



Full wwPDB NMR Structure Validation Report i

Jun 5, 2023 – 03:39 AM EDT

PDB ID : 2LXX
BMRB ID : 18701
Title : Solution structure of cofilin like UNC-60B protein from *Caenorhabditis elegans*
Authors : Shukla, V.; Yadav, R.; Kabra, A.; Jain, A.; Kumar, D.; Ono, S.; Arora, A.
Deposited on : 2012-09-04

This is a Full wwPDB NMR Structure Validation Report for a publicly released PDB entry.

We welcome your comments at validation@mail.wwpdb.org
A user guide is available at
<https://www.wwpdb.org/validation/2017/NMRValidationReportHelp>
with specific help available everywhere you see the i symbol.

The types of validation reports are described at
<http://www.wwpdb.org/validation/2017/FAQs#types>.

The following versions of software and data (see [references](#) ①) were used in the production of this report:

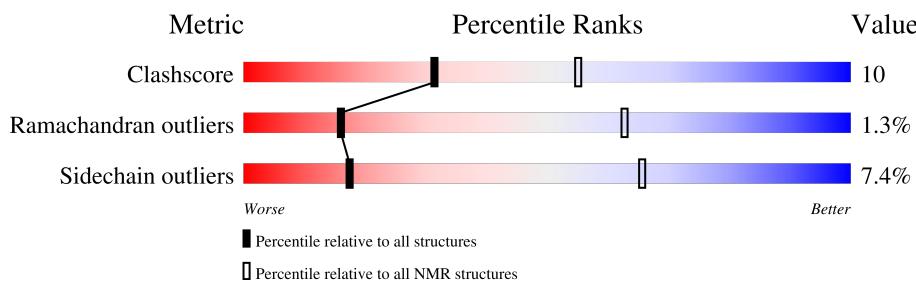
MolProbitiy : 4.02b-467
Percentile statistics : 20191225.v01 (using entries in the PDB archive December 25th 2019)
wwPDB-RCI : v_1n_11_5_13_A (Berjanski et al., 2005)
PANAV : Wang et al. (2010)
wwPDB-ShiftChecker : v1.2
BMRB Restraints Analysis : v1.2
Ideal geometry (proteins) : Engh & Huber (2001)
Ideal geometry (DNA, RNA) : Parkinson et al. (1996)
Validation Pipeline (wwPDB-VP) : 2.33

1 Overall quality at a glance

The following experimental techniques were used to determine the structure:
SOLUTION NMR

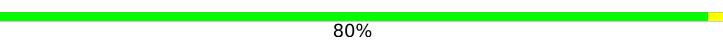
The overall completeness of chemical shifts assignment is 87%.

Percentile scores (ranging between 0-100) for global validation metrics of the entry are shown in the following graphic. The table shows the number of entries on which the scores are based.



Metric	Whole archive (#Entries)	NMR archive (#Entries)
Clashscore	158937	12864
Ramachandran outliers	154571	11451
Sidechain outliers	154315	11428

The table below summarises the geometric issues observed across the polymeric chains and their fit to the experimental data. The red, orange, yellow and green segments indicate the fraction of residues that contain outliers for ≥ 3 , 2, 1 and 0 types of geometric quality criteria. A cyan segment indicates the fraction of residues that are not part of the well-defined cores, and a grey segment represents the fraction of residues that are not modelled. The numeric value for each fraction is indicated below the corresponding segment, with a dot representing fractions $\leq 5\%$

Mol	Chain	Length	Quality of chain		
1	A	152		80%	19% 

2 Ensemble composition and analysis i

This entry contains 10 models. Model 3 is the overall representative, medoid model (most similar to other models). The authors have identified model 1 as representative, based on the following criterion: *lowest energy*.

The following residues are included in the computation of the global validation metrics.

Well-defined (core) protein residues			
Well-defined core	Residue range (total)	Backbone RMSD (Å)	Medoid model
1	A:1-A:152 (152)	1.10	3

Ill-defined regions of proteins are excluded from the global statistics.

Ligands and non-protein polymers are included in the analysis.

The models can be grouped into 1 clusters. No single-model clusters were found.

Cluster number	Models
1	1, 2, 3, 4, 5, 6, 7, 8, 9, 10

3 Entry composition [\(i\)](#)

There is only 1 type of molecule in this entry. The entry contains 2396 atoms, of which 1203 are hydrogens and 0 are deuteriums.

- Molecule 1 is a protein called Actin-depolymerizing factor 2, isoform c.

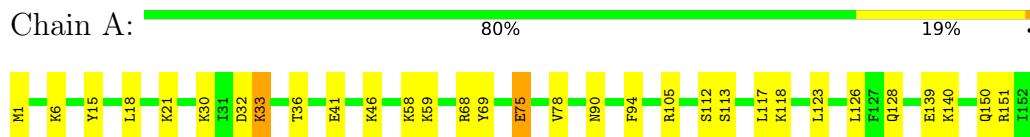
Mol	Chain	Residues	Atoms						Trace
			Total	C	H	N	O	S	
1	A	152	2396	744	1203	207	234	8	0

4 Residue-property plots

4.1 Average score per residue in the NMR ensemble

These plots are provided for all protein, RNA, DNA and oligosaccharide chains in the entry. The first graphic is the same as shown in the summary in section 1 of this report. The second graphic shows the sequence where residues are colour-coded according to the number of geometric quality criteria for which they contain at least one outlier: green = 0, yellow = 1, orange = 2 and red = 3 or more. Stretches of 2 or more consecutive residues without any outliers are shown as green connectors. Residues which are classified as ill-defined in the NMR ensemble, are shown in cyan with an underline colour-coded according to the previous scheme. Residues which were present in the experimental sample, but not modelled in the final structure are shown in grey.

- Molecule 1: Actin-depolymerizing factor 2, isoform c

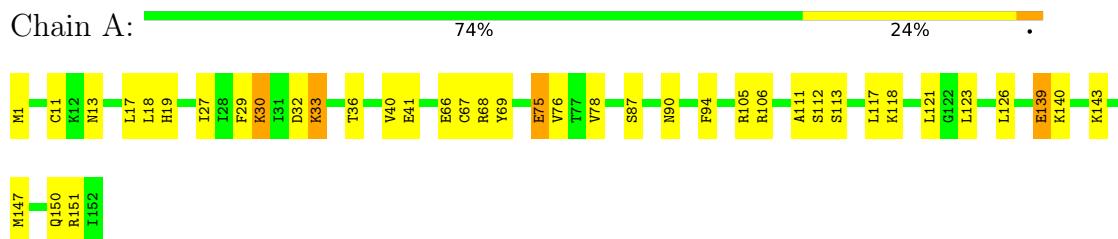


4.2 Scores per residue for each member of the ensemble

Colouring as in section 4.1 above.

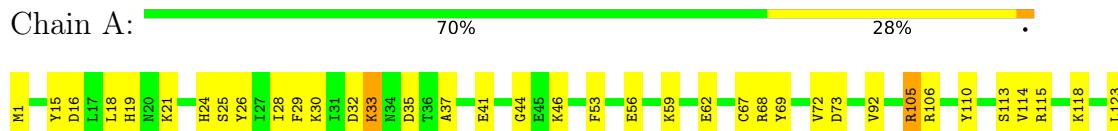
4.2.1 Score per residue for model 1

- Molecule 1: Actin-depolymerizing factor 2, isoform c



4.2.2 Score per residue for model 2

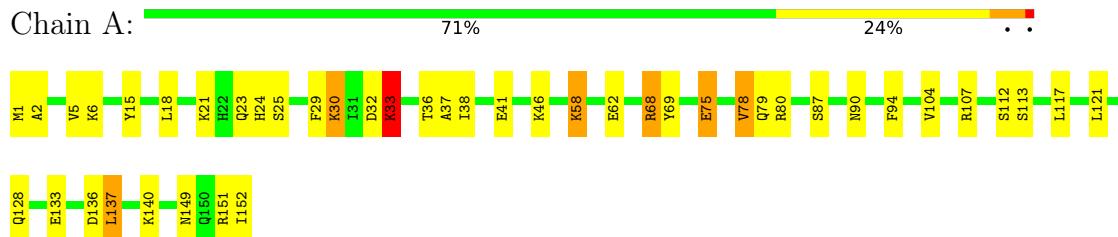
- Molecule 1: Actin-depolymerizing factor 2, isoform c





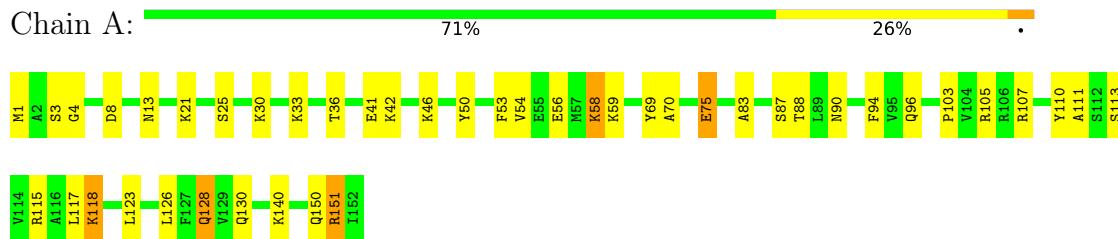
4.2.3 Score per residue for model 3 (medoid)

- Molecule 1: Actin-depolymerizing factor 2, isoform c



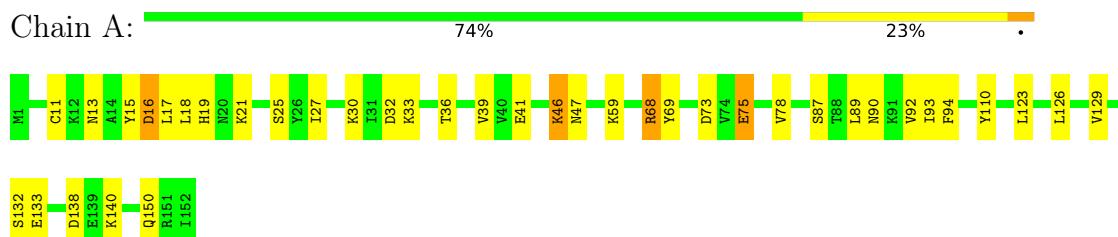
4.2.4 Score per residue for model 4

- Molecule 1: Actin-depolymerizing factor 2, isoform c



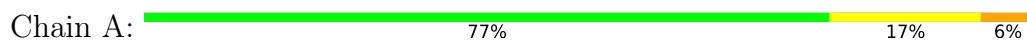
4.2.5 Score per residue for model 5

- Molecule 1: Actin-depolymerizing factor 2, isoform c



4.2.6 Score per residue for model 6

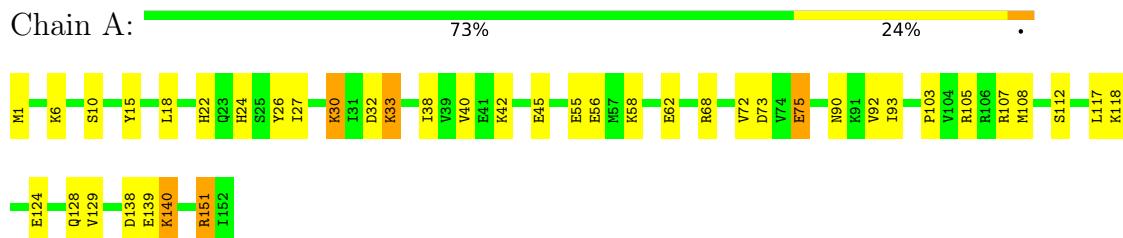
- Molecule 1: Actin-depolymerizing factor 2, isoform c





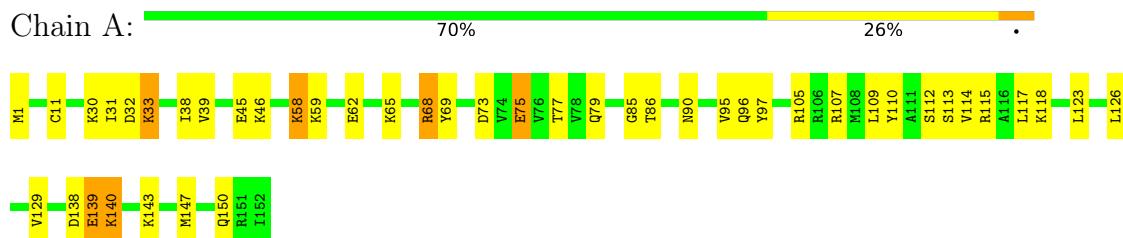
4.2.7 Score per residue for model 7

- Molecule 1: Actin-depolymerizing factor 2, isoform c



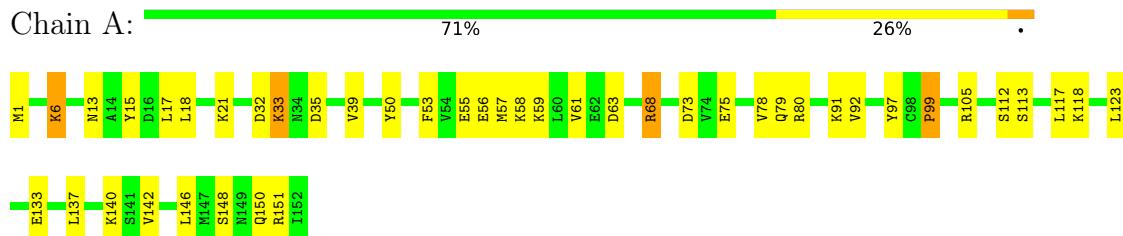
4.2.8 Score per residue for model 8

- Molecule 1: Actin-depolymerizing factor 2, isoform c



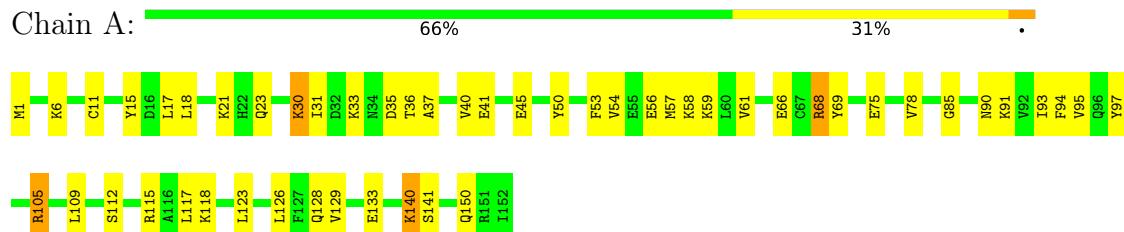
4.2.9 Score per residue for model 9

- Molecule 1: Actin-depolymerizing factor 2, isoform c



4.2.10 Score per residue for model 10

- Molecule 1: Actin-depolymerizing factor 2, isoform c



5 Refinement protocol and experimental data overview i

The models were refined using the following method: *Water refinement*.

Of the 200 calculated structures, 10 were deposited, based on the following criterion: *structures with the lowest energy*.

The following table shows the software used for structure solution, optimisation and refinement.

Software name	Classification	Version
CYANA	structure calculation	3.0
CNS	refinement	

The following table shows chemical shift validation statistics as aggregates over all chemical shift files. Detailed validation can be found in section [7](#) of this report.

Chemical shift file(s)	working_cs.cif
Number of chemical shift lists	1
Total number of shifts	1795
Number of shifts mapped to atoms	1795
Number of unparsed shifts	0
Number of shifts with mapping errors	0
Number of shifts with mapping warnings	0
Assignment completeness (well-defined parts)	87%

6 Model quality [\(i\)](#)

6.1 Standard geometry [\(i\)](#)

There are no covalent bond-length or bond-angle outliers.

There are no bond-length outliers.

There are no bond-angle outliers.

There are no chirality outliers.

There are no planarity outliers.

6.2 Too-close contacts [\(i\)](#)

In the following table, the Non-H and H(model) columns list the number of non-hydrogen atoms and hydrogen atoms in each chain respectively. The H(added) column lists the number of hydrogen atoms added and optimized by MolProbity. The Clashes column lists the number of clashes averaged over the ensemble.

Mol	Chain	Non-H	H(model)	H(added)	Clashes
1	A	1193	1203	1200	23±4
All	All	11930	12030	12000	229

The all-atom clashscore is defined as the number of clashes found per 1000 atoms (including hydrogen atoms). The all-atom clashscore for this structure is 10.

All unique clashes are listed below, sorted by their clash magnitude.

Atom-1	Atom-2	Clash(Å)	Distance(Å)	Models	
				Worst	Total
1:A:1:MET:HA	1:A:112:SER:HA	0.94	1.36	10	5
1:A:25:SER:HB2	1:A:46:LYS:HA	0.85	1.49	3	3
1:A:56:GLU:HA	1:A:59:LYS:HE2	0.78	1.52	10	4
1:A:30:LYS:HD3	1:A:32:ASP:HB2	0.76	1.58	2	1
1:A:33:LYS:HE2	1:A:35:ASP:HB3	0.73	1.57	2	1
1:A:30:LYS:HB3	1:A:68:ARG:HD2	0.72	1.61	3	2
1:A:30:LYS:HB2	1:A:41:GLU:HB2	0.71	1.61	4	1
1:A:32:ASP:O	1:A:33:LYS:HG2	0.67	1.89	3	5
1:A:96:GLN:HE22	1:A:114:VAL:HG22	0.67	1.49	8	1
1:A:33:LYS:HD3	1:A:37:ALA:HB3	0.67	1.66	3	2
1:A:61:VAL:HG22	1:A:68:ARG:HH21	0.66	1.50	10	1
1:A:16:ASP:HA	1:A:19:HIS:HB3	0.66	1.68	2	2
1:A:75:GLU:HB3	1:A:90:ASN:HB3	0.65	1.67	3	2
1:A:1:MET:HB3	1:A:115:ARG:HB2	0.65	1.68	2	1

Continued on next page...

Continued from previous page...

Atom-1	Atom-2	Clash(Å)	Distance(Å)	Models	
				Worst	Total
1:A:73:ASP:HB2	1:A:92:VAL:HB	0.65	1.69	9	2
1:A:137:LEU:H	1:A:137:LEU:HD13	0.63	1.52	3	1
1:A:30:LYS:HG2	1:A:41:GLU:HB2	0.63	1.71	2	1
1:A:18:LEU:HB3	1:A:24:HIS:HB2	0.63	1.70	7	3
1:A:75:GLU:HA	1:A:90:ASN:HA	0.62	1.70	4	6
1:A:21:LYS:HE2	1:A:21:LYS:HA	0.61	1.70	4	1
1:A:80:ARG:HH22	1:A:148:SER:HA	0.60	1.56	9	1
1:A:42:LYS:HE2	1:A:56:GLU:HG3	0.60	1.73	7	1
1:A:118:LYS:HA	1:A:123:LEU:HD12	0.59	1.74	9	2
1:A:105:ARG:HD2	1:A:105:ARG:H	0.59	1.57	10	3
1:A:78:VAL:HG23	1:A:87:SER:HB3	0.59	1.74	1	1
1:A:38:ILE:HD13	1:A:117:LEU:HD23	0.59	1.74	7	1
1:A:91:LYS:HG3	1:A:150:GLN:HG2	0.58	1.75	9	2
1:A:126:LEU:HD21	1:A:150:GLN:HA	0.58	1.75	10	1
1:A:123:LEU:HA	1:A:126:LEU:HD23	0.58	1.74	8	5
1:A:25:SER:OG	1:A:46:LYS:HA	0.57	1.99	4	2
1:A:15:TYR:O	1:A:18:LEU:HG	0.57	1.99	9	6
1:A:103:PRO:O	1:A:107:ARG:HG3	0.57	2.00	7	2
1:A:29:PHE:HB2	1:A:69:TYR:HB2	0.57	1.76	3	3
1:A:17:LEU:O	1:A:21:LYS:HB2	0.57	1.99	9	1
1:A:95:VAL:HA	1:A:129:VAL:O	0.57	2.00	10	2
1:A:80:ARG:NH2	1:A:148:SER:HA	0.57	2.13	9	1
1:A:69:TYR:HB2	1:A:94:PHE:CZ	0.57	2.35	5	1
1:A:27:ILE:HD11	1:A:40:VAL:HG22	0.56	1.77	1	2
1:A:67:CYS:SG	1:A:106:ARG:HD3	0.56	2.41	1	2
1:A:83:ALA:HB3	1:A:87:SER:HB2	0.56	1.75	4	1
1:A:6:LYS:O	1:A:37:ALA:HA	0.56	2.01	10	2
1:A:5:VAL:HG13	1:A:36:THR:HB	0.56	1.76	6	1
1:A:79:GLN:O	1:A:80:ARG:HD2	0.55	2.01	3	1
1:A:77:THR:OG1	1:A:86:THR:HB	0.55	2.01	8	1
1:A:18:LEU:O	1:A:22:HIS:HA	0.55	2.01	6	2
1:A:38:ILE:HD13	1:A:117:LEU:HB3	0.55	1.77	3	1
1:A:6:LYS:N	1:A:6:LYS:HD2	0.55	2.17	9	1
1:A:69:TYR:HB3	1:A:94:PHE:CZ	0.54	2.37	10	2
1:A:141:SER:O	1:A:145:ASP:HB2	0.54	2.03	2	1
1:A:151:ARG:O	1:A:151:ARG:HD3	0.54	2.01	7	2
1:A:11:CYS:SG	1:A:39:VAL:HA	0.54	2.43	5	2
1:A:33:LYS:HG3	1:A:35:ASP:H	0.54	1.62	6	2
1:A:31:ILE:HD13	1:A:109:LEU:HB3	0.54	1.79	10	2
1:A:1:MET:HA	1:A:111:ALA:O	0.53	2.04	1	1
1:A:151:ARG:HD3	1:A:151:ARG:O	0.52	2.04	6	1

Continued on next page...

Continued from previous page...

Atom-1	Atom-2	Clash(Å)	Distance(Å)	Models	
				Worst	Total
1:A:93:ILE:HD11	1:A:129:VAL:HG23	0.52	1.81	5	2
1:A:17:LEU:O	1:A:21:LYS:HB3	0.52	2.05	10	1
1:A:73:ASP:HA	1:A:92:VAL:HA	0.52	1.80	5	2
1:A:11:CYS:HB2	1:A:29:PHE:HE1	0.52	1.65	1	1
1:A:68:ARG:HA	1:A:68:ARG:HE	0.51	1.66	5	1
1:A:107:ARG:HA	1:A:110:TYR:HB3	0.51	1.81	4	1
1:A:94:PHE:O	1:A:128:GLN:HA	0.51	2.06	4	1
1:A:75:GLU:HB3	1:A:90:ASN:CG	0.50	2.26	7	1
1:A:69:TYR:HB3	1:A:96:GLN:HA	0.50	1.82	8	1
1:A:1:MET:HG2	1:A:111:ALA:HB1	0.50	1.81	6	2
1:A:66:GLU:HB3	1:A:68:ARG:NH1	0.50	2.21	1	1
1:A:13:ASN:O	1:A:17:LEU:HG	0.50	2.07	5	2
1:A:30:LYS:HG3	1:A:41:GLU:HB2	0.49	1.83	10	2
1:A:117:LEU:HD12	1:A:118:LYS:N	0.49	2.23	7	5
1:A:113:SER:O	1:A:117:LEU:HG	0.49	2.08	4	5
1:A:104:VAL:HA	1:A:107:ARG:HG2	0.48	1.85	3	1
1:A:140:LYS:HD2	1:A:141:SER:N	0.48	2.24	10	1
1:A:76:VAL:HB	1:A:150:GLN:OE1	0.48	2.09	1	1
1:A:133:GLU:HB3	1:A:136:ASP:HB2	0.48	1.85	3	1
1:A:46:LYS:H	1:A:46:LYS:HD3	0.48	1.69	6	1
1:A:68:ARG:N	1:A:68:ARG:HD3	0.48	2.24	9	1
1:A:118:LYS:NZ	1:A:124:GLU:HA	0.48	2.24	7	1
1:A:93:ILE:HB	1:A:126:LEU:HD13	0.47	1.86	10	1
1:A:25:SER:CB	1:A:46:LYS:HA	0.47	2.38	2	1
1:A:53:PHE:HZ	1:A:70:ALA:HB1	0.47	1.69	4	1
1:A:30:LYS:HD2	1:A:41:GLU:HB2	0.47	1.86	3	1
1:A:58:LYS:O	1:A:62:GLU:HG3	0.47	2.10	7	2
1:A:5:VAL:HG21	1:A:113:SER:HB2	0.47	1.87	3	1
1:A:117:LEU:O	1:A:121:LEU:HB2	0.47	2.09	3	1
1:A:41:GLU:O	1:A:42:LYS:HD2	0.47	2.10	4	1
1:A:28:ILE:HG23	1:A:68:ARG:HB3	0.47	1.86	2	1
1:A:1:MET:CA	1:A:112:SER:HA	0.47	2.24	10	3
1:A:25:SER:O	1:A:72:VAL:HA	0.47	2.10	2	1
1:A:28:ILE:CG2	1:A:68:ARG:HB3	0.47	2.40	2	1
1:A:94:PHE:HB3	1:A:128:GLN:HG2	0.46	1.86	6	1
1:A:57:MET:O	1:A:61:VAL:HG23	0.46	2.11	9	2
1:A:78:VAL:O	1:A:87:SER:HB2	0.46	2.10	5	1
1:A:50:TYR:O	1:A:54:VAL:HG23	0.46	2.11	10	2
1:A:55:GLU:HA	1:A:58:LYS:HB3	0.46	1.88	7	2
1:A:44:GLY:HA3	1:A:53:PHE:HE1	0.46	1.71	2	1
1:A:107:ARG:HA	1:A:110:TYR:CE2	0.45	2.46	8	1

Continued on next page...

Continued from previous page...

