119:ASP:CA	1:A:119:ASP:C	1:A:120:LEU:N	16	14.6
(1,181)	1:A:104:LYS:N	1:A:104:LYS:CA	1:A:104:LYS:C	1:A:105:ASP:N	1	14.5
(1,253)	1:A:146:ALA:N	1:A:146:ALA:CA	1:A:146:ALA:C	1:A:147:LYS:N	3	14.1
(1,101)	1:A:63:GLU:N	1:A:63:GLU:CA	1:A:63:GLU:C	1:A:64:TYR:N	20	14.1
(1,44)	1:A:25:GLN:N	1:A:25:GLN:CA	1:A:25:GLN:C	1:A:26:ASN:N	11	14.0
(1,204)	1:A:118:CYS:N	1:A:118:CYS:CA	1:A:118:CYS:C	1:A:119:ASP:N	14	14.0
(1,204)	1:A:118:CYS:N	1:A:118:CYS:CA	1:A:118:CYS:C	1:A:119:ASP:N	2	13.9
(1,143)	1:A:85:ASN:N	1:A:85:ASN:CA	1:A:85:ASN:C	1:A:86:ASN:N	17	13.9
(1,181)	1:A:104:LYS:N	1:A:104:LYS:CA	1:A:104:LYS:C	1:A:105:ASP:N	4	13.7
(1,143)	1:A:85:ASN:N	1:A:85:ASN:CA	1:A:85:ASN:C	1:A:86:ASN:N	1	13.7
(1,113)	1:A:69:ASP:N	1:A:69:ASP:CA	1:A:69:ASP:C	1:A:70:GLN:N	19	13.6
(1,206)	1:A:119:ASP:N	1:A:119:ASP:CA	1:A:119:ASP:C	1:A:120:LEU:N	9	13.4
(1,101)	1:A:63:GLU:N	1:A:63:GLU:CA	1:A:63:GLU:C	1:A:64:TYR:N	2	13.2
(1,141)	1:A:84:ILE:N	1:A:84:ILE:CA	1:A:84:ILE:C	1:A:85:ASN:N	11	13.1
(1,181)	1:A:104:LYS:N	1:A:104:LYS:CA	1:A:104:LYS:C	1:A:105:ASP:N	17	13.0
(1,181)	1:A:104:LYS:N	1:A:104:LYS:CA	1:A:104:LYS:C	1:A:105:ASP:N	11	12.4
(1,204)	1:A:118:CYS:N	1:A:118:CYS:CA	1:A:118:CYS:C	1:A:119:ASP:N	4	12.0
(1,253)	1:A:146:ALA:N	1:A:146:ALA:CA	1:A:146:ALA:C	1:A:147:LYS:N	7	11.9
(1,206)	1:A:119:ASP:N	1:A:119:ASP:CA	1:A:119:ASP:C	1:A:120:LEU:N	3	11.7
(1,218)	1:A:127:SER:N	1:A:127:SER:CA	1:A:127:SER:C	1:A:128:ARG:N	3	11.6
(1,44)	1:A:25:GLN:N	1:A:25:GLN:CA	1:A:25:GLN:C	1:A:26:ASN:N	9	11.4
(1,204)	1:A:118:CYS:N	1:A:118:CYS:CA	1:A:118:CYS:C	1:A:119:ASP:N	5	11.3
(1,204)	1:A:118:CYS:N	1:A:118:CYS:CA	1:A:118:CYS:C	1:A:119:ASP:N	3	10.9
(1,181)	1:A:104:LYS:N	1:A:104:LYS:CA	1:A:104:LYS:C	1:A:105:ASP:N	19	10.9
(1,44)	1:A:25:GLN:N	1:A:25:GLN:CA	1:A:25:GLN:C	1:A:26:ASN:N	4	10.5

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Atom-3	Atom-4	Model ID	Violation (°)
(1,204)	1:A:118:CYS:N	1:A:118:CYS:CA	1:A:118:CYS:C	1:A:119:ASP:N	6	10.3
(1,101)	1:A:63:GLU:N	1:A:63:GLU:CA	1:A:63:GLU:C	1:A:64:TYR:N	7	10.2
(1,257)	1:A:148:THR:N	1:A:148:THR:CA	1:A:148:THR:C	1:A:149:ARG:N	20	9.8
(1,181)	1:A:104:LYS:N	1:A:104:LYS:CA	1:A:104:LYS:C	1:A:105:ASP:N	3	9.8
(1,181)	1:A:104:LYS:N	1:A:104:LYS:CA	1:A:104:LYS:C	1:A:105:ASP:N	9	9.8