Atom-1	Atom-2	Clash(Å)	Distance(Å)	Models	
				Worst	Total
1:A:139:GLU:O	1:A:143:LYS:HB3	0.45	2.11	8	1
1:A:142:VAL:HG12	1:A:146:LEU:HD23	0.45	1.87	9	1
1:A:105:ARG:HD2	1:A:105:ARG:N	0.45	2.26	1	2
1:A:78:VAL:HG12	1:A:79:GLN:H	0.45	1.70	9	1
1:A:21:LYS:O	1:A:21:LYS:HD3	0.45	2.12	5	1
1:A:138:ASP:HB3	1:A:140:LYS:CD	0.45	2.40	8	1
1:A:152:ILE:HD12	1:A:152:ILE:OXT	0.45	2.11	3	1
1:A:11:CYS:HB2	1:A:29:PHE:CE1	0.45	2.47	6	1
1:A:50:TYR:HA	1:A:53:PHE:HB3	0.44	1.88	9	2
1:A:33:LYS:HG3	1:A:35:ASP:O	0.44	2.12	9	1
1:A:137:LEU:O	1:A:137:LEU:HD13	0.44	2.13	9	1
1:A:134:MET:O	1:A:137:LEU:HG	0.43	2.13	6	1
1:A:26:TYR:HB3	1:A:72:VAL:HG23	0.43	1.90	7	1
1:A:105:ARG:O	1:A:109:LEU:HG	0.43	2.13	8	1
1:A:44:GLY:HA3	1:A:53:PHE:CE1	0.43	2.48	2	1
1:A:30:LYS:HE3	1:A:41:GLU:OE2	0.43	2.13	2	1
1:A:21:LYS:HD3	1:A:21:LYS:O	0.43	2.13	2	1
1:A:45:GLU:OE1	1:A:46:LYS:HG2	0.43	2.14	8	1
1:A:97:TYR:CE2	1:A:99:PRO:HG3	0.43	2.48	9	1
1:A:1:MET:C	1:A:112:SER:HA	0.43	2.33	1	1
1:A:59:LYS:HA	1:A:62:GLU:OE2	0.43	2.14	2	1
1:A:147:MET:HA	1:A:150:GLN:OE1	0.43	2.13	1	2
1:A:32:ASP:O	1:A:33:LYS:HB3	0.43	2.13	2	1
1:A:69:TYR:OH	1:A:113:SER:HB3	0.43	2.13	3	2
1:A:75:GLU:HB2	1:A:88:THR:HG22	0.43	1.90	4	1
1:A:79:GLN:HA	1:A:85:GLY:O	0.43	2.14	8	1
1:A:149:ASN:HA	1:A:152:ILE:CG1	0.42	2.44	3	1
1:A:138:ASP:HB3	1:A:140:LYS:CE	0.42	2.44	7	1
1:A:68:ARG:HD2	1:A:97:TYR:HB2	0.42	1.90	10	1
1:A:18:LEU:HD12	1:A:19:HIS:N	0.42	2.29	1	1
1:A:78:VAL:O	1:A:87:SER:N	0.42	2.52	3	1
1:A:146:LEU:O	1:A:150:GLN:HG3	0.42	2.14	2	1
1:A:89:LEU:HB2	1:A:150:GLN:NE2	0.42	2.29	5	1
1:A:110:TYR:O	1:A:114:VAL:HG23	0.42	2.12	2	1
1:A:21:LYS:CG	1:A:23:GLN:HG3	0.42	2.45	10	1
1:A:94:PHE:HD2	1:A:128:GLN:HG3	0.42	1.74	3	1
1:A:105:ARG:HD3	1:A:105:ARG:H	0.42	1.74	2	1
1:A:26:TYR:HD1	1:A:72:VAL:HB	0.42	1.73	2	1
1:A:139:GLU:HB2	1:A:143:LYS:HB2	0.42	1.91	1	1
1:A:117:LEU:HA	1:A:121:LEU:HD13	0.41	1.90	1	1
1:A:11:CYS:HA	1:A:40:VAL:HG23	0.41	1.92	10	1

Continued on next page...

Continued from previous page...

Atom-1	Atom-2	Clash(Å)	Distance(Å)	Models	
				Worst	Total
1:A:139:GLU:HB2	1:A:143:LYS:CB	0.41	2.45	6	1
1:A:105:ARG:O	1:A:108:MET:HG2	0.41	2.14	7	1
1:A:32:ASP:HB3	1:A:39:VAL:CG1	0.41	2.45	9	1
1:A:41:GLU:C	1:A:42:LYS:HD2	0.41	2.36	4	1
1:A:90:ASN:O	1:A:91:LYS:HD2	0.41	2.15	6	1
1:A:68:ARG:O	1:A:97:TYR:HB2	0.41	2.14	8	1
1:A:114:VAL:O	1:A:118:LYS:HB2	0.41	2.15	2	1
1:A:30:LYS:HD3	1:A:41:GLU:OE2	0.41	2.16	5	1
1:A:69:TYR:CE1	1:A:96:GLN:HB3	0.41	2.50	4	1
1:A:25:SER:HB2	1:A:46:LYS:CA	0.40	2.42	2	1
1:A:54:VAL:O	1:A:58:LYS:HG3	0.40	2.16	4	1
1:A:94:PHE:HE2	1:A:117:LEU:HD13	0.40	1.77	4	1
1:A:58:LYS:HD3	1:A:59:LYS:N	0.40	2.31	8	1
1:A:31:ILE:HD12	1:A:38:ILE:HG13	0.40	1.92	8	1
1:A:91:LYS:HG2	1:A:150:GLN:HG2	0.40	1.94	6	1
1:A:67:CYS:O	1:A:68:ARG:HD2	0.40	2.17	1	1
1:A:21:LYS:HE3	1:A:21:LYS:HA	0.40	1.93	10	1

6.3 Torsion angles (i)

6.3.1 Protein backbone (i)

In the following table, the Percentiles column shows the percent Ramachandran outliers of the chain as a percentile score with respect to all PDB entries followed by that with respect to all NMR entries. The Analysed column shows the number of residues for which the backbone conformation was analysed and the total number of residues.

Mol	Chain	Analysed	Favoured	Allowed	Outliers	Percentiles
1	A	150/152 (99%)	137±3 (91±2%)	11±3 (7±2%)	2±1 (1±1%)	16 63
All	All	1500/1520 (99%)	1369 (91%)	112 (7%)	19 (1%)	16 63

All 7 unique Ramachandran outliers are listed below. They are sorted by the frequency of occurrence in the ensemble.

Mol	Chain	Res	Type	Models (Total)
1	A	33	LYS	8
1	A	36	THR	6
1	A	2	ALA	1
1	A	3	SER	1
1	A	4	GLY	1

Continued on next page...

Continued from previous page...

Mol	Chain	Res	Type	Models (Total)
1	A	150	GLN	1
1	A	85	GLY	1

6.3.2 Protein sidechains [\(i\)](#)

In the following table, the Percentiles column shows the percent sidechain outliers of the chain as a percentile score with respect to all PDB entries followed by that with respect to all NMR entries. The Analysed column shows the number of residues for which the sidechain conformation was analysed and the total number of residues.

Mol	Chain	Analysed	Rotameric	Outliers	Percentiles
1	A	133/133 (100%)	123±2 (93±2%)	10±2 (7±2%)	17 65
All	All	1330/1330 (100%)	1231 (93%)	99 (7%)	17 65

All 42 unique residues with a non-rotameric sidechain are listed below. They are sorted by the frequency of occurrence in the ensemble.

Mol	Chain	Res	Type	Models (Total)
1	A	140	LYS	10
1	A	75	GLU	8
1	A	151	ARG	7
1	A	68	ARG	6
1	A	30	LYS	5
1	A	128	GLN	5
1	A	105	ARG	4
1	A	6	LYS	4
1	A	58	LYS	4
1	A	133	GLU	4
1	A	139	GLU	3
1	A	78	VAL	3
1	A	115	ARG	3
1	A	118	LYS	2
1	A	13	ASN	2
1	A	46	LYS	2
1	A	45	GLU	2
1	A	145	ASP	1
1	A	21	LYS	1
1	A	23	GLN	1
1	A	33	LYS	1
1	A	137	LEU	1
1	A	8	ASP	1

Continued on next page...

Continued from previous page...

Mol	Chain	Res	Type	Models (Total)
1	A	130	GLN	1
1	A	16	ASP	1
1	A	27	ILE	1
1	A	47	ASN	1
1	A	59	LYS	1
1	A	110	TYR	1
1	A	132	SER	1
1	A	138	ASP	1
1	A	52	GLU	1
1	A	69	TYR	1
1	A	90	ASN	1
1	A	94	PHE	1
1	A	10	SER	1
1	A	62	GLU	1
1	A	65	LYS	1
1	A	73	ASP	1
1	A	63	ASP	1
1	A	99	PRO	1
1	A	66	GLU	1

6.3.3 RNA [\(i\)](#)

There are no RNA molecules in this entry.

6.4 Non-standard residues in protein, DNA, RNA chains [\(i\)](#)

There are no non-standard protein/DNA/RNA residues in this entry.

6.5 Carbohydrates [\(i\)](#)

There are no monosaccharides in this entry.

6.6 Ligand geometry [\(i\)](#)

There are no ligands in this entry.

6.7 Other polymers [\(i\)](#)

There are no such molecules in this entry.

6.8 Polymer linkage issues [\(i\)](#)

There are no chain breaks in this entry.

7 Chemical shift validation i

The completeness of assignment taking into account all chemical shift lists is 87% for the well-defined parts and 87% for the entire structure.

7.1 Chemical shift list 1

File name: working_cs.cif

Chemical shift list name: *assigned_chem_shift_list_1*

7.1.1 Bookkeeping i

The following table shows the results of parsing the chemical shift list and reports the number of nuclei with statistically unusual chemical shifts.

Total number of shifts	1795
Number of shifts mapped to atoms	1795
Number of unparsed shifts	0
Number of shifts with mapping errors	0
Number of shifts with mapping warnings	0
Number of shift outliers (ShiftChecker)	3

7.1.2 Chemical shift referencing i

The following table shows the suggested chemical shift referencing corrections.

Nucleus	# values	Correction \pm precision, ppm	Suggested action
$^{13}\text{C}_\alpha$	150	-0.37 \pm 0.08	None needed (< 0.5 ppm)
$^{13}\text{C}_\beta$	144	-0.12 \pm 0.09	None needed (< 0.5 ppm)
$^{13}\text{C}'$	147	0.08 \pm 0.11	None needed (< 0.5 ppm)
^{15}N	144	0.38 \pm 0.30	None needed (< 0.5 ppm)

7.1.3 Completeness of resonance assignments i

The following table shows the completeness of the chemical shift assignments for the well-defined regions of the structure. The overall completeness is 87%, i.e. 1794 atoms were assigned a chemical shift out of a possible 2067. 0 out of 28 assigned methyl groups (LEU and VAL) were assigned stereospecifically.

	Total	^1H	^{13}C	^{15}N
Backbone	739/758 (97%)	298/306 (97%)	297/304 (98%)	144/148 (97%)
Sidechain	971/1191 (82%)	664/771 (86%)	307/371 (83%)	0/49 (0%)

Continued on next page...

Continued from previous page...

	Total	¹ H	¹³ C	¹⁵ N
Aromatic	84/118 (71%)	42/56 (75%)	42/56 (75%)	0/6 (0%)
Overall	1794/2067 (87%)	1004/1133 (89%)	646/731 (88%)	144/203 (71%)

The following table shows the completeness of the chemical shift assignments for the full structure. The overall completeness is 87%, i.e. 1794 atoms were assigned a chemical shift out of a possible 2067. 0 out of 28 assigned methyl groups (LEU and VAL) were assigned stereospecifically.

	Total	¹ H	¹³ C	¹⁵ N
Backbone	739/758 (97%)	298/306 (97%)	297/304 (98%)	144/148 (97%)
Sidechain	971/1191 (82%)	664/771 (86%)	307/371 (83%)	0/49 (0%)
Aromatic	84/118 (71%)	42/56 (75%)	42/56 (75%)	0/6 (0%)
Overall	1794/2067 (87%)	1004/1133 (89%)	646/731 (88%)	144/203 (71%)

7.1.4 Statistically unusual chemical shifts [\(i\)](#)

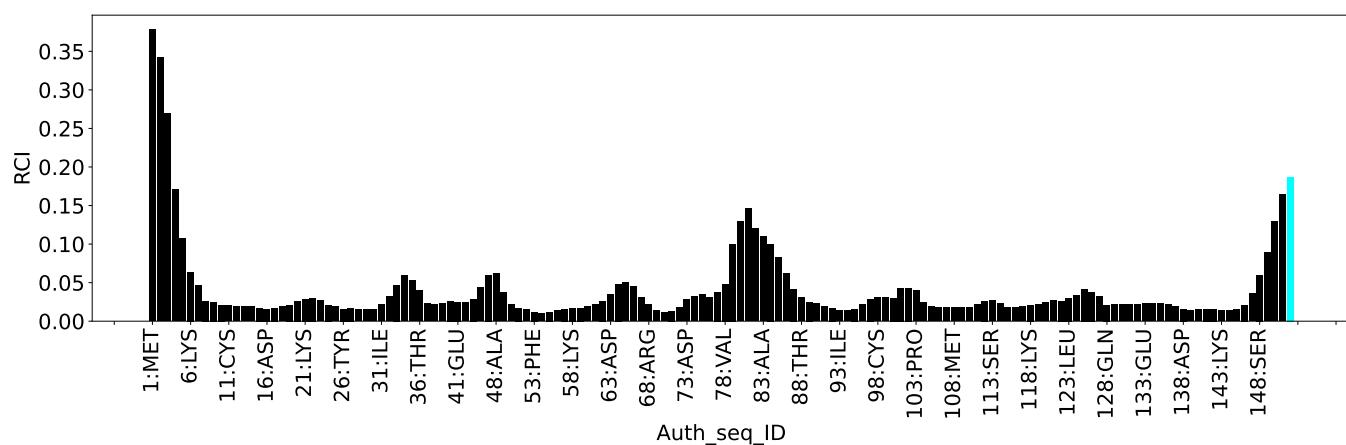
The following table lists the statistically unusual chemical shifts. These are statistical measures, and large deviations from the mean do not necessarily imply incorrect assignments. Molecules containing paramagnetic centres or hemes are expected to give rise to anomalous chemical shifts.

List Id	Chain	Res	Type	Atom	Shift, ppm	Expected range, ppm	Z-score
1	A	28	ILE	CG2	28.79	10.93 – 24.12	8.5
1	A	28	ILE	CG1	17.45	19.24 – 36.26	-6.0
1	A	26	TYR	CD1	125.46	125.84 – 139.60	-5.3

7.1.5 Random Coil Index (RCI) plots [\(i\)](#)

The image below reports *random coil index* values for the protein chains in the structure. The height of each bar gives a probability of a given residue to be disordered, as predicted from the available chemical shifts and the amino acid sequence. A value above 0.2 is an indication of significant predicted disorder. The colour of the bar shows whether the residue is in the well-defined core (black) or in the ill-defined residue ranges (cyan), as described in section 2 on ensemble composition. If well-defined core and ill-defined regions are not identified then it is shown as gray bars.

Random coil index (RCI) for chain A:



8 NMR restraints analysis i

8.1 Conformationally restricting restraints i

The following table provides the summary of experimentally observed NMR restraints in different categories. Restraints are classified into different categories based on the sequence separation of the atoms involved.

Description	Value
Total distance restraints	1909
Intra-residue ($ i-j =0$)	252
Sequential ($ i-j =1$)	546
Medium range ($ i-j >1$ and $ i-j <5$)	551
Long range ($ i-j \geq 5$)	500
Inter-chain	0
Hydrogen bond restraints	60
Disulfide bond restraints	0
Total dihedral-angle restraints	0
Number of unmapped restraints	3
Number of restraints per residue	12.6
Number of long range restraints per residue ¹	3.6

¹Long range hydrogen bonds and disulfide bonds are counted as long range restraints while calculating the number of long range restraints per residue

8.2 Residual restraint violations i

This section provides the overview of the restraint violations analysis. The violations are binned as small, medium and large violations based on its absolute value. Average number of violations per model is calculated by dividing the total number of violations in each bin by the size of the ensemble.

8.2.1 Average number of distance violations per model i

Distance violations less than 0.1 Å are not included in the calculation.

Bins (Å)	Average number of violations per model	Max (Å)
0.1-0.2 (Small)	63.6	0.2
0.2-0.5 (Medium)	127.3	0.5
>0.5 (Large)	142.8	2.93

8.2.2 Average number of dihedral-angle violations per model [\(i\)](#)

Dihedral-angle violations less than 1° are not included in the calculation. There are no dihedral-angle violations

9 Distance violation analysis (i)

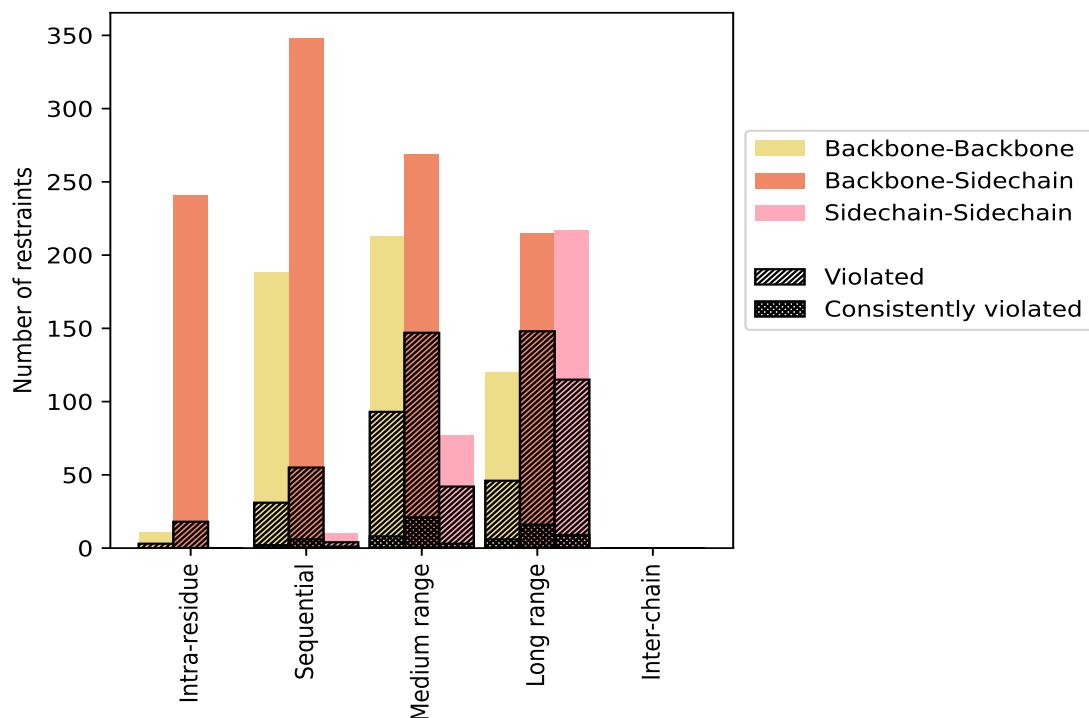
9.1 Summary of distance violations (i)

The following table shows the summary of distance violations in different restraint categories based on the sequence separation of the atoms involved. Each category is further sub-divided into three sub-categories based on the atoms involved. Violations less than 0.1 Å are not included in the statistics.

Restraints type	Count	% ¹	Violated ³			Consistently Violated ⁴		
			Count	% ²	% ¹	Count	% ²	% ¹
Intra-residue ($ i-j =0$)	252	13.2	21	8.3	1.1	0	0.0	0.0
Backbone-Backbone	11	0.6	3	27.3	0.2	0	0.0	0.0
Backbone-Sidechain	241	12.6	18	7.5	0.9	0	0.0	0.0
Sidechain-Sidechain	0	0.0	0	0.0	0.0	0	0.0	0.0
Sequential ($ i-j =1$)	546	28.6	90	16.5	4.7	9	1.6	0.5
Backbone-Backbone	188	9.8	31	16.5	1.6	2	1.1	0.1
Backbone-Sidechain	348	18.2	55	15.8	2.9	6	1.7	0.3
Sidechain-Sidechain	10	0.5	4	40.0	0.2	1	10.0	0.1
Medium range ($ i-j >1 \text{ & } i-j <5$)	551	28.9	278	50.5	14.6	32	5.8	1.7
Backbone-Backbone	205	10.7	89	43.4	4.7	8	3.9	0.4
Backbone-Sidechain	269	14.1	147	54.6	7.7	21	7.8	1.1
Sidechain-Sidechain	77	4.0	42	54.5	2.2	3	3.9	0.2
Long range ($ i-j \geq 5$)	500	26.2	294	58.8	15.4	31	6.2	1.6
Backbone-Backbone	68	3.6	31	45.6	1.6	6	8.8	0.3
Backbone-Sidechain	215	11.3	148	68.8	7.8	16	7.4	0.8
Sidechain-Sidechain	217	11.4	115	53.0	6.0	9	4.1	0.5
Inter-chain	0	0.0	0	0.0	0.0	0	0.0	0.0
Backbone-Backbone	0	0.0	0	0.0	0.0	0	0.0	0.0
Backbone-Sidechain	0	0.0	0	0.0	0.0	0	0.0	0.0
Sidechain-Sidechain	0	0.0	0	0.0	0.0	0	0.0	0.0
Hydrogen bond	60	3.1	19	31.7	1.0	0	0.0	0.0
Disulfide bond	0	0.0	0	0.0	0.0	0	0.0	0.0
Total	1909	100.0	702	36.8	36.8	72	3.8	3.8
Backbone-Backbone	532	27.9	173	32.5	9.1	16	3.0	0.8
Backbone-Sidechain	1073	56.2	368	34.3	19.3	43	4.0	2.3
Sidechain-Sidechain	304	15.9	161	53.0	8.4	13	4.3	0.7

¹ percentage calculated with respect to the total number of distance restraints, ² percentage calculated with respect to the number of restraints in a particular restraint category, ³ violated in at least one model, ⁴ violated in all the models

9.1.1 Bar chart : Distribution of distance restraints and violations [\(i\)](#)



Violated and consistently violated restraints are shown using different hatch patterns in their respective categories. The hydrogen bonds and disulfied bonds are counted in their appropriate category on the x-axis

9.2 Distance violation statistics for each model [\(i\)](#)

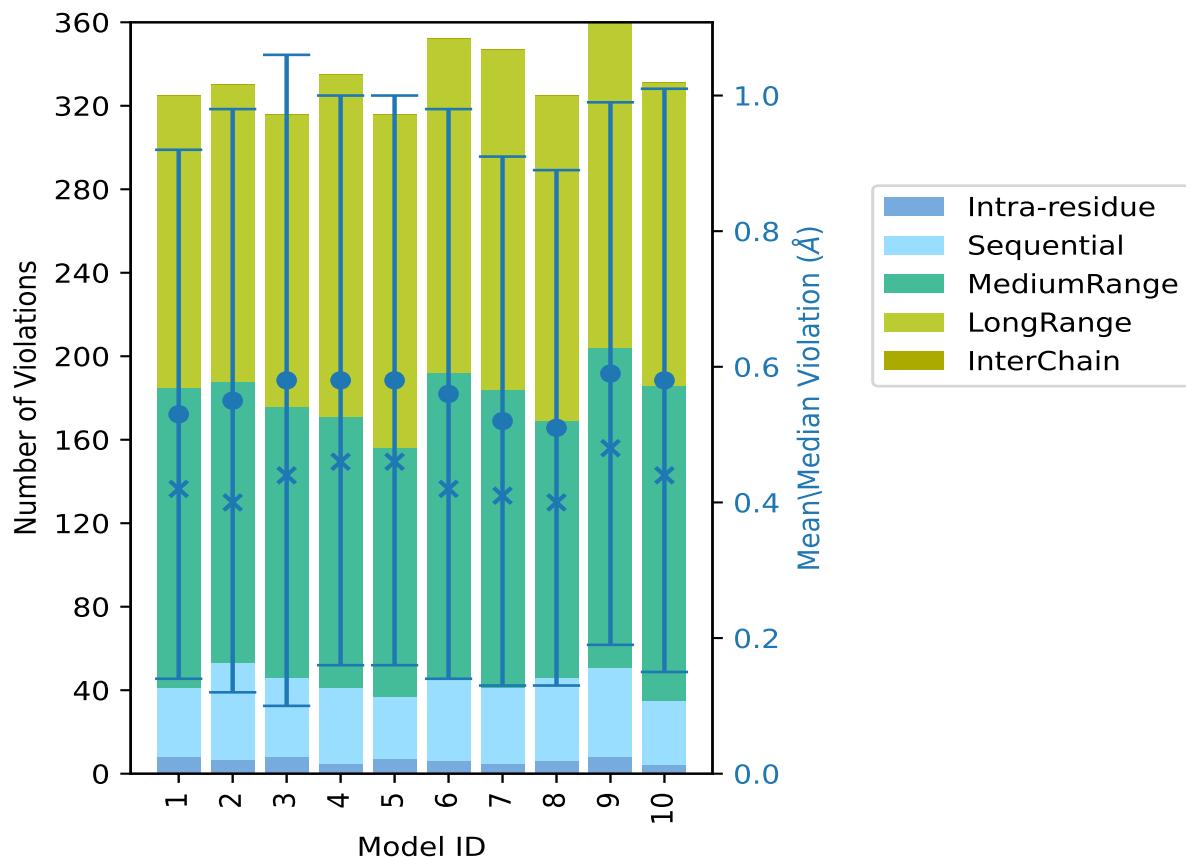
The following table provides the distance violation statistics for each model in the ensemble. Violations less than 0.1 Å are not included in the statistics.

Model ID	Number of violations						Mean (Å)	Max (Å)	SD ⁶ (Å)	Median (Å)
	IR ¹	SQ ²	MR ³	LR ⁴	IC ⁵	Total				
1	8	33	144	140	0	325	0.53	1.93	0.39	0.42
2	7	46	135	142	0	330	0.55	2.16	0.43	0.4
3	8	38	130	140	0	316	0.58	2.93	0.48	0.44
4	5	36	130	164	0	335	0.58	1.98	0.42	0.46
5	7	30	119	160	0	316	0.58	2.47	0.42	0.46
6	6	40	146	160	0	352	0.56	2.38	0.42	0.42
7	5	36	143	163	0	347	0.52	2.58	0.39	0.41
8	6	40	123	156	0	325	0.51	1.91	0.38	0.4
9	8	43	153	156	0	360	0.59	1.99	0.4	0.48
10	4	31	151	145	0	331	0.58	2.61	0.43	0.44

¹Intra-residue restraints, ²Sequential restraints, ³Medium range restraints, ⁴Long range restraints,

⁵Inter-chain restraints, ⁶Standard deviation

9.2.1 Bar graph : Distance Violation statistics for each model [\(i\)](#)



The mean(dot),median(x) and the standard deviation are shown in blue with respect to the y axis on the right

9.3 Distance violation statistics for the ensemble [\(i\)](#)

Violation analysis may find that some restraints are violated in few models and some are violated in most of models. The following table provides this information as number of violated restraints for a given fraction of the ensemble. In total, 1166(IR:231, SQ:456, MR:273, LR:206, IC:0) restraints are not violated in the ensemble.

IR ¹	SQ ²	MR ³	LR ⁴	IC ⁵	Total	Fraction of the ensemble	
						Count ⁶	%
8	25	48	61	0	142	1	10.0
3	13	46	26	0	88	2	20.0
1	13	23	30	0	67	3	30.0
3	5	24	22	0	54	4	40.0

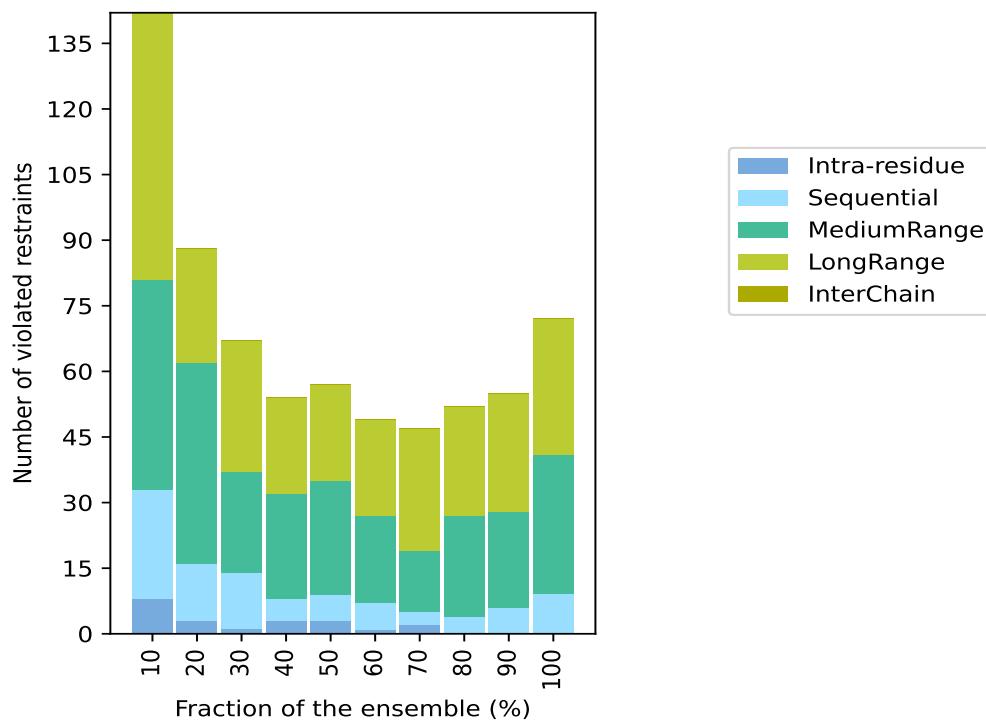
Continued on next page...

Continued from previous page...

IR ¹	Number of violated restraints					Fraction of the ensemble	
	SQ ²	MR ³	LR ⁴	IC ⁵	Total	Count ⁶	%
3	6	26	22	0	57	5	50.0
1	6	20	22	0	49	6	60.0
2	3	14	28	0	47	7	70.0
0	4	23	25	0	52	8	80.0
0	6	22	27	0	55	9	90.0
0	9	32	31	0	72	10	100.0

¹Intra-residue restraints, ²Sequential restraints, ³Medium range restraints, ⁴Long range restraints,
⁵Inter-chain restraints, ⁶ Number of models with violations

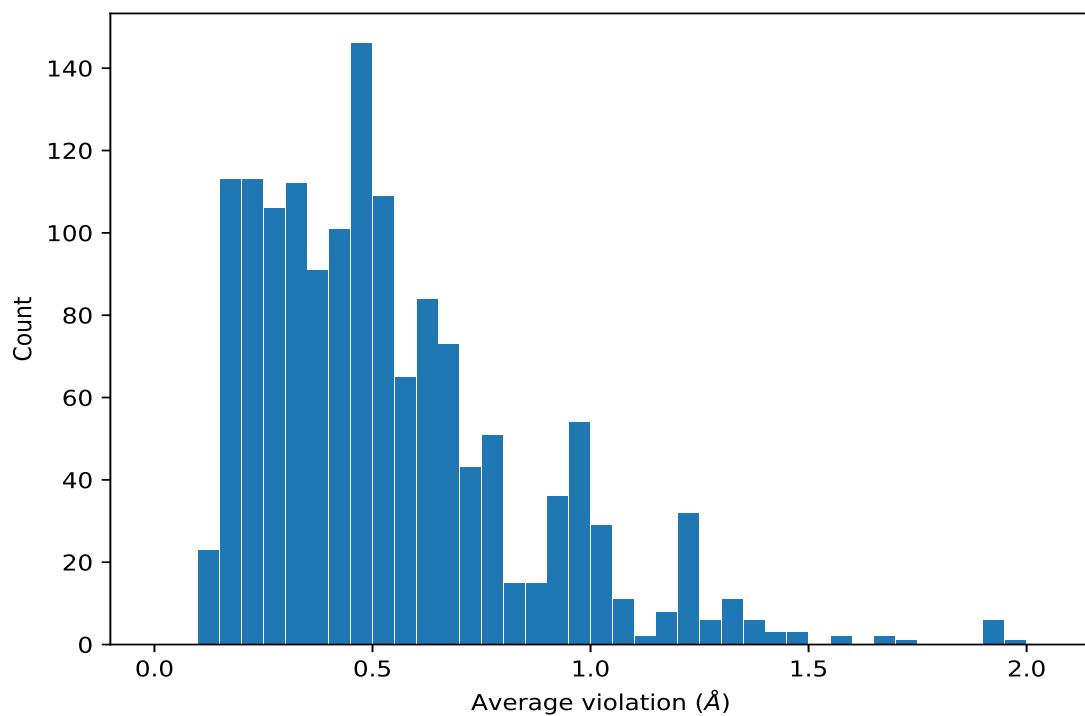
9.3.1 Bar graph : Distance violation statistics for the ensemble [\(i\)](#)



9.4 Most violated distance restraints in the ensemble [\(i\)](#)

9.4.1 Histogram : Distribution of mean distance violations [\(i\)](#)

The following histogram shows the distribution of the average value of the violation. The average is calculated for each restraint that is violated in more than one model over all the violated models in the ensemble



9.4.2 Table: Most violated distance restraints [\(i\)](#)

The following table provides the mean and the standard deviation of the violation for each restraint sorted by number of violated models and the mean value. The Key (restraint list ID, restraint ID) is the unique identifier for a given restraint. Rows with same key represent combinatorial or ambiguous restraints and are counted as a single restraint.

Key	Atom-1	Atom-2	Models ¹	Mean (Å)	SD ¹ (Å)	Median (Å)
(1,170)	1:A:11:CYS:H	1:A:40:VAL:HB	10	1.98	0.19	1.95
(1,252)	1:A:15:TYR:HA	1:A:121:LEU:HB2	10	1.68	0.22	1.62
(1,252)	1:A:15:TYR:HA	1:A:121:LEU:HB3	10	1.68	0.22	1.62
(1,169)	1:A:11:CYS:H	1:A:40:VAL:HA	10	1.59	0.15	1.62
(1,1084)	1:A:93:ILE:HA	1:A:146:LEU:HB2	10	1.46	0.27	1.48
(1,163)	1:A:10:SER:HB2	1:A:40:VAL:HB	10	1.39	0.29	1.35
(1,163)	1:A:10:SER:HB3	1:A:40:VAL:HB	10	1.39	0.29	1.35
(1,1653)	1:A:140:LYS:HE2	1:A:142:VAL:H	10	1.33	0.33	1.46
(1,578)	1:A:42:LYS:HD2	1:A:56:GLU:HB2	10	1.31	0.53	1.16
(1,578)	1:A:42:LYS:HD2	1:A:56:GLU:HB3	10	1.31	0.53	1.16
(1,578)	1:A:42:LYS:HD3	1:A:56:GLU:HB2	10	1.31	0.53	1.16
(1,578)	1:A:42:LYS:HD3	1:A:56:GLU:HB3	10	1.31	0.53	1.16
(1,76)	1:A:7:VAL:HB	1:A:38:ILE:HB	10	1.3	0.54	1.57
(1,897)	1:A:75:GLU:HG3	1:A:89:LEU:H	10	1.28	0.38	1.32
(1,894)	1:A:75:GLU:HG3	1:A:76:VAL:H	10	1.24	0.26	1.37
(1,994)	1:A:80:ARG:HG2	1:A:86:THR:HA	10	1.21	0.42	1.38

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models ¹	Mean (Å)	SD ¹ (Å)	Median (Å)
(1,994)	1:A:80:ARG:HG3	1:A:86:THR:HA	10	1.21	0.42	1.38
(1,686)	1:A:54:VAL:HG11	1:A:138:ASP:HB2	10	1.21	0.44	1.17
(1,686)	1:A:54:VAL:HG11	1:A:138:ASP:HB3	10	1.21	0.44	1.17
(1,686)	1:A:54:VAL:HG12	1:A:138:ASP:HB2	10	1.21	0.44	1.17
(1,686)	1:A:54:VAL:HG12	1:A:138:ASP:HB3	10	1.21	0.44	1.17
(1,686)	1:A:54:VAL:HG13	1:A:138:ASP:HB2	10	1.21	0.44	1.17
(1,686)	1:A:54:VAL:HG13	1:A:138:ASP:HB3	10	1.21	0.44	1.17
(1,686)	1:A:54:VAL:HG21	1:A:138:ASP:HB2	10	1.21	0.44	1.17
(1,686)	1:A:54:VAL:HG21	1:A:138:ASP:HB3	10	1.21	0.44	1.17
(1,686)	1:A:54:VAL:HG22	1:A:138:ASP:HB2	10	1.21	0.44	1.17
(1,686)	1:A:54:VAL:HG22	1:A:138:ASP:HB3	10	1.21	0.44	1.17
(1,686)	1:A:54:VAL:HG23	1:A:138:ASP:HB2	10	1.21	0.44	1.17
(1,686)	1:A:54:VAL:HG23	1:A:138:ASP:HB3	10	1.21	0.44	1.17
(1,316)	1:A:18:LEU:HD11	1:A:123:LEU:HG	10	1.16	0.3	1.25
(1,316)	1:A:18:LEU:HD12	1:A:123:LEU:HG	10	1.16	0.3	1.25
(1,316)	1:A:18:LEU:HD13	1:A:123:LEU:HG	10	1.16	0.3	1.25
(1,205)	1:A:12:LYS:HD3	1:A:14:ALA:H	10	1.05	0.02	1.05
(1,207)	1:A:12:LYS:HD3	1:A:15:TYR:HA	10	1.05	0.11	1.1
(1,891)	1:A:75:GLU:HG2	1:A:89:LEU:H	10	1.03	0.3	1.12
(1,1443)	1:A:118:LYS:HE3	1:A:119:ALA:H	10	0.96	0.24	0.92
(1,524)	1:A:33:LYS:HG2	1:A:36:THR:HB	10	0.95	0.27	1.03
(1,94)	1:A:7:VAL:HG21	1:A:38:ILE:HB	10	0.94	0.38	1.1
(1,94)	1:A:7:VAL:HG22	1:A:38:ILE:HB	10	0.94	0.38	1.1
(1,94)	1:A:7:VAL:HG23	1:A:38:ILE:HB	10	0.94	0.38	1.1
(1,1120)	1:A:94:PHE:HA	1:A:128:GLN:HB2	10	0.93	0.25	0.97
(1,1120)	1:A:94:PHE:HA	1:A:128:GLN:HB3	10	0.93	0.25	0.97
(1,1067)	1:A:92:VAL:H	1:A:127:PHE:H	10	0.91	0.36	0.98
(1,621)	1:A:50:TYR:HB2	1:A:143:LYS:HG2	10	0.88	0.2	0.94
(1,621)	1:A:50:TYR:HB2	1:A:143:LYS:HG3	10	0.88	0.2	0.94
(1,621)	1:A:50:TYR:HB3	1:A:143:LYS:HG2	10	0.88	0.2	0.94
(1,621)	1:A:50:TYR:HB3	1:A:143:LYS:HG3	10	0.88	0.2	0.94
(1,1670)	1:A:141:SER:HB3	1:A:145:ASP:HA	10	0.83	0.04	0.83
(1,529)	1:A:33:LYS:HG3	1:A:36:THR:HG21	10	0.82	0.31	0.84
(1,529)	1:A:33:LYS:HG3	1:A:36:THR:HG22	10	0.82	0.31	0.84
(1,529)	1:A:33:LYS:HG3	1:A:36:THR:HG23	10	0.82	0.31	0.84
(1,1664)	1:A:141:SER:HA	1:A:143:LYS:H	10	0.8	0.13	0.81
(1,72)	1:A:7:VAL:HB	1:A:117:LEU:HA	10	0.79	0.38	0.8
(1,1442)	1:A:118:LYS:HE2	1:A:121:LEU:H	10	0.77	0.07	0.8
(1,138)	1:A:8:ASP:HB2	1:A:9:PRO:HB2	10	0.77	0.08	0.78
(1,138)	1:A:8:ASP:HB2	1:A:9:PRO:HB3	10	0.77	0.08	0.78
(1,138)	1:A:8:ASP:HB3	1:A:9:PRO:HB2	10	0.77	0.08	0.78
(1,138)	1:A:8:ASP:HB3	1:A:9:PRO:HB3	10	0.77	0.08	0.78

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models ¹	Mean (Å)	SD ¹ (Å)	Median (Å)
(1,1113)	1:A:94:PHE:H	1:A:128:GLN:HB2	10	0.7	0.3	0.79
(1,1113)	1:A:94:PHE:H	1:A:128:GLN:HB3	10	0.7	0.3	0.79
(1,1344)	1:A:111:ALA:HA	1:A:115:ARG:H	10	0.7	0.27	0.64
(1,1726)	1:A:144:SER:HB3	1:A:146:LEU:H	10	0.68	0.12	0.68
(1,1449)	1:A:118:LYS:HG2	1:A:128:GLN:HB2	10	0.66	0.29	0.68
(1,1449)	1:A:118:LYS:HG2	1:A:128:GLN:HB3	10	0.66	0.29	0.68
(1,1449)	1:A:118:LYS:HG3	1:A:128:GLN:HB2	10	0.66	0.29	0.68
(1,1449)	1:A:118:LYS:HG3	1:A:128:GLN:HB3	10	0.66	0.29	0.68
(1,1299)	1:A:108:MET:HB2	1:A:112:SER:H	10	0.65	0.22	0.64
(1,574)	1:A:42:LYS:HA	1:A:56:GLU:HB2	10	0.65	0.27	0.61
(1,574)	1:A:42:LYS:HA	1:A:56:GLU:HB3	10	0.65	0.27	0.61
(1,137)	1:A:8:ASP:HB2	1:A:9:PRO:HA	10	0.61	0.06	0.6
(1,137)	1:A:8:ASP:HB3	1:A:9:PRO:HA	10	0.61	0.06	0.6
(1,910)	1:A:76:VAL:HA	1:A:147:MET:HG2	10	0.59	0.22	0.58
(1,910)	1:A:76:VAL:HA	1:A:147:MET:HG3	10	0.59	0.22	0.58
(1,1709)	1:A:143:LYS:HB2	1:A:147:MET:H	10	0.59	0.17	0.64
(1,1718)	1:A:144:SER:H	1:A:146:LEU:H	10	0.58	0.16	0.51
(1,314)	1:A:18:LEU:HB2	1:A:71:ALA:HB1	10	0.57	0.28	0.53
(1,314)	1:A:18:LEU:HB2	1:A:71:ALA:HB2	10	0.57	0.28	0.53
(1,314)	1:A:18:LEU:HB2	1:A:71:ALA:HB3	10	0.57	0.28	0.53
(1,314)	1:A:18:LEU:HB3	1:A:71:ALA:HB1	10	0.57	0.28	0.53
(1,314)	1:A:18:LEU:HB3	1:A:71:ALA:HB2	10	0.57	0.28	0.53
(1,314)	1:A:18:LEU:HB3	1:A:71:ALA:HB3	10	0.57	0.28	0.53
(1,327)	1:A:18:LEU:HD21	1:A:73:ASP:HA	10	0.56	0.34	0.43
(1,327)	1:A:18:LEU:HD22	1:A:73:ASP:HA	10	0.56	0.34	0.43
(1,327)	1:A:18:LEU:HD23	1:A:73:ASP:HA	10	0.56	0.34	0.43
(1,1378)	1:A:114:VAL:HB	1:A:118:LYS:H	10	0.56	0.24	0.48
(1,1333)	1:A:110:TYR:HA	1:A:114:VAL:H	10	0.55	0.23	0.59
(1,706)	1:A:55:GLU:HA	1:A:59:LYS:HD2	10	0.54	0.3	0.52
(1,706)	1:A:55:GLU:HA	1:A:59:LYS:HD3	10	0.54	0.3	0.52
(1,158)	1:A:10:SER:HB3	1:A:12:LYS:H	10	0.53	0.12	0.51
(1,1316)	1:A:109:LEU:HA	1:A:113:SER:H	10	0.53	0.23	0.58
(1,950)	1:A:78:VAL:HA	1:A:88:THR:HG21	10	0.52	0.18	0.59
(1,950)	1:A:78:VAL:HA	1:A:88:THR:HG22	10	0.52	0.18	0.59
(1,950)	1:A:78:VAL:HA	1:A:88:THR:HG23	10	0.52	0.18	0.59
(1,73)	1:A:7:VAL:HB	1:A:120:SER:HA	10	0.5	0.09	0.52
(1,206)	1:A:12:LYS:HD3	1:A:15:TYR:H	10	0.5	0.06	0.52
(2,1)	1:A:1:MET:HA	1:A:114:VAL:HA	10	0.49	0.09	0.53
(1,1777)	1:A:149:ASN:HB2	1:A:151:ARG:H	10	0.48	0.13	0.46
(1,1777)	1:A:149:ASN:HB3	1:A:151:ARG:H	10	0.48	0.13	0.46
(1,1117)	1:A:94:PHE:HA	1:A:128:GLN:HA	10	0.48	0.13	0.44
(1,1719)	1:A:144:SER:HA	1:A:146:LEU:H	10	0.47	0.11	0.47

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models ¹	Mean (Å)	SD ¹ (Å)	Median (Å)
(1,1636)	1:A:139:GLU:HG2	1:A:142:VAL:HG11	10	0.45	0.15	0.46
(1,1636)	1:A:139:GLU:HG2	1:A:142:VAL:HG12	10	0.45	0.15	0.46
(1,1636)	1:A:139:GLU:HG2	1:A:142:VAL:HG13	10	0.45	0.15	0.46
(1,1636)	1:A:139:GLU:HG2	1:A:142:VAL:HG21	10	0.45	0.15	0.46
(1,1636)	1:A:139:GLU:HG2	1:A:142:VAL:HG22	10	0.45	0.15	0.46
(1,1636)	1:A:139:GLU:HG2	1:A:142:VAL:HG23	10	0.45	0.15	0.46
(1,1636)	1:A:139:GLU:HG3	1:A:142:VAL:HG11	10	0.45	0.15	0.46
(1,1636)	1:A:139:GLU:HG3	1:A:142:VAL:HG12	10	0.45	0.15	0.46
(1,1636)	1:A:139:GLU:HG3	1:A:142:VAL:HG13	10	0.45	0.15	0.46
(1,1636)	1:A:139:GLU:HG3	1:A:142:VAL:HG21	10	0.45	0.15	0.46
(1,1636)	1:A:139:GLU:HG3	1:A:142:VAL:HG22	10	0.45	0.15	0.46
(1,1636)	1:A:139:GLU:HG3	1:A:142:VAL:HG23	10	0.45	0.15	0.46
(1,83)	1:A:7:VAL:HG11	1:A:120:SER:HA	10	0.44	0.24	0.51
(1,83)	1:A:7:VAL:HG12	1:A:120:SER:HA	10	0.44	0.24	0.51
(1,83)	1:A:7:VAL:HG13	1:A:120:SER:HA	10	0.44	0.24	0.51
(1,1165)	1:A:97:TYR:HA	1:A:131:ALA:HA	10	0.42	0.1	0.43
(1,1725)	1:A:144:SER:HB3	1:A:145:ASP:H	10	0.41	0.1	0.42
(1,1174)	1:A:99:PRO:HA	1:A:102:ALA:H	10	0.41	0.15	0.41
(1,214)	1:A:12:LYS:HG3	1:A:15:TYR:H	10	0.41	0.08	0.39
(1,159)	1:A:10:SER:HB3	1:A:13:ASN:H	10	0.41	0.2	0.33
(1,1658)	1:A:140:LYS:HB2	1:A:142:VAL:H	10	0.41	0.08	0.4
(1,1658)	1:A:140:LYS:HB3	1:A:142:VAL:H	10	0.41	0.08	0.4
(1,5)	1:A:1:MET:HA	1:A:114:VAL:HG11	10	0.4	0.19	0.4
(1,5)	1:A:1:MET:HA	1:A:114:VAL:HG12	10	0.4	0.19	0.4
(1,5)	1:A:1:MET:HA	1:A:114:VAL:HG13	10	0.4	0.19	0.4
(1,5)	1:A:1:MET:HA	1:A:114:VAL:HG21	10	0.4	0.19	0.4
(1,5)	1:A:1:MET:HA	1:A:114:VAL:HG22	10	0.4	0.19	0.4
(1,5)	1:A:1:MET:HA	1:A:114:VAL:HG23	10	0.4	0.19	0.4
(1,1669)	1:A:141:SER:HB3	1:A:143:LYS:H	10	0.39	0.1	0.44
(1,883)	1:A:75:GLU:HB3	1:A:76:VAL:H	10	0.37	0.09	0.4
(1,226)	1:A:13:ASN:HB2	1:A:14:ALA:H	10	0.35	0.07	0.38
(1,1700)	1:A:143:LYS:H	1:A:145:ASP:H	10	0.35	0.08	0.38
(1,277)	1:A:16:ASP:HB2	1:A:18:LEU:H	10	0.33	0.23	0.24
(2,6)	1:A:12:LYS:HG2	1:A:15:TYR:H	10	0.3	0.07	0.3
(1,1426)	1:A:117:LEU:HB2	1:A:119:ALA:H	10	0.28	0.1	0.26
(1,1699)	1:A:143:LYS:H	1:A:144:SER:H	10	0.28	0.05	0.26
(1,1114)	1:A:94:PHE:H	1:A:129:VAL:H	10	0.27	0.12	0.24
(1,944)	1:A:78:VAL:H	1:A:79:GLN:H	10	0.24	0.05	0.25
(1,213)	1:A:12:LYS:HG3	1:A:14:ALA:H	10	0.2	0.05	0.2
(1,1074)	1:A:92:VAL:HG11	1:A:125:SER:HA	9	1.93	0.34	1.87
(1,1074)	1:A:92:VAL:HG12	1:A:125:SER:HA	9	1.93	0.34	1.87
(1,1074)	1:A:92:VAL:HG13	1:A:125:SER:HA	9	1.93	0.34	1.87