(1,206)	1:A:119:ASP:N	1:A:119:ASP:CA	1:A:119:ASP:C	1:A:120:LEU:N	4	9.7
(1,206)	1:A:119:ASP:N	1:A:119:ASP:CA	1:A:119:ASP:C	1:A:120:LEU:N	15	9.6
(1,218)	1:A:127:SER:N	1:A:127:SER:CA	1:A:127:SER:C	1:A:128:ARG:N	1	9.5
(1,206)	1:A:119:ASP:N	1:A:119:ASP:CA	1:A:119:ASP:C	1:A:120:LEU:N	20	9.4
(1,206)	1:A:119:ASP:N	1:A:119:ASP:CA	1:A:119:ASP:C	1:A:120:LEU:N	8	9.3
(1,238)	1:A:137:TYR:N	1:A:137:TYR:CA	1:A:137:TYR:C	1:A:138:GLY:N	20	8.8
(1,206)	1:A:119:ASP:N	1:A:119:ASP:CA	1:A:119:ASP:C	1:A:120:LEU:N	2	8.8
(1,238)	1:A:137:TYR:N	1:A:137:TYR:CA	1:A:137:TYR:C	1:A:138:GLY:N	2	8.6
(1,181)	1:A:104:LYS:N	1:A:104:LYS:CA	1:A:104:LYS:C	1:A:105:ASP:N	5	8.4
(1,44)	1:A:25:GLN:N	1:A:25:GLN:CA	1:A:25:GLN:C	1:A:26:ASN:N	20	8.2
(1,99)	1:A:62:GLU:N	1:A:62:GLU:CA	1:A:62:GLU:C	1:A:63:GLU:N	10	8.1
(1,44)	1:A:25:GLN:N	1:A:25:GLN:CA	1:A:25:GLN:C	1:A:26:ASN:N	13	8.1
(1,206)	1:A:119:ASP:N	1:A:119:ASP:CA	1:A:119:ASP:C	1:A:120:LEU:N	1	8.0
(1,204)	1:A:118:CYS:N	1:A:118:CYS:CA	1:A:118:CYS:C	1:A:119:ASP:N	10	7.5
(1,238)	1:A:137:TYR:N	1:A:137:TYR:CA	1:A:137:TYR:C	1:A:138:GLY:N	4	7.1
(1,181)	1:A:104:LYS:N	1:A:104:LYS:CA	1:A:104:LYS:C	1:A:105:ASP:N	12	6.9
(1,204)	1:A:118:CYS:N	1:A:118:CYS:CA	1:A:118:CYS:C	1:A:119:ASP:N	13	6.7
(1,238)	1:A:137:TYR:N	1:A:137:TYR:CA	1:A:137:TYR:C	1:A:138:GLY:N	13	6.6
(1,206)	1:A:119:ASP:N	1:A:119:ASP:CA	1:A:119:ASP:C	1:A:120:LEU:N	13	6.5
(1,181)	1:A:104:LYS:N	1:A:104:LYS:CA	1:A:104:LYS:C	1:A:105:ASP:N	7	6.1
(1,204)	1:A:118:CYS:N	1:A:118:CYS:CA	1:A:118:CYS:C	1:A:119:ASP:N	17	5.9
(1,204)	1:A:118:CYS:N	1:A:118:CYS:CA	1:A:118:CYS:C	1:A:119:ASP:N	16	5.8
(1,204)	1:A:118:CYS:N	1:A:118:CYS:CA	1:A:118:CYS:C	1:A:119:ASP:N	19	5.8
(1,238)	1:A:137:TYR:N	1:A:137:TYR:CA	1:A:137:TYR:C	1:A:138:GLY:N	1	4.6
(1,238)	1:A:137:TYR:N	1:A:137:TYR:CA	1:A:137:TYR:C	1:A:138:GLY:N	15	4.6
(1,206)	1:A:119:ASP:N	1:A:119:ASP:CA	1:A:119:ASP:C	1:A:120:LEU:N	19	4.6
(1,181)	1:A:104:LYS:N	1:A:104:LYS:CA	1:A:104:LYS:C	1:A:105:ASP:N	6	4.6
(1,75)	1:A:48:GLY:N	1:A:48:GLY:CA	1:A:48:GLY:C	1:A:49:GLU:N	1	4.5
(1,204)	1:A:118:CYS:N	1:A:118:CYS:CA	1:A:118:CYS:C	1:A:119:ASP:N	7	4.5
(1,238)	1:A:137:TYR:N	1:A:137:TYR:CA	1:A:137:TYR:C	1:A:138:GLY:N	8	4.2
(1,206)	1:A:119:ASP:N	1:A:119:ASP:CA	1:A:119:ASP:C	1:A:120:LEU:N	14	4.2