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models ¹	Mean (Å)	SD ¹ (Å)	Median (Å)
(1,1074)	1:A:92:VAL:HG21	1:A:125:SER:HA	9	1.93	0.34	1.87
(1,1074)	1:A:92:VAL:HG22	1:A:125:SER:HA	9	1.93	0.34	1.87
(1,1074)	1:A:92:VAL:HG23	1:A:125:SER:HA	9	1.93	0.34	1.87
(1,889)	1:A:75:GLU:HG2	1:A:88:THR:HB	9	1.55	0.81	1.53
(1,78)	1:A:7:VAL:HB	1:A:38:ILE:HG21	9	1.34	0.43	1.5
(1,78)	1:A:7:VAL:HB	1:A:38:ILE:HG22	9	1.34	0.43	1.5
(1,78)	1:A:7:VAL:HB	1:A:38:ILE:HG23	9	1.34	0.43	1.5
(1,495)	1:A:31:ILE:HG12	1:A:38:ILE:HD11	9	1.29	0.5	1.14
(1,495)	1:A:31:ILE:HG12	1:A:38:ILE:HD12	9	1.29	0.5	1.14
(1,495)	1:A:31:ILE:HG12	1:A:38:ILE:HD13	9	1.29	0.5	1.14
(1,969)	1:A:79:GLN:HA	1:A:86:THR:HA	9	1.27	0.26	1.22
(1,1002)	1:A:81:GLN:HG2	1:A:89:LEU:HD11	9	1.22	0.39	1.41
(1,1002)	1:A:81:GLN:HG2	1:A:89:LEU:HD12	9	1.22	0.39	1.41
(1,1002)	1:A:81:GLN:HG2	1:A:89:LEU:HD13	9	1.22	0.39	1.41
(1,1002)	1:A:81:GLN:HG2	1:A:89:LEU:HD21	9	1.22	0.39	1.41
(1,1002)	1:A:81:GLN:HG2	1:A:89:LEU:HD22	9	1.22	0.39	1.41
(1,1002)	1:A:81:GLN:HG2	1:A:89:LEU:HD23	9	1.22	0.39	1.41
(1,1002)	1:A:81:GLN:HG3	1:A:89:LEU:HD11	9	1.22	0.39	1.41
(1,1002)	1:A:81:GLN:HG3	1:A:89:LEU:HD12	9	1.22	0.39	1.41
(1,1002)	1:A:81:GLN:HG3	1:A:89:LEU:HD13	9	1.22	0.39	1.41
(1,1002)	1:A:81:GLN:HG3	1:A:89:LEU:HD21	9	1.22	0.39	1.41
(1,1002)	1:A:81:GLN:HG3	1:A:89:LEU:HD22	9	1.22	0.39	1.41
(1,1002)	1:A:81:GLN:HG3	1:A:89:LEU:HD23	9	1.22	0.39	1.41
(1,945)	1:A:78:VAL:H	1:A:86:THR:HB	9	1.21	0.56	0.99
(1,715)	1:A:55:GLU:HG2	1:A:58:LYS:HE2	9	1.21	0.66	1.25
(1,715)	1:A:55:GLU:HG2	1:A:58:LYS:HE3	9	1.21	0.66	1.25
(1,715)	1:A:55:GLU:HG3	1:A:58:LYS:HE2	9	1.21	0.66	1.25
(1,715)	1:A:55:GLU:HG3	1:A:58:LYS:HE3	9	1.21	0.66	1.25
(1,609)	1:A:49:PRO:HG2	1:A:51:ALA:H	9	1.05	0.36	1.01
(1,609)	1:A:49:PRO:HG3	1:A:51:ALA:H	9	1.05	0.36	1.01
(1,95)	1:A:7:VAL:HG21	1:A:38:ILE:HG21	9	1.0	0.33	1.08
(1,95)	1:A:7:VAL:HG21	1:A:38:ILE:HG22	9	1.0	0.33	1.08
(1,95)	1:A:7:VAL:HG21	1:A:38:ILE:HG23	9	1.0	0.33	1.08
(1,95)	1:A:7:VAL:HG22	1:A:38:ILE:HG21	9	1.0	0.33	1.08
(1,95)	1:A:7:VAL:HG22	1:A:38:ILE:HG22	9	1.0	0.33	1.08
(1,95)	1:A:7:VAL:HG22	1:A:38:ILE:HG23	9	1.0	0.33	1.08
(1,95)	1:A:7:VAL:HG23	1:A:38:ILE:HG21	9	1.0	0.33	1.08
(1,95)	1:A:7:VAL:HG23	1:A:38:ILE:HG22	9	1.0	0.33	1.08
(1,95)	1:A:7:VAL:HG23	1:A:38:ILE:HG23	9	1.0	0.33	1.08
(1,684)	1:A:54:VAL:HG11	1:A:138:ASP:H	9	0.99	0.46	0.99
(1,684)	1:A:54:VAL:HG12	1:A:138:ASP:H	9	0.99	0.46	0.99
(1,684)	1:A:54:VAL:HG13	1:A:138:ASP:H	9	0.99	0.46	0.99

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models ¹	Mean (Å)	SD ¹ (Å)	Median (Å)
(1,684)	1:A:54:VAL:HG21	1:A:138:ASP:H	9	0.99	0.46	0.99
(1,684)	1:A:54:VAL:HG22	1:A:138:ASP:H	9	0.99	0.46	0.99
(1,684)	1:A:54:VAL:HG23	1:A:138:ASP:H	9	0.99	0.46	0.99
(1,970)	1:A:79:GLN:HA	1:A:86:THR:HB	9	0.97	0.22	1.07
(1,907)	1:A:76:VAL:H	1:A:88:THR:HB	9	0.97	0.45	0.88
(1,685)	1:A:54:VAL:HG11	1:A:138:ASP:HA	9	0.95	0.43	0.89
(1,685)	1:A:54:VAL:HG12	1:A:138:ASP:HA	9	0.95	0.43	0.89
(1,685)	1:A:54:VAL:HG13	1:A:138:ASP:HA	9	0.95	0.43	0.89
(1,685)	1:A:54:VAL:HG21	1:A:138:ASP:HA	9	0.95	0.43	0.89
(1,685)	1:A:54:VAL:HG22	1:A:138:ASP:HA	9	0.95	0.43	0.89
(1,685)	1:A:54:VAL:HG23	1:A:138:ASP:HA	9	0.95	0.43	0.89
(1,59)	1:A:6:LYS:HB2	1:A:38:ILE:HD11	9	0.94	0.45	0.91
(1,59)	1:A:6:LYS:HB2	1:A:38:ILE:HD12	9	0.94	0.45	0.91
(1,59)	1:A:6:LYS:HB2	1:A:38:ILE:HD13	9	0.94	0.45	0.91
(1,59)	1:A:6:LYS:HB3	1:A:38:ILE:HD11	9	0.94	0.45	0.91
(1,59)	1:A:6:LYS:HB3	1:A:38:ILE:HD12	9	0.94	0.45	0.91
(1,59)	1:A:6:LYS:HB3	1:A:38:ILE:HD13	9	0.94	0.45	0.91
(1,1773)	1:A:149:ASN:HB3	1:A:151:ARG:HA	9	0.94	0.27	1.03
(1,1790)	1:A:150:GLN:HB3	1:A:152:ILE:H	9	0.93	0.58	0.72
(1,645)	1:A:52:GLU:HA	1:A:55:GLU:HG2	9	0.91	0.47	0.93
(1,645)	1:A:52:GLU:HA	1:A:55:GLU:HG3	9	0.91	0.47	0.93
(1,971)	1:A:79:GLN:HA	1:A:86:THR:HG21	9	0.91	0.25	0.9
(1,971)	1:A:79:GLN:HA	1:A:86:THR:HG22	9	0.91	0.25	0.9
(1,971)	1:A:79:GLN:HA	1:A:86:THR:HG23	9	0.91	0.25	0.9
(1,1286)	1:A:107:ARG:HD2	1:A:111:ALA:HA	9	0.9	0.47	0.75
(1,1286)	1:A:107:ARG:HD3	1:A:111:ALA:HA	9	0.9	0.47	0.75
(1,736)	1:A:57:MET:HB2	1:A:60:LEU:HG	9	0.88	0.61	0.5
(1,736)	1:A:57:MET:HB3	1:A:60:LEU:HG	9	0.88	0.61	0.5
(1,1576)	1:A:134:MET:HA	1:A:138:ASP:H	9	0.88	0.33	0.93
(1,511)	1:A:31:ILE:HG21	1:A:109:LEU:HG	9	0.85	0.43	0.98
(1,511)	1:A:31:ILE:HG22	1:A:109:LEU:HG	9	0.85	0.43	0.98
(1,511)	1:A:31:ILE:HG23	1:A:109:LEU:HG	9	0.85	0.43	0.98
(1,528)	1:A:33:LYS:HG3	1:A:36:THR:HB	9	0.82	0.36	1.0
(1,935)	1:A:77:THR:HB	1:A:87:SER:H	9	0.8	0.34	0.79
(1,498)	1:A:31:ILE:HG13	1:A:38:ILE:HA	9	0.8	0.22	0.84
(1,976)	1:A:79:GLN:HB3	1:A:86:THR:HG21	9	0.78	0.23	0.9
(1,976)	1:A:79:GLN:HB3	1:A:86:THR:HG22	9	0.78	0.23	0.9
(1,976)	1:A:79:GLN:HB3	1:A:86:THR:HG23	9	0.78	0.23	0.9
(1,525)	1:A:33:LYS:HG2	1:A:36:THR:HG21	9	0.77	0.32	0.86
(1,525)	1:A:33:LYS:HG2	1:A:36:THR:HG22	9	0.77	0.32	0.86
(1,525)	1:A:33:LYS:HG2	1:A:36:THR:HG23	9	0.77	0.32	0.86
(1,237)	1:A:14:ALA:HA	1:A:18:LEU:H	9	0.75	0.37	0.71

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models ¹	Mean (Å)	SD ¹ (Å)	Median (Å)
(1,516)	1:A:32:ASP:HB2	1:A:37:ALA:H	9	0.73	0.36	0.73
(1,499)	1:A:31:ILE:HG13	1:A:38:ILE:HB	9	0.68	0.34	0.73
(1,123)	1:A:8:ASP:HB2	1:A:39:VAL:HA	9	0.68	0.39	0.49
(1,1306)	1:A:108:MET:HG2	1:A:112:SER:HB2	9	0.66	0.29	0.52
(1,1306)	1:A:108:MET:HG2	1:A:112:SER:HB3	9	0.66	0.29	0.52
(1,1306)	1:A:108:MET:HG3	1:A:112:SER:HB2	9	0.66	0.29	0.52
(1,1306)	1:A:108:MET:HG3	1:A:112:SER:HB3	9	0.66	0.29	0.52
(1,1778)	1:A:149:ASN:HB2	1:A:151:ARG:HA	9	0.66	0.23	0.68
(1,1778)	1:A:149:ASN:HB3	1:A:151:ARG:HA	9	0.66	0.23	0.68
(1,1172)	1:A:98:CYS:HB2	1:A:107:ARG:HA	9	0.63	0.29	0.61
(1,1172)	1:A:98:CYS:HB3	1:A:107:ARG:HA	9	0.63	0.29	0.61
(1,887)	1:A:75:GLU:HB3	1:A:89:LEU:H	9	0.57	0.31	0.6
(1,1362)	1:A:113:SER:HA	1:A:117:LEU:HD11	9	0.53	0.2	0.49
(1,1362)	1:A:113:SER:HA	1:A:117:LEU:HD12	9	0.53	0.2	0.49
(1,1362)	1:A:113:SER:HA	1:A:117:LEU:HD13	9	0.53	0.2	0.49
(1,1362)	1:A:113:SER:HA	1:A:117:LEU:HD21	9	0.53	0.2	0.49
(1,1362)	1:A:113:SER:HA	1:A:117:LEU:HD22	9	0.53	0.2	0.49
(1,1362)	1:A:113:SER:HA	1:A:117:LEU:HD23	9	0.53	0.2	0.49
(1,266)	1:A:15:TYR:HB2	1:A:123:LEU:HD11	9	0.53	0.36	0.37
(1,266)	1:A:15:TYR:HB2	1:A:123:LEU:HD12	9	0.53	0.36	0.37
(1,266)	1:A:15:TYR:HB2	1:A:123:LEU:HD13	9	0.53	0.36	0.37
(1,266)	1:A:15:TYR:HB2	1:A:123:LEU:HD21	9	0.53	0.36	0.37
(1,266)	1:A:15:TYR:HB2	1:A:123:LEU:HD22	9	0.53	0.36	0.37
(1,266)	1:A:15:TYR:HB2	1:A:123:LEU:HD23	9	0.53	0.36	0.37
(1,266)	1:A:15:TYR:HB3	1:A:123:LEU:HD11	9	0.53	0.36	0.37
(1,266)	1:A:15:TYR:HB3	1:A:123:LEU:HD12	9	0.53	0.36	0.37
(1,266)	1:A:15:TYR:HB3	1:A:123:LEU:HD13	9	0.53	0.36	0.37
(1,266)	1:A:15:TYR:HB3	1:A:123:LEU:HD21	9	0.53	0.36	0.37
(1,266)	1:A:15:TYR:HB3	1:A:123:LEU:HD22	9	0.53	0.36	0.37
(1,266)	1:A:15:TYR:HB3	1:A:123:LEU:HD23	9	0.53	0.36	0.37
(1,1555)	1:A:132:SER:H	1:A:136:ASP:HA	9	0.52	0.44	0.38
(1,1145)	1:A:95:VAL:HG11	1:A:131:ALA:HA	9	0.51	0.3	0.52
(1,1145)	1:A:95:VAL:HG12	1:A:131:ALA:HA	9	0.51	0.3	0.52
(1,1145)	1:A:95:VAL:HG13	1:A:131:ALA:HA	9	0.51	0.3	0.52
(1,1145)	1:A:95:VAL:HG21	1:A:131:ALA:HA	9	0.51	0.3	0.52
(1,1145)	1:A:95:VAL:HG22	1:A:131:ALA:HA	9	0.51	0.3	0.52
(1,1145)	1:A:95:VAL:HG23	1:A:131:ALA:HA	9	0.51	0.3	0.52
(1,892)	1:A:75:GLU:HG2	1:A:90:ASN:HA	9	0.46	0.14	0.46
(1,888)	1:A:75:GLU:HG2	1:A:76:VAL:H	9	0.46	0.19	0.43
(1,1245)	1:A:104:VAL:HG11	1:A:108:MET:HG2	9	0.46	0.24	0.37
(1,1245)	1:A:104:VAL:HG11	1:A:108:MET:HG3	9	0.46	0.24	0.37
(1,1245)	1:A:104:VAL:HG12	1:A:108:MET:HG2	9	0.46	0.24	0.37

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models ¹	Mean (Å)	SD ¹ (Å)	Median (Å)
(1,1245)	1:A:104:VAL:HG12	1:A:108:MET:HG3	9	0.46	0.24	0.37
(1,1245)	1:A:104:VAL:HG13	1:A:108:MET:HG2	9	0.46	0.24	0.37
(1,1245)	1:A:104:VAL:HG13	1:A:108:MET:HG3	9	0.46	0.24	0.37
(1,1245)	1:A:104:VAL:HG21	1:A:108:MET:HG2	9	0.46	0.24	0.37
(1,1245)	1:A:104:VAL:HG21	1:A:108:MET:HG3	9	0.46	0.24	0.37
(1,1245)	1:A:104:VAL:HG22	1:A:108:MET:HG2	9	0.46	0.24	0.37
(1,1245)	1:A:104:VAL:HG22	1:A:108:MET:HG3	9	0.46	0.24	0.37
(1,1245)	1:A:104:VAL:HG23	1:A:108:MET:HG2	9	0.46	0.24	0.37
(1,1245)	1:A:104:VAL:HG23	1:A:108:MET:HG3	9	0.46	0.24	0.37
(1,1441)	1:A:118:LYS:HE2	1:A:119:ALA:H	9	0.44	0.27	0.33
(2,34)	1:A:114:VAL:HA	1:A:117:LEU:HA	9	0.42	0.14	0.51
(1,669)	1:A:54:VAL:HA	1:A:56:GLU:H	9	0.4	0.09	0.4
(1,654)	1:A:53:PHE:HA	1:A:55:GLU:H	9	0.4	0.11	0.39
(1,1027)	1:A:86:THR:HB	1:A:87:SER:H	9	0.39	0.2	0.37
(1,947)	1:A:78:VAL:H	1:A:87:SER:H	9	0.39	0.16	0.36
(1,162)	1:A:10:SER:HB2	1:A:13:ASN:H	9	0.34	0.15	0.25
(1,162)	1:A:10:SER:HB3	1:A:13:ASN:H	9	0.34	0.15	0.25
(1,1769)	1:A:149:ASN:H	1:A:150:GLN:H	9	0.29	0.09	0.27
(1,1729)	1:A:145:ASP:H	1:A:146:LEU:H	9	0.26	0.11	0.28
(1,227)	1:A:13:ASN:HB2	1:A:15:TYR:H	9	0.25	0.08	0.24
(1,1612)	1:A:137:LEU:HD11	1:A:139:GLU:HG2	9	0.24	0.08	0.23
(1,1612)	1:A:137:LEU:HD11	1:A:139:GLU:HG3	9	0.24	0.08	0.23
(1,1612)	1:A:137:LEU:HD12	1:A:139:GLU:HG2	9	0.24	0.08	0.23
(1,1612)	1:A:137:LEU:HD12	1:A:139:GLU:HG3	9	0.24	0.08	0.23
(1,1612)	1:A:137:LEU:HD13	1:A:139:GLU:HG2	9	0.24	0.08	0.23
(1,1612)	1:A:137:LEU:HD13	1:A:139:GLU:HG3	9	0.24	0.08	0.23
(1,1612)	1:A:137:LEU:HD21	1:A:139:GLU:HG2	9	0.24	0.08	0.23
(1,1612)	1:A:137:LEU:HD21	1:A:139:GLU:HG3	9	0.24	0.08	0.23
(1,1612)	1:A:137:LEU:HD22	1:A:139:GLU:HG2	9	0.24	0.08	0.23
(1,1612)	1:A:137:LEU:HD22	1:A:139:GLU:HG3	9	0.24	0.08	0.23
(1,1612)	1:A:137:LEU:HD23	1:A:139:GLU:HG2	9	0.24	0.08	0.23
(1,1612)	1:A:137:LEU:HD23	1:A:139:GLU:HG3	9	0.24	0.08	0.23
(1,1717)	1:A:144:SER:H	1:A:145:ASP:H	9	0.21	0.05	0.22
(1,491)	1:A:31:ILE:HG12	1:A:109:LEU:HA	8	1.49	0.4	1.71
(1,1788)	1:A:150:GLN:HB2	1:A:152:ILE:H	8	1.18	0.49	1.31
(1,517)	1:A:32:ASP:HB2	1:A:37:ALA:HB1	8	1.07	0.49	1.12
(1,517)	1:A:32:ASP:HB2	1:A:37:ALA:HB2	8	1.07	0.49	1.12
(1,517)	1:A:32:ASP:HB2	1:A:37:ALA:HB3	8	1.07	0.49	1.12
(1,1075)	1:A:92:VAL:HG11	1:A:146:LEU:HD11	8	0.95	0.27	0.9
(1,1075)	1:A:92:VAL:HG11	1:A:146:LEU:HD12	8	0.95	0.27	0.9
(1,1075)	1:A:92:VAL:HG11	1:A:146:LEU:HD13	8	0.95	0.27	0.9
(1,1075)	1:A:92:VAL:HG11	1:A:146:LEU:HD21	8	0.95	0.27	0.9

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models ¹	Mean (Å)	SD ¹ (Å)	Median (Å)
(1,1075)	1:A:92:VAL:HG11	1:A:146:LEU:HD22	8	0.95	0.27	0.9
(1,1075)	1:A:92:VAL:HG11	1:A:146:LEU:HD23	8	0.95	0.27	0.9
(1,1075)	1:A:92:VAL:HG12	1:A:146:LEU:HD11	8	0.95	0.27	0.9
(1,1075)	1:A:92:VAL:HG12	1:A:146:LEU:HD12	8	0.95	0.27	0.9
(1,1075)	1:A:92:VAL:HG12	1:A:146:LEU:HD13	8	0.95	0.27	0.9
(1,1075)	1:A:92:VAL:HG12	1:A:146:LEU:HD21	8	0.95	0.27	0.9
(1,1075)	1:A:92:VAL:HG12	1:A:146:LEU:HD22	8	0.95	0.27	0.9
(1,1075)	1:A:92:VAL:HG12	1:A:146:LEU:HD23	8	0.95	0.27	0.9
(1,1075)	1:A:92:VAL:HG13	1:A:146:LEU:HD11	8	0.95	0.27	0.9
(1,1075)	1:A:92:VAL:HG13	1:A:146:LEU:HD12	8	0.95	0.27	0.9
(1,1075)	1:A:92:VAL:HG13	1:A:146:LEU:HD13	8	0.95	0.27	0.9
(1,1075)	1:A:92:VAL:HG13	1:A:146:LEU:HD21	8	0.95	0.27	0.9
(1,1075)	1:A:92:VAL:HG13	1:A:146:LEU:HD22	8	0.95	0.27	0.9
(1,1075)	1:A:92:VAL:HG13	1:A:146:LEU:HD23	8	0.95	0.27	0.9
(1,1075)	1:A:92:VAL:HG21	1:A:146:LEU:HD11	8	0.95	0.27	0.9
(1,1075)	1:A:92:VAL:HG21	1:A:146:LEU:HD12	8	0.95	0.27	0.9
(1,1075)	1:A:92:VAL:HG21	1:A:146:LEU:HD13	8	0.95	0.27	0.9
(1,1075)	1:A:92:VAL:HG21	1:A:146:LEU:HD21	8	0.95	0.27	0.9
(1,1075)	1:A:92:VAL:HG21	1:A:146:LEU:HD22	8	0.95	0.27	0.9
(1,1075)	1:A:92:VAL:HG21	1:A:146:LEU:HD23	8	0.95	0.27	0.9
(1,1075)	1:A:92:VAL:HG22	1:A:146:LEU:HD11	8	0.95	0.27	0.9
(1,1075)	1:A:92:VAL:HG22	1:A:146:LEU:HD12	8	0.95	0.27	0.9
(1,1075)	1:A:92:VAL:HG22	1:A:146:LEU:HD13	8	0.95	0.27	0.9
(1,1075)	1:A:92:VAL:HG22	1:A:146:LEU:HD21	8	0.95	0.27	0.9
(1,1075)	1:A:92:VAL:HG22	1:A:146:LEU:HD22	8	0.95	0.27	0.9
(1,1075)	1:A:92:VAL:HG22	1:A:146:LEU:HD23	8	0.95	0.27	0.9
(1,1075)	1:A:92:VAL:HG23	1:A:146:LEU:HD11	8	0.95	0.27	0.9
(1,1075)	1:A:92:VAL:HG23	1:A:146:LEU:HD12	8	0.95	0.27	0.9
(1,1075)	1:A:92:VAL:HG23	1:A:146:LEU:HD13	8	0.95	0.27	0.9
(1,1075)	1:A:92:VAL:HG23	1:A:146:LEU:HD21	8	0.95	0.27	0.9
(1,1075)	1:A:92:VAL:HG23	1:A:146:LEU:HD22	8	0.95	0.27	0.9
(1,1075)	1:A:92:VAL:HG23	1:A:146:LEU:HD23	8	0.95	0.27	0.9
(1,1704)	1:A:143:LYS:HA	1:A:146:LEU:HB2	8	0.94	0.29	0.96
(1,1704)	1:A:143:LYS:HA	1:A:146:LEU:HB3	8	0.94	0.29	0.96
(1,75)	1:A:7:VAL:HB	1:A:38:ILE:H	8	0.85	0.29	0.99
(1,737)	1:A:57:MET:HG2	1:A:60:LEU:HG	8	0.75	0.28	0.7
(1,737)	1:A:57:MET:HG3	1:A:60:LEU:HG	8	0.75	0.28	0.7
(1,1593)	1:A:135:SER:HB2	1:A:140:LYS:HD2	8	0.75	0.33	0.8
(1,1593)	1:A:135:SER:HB2	1:A:140:LYS:HD3	8	0.75	0.33	0.8
(1,1593)	1:A:135:SER:HB3	1:A:140:LYS:HD2	8	0.75	0.33	0.8
(1,1593)	1:A:135:SER:HB3	1:A:140:LYS:HD3	8	0.75	0.33	0.8
(1,527)	1:A:33:LYS:HG3	1:A:36:THR:HA	8	0.75	0.32	0.8

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models ¹	Mean (Å)	SD ¹ (Å)	Median (Å)
(1,1447)	1:A:118:LYS:HG3	1:A:128:GLN:HB2	8	0.72	0.45	0.59
(1,1447)	1:A:118:LYS:HG3	1:A:128:GLN:HB3	8	0.72	0.45	0.59
(1,474)	1:A:30:LYS:HA	1:A:41:GLU:HG2	8	0.71	0.21	0.78
(1,474)	1:A:30:LYS:HA	1:A:41:GLU:HG3	8	0.71	0.21	0.78
(1,482)	1:A:30:LYS:HB2	1:A:41:GLU:HG2	8	0.67	0.16	0.72
(1,482)	1:A:30:LYS:HB2	1:A:41:GLU:HG3	8	0.67	0.16	0.72
(1,482)	1:A:30:LYS:HB3	1:A:41:GLU:HG2	8	0.67	0.16	0.72
(1,482)	1:A:30:LYS:HB3	1:A:41:GLU:HG3	8	0.67	0.16	0.72
(1,102)	1:A:7:VAL:HG11	1:A:120:SER:HA	8	0.65	0.22	0.74
(1,102)	1:A:7:VAL:HG12	1:A:120:SER:HA	8	0.65	0.22	0.74
(1,102)	1:A:7:VAL:HG13	1:A:120:SER:HA	8	0.65	0.22	0.74
(1,102)	1:A:7:VAL:HG21	1:A:120:SER:HA	8	0.65	0.22	0.74
(1,102)	1:A:7:VAL:HG22	1:A:120:SER:HA	8	0.65	0.22	0.74
(1,102)	1:A:7:VAL:HG23	1:A:120:SER:HA	8	0.65	0.22	0.74
(1,31)	1:A:5:VAL:HB	1:A:36:THR:HB	8	0.64	0.45	0.44
(1,611)	1:A:49:PRO:HG2	1:A:52:GLU:H	8	0.64	0.24	0.59
(1,611)	1:A:49:PRO:HG3	1:A:52:GLU:H	8	0.64	0.24	0.59
(1,303)	1:A:17:LEU:HD11	1:A:21:LYS:HD2	8	0.64	0.27	0.58
(1,303)	1:A:17:LEU:HD11	1:A:21:LYS:HD3	8	0.64	0.27	0.58
(1,303)	1:A:17:LEU:HD12	1:A:21:LYS:HD2	8	0.64	0.27	0.58
(1,303)	1:A:17:LEU:HD12	1:A:21:LYS:HD3	8	0.64	0.27	0.58
(1,303)	1:A:17:LEU:HD13	1:A:21:LYS:HD2	8	0.64	0.27	0.58
(1,303)	1:A:17:LEU:HD13	1:A:21:LYS:HD3	8	0.64	0.27	0.58
(1,303)	1:A:17:LEU:HD21	1:A:21:LYS:HD2	8	0.64	0.27	0.58
(1,303)	1:A:17:LEU:HD21	1:A:21:LYS:HD3	8	0.64	0.27	0.58
(1,303)	1:A:17:LEU:HD22	1:A:21:LYS:HD2	8	0.64	0.27	0.58
(1,303)	1:A:17:LEU:HD22	1:A:21:LYS:HD3	8	0.64	0.27	0.58
(1,303)	1:A:17:LEU:HD23	1:A:21:LYS:HD2	8	0.64	0.27	0.58
(1,303)	1:A:17:LEU:HD23	1:A:21:LYS:HD3	8	0.64	0.27	0.58
(1,884)	1:A:75:GLU:HB3	1:A:88:THR:HA	8	0.64	0.26	0.75
(1,1651)	1:A:140:LYS:HD3	1:A:142:VAL:H	8	0.64	0.17	0.68
(1,610)	1:A:49:PRO:HG2	1:A:51:ALA:HB1	8	0.63	0.41	0.59
(1,610)	1:A:49:PRO:HG2	1:A:51:ALA:HB2	8	0.63	0.41	0.59
(1,610)	1:A:49:PRO:HG2	1:A:51:ALA:HB3	8	0.63	0.41	0.59
(1,610)	1:A:49:PRO:HG3	1:A:51:ALA:HB1	8	0.63	0.41	0.59
(1,610)	1:A:49:PRO:HG3	1:A:51:ALA:HB2	8	0.63	0.41	0.59
(1,610)	1:A:49:PRO:HG3	1:A:51:ALA:HB3	8	0.63	0.41	0.59
(1,974)	1:A:79:GLN:HB2	1:A:86:THR:HG21	8	0.61	0.14	0.64
(1,974)	1:A:79:GLN:HB2	1:A:86:THR:HG22	8	0.61	0.14	0.64
(1,974)	1:A:79:GLN:HB2	1:A:86:THR:HG23	8	0.61	0.14	0.64
(1,705)	1:A:55:GLU:HA	1:A:59:LYS:HB3	8	0.6	0.25	0.59
(1,93)	1:A:7:VAL:HG21	1:A:38:ILE:H	8	0.52	0.09	0.54

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models ¹	Mean (Å)	SD ¹ (Å)	Median (Å)
(1,93)	1:A:7:VAL:HG22	1:A:38:ILE:H	8	0.52	0.09	0.54
(1,93)	1:A:7:VAL:HG23	1:A:38:ILE:H	8	0.52	0.09	0.54
(1,452)	1:A:28:ILE:HD11	1:A:71:ALA:H	8	0.52	0.24	0.46
(1,452)	1:A:28:ILE:HD12	1:A:71:ALA:H	8	0.52	0.24	0.46
(1,452)	1:A:28:ILE:HD13	1:A:71:ALA:H	8	0.52	0.24	0.46
(1,533)	1:A:35:ASP:H	1:A:37:ALA:HB1	8	0.51	0.26	0.57
(1,533)	1:A:35:ASP:H	1:A:37:ALA:HB2	8	0.51	0.26	0.57
(1,533)	1:A:35:ASP:H	1:A:37:ALA:HB3	8	0.51	0.26	0.57
(1,898)	1:A:75:GLU:HG3	1:A:90:ASN:HA	8	0.5	0.16	0.52
(1,1387)	1:A:114:VAL:HG11	1:A:117:LEU:HB2	8	0.48	0.18	0.45
(1,1387)	1:A:114:VAL:HG11	1:A:117:LEU:HB3	8	0.48	0.18	0.45
(1,1387)	1:A:114:VAL:HG12	1:A:117:LEU:HB2	8	0.48	0.18	0.45
(1,1387)	1:A:114:VAL:HG12	1:A:117:LEU:HB3	8	0.48	0.18	0.45
(1,1387)	1:A:114:VAL:HG13	1:A:117:LEU:HB2	8	0.48	0.18	0.45
(1,1387)	1:A:114:VAL:HG13	1:A:117:LEU:HB3	8	0.48	0.18	0.45
(1,1387)	1:A:114:VAL:HG21	1:A:117:LEU:HB2	8	0.48	0.18	0.45
(1,1387)	1:A:114:VAL:HG21	1:A:117:LEU:HB3	8	0.48	0.18	0.45
(1,1387)	1:A:114:VAL:HG22	1:A:117:LEU:HB2	8	0.48	0.18	0.45
(1,1387)	1:A:114:VAL:HG22	1:A:117:LEU:HB3	8	0.48	0.18	0.45
(1,1387)	1:A:114:VAL:HG23	1:A:117:LEU:HB2	8	0.48	0.18	0.45
(1,1387)	1:A:114:VAL:HG23	1:A:117:LEU:HB3	8	0.48	0.18	0.45
(1,480)	1:A:30:LYS:HB2	1:A:41:GLU:HA	8	0.47	0.28	0.38
(1,480)	1:A:30:LYS:HB3	1:A:41:GLU:HA	8	0.47	0.28	0.38
(1,124)	1:A:8:ASP:HB2	1:A:39:VAL:HB	8	0.45	0.23	0.48
(2,2)	1:A:2:ALA:HB1	1:A:112:SER:H	8	0.43	0.1	0.47
(2,2)	1:A:2:ALA:HB2	1:A:112:SER:H	8	0.43	0.1	0.47
(2,2)	1:A:2:ALA:HB3	1:A:112:SER:H	8	0.43	0.1	0.47
(2,3)	1:A:5:VAL:HB	1:A:117:LEU:HG	8	0.43	0.08	0.44
(1,1218)	1:A:104:VAL:HA	1:A:106:ARG:H	8	0.38	0.19	0.34
(1,1086)	1:A:93:ILE:HB	1:A:127:PHE:H	8	0.36	0.09	0.35
(3,59)	1:A:143:LYS:O	1:A:147:MET:H	8	0.36	0.13	0.36
(1,1186)	1:A:99:PRO:HG2	1:A:132:SER:HA	8	0.36	0.17	0.31
(1,216)	1:A:12:LYS:HB2	1:A:40:VAL:HG11	8	0.33	0.11	0.36
(1,216)	1:A:12:LYS:HB2	1:A:40:VAL:HG12	8	0.33	0.11	0.36
(1,216)	1:A:12:LYS:HB2	1:A:40:VAL:HG13	8	0.33	0.11	0.36
(1,216)	1:A:12:LYS:HB2	1:A:40:VAL:HG21	8	0.33	0.11	0.36
(1,216)	1:A:12:LYS:HB2	1:A:40:VAL:HG22	8	0.33	0.11	0.36
(1,216)	1:A:12:LYS:HB2	1:A:40:VAL:HG23	8	0.33	0.11	0.36
(1,216)	1:A:12:LYS:HB3	1:A:40:VAL:HG11	8	0.33	0.11	0.36
(1,216)	1:A:12:LYS:HB3	1:A:40:VAL:HG12	8	0.33	0.11	0.36
(1,216)	1:A:12:LYS:HB3	1:A:40:VAL:HG13	8	0.33	0.11	0.36
(1,216)	1:A:12:LYS:HB3	1:A:40:VAL:HG21	8	0.33	0.11	0.36

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models ¹	Mean (Å)	SD ¹ (Å)	Median (Å)
(1,216)	1:A:12:LYS:HB3	1:A:40:VAL:HG22	8	0.33	0.11	0.36
(1,216)	1:A:12:LYS:HB3	1:A:40:VAL:HG23	8	0.33	0.11	0.36
(1,302)	1:A:17:LEU:HD21	1:A:19:HIS:H	8	0.33	0.15	0.3
(1,302)	1:A:17:LEU:HD22	1:A:19:HIS:H	8	0.33	0.15	0.3
(1,302)	1:A:17:LEU:HD23	1:A:19:HIS:H	8	0.33	0.15	0.3
(1,1756)	1:A:147:MET:HA	1:A:149:ASN:H	8	0.32	0.15	0.3
(1,1665)	1:A:141:SER:HA	1:A:144:SER:H	8	0.31	0.18	0.28
(1,74)	1:A:7:VAL:HB	1:A:120:SER:HB2	8	0.31	0.12	0.27
(1,74)	1:A:7:VAL:HB	1:A:120:SER:HB3	8	0.31	0.12	0.27
(1,74)	1:A:7:VAL:HB	1:A:120:SER:HB2	8	0.31	0.12	0.27
(1,74)	1:A:7:VAL:HB	1:A:120:SER:HB3	8	0.31	0.12	0.27
(1,1757)	1:A:147:MET:HA	1:A:150:GLN:H	8	0.3	0.15	0.3
(1,1092)	1:A:93:ILE:HG12	1:A:127:PHE:H	8	0.29	0.11	0.32
(1,156)	1:A:10:SER:HB2	1:A:13:ASN:H	8	0.28	0.15	0.24
(1,280)	1:A:16:ASP:HB3	1:A:18:LEU:H	8	0.27	0.07	0.26
(1,675)	1:A:54:VAL:HB	1:A:56:GLU:H	8	0.27	0.09	0.24
(1,1358)	1:A:113:SER:H	1:A:115:ARG:H	8	0.27	0.19	0.18
(1,1429)	1:A:117:LEU:HB3	1:A:119:ALA:H	8	0.26	0.12	0.24
(1,1652)	1:A:140:LYS:HE2	1:A:141:SER:H	8	0.26	0.09	0.24
(1,723)	1:A:56:GLU:HG2	1:A:57:MET:H	8	0.25	0.08	0.24
(1,1030)	1:A:87:SER:H	1:A:88:THR:H	8	0.22	0.08	0.19
(1,677)	1:A:54:VAL:HB	1:A:58:LYS:H	8	0.22	0.03	0.21
(2,27)	1:A:78:VAL:HB	1:A:87:SER:HA	8	0.21	0.05	0.2
(1,1747)	1:A:146:LEU:HB2	1:A:147:MET:H	8	0.19	0.05	0.18
(1,1747)	1:A:146:LEU:HB3	1:A:147:MET:H	8	0.19	0.05	0.18
(1,283)	1:A:16:ASP:HB2	1:A:18:LEU:H	8	0.18	0.06	0.17
(1,283)	1:A:16:ASP:HB3	1:A:18:LEU:H	8	0.18	0.06	0.17
(1,592)	1:A:45:GLU:HB3	1:A:48:ALA:HA	7	1.73	0.22	1.82
(1,959)	1:A:78:VAL:HG21	1:A:87:SER:HA	7	1.16	0.22	1.2
(1,959)	1:A:78:VAL:HG22	1:A:87:SER:HA	7	1.16	0.22	1.2
(1,959)	1:A:78:VAL:HG23	1:A:87:SER:HA	7	1.16	0.22	1.2
(1,1001)	1:A:81:GLN:HB2	1:A:89:LEU:HD11	7	1.03	0.51	1.05
(1,1001)	1:A:81:GLN:HB2	1:A:89:LEU:HD12	7	1.03	0.51	1.05
(1,1001)	1:A:81:GLN:HB2	1:A:89:LEU:HD13	7	1.03	0.51	1.05
(1,1001)	1:A:81:GLN:HB2	1:A:89:LEU:HD21	7	1.03	0.51	1.05
(1,1001)	1:A:81:GLN:HB2	1:A:89:LEU:HD22	7	1.03	0.51	1.05
(1,1001)	1:A:81:GLN:HB2	1:A:89:LEU:HD23	7	1.03	0.51	1.05
(1,1001)	1:A:81:GLN:HB3	1:A:89:LEU:HD11	7	1.03	0.51	1.05
(1,1001)	1:A:81:GLN:HB3	1:A:89:LEU:HD12	7	1.03	0.51	1.05
(1,1001)	1:A:81:GLN:HB3	1:A:89:LEU:HD13	7	1.03	0.51	1.05
(1,1001)	1:A:81:GLN:HB3	1:A:89:LEU:HD21	7	1.03	0.51	1.05
(1,1001)	1:A:81:GLN:HB3	1:A:89:LEU:HD22	7	1.03	0.51	1.05

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models ¹	Mean (Å)	SD ¹ (Å)	Median (Å)
(1,1001)	1:A:81:GLN:HB3	1:A:89:LEU:HD23	7	1.03	0.51	1.05
(1,755)	1:A:58:LYS:HD2	1:A:60:LEU:H	7	0.99	0.45	1.05
(1,1589)	1:A:135:SER:HA	1:A:140:LYS:HE2	7	0.95	0.32	1.01
(1,978)	1:A:79:GLN:HG2	1:A:85:GLY:H	7	0.91	0.48	0.76
(1,113)	1:A:8:ASP:H	1:A:37:ALA:HA	7	0.87	0.21	0.75
(1,946)	1:A:78:VAL:H	1:A:86:THR:HG21	7	0.84	0.24	0.92
(1,946)	1:A:78:VAL:H	1:A:86:THR:HG22	7	0.84	0.24	0.92
(1,946)	1:A:78:VAL:H	1:A:86:THR:HG23	7	0.84	0.24	0.92
(1,1772)	1:A:149:ASN:HB2	1:A:152:ILE:HG21	7	0.8	0.37	1.04
(1,1772)	1:A:149:ASN:HB2	1:A:152:ILE:HG22	7	0.8	0.37	1.04
(1,1772)	1:A:149:ASN:HB2	1:A:152:ILE:HG23	7	0.8	0.37	1.04
(1,508)	1:A:31:ILE:HG12	1:A:109:LEU:HD11	7	0.76	0.25	0.73
(1,508)	1:A:31:ILE:HG12	1:A:109:LEU:HD12	7	0.76	0.25	0.73
(1,508)	1:A:31:ILE:HG12	1:A:109:LEU:HD13	7	0.76	0.25	0.73
(1,508)	1:A:31:ILE:HG12	1:A:109:LEU:HD21	7	0.76	0.25	0.73
(1,508)	1:A:31:ILE:HG12	1:A:109:LEU:HD22	7	0.76	0.25	0.73
(1,508)	1:A:31:ILE:HG12	1:A:109:LEU:HD23	7	0.76	0.25	0.73
(1,508)	1:A:31:ILE:HG13	1:A:109:LEU:HD11	7	0.76	0.25	0.73
(1,508)	1:A:31:ILE:HG13	1:A:109:LEU:HD12	7	0.76	0.25	0.73
(1,508)	1:A:31:ILE:HG13	1:A:109:LEU:HD13	7	0.76	0.25	0.73
(1,508)	1:A:31:ILE:HG13	1:A:109:LEU:HD21	7	0.76	0.25	0.73
(1,508)	1:A:31:ILE:HG13	1:A:109:LEU:HD22	7	0.76	0.25	0.73
(1,508)	1:A:31:ILE:HG13	1:A:109:LEU:HD23	7	0.76	0.25	0.73
(1,968)	1:A:79:GLN:HA	1:A:85:GLY:H	7	0.74	0.16	0.67
(1,1189)	1:A:99:PRO:HG3	1:A:102:ALA:HA	7	0.69	0.39	0.62
(1,91)	1:A:7:VAL:HG21	1:A:120:SER:HA	7	0.68	0.3	0.79
(1,91)	1:A:7:VAL:HG22	1:A:120:SER:HA	7	0.68	0.3	0.79
(1,91)	1:A:7:VAL:HG23	1:A:120:SER:HA	7	0.68	0.3	0.79
(1,519)	1:A:32:ASP:HB3	1:A:37:ALA:HB1	7	0.66	0.47	0.69
(1,519)	1:A:32:ASP:HB3	1:A:37:ALA:HB2	7	0.66	0.47	0.69
(1,519)	1:A:32:ASP:HB3	1:A:37:ALA:HB3	7	0.66	0.47	0.69
(1,519)	1:A:32:ASP:HB2	1:A:37:ALA:HB1	7	0.66	0.47	0.69
(1,519)	1:A:32:ASP:HB2	1:A:37:ALA:HB2	7	0.66	0.47	0.69
(1,519)	1:A:32:ASP:HB2	1:A:37:ALA:HB3	7	0.66	0.47	0.69
(1,519)	1:A:32:ASP:HB3	1:A:37:ALA:HB1	7	0.66	0.47	0.69
(1,519)	1:A:32:ASP:HB3	1:A:37:ALA:HB2	7	0.66	0.47	0.69
(1,519)	1:A:32:ASP:HB3	1:A:37:ALA:HB3	7	0.66	0.47	0.69
(1,434)	1:A:28:ILE:HB	1:A:41:GLU:HA	7	0.61	0.18	0.57
(1,117)	1:A:8:ASP:H	1:A:39:VAL:HB	7	0.6	0.26	0.61
(1,454)	1:A:28:ILE:HG12	1:A:41:GLU:HG2	7	0.58	0.17	0.54
(1,454)	1:A:28:ILE:HG12	1:A:41:GLU:HG3	7	0.58	0.17	0.54
(1,454)	1:A:28:ILE:HG13	1:A:41:GLU:HG2	7	0.58	0.17	0.54

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models ¹	Mean (Å)	SD ¹ (Å)	Median (Å)
(1,454)	1:A:28:ILE:HG13	1:A:41:GLU:HG3	7	0.58	0.17	0.54
(1,869)	1:A:75:GLU:H	1:A:146:LEU:HD11	7	0.57	0.33	0.39
(1,869)	1:A:75:GLU:H	1:A:146:LEU:HD12	7	0.57	0.33	0.39
(1,869)	1:A:75:GLU:H	1:A:146:LEU:HD13	7	0.57	0.33	0.39
(1,869)	1:A:75:GLU:H	1:A:146:LEU:HD21	7	0.57	0.33	0.39
(1,869)	1:A:75:GLU:H	1:A:146:LEU:HD22	7	0.57	0.33	0.39
(1,869)	1:A:75:GLU:H	1:A:146:LEU:HD23	7	0.57	0.33	0.39
(1,1107)	1:A:93:ILE:HG21	1:A:146:LEU:HA	7	0.57	0.35	0.46
(1,1107)	1:A:93:ILE:HG22	1:A:146:LEU:HA	7	0.57	0.35	0.46
(1,1107)	1:A:93:ILE:HG23	1:A:146:LEU:HA	7	0.57	0.35	0.46
(1,507)	1:A:31:ILE:HG12	1:A:109:LEU:HB2	7	0.54	0.13	0.55
(1,507)	1:A:31:ILE:HG12	1:A:109:LEU:HB3	7	0.54	0.13	0.55
(1,507)	1:A:31:ILE:HG13	1:A:109:LEU:HB2	7	0.54	0.13	0.55
(1,507)	1:A:31:ILE:HG13	1:A:109:LEU:HB3	7	0.54	0.13	0.55
(1,1580)	1:A:134:MET:HB2	1:A:136:ASP:H	7	0.52	0.21	0.44
(1,1580)	1:A:134:MET:HB3	1:A:136:ASP:H	7	0.52	0.21	0.44
(3,3)	1:A:8:ASP:H	1:A:38:ILE:O	7	0.52	0.21	0.42
(2,19)	1:A:53:PHE:HA	1:A:72:VAL:HG11	7	0.51	0.34	0.36
(2,19)	1:A:53:PHE:HA	1:A:72:VAL:HG12	7	0.51	0.34	0.36
(2,19)	1:A:53:PHE:HA	1:A:72:VAL:HG13	7	0.51	0.34	0.36
(2,19)	1:A:53:PHE:HA	1:A:72:VAL:HG21	7	0.51	0.34	0.36
(2,19)	1:A:53:PHE:HA	1:A:72:VAL:HG22	7	0.51	0.34	0.36
(2,19)	1:A:53:PHE:HA	1:A:72:VAL:HG23	7	0.51	0.34	0.36
(1,135)	1:A:8:ASP:HB2	1:A:39:VAL:HB	7	0.5	0.19	0.52
(1,135)	1:A:8:ASP:HB3	1:A:39:VAL:HB	7	0.5	0.19	0.52
(1,1594)	1:A:135:SER:HB2	1:A:140:LYS:HG2	7	0.5	0.19	0.46
(1,1594)	1:A:135:SER:HB2	1:A:140:LYS:HG3	7	0.5	0.19	0.46
(1,1594)	1:A:135:SER:HB3	1:A:140:LYS:HG2	7	0.5	0.19	0.46
(1,1594)	1:A:135:SER:HB3	1:A:140:LYS:HG3	7	0.5	0.19	0.46
(1,909)	1:A:76:VAL:H	1:A:89:LEU:H	7	0.49	0.2	0.5
(1,33)	1:A:5:VAL:HB	1:A:7:VAL:HA	7	0.45	0.16	0.42
(1,118)	1:A:8:ASP:H	1:A:39:VAL:HG11	7	0.44	0.2	0.42
(1,118)	1:A:8:ASP:H	1:A:39:VAL:HG12	7	0.44	0.2	0.42
(1,118)	1:A:8:ASP:H	1:A:39:VAL:HG13	7	0.44	0.2	0.42
(1,118)	1:A:8:ASP:H	1:A:39:VAL:HG21	7	0.44	0.2	0.42
(1,118)	1:A:8:ASP:H	1:A:39:VAL:HG22	7	0.44	0.2	0.42
(1,118)	1:A:8:ASP:H	1:A:39:VAL:HG23	7	0.44	0.2	0.42
(1,1224)	1:A:104:VAL:HB	1:A:106:ARG:H	7	0.43	0.2	0.45
(1,1579)	1:A:134:MET:HB2	1:A:135:SER:H	7	0.42	0.07	0.4
(1,1579)	1:A:134:MET:HB3	1:A:135:SER:H	7	0.42	0.07	0.4
(1,70)	1:A:7:VAL:HA	1:A:38:ILE:HG21	7	0.39	0.2	0.27
(1,70)	1:A:7:VAL:HA	1:A:38:ILE:HG22	7	0.39	0.2	0.27

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models ¹	Mean (Å)	SD ¹ (Å)	Median (Å)
(1,70)	1:A:7:VAL:HA	1:A:38:ILE:HG23	7	0.39	0.2	0.27
(1,608)	1:A:49:PRO:HG2	1:A:50:TYR:H	7	0.39	0.09	0.36
(1,608)	1:A:49:PRO:HG3	1:A:50:TYR:H	7	0.39	0.09	0.36
(1,116)	1:A:8:ASP:H	1:A:39:VAL:HA	7	0.38	0.2	0.31
(1,108)	1:A:7:VAL:HG11	1:A:38:ILE:HB	7	0.35	0.1	0.38
(1,108)	1:A:7:VAL:HG12	1:A:38:ILE:HB	7	0.35	0.1	0.38
(1,108)	1:A:7:VAL:HG13	1:A:38:ILE:HB	7	0.35	0.1	0.38
(1,108)	1:A:7:VAL:HG21	1:A:38:ILE:HB	7	0.35	0.1	0.38
(1,108)	1:A:7:VAL:HG22	1:A:38:ILE:HB	7	0.35	0.1	0.38
(1,108)	1:A:7:VAL:HG23	1:A:38:ILE:HB	7	0.35	0.1	0.38
(2,31)	1:A:97:TYR:HB2	1:A:131:ALA:HA	7	0.33	0.16	0.33
(2,31)	1:A:97:TYR:HB3	1:A:131:ALA:HA	7	0.33	0.16	0.33
(1,724)	1:A:56:GLU:HG2	1:A:58:LYS:H	7	0.32	0.15	0.32
(1,590)	1:A:45:GLU:HB2	1:A:48:ALA:HA	7	0.32	0.15	0.23
(1,494)	1:A:31:ILE:HG12	1:A:38:ILE:HA	7	0.3	0.13	0.23
(1,1382)	1:A:114:VAL:HG21	1:A:116:ALA:H	7	0.28	0.07	0.29
(1,1382)	1:A:114:VAL:HG22	1:A:116:ALA:H	7	0.28	0.07	0.29
(1,1382)	1:A:114:VAL:HG23	1:A:116:ALA:H	7	0.28	0.07	0.29
(1,400)	1:A:27:ILE:HA	1:A:71:ALA:HB1	7	0.27	0.1	0.33
(1,400)	1:A:27:ILE:HA	1:A:71:ALA:HB2	7	0.27	0.1	0.33
(1,400)	1:A:27:ILE:HA	1:A:71:ALA:HB3	7	0.27	0.1	0.33
(1,1659)	1:A:140:LYS:HB2	1:A:143:LYS:H	7	0.25	0.08	0.25
(1,1659)	1:A:140:LYS:HB3	1:A:143:LYS:H	7	0.25	0.08	0.25
(1,161)	1:A:10:SER:HB2	1:A:12:LYS:H	7	0.24	0.1	0.22
(1,161)	1:A:10:SER:HB3	1:A:12:LYS:H	7	0.24	0.1	0.22
(1,682)	1:A:54:VAL:HG21	1:A:57:MET:H	7	0.23	0.06	0.25
(1,682)	1:A:54:VAL:HG22	1:A:57:MET:H	7	0.23	0.06	0.25
(1,682)	1:A:54:VAL:HG23	1:A:57:MET:H	7	0.23	0.06	0.25
(3,4)	1:A:8:ASP:N	1:A:38:ILE:O	7	0.21	0.09	0.21
(1,689)	1:A:54:VAL:HG11	1:A:57:MET:H	7	0.21	0.06	0.2
(1,689)	1:A:54:VAL:HG12	1:A:57:MET:H	7	0.21	0.06	0.2
(1,689)	1:A:54:VAL:HG13	1:A:57:MET:H	7	0.21	0.06	0.2
(1,689)	1:A:54:VAL:HG21	1:A:57:MET:H	7	0.21	0.06	0.2
(1,689)	1:A:54:VAL:HG22	1:A:57:MET:H	7	0.21	0.06	0.2
(1,689)	1:A:54:VAL:HG23	1:A:57:MET:H	7	0.21	0.06	0.2
(1,426)	1:A:28:ILE:H	1:A:42:LYS:HA	7	0.21	0.06	0.21
(1,963)	1:A:79:GLN:H	1:A:79:GLN:HA	7	0.16	0.02	0.17
(1,615)	1:A:50:TYR:HA	1:A:51:ALA:H	7	0.15	0.03	0.15
(1,1794)	1:A:151:ARG:H	1:A:151:ARG:HA	7	0.15	0.02	0.15
(1,757)	1:A:58:LYS:HD3	1:A:60:LEU:H	6	1.47	0.25	1.55
(1,895)	1:A:75:GLU:HG3	1:A:88:THR:HB	6	1.34	0.64	1.28
(1,1021)	1:A:85:GLY:H	1:A:86:THR:H	6	1.06	0.45	1.13