(1,44)	1:A:25:GLN:N	1:A:25:GLN:CA	1:A:25:GLN:C	1:A:26:ASN:N	5	4.1
(1,44)	1:A:25:GLN:N	1:A:25:GLN:CA	1:A:25:GLN:C	1:A:26:ASN:N	12	4.1
(1,101)	1:A:63:GLU:N	1:A:63:GLU:CA	1:A:63:GLU:C	1:A:64:TYR:N	3	4.1
(1,75)	1:A:48:GLY:N	1:A:48:GLY:CA	1:A:48:GLY:C	1:A:49:GLU:N	15	3.9
(1,204)	1:A:118:CYS:N	1:A:118:CYS:CA	1:A:118:CYS:C	1:A:119:ASP:N	1	3.9
(1,101)	1:A:63:GLU:N	1:A:63:GLU:CA	1:A:63:GLU:C	1:A:64:TYR:N	19	3.9
(1,75)	1:A:48:GLY:N	1:A:48:GLY:CA	1:A:48:GLY:C	1:A:49:GLU:N	7	3.8
(1,238)	1:A:137:TYR:N	1:A:137:TYR:CA	1:A:137:TYR:C	1:A:138:GLY:N	12	3.8
(1,238)	1:A:137:TYR:N	1:A:137:TYR:CA	1:A:137:TYR:C	1:A:138:GLY:N	18	3.8
(1,204)	1:A:118:CYS:N	1:A:118:CYS:CA	1:A:118:CYS:C	1:A:119:ASP:N	15	3.8
(1,75)	1:A:48:GLY:N	1:A:48:GLY:CA	1:A:48:GLY:C	1:A:49:GLU:N	4	3.7
(1,206)	1:A:119:ASP:N	1:A:119:ASP:CA	1:A:119:ASP:C	1:A:120:LEU:N	5	3.6
(1,44)	1:A:25:GLN:N	1:A:25:GLN:CA	1:A:25:GLN:C	1:A:26:ASN:N	6	3.4
(1,238)	1:A:137:TYR:N	1:A:137:TYR:CA	1:A:137:TYR:C	1:A:138:GLY:N	19	3.4
(1,206)	1:A:119:ASP:N	1:A:119:ASP:CA	1:A:119:ASP:C	1:A:120:LEU:N	12	3.3

Continued on next page...

*Continued from previous page...*

Key	Atom-1	Atom-2	Atom-3	Atom-4	Model ID	Violation (°)
(1,181)	1:A:104:LYS:N	1:A:104:LYS:CA	1:A:104:LYS:C	1:A:105:ASP:N	20	3.2
(1,206)	1:A:119:ASP:N	1:A:119:ASP:CA	1:A:119:ASP:C	1:A:120:LEU:N	6	3.1
(1,75)	1:A:48:GLY:N	1:A:48:GLY:CA	1:A:48:GLY:C	1:A:49:GLU:N	3	3.0
(1,75)	1:A:48:GLY:N	1:A:48:GLY:CA	1:A:48:GLY:C	1:A:49:GLU:N	18	3.0
(1,238)	1:A:137:TYR:N	1:A:137:TYR:CA	1:A:137:TYR:C	1:A:138:GLY:N	6	3.0
(1,75)	1:A:48:GLY:N	1:A:48:GLY:CA	1:A:48:GLY:C	1:A:49:GLU:N	2	2.8
(1,75)	1:A:48:GLY:N	1:A:48:GLY:CA	1:A:48:GLY:C	1:A:49:GLU:N	5	2.6
(1,75)	1:A:48:GLY:N	1:A:48:GLY:CA	1:A:48:GLY:C	1:A:49:GLU:N	11	2.6
(1,206)	1:A:119:ASP:N	1:A:119:ASP:CA	1:A:119:ASP:C	1:A:120:LEU:N	7	2.0
(1,238)	1:A:137:TYR:N	1:A:137:TYR:CA	1:A:137:TYR:C	1:A:138:GLY:N	16	1.9
(1,181)	1:A:104:LYS:N	1:A:104:LYS:CA	1:A:104:LYS:C	1:A:105:ASP:N	13	1.9
(1,181)	1:A:104:LYS:N	1:A:104:LYS:CA	1:A:104:LYS:C	1:A:105:ASP:N	8	1.8
(1,206)	1:A:119:ASP:N	1:A:119:ASP:CA	1:A:119:ASP:C	1:A:120:LEU:N	17	1.7
(1,75)	1:A:48:GLY:N	1:A:48:GLY:CA	1:A:48:GLY:C	1:A:49:GLU:N	9	1.6
(1,44)	1:A:25:GLN:N	1:A:25:GLN:CA	1:A:25:GLN:C	1:A:26:ASN:N	7	1.4