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models ¹	Mean (Å)	SD ¹ (Å)	Median (Å)
(1,692)	1:A:54:VAL:HG11	1:A:58:LYS:HE2	6	0.9	0.45	0.88
(1,692)	1:A:54:VAL:HG11	1:A:58:LYS:HE3	6	0.9	0.45	0.88
(1,692)	1:A:54:VAL:HG12	1:A:58:LYS:HE2	6	0.9	0.45	0.88
(1,692)	1:A:54:VAL:HG12	1:A:58:LYS:HE3	6	0.9	0.45	0.88
(1,692)	1:A:54:VAL:HG13	1:A:58:LYS:HE2	6	0.9	0.45	0.88
(1,692)	1:A:54:VAL:HG13	1:A:58:LYS:HE3	6	0.9	0.45	0.88
(1,692)	1:A:54:VAL:HG21	1:A:58:LYS:HE2	6	0.9	0.45	0.88
(1,692)	1:A:54:VAL:HG21	1:A:58:LYS:HE3	6	0.9	0.45	0.88
(1,692)	1:A:54:VAL:HG22	1:A:58:LYS:HE2	6	0.9	0.45	0.88
(1,692)	1:A:54:VAL:HG22	1:A:58:LYS:HE3	6	0.9	0.45	0.88
(1,692)	1:A:54:VAL:HG23	1:A:58:LYS:HE2	6	0.9	0.45	0.88
(1,692)	1:A:54:VAL:HG23	1:A:58:LYS:HE3	6	0.9	0.45	0.88
(1,523)	1:A:33:LYS:HG2	1:A:36:THR:HA	6	0.88	0.24	0.81
(1,962)	1:A:78:VAL:HG11	1:A:87:SER:HB2	6	0.7	0.22	0.77
(1,962)	1:A:78:VAL:HG11	1:A:87:SER:HB3	6	0.7	0.22	0.77
(1,962)	1:A:78:VAL:HG12	1:A:87:SER:HB2	6	0.7	0.22	0.77
(1,962)	1:A:78:VAL:HG12	1:A:87:SER:HB3	6	0.7	0.22	0.77
(1,962)	1:A:78:VAL:HG13	1:A:87:SER:HB2	6	0.7	0.22	0.77
(1,962)	1:A:78:VAL:HG13	1:A:87:SER:HB3	6	0.7	0.22	0.77
(1,962)	1:A:78:VAL:HG21	1:A:87:SER:HB2	6	0.7	0.22	0.77
(1,962)	1:A:78:VAL:HG21	1:A:87:SER:HB3	6	0.7	0.22	0.77
(1,962)	1:A:78:VAL:HG22	1:A:87:SER:HB2	6	0.7	0.22	0.77
(1,962)	1:A:78:VAL:HG22	1:A:87:SER:HB3	6	0.7	0.22	0.77
(1,962)	1:A:78:VAL:HG23	1:A:87:SER:HB2	6	0.7	0.22	0.77
(1,962)	1:A:78:VAL:HG23	1:A:87:SER:HB3	6	0.7	0.22	0.77
(1,1159)	1:A:96:GLN:HB2	1:A:114:VAL:HG11	6	0.7	0.3	0.62
(1,1159)	1:A:96:GLN:HB2	1:A:114:VAL:HG12	6	0.7	0.3	0.62
(1,1159)	1:A:96:GLN:HB2	1:A:114:VAL:HG13	6	0.7	0.3	0.62
(1,1159)	1:A:96:GLN:HB2	1:A:114:VAL:HG21	6	0.7	0.3	0.62
(1,1159)	1:A:96:GLN:HB2	1:A:114:VAL:HG22	6	0.7	0.3	0.62
(1,1159)	1:A:96:GLN:HB2	1:A:114:VAL:HG23	6	0.7	0.3	0.62
(1,1159)	1:A:96:GLN:HB3	1:A:114:VAL:HG11	6	0.7	0.3	0.62
(1,1159)	1:A:96:GLN:HB3	1:A:114:VAL:HG12	6	0.7	0.3	0.62
(1,1159)	1:A:96:GLN:HB3	1:A:114:VAL:HG13	6	0.7	0.3	0.62
(1,1159)	1:A:96:GLN:HB3	1:A:114:VAL:HG21	6	0.7	0.3	0.62
(1,1159)	1:A:96:GLN:HB3	1:A:114:VAL:HG22	6	0.7	0.3	0.62
(1,1159)	1:A:96:GLN:HB3	1:A:114:VAL:HG23	6	0.7	0.3	0.62
(1,1744)	1:A:146:LEU:HA	1:A:150:GLN:HA	6	0.7	0.16	0.73
(1,211)	1:A:12:LYS:HG3	1:A:121:LEU:HD11	6	0.64	0.29	0.62
(1,211)	1:A:12:LYS:HG3	1:A:121:LEU:HD12	6	0.64	0.29	0.62
(1,211)	1:A:12:LYS:HG3	1:A:121:LEU:HD13	6	0.64	0.29	0.62
(1,225)	1:A:13:ASN:HA	1:A:17:LEU:H	6	0.61	0.25	0.57

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models ¹	Mean (Å)	SD ¹ (Å)	Median (Å)
(1,439)	1:A:28:ILE:HB	1:A:42:LYS:HD2	6	0.6	0.22	0.7
(1,439)	1:A:28:ILE:HB	1:A:42:LYS:HD3	6	0.6	0.22	0.7
(1,34)	1:A:5:VAL:HB	1:A:7:VAL:HG11	6	0.6	0.25	0.6
(1,34)	1:A:5:VAL:HB	1:A:7:VAL:HG12	6	0.6	0.25	0.6
(1,34)	1:A:5:VAL:HB	1:A:7:VAL:HG13	6	0.6	0.25	0.6
(1,34)	1:A:5:VAL:HB	1:A:7:VAL:HG21	6	0.6	0.25	0.6
(1,34)	1:A:5:VAL:HB	1:A:7:VAL:HG22	6	0.6	0.25	0.6
(1,34)	1:A:5:VAL:HB	1:A:7:VAL:HG23	6	0.6	0.25	0.6
(1,335)	1:A:19:HIS:HA	1:A:21:LYS:H	6	0.57	0.25	0.51
(1,1721)	1:A:144:SER:HA	1:A:148:SER:H	6	0.55	0.31	0.46
(2,28)	1:A:79:GLN:HB3	1:A:85:GLY:H	6	0.53	0.01	0.53
(1,1169)	1:A:97:TYR:HB3	1:A:131:ALA:HB1	6	0.52	0.22	0.43
(1,1169)	1:A:97:TYR:HB3	1:A:131:ALA:HB2	6	0.52	0.22	0.43
(1,1169)	1:A:97:TYR:HB3	1:A:131:ALA:HB3	6	0.52	0.22	0.43
(1,1254)	1:A:105:ARG:HA	1:A:108:MET:HG2	6	0.51	0.17	0.5
(1,1254)	1:A:105:ARG:HA	1:A:108:MET:HG3	6	0.51	0.17	0.5
(1,1254)	1:A:105:ARG:HA	1:A:108:MET:HG2	6	0.51	0.17	0.5
(1,1254)	1:A:105:ARG:HA	1:A:108:MET:HG3	6	0.51	0.17	0.5
(1,1325)	1:A:109:LEU:HD11	1:A:112:SER:HB2	6	0.49	0.29	0.4
(1,1325)	1:A:109:LEU:HD11	1:A:112:SER:HB3	6	0.49	0.29	0.4
(1,1325)	1:A:109:LEU:HD12	1:A:112:SER:HB2	6	0.49	0.29	0.4
(1,1325)	1:A:109:LEU:HD12	1:A:112:SER:HB3	6	0.49	0.29	0.4
(1,1325)	1:A:109:LEU:HD13	1:A:112:SER:HB2	6	0.49	0.29	0.4
(1,1325)	1:A:109:LEU:HD13	1:A:112:SER:HB3	6	0.49	0.29	0.4
(1,1325)	1:A:109:LEU:HD21	1:A:112:SER:HB2	6	0.49	0.29	0.4
(1,1325)	1:A:109:LEU:HD21	1:A:112:SER:HB3	6	0.49	0.29	0.4
(1,1325)	1:A:109:LEU:HD22	1:A:112:SER:HB2	6	0.49	0.29	0.4
(1,1325)	1:A:109:LEU:HD22	1:A:112:SER:HB3	6	0.49	0.29	0.4
(1,1325)	1:A:109:LEU:HD23	1:A:112:SER:HB2	6	0.49	0.29	0.4
(1,1325)	1:A:109:LEU:HD23	1:A:112:SER:HB3	6	0.49	0.29	0.4
(1,577)	1:A:42:LYS:HB2	1:A:53:PHE:HA	6	0.48	0.24	0.57
(1,577)	1:A:42:LYS:HB3	1:A:53:PHE:HA	6	0.48	0.24	0.57
(1,500)	1:A:31:ILE:HG13	1:A:38:ILE:HD11	6	0.47	0.14	0.45
(1,500)	1:A:31:ILE:HG13	1:A:38:ILE:HD12	6	0.47	0.14	0.45
(1,500)	1:A:31:ILE:HG13	1:A:38:ILE:HD13	6	0.47	0.14	0.45
(1,1550)	1:A:131:ALA:HA	1:A:136:ASP:HA	6	0.46	0.27	0.36
(1,659)	1:A:53:PHE:HB2	1:A:56:GLU:H	6	0.41	0.18	0.35
(1,1171)	1:A:97:TYR:HB2	1:A:131:ALA:HB1	6	0.4	0.23	0.34
(1,1171)	1:A:97:TYR:HB2	1:A:131:ALA:HB2	6	0.4	0.23	0.34
(1,1171)	1:A:97:TYR:HB2	1:A:131:ALA:HB3	6	0.4	0.23	0.34
(1,1171)	1:A:97:TYR:HB3	1:A:131:ALA:HB1	6	0.4	0.23	0.34
(1,1171)	1:A:97:TYR:HB3	1:A:131:ALA:HB2	6	0.4	0.23	0.34

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models ¹	Mean (Å)	SD ¹ (Å)	Median (Å)
(1,1171)	1:A:97:TYR:HB3	1:A:131:ALA:HB3	6	0.4	0.23	0.34
(1,1082)	1:A:93:ILE:HA	1:A:127:PHE:HA	6	0.39	0.12	0.38
(1,1285)	1:A:107:ARG:HD2	1:A:108:MET:H	6	0.39	0.07	0.4
(1,1285)	1:A:107:ARG:HD3	1:A:108:MET:H	6	0.39	0.07	0.4
(1,1285)	1:A:107:ARG:HD2	1:A:108:MET:H	6	0.39	0.07	0.4
(1,1285)	1:A:107:ARG:HD3	1:A:108:MET:H	6	0.39	0.07	0.4
(1,453)	1:A:28:ILE:HG12	1:A:41:GLU:HB2	6	0.38	0.17	0.3
(1,453)	1:A:28:ILE:HG12	1:A:41:GLU:HB3	6	0.38	0.17	0.3
(1,453)	1:A:28:ILE:HG13	1:A:41:GLU:HB2	6	0.38	0.17	0.3
(1,453)	1:A:28:ILE:HG13	1:A:41:GLU:HB3	6	0.38	0.17	0.3
(1,1587)	1:A:135:SER:HA	1:A:138:ASP:H	6	0.37	0.16	0.4
(1,65)	1:A:7:VAL:HA	1:A:37:ALA:HA	6	0.36	0.18	0.36
(2,26)	1:A:77:THR:HB	1:A:78:VAL:HG11	6	0.35	0.05	0.36
(2,26)	1:A:77:THR:HB	1:A:78:VAL:HG12	6	0.35	0.05	0.36
(2,26)	1:A:77:THR:HB	1:A:78:VAL:HG13	6	0.35	0.05	0.36
(1,256)	1:A:15:TYR:HB2	1:A:121:LEU:HG	6	0.33	0.16	0.3
(1,985)	1:A:80:ARG:H	1:A:80:ARG:HG2	6	0.32	0.2	0.28
(1,985)	1:A:80:ARG:H	1:A:80:ARG:HG3	6	0.32	0.2	0.28
(1,4)	1:A:1:MET:HA	1:A:114:VAL:HB	6	0.32	0.15	0.24
(1,822)	1:A:70:ALA:H	1:A:94:PHE:HA	6	0.32	0.15	0.32
(1,515)	1:A:31:ILE:HG21	1:A:37:ALA:H	6	0.32	0.07	0.32
(1,515)	1:A:31:ILE:HG22	1:A:37:ALA:H	6	0.32	0.07	0.32
(1,515)	1:A:31:ILE:HG23	1:A:37:ALA:H	6	0.32	0.07	0.32
(1,1016)	1:A:84:GLU:HA	1:A:85:GLY:H	6	0.3	0.05	0.3
(1,402)	1:A:27:ILE:HB	1:A:43:VAL:HA	6	0.3	0.22	0.17
(1,1703)	1:A:143:LYS:HA	1:A:146:LEU:HA	6	0.3	0.16	0.26
(1,366)	1:A:25:SER:H	1:A:73:ASP:H	6	0.28	0.17	0.26
(1,1298)	1:A:108:MET:HB2	1:A:110:TYR:H	6	0.28	0.2	0.17
(1,1293)	1:A:108:MET:HA	1:A:110:TYR:H	6	0.27	0.17	0.22
(1,1233)	1:A:104:VAL:HG21	1:A:106:ARG:H	6	0.26	0.14	0.2
(1,1233)	1:A:104:VAL:HG22	1:A:106:ARG:H	6	0.26	0.14	0.2
(1,1233)	1:A:104:VAL:HG23	1:A:106:ARG:H	6	0.26	0.14	0.2
(1,153)	1:A:10:SER:HA	1:A:40:VAL:HG11	6	0.25	0.09	0.24
(1,153)	1:A:10:SER:HA	1:A:40:VAL:HG12	6	0.25	0.09	0.24
(1,153)	1:A:10:SER:HA	1:A:40:VAL:HG13	6	0.25	0.09	0.24
(1,153)	1:A:10:SER:HA	1:A:40:VAL:HG21	6	0.25	0.09	0.24
(1,153)	1:A:10:SER:HA	1:A:40:VAL:HG22	6	0.25	0.09	0.24
(1,153)	1:A:10:SER:HA	1:A:40:VAL:HG23	6	0.25	0.09	0.24
(1,1313)	1:A:109:LEU:HA	1:A:111:ALA:H	6	0.23	0.05	0.22
(1,725)	1:A:56:GLU:HG3	1:A:57:MET:H	6	0.22	0.06	0.23
(1,1740)	1:A:146:LEU:H	1:A:148:SER:H	6	0.22	0.09	0.22
(1,1627)	1:A:139:GLU:HA	1:A:143:LYS:HE2	6	0.19	0.03	0.2

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models ¹	Mean (Å)	SD ¹ (Å)	Median (Å)
(1,1627)	1:A:139:GLU:HA	1:A:143:LYS:HE3	6	0.19	0.03	0.2
(1,683)	1:A:54:VAL:HG21	1:A:58:LYS:H	6	0.18	0.05	0.16
(1,683)	1:A:54:VAL:HG22	1:A:58:LYS:H	6	0.18	0.05	0.16
(1,683)	1:A:54:VAL:HG23	1:A:58:LYS:H	6	0.18	0.05	0.16
(2,16)	1:A:27:ILE:HG21	1:A:43:VAL:H	6	0.16	0.01	0.16
(2,16)	1:A:27:ILE:HG22	1:A:43:VAL:H	6	0.16	0.01	0.16
(2,16)	1:A:27:ILE:HG23	1:A:43:VAL:H	6	0.16	0.01	0.16
(1,905)	1:A:76:VAL:H	1:A:77:THR:H	6	0.16	0.04	0.15
(1,908)	1:A:76:VAL:H	1:A:88:THR:HG21	5	1.43	0.26	1.43
(1,908)	1:A:76:VAL:H	1:A:88:THR:HG22	5	1.43	0.26	1.43
(1,908)	1:A:76:VAL:H	1:A:88:THR:HG23	5	1.43	0.26	1.43
(1,490)	1:A:31:ILE:HB	1:A:109:LEU:HD11	5	1.0	0.52	1.07
(1,490)	1:A:31:ILE:HB	1:A:109:LEU:HD12	5	1.0	0.52	1.07
(1,490)	1:A:31:ILE:HB	1:A:109:LEU:HD13	5	1.0	0.52	1.07
(1,490)	1:A:31:ILE:HB	1:A:109:LEU:HD21	5	1.0	0.52	1.07
(1,490)	1:A:31:ILE:HB	1:A:109:LEU:HD22	5	1.0	0.52	1.07
(1,490)	1:A:31:ILE:HB	1:A:109:LEU:HD23	5	1.0	0.52	1.07
(1,1220)	1:A:104:VAL:HA	1:A:107:ARG:HB2	5	0.87	0.56	0.71
(1,1220)	1:A:104:VAL:HA	1:A:107:ARG:HB3	5	0.87	0.56	0.71
(1,14)	1:A:3:SER:H	1:A:113:SER:HA	5	0.81	0.11	0.87
(1,1241)	1:A:104:VAL:HG11	1:A:107:ARG:HB2	5	0.79	0.4	0.64
(1,1241)	1:A:104:VAL:HG11	1:A:107:ARG:HB3	5	0.79	0.4	0.64
(1,1241)	1:A:104:VAL:HG12	1:A:107:ARG:HB2	5	0.79	0.4	0.64
(1,1241)	1:A:104:VAL:HG12	1:A:107:ARG:HB3	5	0.79	0.4	0.64
(1,1241)	1:A:104:VAL:HG13	1:A:107:ARG:HB2	5	0.79	0.4	0.64
(1,1241)	1:A:104:VAL:HG13	1:A:107:ARG:HB3	5	0.79	0.4	0.64
(1,1241)	1:A:104:VAL:HG21	1:A:107:ARG:HB2	5	0.79	0.4	0.64
(1,1241)	1:A:104:VAL:HG21	1:A:107:ARG:HB3	5	0.79	0.4	0.64
(1,1241)	1:A:104:VAL:HG22	1:A:107:ARG:HB2	5	0.79	0.4	0.64
(1,1241)	1:A:104:VAL:HG22	1:A:107:ARG:HB3	5	0.79	0.4	0.64
(1,1241)	1:A:104:VAL:HG23	1:A:107:ARG:HB2	5	0.79	0.4	0.64
(1,1241)	1:A:104:VAL:HG23	1:A:107:ARG:HB3	5	0.79	0.4	0.64
(1,385)	1:A:26:TYR:HB2	1:A:72:VAL:HA	5	0.78	0.4	0.77
(1,385)	1:A:26:TYR:HB3	1:A:72:VAL:HA	5	0.78	0.4	0.77
(1,1771)	1:A:149:ASN:HB2	1:A:152:ILE:HD11	5	0.77	0.31	0.62
(1,1771)	1:A:149:ASN:HB2	1:A:152:ILE:HD12	5	0.77	0.31	0.62
(1,1771)	1:A:149:ASN:HB2	1:A:152:ILE:HD13	5	0.77	0.31	0.62
(1,382)	1:A:26:TYR:HB3	1:A:72:VAL:HA	5	0.72	0.39	0.85
(1,518)	1:A:32:ASP:HB3	1:A:37:ALA:H	5	0.71	0.49	0.58
(1,1122)	1:A:94:PHE:HB2	1:A:118:LYS:HE2	5	0.68	0.28	0.65
(1,1122)	1:A:94:PHE:HB2	1:A:118:LYS:HE3	5	0.68	0.28	0.65
(1,1122)	1:A:94:PHE:HB3	1:A:118:LYS:HE2	5	0.68	0.28	0.65

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models ¹	Mean (Å)	SD ¹ (Å)	Median (Å)
(1,1122)	1:A:94:PHE:HB3	1:A:118:LYS:HE3	5	0.68	0.28	0.65
(1,987)	1:A:80:ARG:H	1:A:85:GLY:H	5	0.66	0.22	0.63
(1,1781)	1:A:149:ASN:HB2	1:A:152:ILE:HG21	5	0.65	0.22	0.58
(1,1781)	1:A:149:ASN:HB2	1:A:152:ILE:HG22	5	0.65	0.22	0.58
(1,1781)	1:A:149:ASN:HB2	1:A:152:ILE:HG23	5	0.65	0.22	0.58
(1,1781)	1:A:149:ASN:HB3	1:A:152:ILE:HG21	5	0.65	0.22	0.58
(1,1781)	1:A:149:ASN:HB3	1:A:152:ILE:HG22	5	0.65	0.22	0.58
(1,1781)	1:A:149:ASN:HB3	1:A:152:ILE:HG23	5	0.65	0.22	0.58
(1,1167)	1:A:97:TYR:HB2	1:A:131:ALA:HB1	5	0.65	0.31	0.7
(1,1167)	1:A:97:TYR:HB2	1:A:131:ALA:HB2	5	0.65	0.31	0.7
(1,1167)	1:A:97:TYR:HB2	1:A:131:ALA:HB3	5	0.65	0.31	0.7
(1,1173)	1:A:98:CYS:HB2	1:A:107:ARG:HD2	5	0.6	0.24	0.7
(1,1173)	1:A:98:CYS:HB2	1:A:107:ARG:HD3	5	0.6	0.24	0.7
(1,1173)	1:A:98:CYS:HB3	1:A:107:ARG:HD2	5	0.6	0.24	0.7
(1,1173)	1:A:98:CYS:HB3	1:A:107:ARG:HD3	5	0.6	0.24	0.7
(1,1187)	1:A:99:PRO:HG2	1:A:132:SER:HB3	5	0.58	0.2	0.52
(1,112)	1:A:8:ASP:H	1:A:11:CYS:HB2	5	0.57	0.32	0.56
(1,112)	1:A:8:ASP:H	1:A:11:CYS:HB3	5	0.57	0.32	0.56
(1,97)	1:A:7:VAL:HG11	1:A:116:ALA:H	5	0.56	0.22	0.68
(1,97)	1:A:7:VAL:HG12	1:A:116:ALA:H	5	0.56	0.22	0.68
(1,97)	1:A:7:VAL:HG13	1:A:116:ALA:H	5	0.56	0.22	0.68
(1,97)	1:A:7:VAL:HG21	1:A:116:ALA:H	5	0.56	0.22	0.68
(1,97)	1:A:7:VAL:HG22	1:A:116:ALA:H	5	0.56	0.22	0.68
(1,97)	1:A:7:VAL:HG23	1:A:116:ALA:H	5	0.56	0.22	0.68
(1,594)	1:A:45:GLU:HG2	1:A:48:ALA:HB1	5	0.52	0.26	0.62
(1,594)	1:A:45:GLU:HG2	1:A:48:ALA:HB2	5	0.52	0.26	0.62
(1,594)	1:A:45:GLU:HG2	1:A:48:ALA:HB3	5	0.52	0.26	0.62
(1,594)	1:A:45:GLU:HG3	1:A:48:ALA:HB1	5	0.52	0.26	0.62
(1,594)	1:A:45:GLU:HG3	1:A:48:ALA:HB2	5	0.52	0.26	0.62
(1,594)	1:A:45:GLU:HG3	1:A:48:ALA:HB3	5	0.52	0.26	0.62
(1,594)	1:A:45:GLU:HG2	1:A:48:ALA:HB1	5	0.52	0.26	0.62
(1,594)	1:A:45:GLU:HG2	1:A:48:ALA:HB2	5	0.52	0.26	0.62
(1,594)	1:A:45:GLU:HG2	1:A:48:ALA:HB3	5	0.52	0.26	0.62
(1,594)	1:A:45:GLU:HG3	1:A:48:ALA:HB1	5	0.52	0.26	0.62
(1,594)	1:A:45:GLU:HG3	1:A:48:ALA:HB2	5	0.52	0.26	0.62
(1,594)	1:A:45:GLU:HG3	1:A:48:ALA:HB3	5	0.52	0.26	0.62
(1,1606)	1:A:137:LEU:HA	1:A:140:LYS:HE2	5	0.51	0.3	0.47
(1,1606)	1:A:137:LEU:HA	1:A:140:LYS:HE3	5	0.51	0.3	0.47
(1,77)	1:A:7:VAL:HB	1:A:38:ILE:HD11	5	0.5	0.18	0.42
(1,77)	1:A:7:VAL:HB	1:A:38:ILE:HD12	5	0.5	0.18	0.42
(1,77)	1:A:7:VAL:HB	1:A:38:ILE:HD13	5	0.5	0.18	0.42
(1,885)	1:A:75:GLU:HB3	1:A:88:THR:HB	5	0.49	0.31	0.32

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models ¹	Mean (Å)	SD ¹ (Å)	Median (Å)
(3,10)	1:A:26:TYR:N	1:A:44:GLY:O	5	0.48	0.17	0.44
(1,429)	1:A:28:ILE:H	1:A:42:LYS:HG2	5	0.44	0.26	0.3
(1,429)	1:A:28:ILE:H	1:A:42:LYS:HG3	5	0.44	0.26	0.3
(1,531)	1:A:34:ASN:H	1:A:36:THR:HG21	5	0.44	0.24	0.4
(1,531)	1:A:34:ASN:H	1:A:36:THR:HG22	5	0.44	0.24	0.4
(1,531)	1:A:34:ASN:H	1:A:36:THR:HG23	5	0.44	0.24	0.4
(1,1398)	1:A:115:ARG:HA	1:A:119:ALA:H	5	0.44	0.16	0.4
(1,331)	1:A:18:LEU:HD11	1:A:92:VAL:HA	5	0.43	0.2	0.46
(1,331)	1:A:18:LEU:HD12	1:A:92:VAL:HA	5	0.43	0.2	0.46
(1,331)	1:A:18:LEU:HD13	1:A:92:VAL:HA	5	0.43	0.2	0.46
(1,331)	1:A:18:LEU:HD21	1:A:92:VAL:HA	5	0.43	0.2	0.46
(1,331)	1:A:18:LEU:HD22	1:A:92:VAL:HA	5	0.43	0.2	0.46
(1,331)	1:A:18:LEU:HD23	1:A:92:VAL:HA	5	0.43	0.2	0.46
(1,466)	1:A:29:PHE:HB3	1:A:41:GLU:H	5	0.42	0.33	0.23
(1,1410)	1:A:116:ALA:HA	1:A:120:SER:H	5	0.41	0.2	0.38
(1,1065)	1:A:91:LYS:HE3	1:A:150:GLN:H	5	0.4	0.26	0.28
(1,1234)	1:A:104:VAL:HG21	1:A:107:ARG:H	5	0.39	0.22	0.31
(1,1234)	1:A:104:VAL:HG22	1:A:107:ARG:H	5	0.39	0.22	0.31
(1,1234)	1:A:104:VAL:HG23	1:A:107:ARG:H	5	0.39	0.22	0.31
(1,234)	1:A:14:ALA:H	1:A:43:VAL:HG11	5	0.38	0.18	0.32
(1,234)	1:A:14:ALA:H	1:A:43:VAL:HG12	5	0.38	0.18	0.32
(1,234)	1:A:14:ALA:H	1:A:43:VAL:HG13	5	0.38	0.18	0.32
(1,234)	1:A:14:ALA:H	1:A:43:VAL:HG21	5	0.38	0.18	0.32
(1,234)	1:A:14:ALA:H	1:A:43:VAL:HG22	5	0.38	0.18	0.32
(1,234)	1:A:14:ALA:H	1:A:43:VAL:HG23	5	0.38	0.18	0.32
(1,255)	1:A:15:TYR:HA	1:A:19:HIS:H	5	0.38	0.31	0.27
(1,1118)	1:A:94:PHE:HA	1:A:128:GLN:HB2	5	0.36	0.06	0.35
(1,1178)	1:A:99:PRO:HB2	1:A:102:ALA:HA	5	0.36	0.23	0.37
(2,35)	1:A:118:LYS:HE3	1:A:128:GLN:HA	5	0.34	0.16	0.3
(1,1364)	1:A:113:SER:HB2	1:A:116:ALA:H	5	0.33	0.09	0.3
(1,1322)	1:A:109:LEU:HD21	1:A:113:SER:H	5	0.33	0.14	0.32
(1,1322)	1:A:109:LEU:HD22	1:A:113:SER:H	5	0.33	0.14	0.32
(1,1322)	1:A:109:LEU:HD23	1:A:113:SER:H	5	0.33	0.14	0.32
(1,671)	1:A:54:VAL:HA	1:A:57:MET:HA	5	0.33	0.06	0.33
(1,800)	1:A:64:GLY:H	1:A:65:LYS:H	5	0.31	0.13	0.39
(1,1597)	1:A:136:ASP:H	1:A:138:ASP:H	5	0.3	0.08	0.27
(1,599)	1:A:49:PRO:HA	1:A:52:GLU:H	5	0.3	0.14	0.2
(1,655)	1:A:53:PHE:HA	1:A:56:GLU:H	5	0.3	0.17	0.24
(1,664)	1:A:53:PHE:HB2	1:A:57:MET:H	5	0.3	0.11	0.26
(1,664)	1:A:53:PHE:HB3	1:A:57:MET:H	5	0.3	0.11	0.26
(1,351)	1:A:21:LYS:HE2	1:A:22:HIS:H	5	0.28	0.1	0.25
(1,351)	1:A:21:LYS:HE3	1:A:22:HIS:H	5	0.28	0.1	0.25

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models ¹	Mean (Å)	SD ¹ (Å)	Median (Å)
(1,181)	1:A:11:CYS:HB3	1:A:13:ASN:H	5	0.27	0.08	0.3
(3,60)	1:A:143:LYS:O	1:A:147:MET:N	5	0.26	0.07	0.25
(1,1052)	1:A:89:LEU:HD21	1:A:90:ASN:H	5	0.26	0.06	0.24
(1,1052)	1:A:89:LEU:HD22	1:A:90:ASN:H	5	0.26	0.06	0.24
(1,1052)	1:A:89:LEU:HD23	1:A:90:ASN:H	5	0.26	0.06	0.24
(1,1803)	1:A:151:ARG:HG2	1:A:152:ILE:H	5	0.25	0.06	0.28
(1,1803)	1:A:151:ARG:HG3	1:A:152:ILE:H	5	0.25	0.06	0.28
(1,178)	1:A:11:CYS:HB2	1:A:13:ASN:H	5	0.25	0.08	0.26
(1,948)	1:A:78:VAL:HA	1:A:79:GLN:H	5	0.23	0.02	0.24
(1,1366)	1:A:113:SER:HB3	1:A:116:ALA:H	5	0.23	0.08	0.24
(1,294)	1:A:17:LEU:HA	1:A:21:LYS:HD2	5	0.22	0.08	0.18
(1,294)	1:A:17:LEU:HA	1:A:21:LYS:HD3	5	0.22	0.08	0.18
(1,1033)	1:A:88:THR:H	1:A:88:THR:HB	5	0.21	0.06	0.19
(1,676)	1:A:54:VAL:HB	1:A:57:MET:H	5	0.2	0.07	0.2
(1,1288)	1:A:107:ARG:HG2	1:A:109:LEU:H	5	0.19	0.05	0.22
(1,1288)	1:A:107:ARG:HG3	1:A:109:LEU:H	5	0.19	0.05	0.22
(1,437)	1:A:28:ILE:HB	1:A:42:LYS:HA	5	0.18	0.02	0.18
(1,1014)	1:A:84:GLU:H	1:A:84:GLU:HB2	5	0.16	0.04	0.15
(1,1014)	1:A:84:GLU:H	1:A:84:GLU:HB3	5	0.16	0.04	0.15
(1,1024)	1:A:86:THR:H	1:A:86:THR:HB	5	0.16	0.02	0.14
(1,1536)	1:A:128:GLN:HB2	1:A:129:VAL:H	5	0.14	0.02	0.13
(1,1536)	1:A:128:GLN:HB3	1:A:129:VAL:H	5	0.14	0.02	0.13
(1,379)	1:A:26:TYR:HB2	1:A:72:VAL:HA	4	1.33	0.6	1.6
(1,1196)	1:A:100:ASP:HA	1:A:132:SER:HB3	4	0.77	0.2	0.88
(1,292)	1:A:17:LEU:HA	1:A:21:LYS:H	4	0.74	0.56	0.72
(1,1774)	1:A:149:ASN:HB3	1:A:152:ILE:HD11	4	0.72	0.33	0.7
(1,1774)	1:A:149:ASN:HB3	1:A:152:ILE:HD12	4	0.72	0.33	0.7
(1,1774)	1:A:149:ASN:HB3	1:A:152:ILE:HD13	4	0.72	0.33	0.7
(1,1161)	1:A:96:GLN:HG2	1:A:114:VAL:HG11	4	0.68	0.23	0.66
(1,1161)	1:A:96:GLN:HG2	1:A:114:VAL:HG12	4	0.68	0.23	0.66
(1,1161)	1:A:96:GLN:HG2	1:A:114:VAL:HG13	4	0.68	0.23	0.66
(1,1161)	1:A:96:GLN:HG2	1:A:114:VAL:HG21	4	0.68	0.23	0.66
(1,1161)	1:A:96:GLN:HG2	1:A:114:VAL:HG22	4	0.68	0.23	0.66
(1,1161)	1:A:96:GLN:HG2	1:A:114:VAL:HG23	4	0.68	0.23	0.66
(1,1161)	1:A:96:GLN:HG3	1:A:114:VAL:HG11	4	0.68	0.23	0.66
(1,1161)	1:A:96:GLN:HG3	1:A:114:VAL:HG12	4	0.68	0.23	0.66
(1,1161)	1:A:96:GLN:HG3	1:A:114:VAL:HG13	4	0.68	0.23	0.66
(1,1161)	1:A:96:GLN:HG3	1:A:114:VAL:HG21	4	0.68	0.23	0.66
(1,1161)	1:A:96:GLN:HG3	1:A:114:VAL:HG22	4	0.68	0.23	0.66
(1,1161)	1:A:96:GLN:HG3	1:A:114:VAL:HG23	4	0.68	0.23	0.66
(1,1185)	1:A:99:PRO:HG2	1:A:102:ALA:HA	4	0.66	0.25	0.65
(1,1240)	1:A:104:VAL:HG11	1:A:107:ARG:HA	4	0.63	0.17	0.62

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models ¹	Mean (Å)	SD ¹ (Å)	Median (Å)
(1,1240)	1:A:104:VAL:HG12	1:A:107:ARG:HA	4	0.63	0.17	0.62
(1,1240)	1:A:104:VAL:HG13	1:A:107:ARG:HA	4	0.63	0.17	0.62
(1,1240)	1:A:104:VAL:HG21	1:A:107:ARG:HA	4	0.63	0.17	0.62
(1,1240)	1:A:104:VAL:HG22	1:A:107:ARG:HA	4	0.63	0.17	0.62
(1,1240)	1:A:104:VAL:HG23	1:A:107:ARG:HA	4	0.63	0.17	0.62
(1,55)	1:A:6:LYS:HE2	1:A:7:VAL:H	4	0.63	0.15	0.68
(1,55)	1:A:6:LYS:HE3	1:A:7:VAL:H	4	0.63	0.15	0.68
(1,1281)	1:A:107:ARG:HA	1:A:110:TYR:HA	4	0.62	0.36	0.44
(1,700)	1:A:55:GLU:HA	1:A:58:LYS:HE2	4	0.56	0.31	0.42
(1,700)	1:A:55:GLU:HA	1:A:58:LYS:HE3	4	0.56	0.31	0.42
(1,790)	1:A:61:VAL:HG11	1:A:66:GLU:HG2	4	0.56	0.2	0.64
(1,790)	1:A:61:VAL:HG11	1:A:66:GLU:HG3	4	0.56	0.2	0.64
(1,790)	1:A:61:VAL:HG12	1:A:66:GLU:HG2	4	0.56	0.2	0.64
(1,790)	1:A:61:VAL:HG12	1:A:66:GLU:HG3	4	0.56	0.2	0.64
(1,790)	1:A:61:VAL:HG13	1:A:66:GLU:HG2	4	0.56	0.2	0.64
(1,790)	1:A:61:VAL:HG13	1:A:66:GLU:HG3	4	0.56	0.2	0.64
(1,790)	1:A:61:VAL:HG21	1:A:66:GLU:HG2	4	0.56	0.2	0.64
(1,790)	1:A:61:VAL:HG21	1:A:66:GLU:HG3	4	0.56	0.2	0.64
(1,790)	1:A:61:VAL:HG22	1:A:66:GLU:HG2	4	0.56	0.2	0.64
(1,790)	1:A:61:VAL:HG22	1:A:66:GLU:HG3	4	0.56	0.2	0.64
(1,790)	1:A:61:VAL:HG23	1:A:66:GLU:HG2	4	0.56	0.2	0.64
(1,790)	1:A:61:VAL:HG23	1:A:66:GLU:HG3	4	0.56	0.2	0.64
(1,440)	1:A:28:ILE:HB	1:A:70:ALA:HB1	4	0.55	0.31	0.53
(1,440)	1:A:28:ILE:HB	1:A:70:ALA:HB2	4	0.55	0.31	0.53
(1,440)	1:A:28:ILE:HB	1:A:70:ALA:HB3	4	0.55	0.31	0.53
(1,756)	1:A:58:LYS:HD3	1:A:59:LYS:H	4	0.55	0.29	0.5
(1,1808)	1:A:152:ILE:H	1:A:152:ILE:HG12	4	0.53	0.41	0.36
(1,1808)	1:A:152:ILE:H	1:A:152:ILE:HG13	4	0.53	0.41	0.36
(1,1780)	1:A:149:ASN:HB2	1:A:152:ILE:HD11	4	0.51	0.28	0.48
(1,1780)	1:A:149:ASN:HB2	1:A:152:ILE:HD12	4	0.51	0.28	0.48
(1,1780)	1:A:149:ASN:HB2	1:A:152:ILE:HD13	4	0.51	0.28	0.48
(1,1780)	1:A:149:ASN:HB3	1:A:152:ILE:HD11	4	0.51	0.28	0.48
(1,1780)	1:A:149:ASN:HB3	1:A:152:ILE:HD12	4	0.51	0.28	0.48
(1,1780)	1:A:149:ASN:HB3	1:A:152:ILE:HD13	4	0.51	0.28	0.48
(1,48)	1:A:6:LYS:H	1:A:6:LYS:HE2	4	0.5	0.2	0.56
(1,48)	1:A:6:LYS:H	1:A:6:LYS:HE3	4	0.5	0.2	0.56
(1,606)	1:A:49:PRO:HB3	1:A:52:GLU:H	4	0.49	0.23	0.48
(1,509)	1:A:31:ILE:HG21	1:A:109:LEU:H	4	0.49	0.26	0.48
(1,509)	1:A:31:ILE:HG22	1:A:109:LEU:H	4	0.49	0.26	0.48
(1,509)	1:A:31:ILE:HG23	1:A:109:LEU:H	4	0.49	0.26	0.48
(3,9)	1:A:26:TYR:H	1:A:44:GLY:O	4	0.48	0.24	0.42
(1,27)	1:A:5:VAL:HA	1:A:36:THR:HA	4	0.46	0.12	0.46

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models ¹	Mean (Å)	SD ¹ (Å)	Median (Å)
(1,973)	1:A:79:GLN:HB2	1:A:85:GLY:H	4	0.46	0.1	0.5
(1,1445)	1:A:118:LYS:HG2	1:A:128:GLN:HB2	4	0.46	0.17	0.42
(1,1445)	1:A:118:LYS:HG2	1:A:128:GLN:HB3	4	0.46	0.17	0.42
(1,1775)	1:A:149:ASN:HB3	1:A:152:ILE:HG21	4	0.46	0.31	0.42
(1,1775)	1:A:149:ASN:HB3	1:A:152:ILE:HG22	4	0.46	0.31	0.42
(1,1775)	1:A:149:ASN:HB3	1:A:152:ILE:HG23	4	0.46	0.31	0.42
(1,1799)	1:A:151:ARG:H	1:A:152:ILE:H	4	0.45	0.16	0.48
(1,607)	1:A:49:PRO:HG2	1:A:51:ALA:HB1	4	0.43	0.24	0.36
(1,607)	1:A:49:PRO:HG2	1:A:51:ALA:HB2	4	0.43	0.24	0.36
(1,607)	1:A:49:PRO:HG2	1:A:51:ALA:HB3	4	0.43	0.24	0.36
(1,607)	1:A:49:PRO:HG3	1:A:51:ALA:HB1	4	0.43	0.24	0.36
(1,607)	1:A:49:PRO:HG3	1:A:51:ALA:HB2	4	0.43	0.24	0.36
(1,607)	1:A:49:PRO:HG3	1:A:51:ALA:HB3	4	0.43	0.24	0.36
(1,1235)	1:A:104:VAL:HG21	1:A:108:MET:H	4	0.42	0.04	0.43
(1,1235)	1:A:104:VAL:HG22	1:A:108:MET:H	4	0.42	0.04	0.43
(1,1235)	1:A:104:VAL:HG23	1:A:108:MET:H	4	0.42	0.04	0.43
(1,64)	1:A:7:VAL:HA	1:A:117:LEU:HA	4	0.4	0.18	0.42
(1,323)	1:A:18:LEU:HD21	1:A:71:ALA:HA	4	0.4	0.17	0.44
(1,323)	1:A:18:LEU:HD22	1:A:71:ALA:HA	4	0.4	0.17	0.44
(1,323)	1:A:18:LEU:HD23	1:A:71:ALA:HA	4	0.4	0.17	0.44
(1,902)	1:A:75:GLU:HG2	1:A:90:ASN:HB2	4	0.4	0.34	0.27
(1,902)	1:A:75:GLU:HG2	1:A:90:ASN:HB3	4	0.4	0.34	0.27
(1,902)	1:A:75:GLU:HG3	1:A:90:ASN:HB2	4	0.4	0.34	0.27
(1,902)	1:A:75:GLU:HG3	1:A:90:ASN:HB3	4	0.4	0.34	0.27
(1,589)	1:A:45:GLU:HA	1:A:48:ALA:HB1	4	0.4	0.1	0.4
(1,589)	1:A:45:GLU:HA	1:A:48:ALA:HB2	4	0.4	0.1	0.4
(1,589)	1:A:45:GLU:HA	1:A:48:ALA:HB3	4	0.4	0.1	0.4
(1,784)	1:A:61:VAL:HG11	1:A:66:GLU:HG2	4	0.37	0.21	0.36
(1,784)	1:A:61:VAL:HG12	1:A:66:GLU:HG2	4	0.37	0.21	0.36
(1,784)	1:A:61:VAL:HG13	1:A:66:GLU:HG2	4	0.37	0.21	0.36
(1,784)	1:A:61:VAL:HG11	1:A:66:GLU:HG3	4	0.37	0.21	0.36
(1,784)	1:A:61:VAL:HG12	1:A:66:GLU:HG3	4	0.37	0.21	0.36
(1,784)	1:A:61:VAL:HG13	1:A:66:GLU:HG3	4	0.37	0.21	0.36
(1,129)	1:A:8:ASP:HB3	1:A:39:VAL:HB	4	0.36	0.16	0.39
(1,1208)	1:A:103:PRO:HA	1:A:107:ARG:H	4	0.36	0.16	0.38
(1,1099)	1:A:93:ILE:HD11	1:A:142:VAL:HA	4	0.34	0.06	0.34
(1,1099)	1:A:93:ILE:HD12	1:A:142:VAL:HA	4	0.34	0.06	0.34
(1,1099)	1:A:93:ILE:HD13	1:A:142:VAL:HA	4	0.34	0.06	0.34
(1,629)	1:A:51:ALA:HA	1:A:54:VAL:HA	4	0.3	0.07	0.29
(1,111)	1:A:7:VAL:HG11	1:A:9:PRO:HA	4	0.3	0.17	0.3
(1,111)	1:A:7:VAL:HG12	1:A:9:PRO:HA	4	0.3	0.17	0.3
(1,111)	1:A:7:VAL:HG13	1:A:9:PRO:HA	4	0.3	0.17	0.3

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models ¹	Mean (Å)	SD ¹ (Å)	Median (Å)
(1,111)	1:A:7:VAL:HG21	1:A:9:PRO:HA	4	0.3	0.17	0.3
(1,111)	1:A:7:VAL:HG22	1:A:9:PRO:HA	4	0.3	0.17	0.3
(1,111)	1:A:7:VAL:HG23	1:A:9:PRO:HA	4	0.3	0.17	0.3
(1,960)	1:A:78:VAL:HG21	1:A:87:SER:HB2	4	0.3	0.09	0.28
(1,960)	1:A:78:VAL:HG22	1:A:87:SER:HB2	4	0.3	0.09	0.28
(1,960)	1:A:78:VAL:HG23	1:A:87:SER:HB2	4	0.3	0.09	0.28
(1,960)	1:A:78:VAL:HG21	1:A:87:SER:HB3	4	0.3	0.09	0.28
(1,960)	1:A:78:VAL:HG22	1:A:87:SER:HB3	4	0.3	0.09	0.28
(1,960)	1:A:78:VAL:HG23	1:A:87:SER:HB3	4	0.3	0.09	0.28
(1,1549)	1:A:131:ALA:H	1:A:136:ASP:HB2	4	0.3	0.11	0.29
(1,1549)	1:A:131:ALA:H	1:A:136:ASP:HB3	4	0.3	0.11	0.29
(1,281)	1:A:16:ASP:HB3	1:A:19:HIS:H	4	0.29	0.11	0.3
(2,29)	1:A:86:THR:HG21	1:A:88:THR:HA	4	0.29	0.1	0.28
(2,29)	1:A:86:THR:HG22	1:A:88:THR:HA	4	0.29	0.1	0.28
(2,29)	1:A:86:THR:HG23	1:A:88:THR:HA	4	0.29	0.1	0.28
(1,1414)	1:A:116:ALA:HB1	1:A:120:SER:H	4	0.28	0.11	0.25
(1,1414)	1:A:116:ALA:HB2	1:A:120:SER:H	4	0.28	0.11	0.25
(1,1414)	1:A:116:ALA:HB3	1:A:120:SER:H	4	0.28	0.11	0.25
(1,751)	1:A:58:LYS:HB2	1:A:60:LEU:H	4	0.28	0.1	0.28
(1,882)	1:A:75:GLU:HB2	1:A:89:LEU:H	4	0.27	0.02	0.28
(1,464)	1:A:29:PHE:HB2	1:A:41:GLU:H	4	0.26	0.14	0.21
(1,296)	1:A:17:LEU:HA	1:A:23:GLN:HB2	4	0.24	0.1	0.21
(1,296)	1:A:17:LEU:HA	1:A:23:GLN:HB3	4	0.24	0.1	0.21
(1,107)	1:A:7:VAL:HG11	1:A:38:ILE:H	4	0.23	0.1	0.22
(1,107)	1:A:7:VAL:HG12	1:A:38:ILE:H	4	0.23	0.1	0.22
(1,107)	1:A:7:VAL:HG13	1:A:38:ILE:H	4	0.23	0.1	0.22
(1,107)	1:A:7:VAL:HG21	1:A:38:ILE:H	4	0.23	0.1	0.22
(1,107)	1:A:7:VAL:HG22	1:A:38:ILE:H	4	0.23	0.1	0.22
(1,107)	1:A:7:VAL:HG23	1:A:38:ILE:H	4	0.23	0.1	0.22
(1,1660)	1:A:140:LYS:HG2	1:A:142:VAL:H	4	0.22	0.11	0.18
(1,1660)	1:A:140:LYS:HG3	1:A:142:VAL:H	4	0.22	0.11	0.18
(1,272)	1:A:16:ASP:HA	1:A:18:LEU:H	4	0.22	0.11	0.19
(1,121)	1:A:8:ASP:HB2	1:A:10:SER:H	4	0.21	0.11	0.16
(1,636)	1:A:51:ALA:HB1	1:A:54:VAL:H	4	0.17	0.07	0.14
(1,636)	1:A:51:ALA:HB2	1:A:54:VAL:H	4	0.17	0.07	0.14
(1,636)	1:A:51:ALA:HB3	1:A:54:VAL:H	4	0.17	0.07	0.14
(1,404)	1:A:27:ILE:HB	1:A:71:ALA:HB1	4	0.16	0.05	0.14
(1,404)	1:A:27:ILE:HB	1:A:71:ALA:HB2	4	0.16	0.05	0.14
(1,404)	1:A:27:ILE:HB	1:A:71:ALA:HB3	4	0.16	0.05	0.14
(1,1514)	1:A:124:GLU:HB2	1:A:126:LEU:H	4	0.15	0.03	0.14
(1,1514)	1:A:124:GLU:HB3	1:A:126:LEU:H	4	0.15	0.03	0.14
(1,1657)	1:A:140:LYS:HB2	1:A:141:SER:H	4	0.14	0.02	0.14

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models ¹	Mean (Å)	SD ¹ (Å)	Median (Å)
(1,1657)	1:A:140:LYS:HB3	1:A:141:SER:H	4	0.14	0.02	0.14
(1,1764)	1:A:148:SER:HB2	1:A:149:ASN:H	4	0.13	0.02	0.13
(1,1782)	1:A:150:GLN:H	1:A:150:GLN:HA	4	0.13	0.01	0.13
(1,732)	1:A:57:MET:HA	1:A:60:LEU:HG	3	1.26	0.23	1.28
(1,275)	1:A:16:ASP:HA	1:A:20:ASN:H	3	1.19	0.44	1.21
(1,295)	1:A:17:LEU:HA	1:A:21:LYS:HG2	3	1.14	0.15	1.24
(1,295)	1:A:17:LEU:HA	1:A:21:LYS:HG3	3	1.14	0.15	1.24
(1,502)	1:A:31:ILE:HD11	1:A:109:LEU:HA	3	1.05	0.53	0.88
(1,502)	1:A:31:ILE:HD12	1:A:109:LEU:HA	3	1.05	0.53	0.88
(1,502)	1:A:31:ILE:HD13	1:A:109:LEU:HA	3	1.05	0.53	0.88
(1,20)	1:A:4:GLY:H	1:A:5:VAL:HB	3	0.77	0.14	0.71
(1,501)	1:A:31:ILE:HD11	1:A:109:LEU:H	3	0.73	0.43	0.71
(1,501)	1:A:31:ILE:HD12	1:A:109:LEU:H	3	0.73	0.43	0.71
(1,501)	1:A:31:ILE:HD13	1:A:109:LEU:H	3	0.73	0.43	0.71
(1,890)	1:A:75:GLU:HG2	1:A:88:THR:HG21	3	0.66	0.19	0.76
(1,890)	1:A:75:GLU:HG2	1:A:88:THR:HG22	3	0.66	0.19	0.76
(1,890)	1:A:75:GLU:HG2	1:A:88:THR:HG23	3	0.66	0.19	0.76
(1,580)	1:A:42:LYS:HG2	1:A:56:GLU:HG2	3	0.65	0.56	0.31
(1,580)	1:A:42:LYS:HG2	1:A:56:GLU:HG3	3	0.65	0.56	0.31
(1,580)	1:A:42:LYS:HG3	1:A:56:GLU:HG2	3	0.65	0.56	0.31
(1,580)	1:A:42:LYS:HG3	1:A:56:GLU:HG3	3	0.65	0.56	0.31
(1,182)	1:A:11:CYS:HB2	1:A:121:LEU:HD11	3	0.64	0.14	0.56
(1,182)	1:A:11:CYS:HB2	1:A:121:LEU:HD12	3	0.64	0.14	0.56
(1,182)	1:A:11:CYS:HB2	1:A:121:LEU:HD13	3	0.64	0.14	0.56
(1,182)	1:A:11:CYS:HB2	1:A:121:LEU:HD21	3	0.64	0.14	0.56
(1,182)	1:A:11:CYS:HB2	1:A:121:LEU:HD22	3	0.64	0.14	0.56
(1,182)	1:A:11:CYS:HB2	1:A:121:LEU:HD23	3	0.64	0.14	0.56
(1,182)	1:A:11:CYS:HB3	1:A:121:LEU:HD11	3	0.64	0.14	0.56
(1,182)	1:A:11:CYS:HB3	1:A:121:LEU:HD12	3	0.64	0.14	0.56
(1,182)	1:A:11:CYS:HB3	1:A:121:LEU:HD13	3	0.64	0.14	0.56
(1,182)	1:A:11:CYS:HB3	1:A:121:LEU:HD21	3	0.64	0.14	0.56
(1,182)	1:A:11:CYS:HB3	1:A:121:LEU:HD22	3	0.64	0.14	0.56
(1,182)	1:A:11:CYS:HB3	1:A:121:LEU:HD23	3	0.64	0.14	0.56
(1,387)	1:A:26:TYR:HB2	1:A:73:ASP:H	3	0.64	0.11	0.62
(1,387)	1:A:26:TYR:HB3	1:A:73:ASP:H	3	0.64	0.11	0.62
(1,1184)	1:A:99:PRO:HG2	1:A:100:ASP:H	3	0.6	0.08	0.56
(3,19)	1:A:29:PHE:O	1:A:69:TYR:H	3	0.59	0.4	0.48
(1,1566)	1:A:133:GLU:HG2	1:A:135:SER:H	3	0.57	0.05	0.56
(1,1566)	1:A:133:GLU:HG3	1:A:135:SER:H	3	0.57	0.05	0.56
(3,20)	1:A:29:PHE:O	1:A:69:TYR:N	3	0.56	0.2	0.69
(1,912)	1:A:76:VAL:HA	1:A:88:THR:HG21	3	0.54	0.17	0.49
(1,912)	1:A:76:VAL:HA	1:A:88:THR:HG22	3	0.54	0.17	0.49

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models ¹	Mean (Å)	SD ¹ (Å)	Median (Å)
(1,912)	1:A:76:VAL:HA	1:A:88:THR:HG23	3	0.54	0.17	0.49
(1,1779)	1:A:149:ASN:HB2	1:A:152:ILE:H	3	0.52	0.3	0.53
(1,1779)	1:A:149:ASN:HB3	1:A:152:ILE:H	3	0.52	0.3	0.53
(1,886)	1:A:75:GLU:HB3	1:A:88:THR:HG21	3	0.48	0.15	0.39
(1,886)	1:A:75:GLU:HB3	1:A:88:THR:HG22	3	0.48	0.15	0.39
(1,886)	1:A:75:GLU:HB3	1:A:88:THR:HG23	3	0.48	0.15	0.39
(1,384)	1:A:26:TYR:HB2	1:A:71:ALA:H	3	0.47	0.17	0.36
(1,384)	1:A:26:TYR:HB3	1:A:71:ALA:H	3	0.47	0.17	0.36
(3,7)	1:A:13:ASN:O	1:A:17:LEU:H	3	0.46	0.22	0.38
(1,265)	1:A:15:TYR:HB2	1:A:121:LEU:HD11	3	0.45	0.23	0.34
(1,265)	1:A:15:TYR:HB2	1:A:121:LEU:HD12	3	0.45	0.23	0.34
(1,265)	1:A:15:TYR:HB2	1:A:121:LEU:HD13	3	0.45	0.23	0.34
(1,265)	1:A:15:TYR:HB2	1:A:121:LEU:HD21	3	0.45	0.23	0.34
(1,265)	1:A:15:TYR:HB2	1:A:121:LEU:HD22	3	0.45	0.23	0.34
(1,265)	1:A:15:TYR:HB2	1:A:121:LEU:HD23	3	0.45	0.23	0.34
(1,265)	1:A:15:TYR:HB3	1:A:121:LEU:HD11	3	0.45	0.23	0.34
(1,265)	1:A:15:TYR:HB3	1:A:121:LEU:HD12	3	0.45	0.23	0.34
(1,265)	1:A:15:TYR:HB3	1:A:121:LEU:HD13	3	0.45	0.23	0.34
(1,265)	1:A:15:TYR:HB3	1:A:121:LEU:HD21	3	0.45	0.23	0.34
(1,265)	1:A:15:TYR:HB3	1:A:121:LEU:HD22	3	0.45	0.23	0.34
(1,265)	1:A:15:TYR:HB3	1:A:121:LEU:HD23	3	0.45	0.23	0.34
(1,489)	1:A:31:ILE:HA	1:A:38:ILE:HD11	3	0.45	0.12	0.42
(1,489)	1:A:31:ILE:HA	1:A:38:ILE:HD12	3	0.45	0.12	0.42
(1,489)	1:A:31:ILE:HA	1:A:38:ILE:HD13	3	0.45	0.12	0.42
(1,1397)	1:A:115:ARG:HA	1:A:118:LYS:HD2	3	0.44	0.18	0.33
(1,1397)	1:A:115:ARG:HA	1:A:118:LYS:HD3	3	0.44	0.18	0.33
(1,370)	1:A:25:SER:HB2	1:A:73:ASP:HB2	3	0.44	0.21	0.4
(1,370)	1:A:25:SER:HB2	1:A:73:ASP:HB3	3	0.44	0.21	0.4
(1,370)	1:A:25:SER:HB3	1:A:73:ASP:HB2	3	0.44	0.21	0.4
(1,370)	1:A:25:SER:HB3	1:A:73:ASP:HB3	3	0.44	0.21	0.4
(1,1581)	1:A:134:MET:HG2	1:A:135:SER:H	3	0.43	0.01	0.42
(1,1581)	1:A:134:MET:HG3	1:A:135:SER:H	3	0.43	0.01	0.42
(1,521)	1:A:33:LYS:HE2	1:A:35:ASP:H	3	0.41	0.21	0.39
(1,521)	1:A:33:LYS:HE3	1:A:35:ASP:H	3	0.41	0.21	0.39
(1,921)	1:A:76:VAL:HG11	1:A:143:LYS:HG2	3	0.39	0.21	0.29
(1,921)	1:A:76:VAL:HG11	1:A:143:LYS:HG3	3	0.39	0.21	0.29
(1,921)	1:A:76:VAL:HG12	1:A:143:LYS:HG2	3	0.39	0.21	0.29
(1,921)	1:A:76:VAL:HG12	1:A:143:LYS:HG3	3	0.39	0.21	0.29
(1,921)	1:A:76:VAL:HG13	1:A:143:LYS:HG2	3	0.39	0.21	0.29
(1,921)	1:A:76:VAL:HG13	1:A:143:LYS:HG3	3	0.39	0.21	0.29
(1,921)	1:A:76:VAL:HG21	1:A:143:LYS:HG2	3	0.39	0.21	0.29
(1,921)	1:A:76:VAL:HG21	1:A:143:LYS:HG3	3	0.39	0.21	0.29

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models ¹	Mean (Å)	SD ¹ (Å)	Median (Å)
(1,921)	1:A:76:VAL:HG22	1:A:143:LYS:HG2	3	0.39	0.21	0.29
(1,921)	1:A:76:VAL:HG22	1:A:143:LYS:HG3	3	0.39	0.21	0.29
(1,921)	1:A:76:VAL:HG23	1:A:143:LYS:HG2	3	0.39	0.21	0.29
(1,921)	1:A:76:VAL:HG23	1:A:143:LYS:HG3	3	0.39	0.21	0.29
(1,57)	1:A:6:LYS:HB2	1:A:37:ALA:HA	3	0.38	0.34	0.14
(1,57)	1:A:6:LYS:HB3	1:A:37:ALA:HA	3	0.38	0.34	0.14
(1,1440)	1:A:118:LYS:HD2	1:A:119:ALA:H	3	0.38	0.09	0.32
(1,1440)	1:A:118:LYS:HD3	1:A:119:ALA:H	3	0.38	0.09	0.32
(1,450)	1:A:28:ILE:HD11	1:A:70:ALA:HA	3	0.37	0.13	0.29
(1,450)	1:A:28:ILE:HD12	1:A:70:ALA:HA	3	0.37	0.13	0.29
(1,450)	1:A:28:ILE:HD13	1:A:70:ALA:HA	3	0.37	0.13	0.29
(1,749)	1:A:58:LYS:HA	1:A:62:GLU:H	3	0.36	0.19	0.24
(1,1466)	1:A:120:SER:HB3	1:A:122:GLY:H	3	0.35	0.29	0.18
(1,597)	1:A:49:PRO:HA	1:A:51:ALA:H	3	0.34	0.09	0.29
(3,8)	1:A:13:ASN:O	1:A:17:LEU:N	3	0.34	0.22	0.26
(3,27)	1:A:68:ARG:O	1:A:97:TYR:H	3	0.33	0.15	0.38
(1,704)	1:A:55:GLU:HA	1:A:59:LYS:H	3	0.32	0.0	0.32
(1,874)	1:A:75:GLU:HA	1:A:88:THR:HG21	3	0.32	0.21	0.18
(1,874)	1:A:75:GLU:HA	1:A:88:THR:HG22	3	0.32	0.21	0.18
(1,874)	1:A:75:GLU:HA	1:A:88:THR:HG23	3	0.32	0.21	0.18
(1,1207)	1:A:103:PRO:HA	1:A:106:ARG:H	3	0.32	0.09	0.37
(1,598)	1:A:49:PRO:HA	1:A:51:ALA:HB1	3	0.31	0.11	0.27
(1,598)	1:A:49:PRO:HA	1:A:51:ALA:HB2	3	0.31	0.11	0.27
(1,598)	1:A:49:PRO:HA	1:A:51:ALA:HB3	3	0.31	0.11	0.27
(1,264)	1:A:15:TYR:HB3	1:A:27:ILE:HD11	3	0.31	0.11	0.26
(1,264)	1:A:15:TYR:HB3	1:A:27:ILE:HD12	3	0.31	0.11	0.26
(1,264)	1:A:15:TYR:HB3	1:A:27:ILE:HD13	3	0.31	0.11	0.26
(1,334)	1:A:19:HIS:H	1:A:21:LYS:H	3	0.31	0.13	0.28
(1,1239)	1:A:104:VAL:HG11	1:A:107:ARG:H	3	0.31	0.13	0.38
(1,1239)	1:A:104:VAL:HG12	1:A:107:ARG:H	3	0.31	0.13	0.38
(1,1239)	1:A:104:VAL:HG13	1:A:107:ARG:H	3	0.31	0.13	0.38
(1,1239)	1:A:104:VAL:HG21	1:A:107:ARG:H	3	0.31	0.13	0.38
(1,1239)	1:A:104:VAL:HG22	1:A:107:ARG:H	3	0.31	0.13	0.38
(1,1239)	1:A:104:VAL:HG23	1:A:107:ARG:H	3	0.31	0.13	0.38
(1,1109)	1:A:94:PHE:H	1:A:127:PHE:H	3	0.29	0.08	0.34
(1,657)	1:A:53:PHE:HA	1:A:57:MET:H	3	0.29	0.14	0.27
(1,166)	1:A:11:CYS:H	1:A:121:LEU:HD11	3	0.28	0.01	0.28
(1,166)	1:A:11:CYS:H	1:A:121:LEU:HD12	3	0.28	0.01	0.28
(1,166)	1:A:11:CYS:H	1:A:121:LEU:HD13	3	0.28	0.01	0.28
(1,166)	1:A:11:CYS:H	1:A:121:LEU:HD21	3	0.28	0.01	0.28
(1,166)	1:A:11:CYS:H	1:A:121:LEU:HD22	3	0.28	0.01	0.28
(1,166)	1:A:11:CYS:H	1:A:121:LEU:HD23	3	0.28	0.01	0.28

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models ¹	Mean (Å)	SD ¹ (Å)	Median (Å)
(1,953)	1:A:78:VAL:HB	1:A:87:SER:HB2	3	0.28	0.08	0.27
(1,953)	1:A:78:VAL:HB	1:A:87:SER:HB3	3	0.28	0.08	0.27
(1,1314)	1:A:109:LEU:HA	1:A:112:SER:H	3	0.28	0.11	0.23
(1,1547)	1:A:130:GLN:HG2	1:A:131:ALA:H	3	0.28	0.12	0.35
(1,1547)	1:A:130:GLN:HG3	1:A:131:ALA:H	3	0.28	0.12	0.35
(1,16)	1:A:3:SER:H	1:A:4:GLY:H	3	0.28	0.1	0.34
(2,5)	1:A:12:LYS:HG2	1:A:121:LEU:HD21	3	0.28	0.06	0.31
(2,5)	1:A:12:LYS:HG2	1:A:121:LEU:HD22	3	0.28	0.06	0.31
(2,5)	1:A:12:LYS:HG2	1:A:121:LEU:HD23	3	0.28	0.06	0.31
(1,1453)	1:A:119:ALA:HA	1:A:122:GLY:H	3	0.26	0.14	0.18
(1,1190)	1:A:99:PRO:HG3	1:A:132:SER:HA	3	0.25	0.06	0.24
(1,243)	1:A:14:ALA:HB1	1:A:27:ILE:HB	3	0.24	0.05	0.26
(1,243)	1:A:14:ALA:HB2	1:A:27:ILE:HB	3	0.24	0.05	0.26
(1,243)	1:A:14:ALA:HB3	1:A:27:ILE:HB	3	0.24	0.05	0.26
(1,479)	1:A:30:LYS:HB2	1:A:39:VAL:HG11	3	0.24	0.13	0.16
(1,479)	1:A:30:LYS:HB2	1:A:39:VAL:HG12	3	0.24	0.13	0.16
(1,479)	1:A:30:LYS:HB2	1:A:39:VAL:HG13	3	0.24	0.13	0.16
(1,479)	1:A:30:LYS:HB2	1:A:39:VAL:HG21	3	0.24	0.13	0.16
(1,479)	1:A:30:LYS:HB2	1:A:39:VAL:HG22	3	0.24	0.13	0.16
(1,479)	1:A:30:LYS:HB2	1:A:39:VAL:HG23	3	0.24	0.13	0.16
(1,479)	1:A:30:LYS:HB3	1:A:39:VAL:HG11	3	0.24	0.13	0.16
(1,479)	1:A:30:LYS:HB3	1:A:39:VAL:HG12	3	0.24	0.13	0.16
(1,479)	1:A:30:LYS:HB3	1:A:39:VAL:HG13	3	0.24	0.13	0.16
(1,479)	1:A:30:LYS:HB3	1:A:39:VAL:HG21	3	0.24	0.13	0.16
(1,479)	1:A:30:LYS:HB3	1:A:39:VAL:HG22	3	0.24	0.13	0.16
(1,479)	1:A:30:LYS:HB3	1:A:39:VAL:HG23	3	0.24	0.13	0.16
(1,1324)	1:A:109:LEU:HD11	1:A:112:SER:H	3	0.24	0.08	0.19
(1,1324)	1:A:109:LEU:HD12	1:A:112:SER:H	3	0.24	0.08	0.19
(1,1324)	1:A:109:LEU:HD13	1:A:112:SER:H	3	0.24	0.08	0.19
(1,1324)	1:A:109:LEU:HD21	1:A:112:SER:H	3	0.24	0.08	0.19
(1,1324)	1:A:109:LEU:HD22	1:A:112:SER:H	3	0.24	0.08	0.19
(1,1324)	1:A:109:LEU:HD23	1:A:112:SER:H	3	0.24	0.08	0.19
(1,1048)	1:A:89:LEU:HG	1:A:90:ASN:H	3	0.24	0.05	0.22
(1,1050)	1:A:89:LEU:HD11	1:A:90:ASN:H	3	0.24	0.0	0.24
(1,1050)	1:A:89:LEU:HD12	1:A:90:ASN:H	3	0.24	0.0	0.24
(1,1050)	1:A:89:LEU:HD13	1:A:90:ASN:H	3	0.24	0.0	0.24
(1,51)	1:A:6:LYS:HA	1:A:37:ALA:HA	3	0.23	0.08	0.28
(1,616)	1:A:50:TYR:HA	1:A:52:GLU:H	3	0.21	0.03	0.22
(1,1204)	1:A:102:ALA:HB1	1:A:103:PRO:HG2	3	0.21	0.06	0.18
(1,1204)	1:A:102:ALA:HB1	1:A:103:PRO:HG3	3	0.21	0.06	0.18
(1,1204)	1:A:102:ALA:HB2	1:A:103:PRO:HG2	3	0.21	0.06	0.18
(1,1204)	1:A:102:ALA:HB2	1:A:103:PRO:HG3	3	0.21	0.06	0.18

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models ¹	Mean (Å)	SD ¹ (Å)	Median (Å)
(1,1204)	1:A:102:ALA:HB3	1:A:103:PRO:HG2	3	0.21	0.06	0.18
(1,1204)	1:A:102:ALA:HB3	1:A:103:PRO:HG3	3	0.21	0.06	0.18
(1,496)	1:A:31:ILE:HG13	1:A:109:LEU:HD11	3	0.21	0.05	0.22
(1,496)	1:A:31:ILE:HG13	1:A:109:LEU:HD12	3	0.21	0.05	0.22
(1,496)	1:A:31:ILE:HG13	1:A:109:LEU:HD13	3	0.21	0.05	0.22
(1,496)	1:A:31:ILE:HG13	1:A:109:LEU:HD21	3	0.21	0.05	0.22
(1,496)	1:A:31:ILE:HG13	1:A:109:LEU:HD22	3	0.21	0.05	0.22
(1,496)	1:A:31:ILE:HG13	1:A:109:LEU:HD23	3	0.21	0.05	0.22
(1,105)	1:A:7:VAL:HG11	1:A:37:ALA:HA	3	0.2	0.1	0.16
(1,105)	1:A:7:VAL:HG12	1:A:37:ALA:HA	3	0.2	0.1	0.16
(1,105)	1:A:7:VAL:HG13	1:A:37:ALA:HA	3	0.2	0.1	0.16
(1,105)	1:A:7:VAL:HG21	1:A:37:ALA:HA	3	0.2	0.1	0.16
(1,105)	1:A:7:VAL:HG22	1:A:37:ALA:HA	3	0.2	0.1	0.16
(1,105)	1:A:7:VAL:HG23	1:A:37:ALA:HA	3	0.2	0.1	0.16
(1,1405)	1:A:116:ALA:H	1:A:117:LEU:H	3	0.2	0.03	0.2
(1,708)	1:A:55:GLU:HB2	1:A:57:MET:H	3	0.19	0.04	0.16
(1,1712)	1:A:143:LYS:HB3	1:A:147:MET:H	3	0.19	0.05	0.2
(1,742)	1:A:58:LYS:H	1:A:58:LYS:HE2	3	0.18	0.05	0.15
(1,742)	1:A:58:LYS:H	1:A:58:LYS:HE3	3	0.18	0.05	0.15
(1,930)	1:A:77:THR:HA	1:A:78:VAL:HB	3	0.18	0.05	0.17
(1,1094)	1:A:93:ILE:HG13	1:A:127:PHE:H	3	0.17	0.04	0.14
(1,875)	1:A:75:GLU:HA	1:A:89:LEU:H	3	0.15	0.03	0.14
(2,11)	1:A:18:LEU:HD11	1:A:71:ALA:HA	3	0.15	0.02	0.14
(2,11)	1:A:18:LEU:HD12	1:A:71:ALA:HA	3	0.15	0.02	0.14
(2,11)	1:A:18:LEU:HD13	1:A:71:ALA:HA	3	0.15	0.02	0.14
(1,1444)	1:A:118:LYS:HG2	1:A:119:ALA:H	3	0.15	0.03	0.17
(1,1203)	1:A:102:ALA:HB1	1:A:103:PRO:HA	3	0.15	0.04	0.13
(1,1203)	1:A:102:ALA:HB2	1:A:103:PRO:HA	3	0.15	0.04	0.13
(1,1203)	1:A:102:ALA:HB3	1:A:103:PRO:HA	3	0.15	0.04	0.13
(1,1273)	1:A:106:ARG:HB2	1:A:108:MET:H	3	0.13	0.01	0.13
(1,1273)	1:A:106:ARG:HB3	1:A:108:MET:H	3	0.13	0.01	0.13
(1,714)	1:A:55:GLU:HG2	1:A:58:LYS:HB2	2	1.37	0.11	1.37
(1,714)	1:A:55:GLU:HG2	1:A:58:LYS:HB3	2	1.37	0.11	1.37
(1,714)	1:A:55:GLU:HG3	1:A:58:LYS:HB2	2	1.37	0.11	1.37
(1,714)	1:A:55:GLU:HG3	1:A:58:LYS:HB3	2	1.37	0.11	1.37
(1,1609)	1:A:137:LEU:HG	1:A:138:ASP:H	2	1.03	0.06	1.03
(1,345)	1:A:21:LYS:H	1:A:21:LYS:HE2	2	0.64	0.01	0.64
(1,345)	1:A:21:LYS:H	1:A:21:LYS:HE3	2	0.64	0.01	0.64
(1,245)	1:A:14:ALA:HB1	1:A:40:VAL:HB	2	0.62	0.22	0.62
(1,245)	1:A:14:ALA:HB2	1:A:40:VAL:HB	2	0.62	0.22	0.62
(1,245)	1:A:14:ALA:HB3	1:A:40:VAL:HB	2	0.62	0.22	0.62
(1,702)	1:A:55:GLU:HA	1:A:58:LYS:HB2	2	0.62	0.04	0.62

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models ¹	Mean (Å)	SD ¹ (Å)	Median (Å)
(1,702)	1:A:55:GLU:HA	1:A:58:LYS:HB3	2	0.62	0.04	0.62
(3,26)	1:A:68:ARG:N	1:A:97:TYR:O	2	0.61	0.17	0.61
(1,510)	1:A:31:ILE:HG21	1:A:109:LEU:HA	2	0.6	0.31	0.6
(1,510)	1:A:31:ILE:HG22	1:A:109:LEU:HA	2	0.6	0.31	0.6
(1,510)	1:A:31:ILE:HG23	1:A:109:LEU:HA	2	0.6	0.31	0.6
(1,880)	1:A:75:GLU:HB2	1:A:88:THR:HB	2	0.59	0.32	0.59
(1,1260)	1:A:105:ARG:HD2	1:A:106:ARG:H	2	0.55	0.04	0.55
(1,1260)	1:A:105:ARG:HD3	1:A:106:ARG:H	2	0.55	0.04	0.55
(1,752)	1:A:58:LYS:HB3	1:A:59:LYS:H	2	0.53	0.05	0.53
(1,1802)	1:A:151:ARG:HD2	1:A:152:ILE:H	2	0.52	0.22	0.52
(1,1802)	1:A:151:ARG:HD3	1:A:152:ILE:H	2	0.52	0.22	0.52
(1,321)	1:A:18:LEU:HD11	1:A:73:ASP:HA	2	0.51	0.23	0.51
(1,321)	1:A:18:LEU:HD12	1:A:73:ASP:HA	2	0.51	0.23	0.51
(1,321)	1:A:18:LEU:HD13	1:A:73:ASP:HA	2	0.51	0.23	0.51
(1,492)	1:A:31:ILE:HG12	1:A:109:LEU:HD11	2	0.48	0.38	0.48
(1,492)	1:A:31:ILE:HG12	1:A:109:LEU:HD12	2	0.48	0.38	0.48
(1,492)	1:A:31:ILE:HG12	1:A:109:LEU:HD13	2	0.48	0.38	0.48
(1,492)	1:A:31:ILE:HG12	1:A:109:LEU:HD21	2	0.48	0.38	0.48
(1,492)	1:A:31:ILE:HG12	1:A:109:LEU:HD22	2	0.48	0.38	0.48
(1,492)	1:A:31:ILE:HG12	1:A:109:LEU:HD23	2	0.48	0.38	0.48
(1,1162)	1:A:96:GLN:HG2	1:A:130:GLN:HA	2	0.48	0.18	0.48
(1,1162)	1:A:96:GLN:HG3	1:A:130:GLN:HA	2	0.48	0.18	0.48
(1,484)	1:A:30:LYS:HG2	1:A:39:VAL:HG11	2	0.48	0.09	0.48
(1,484)	1:A:30:LYS:HG2	1:A:39:VAL:HG12	2	0.48	0.09	0.48
(1,484)	1:A:30:LYS:HG2	1:A:39:VAL:HG13	2	0.48	0.09	0.48
(1,484)	1:A:30:LYS:HG2	1:A:39:VAL:HG21	2	0.48	0.09	0.48
(1,484)	1:A:30:LYS:HG2	1:A:39:VAL:HG22	2	0.48	0.09	0.48
(1,484)	1:A:30:LYS:HG2	1:A:39:VAL:HG23	2	0.48	0.09	0.48
(1,484)	1:A:30:LYS:HG3	1:A:39:VAL:HG11	2	0.48	0.09	0.48
(1,484)	1:A:30:LYS:HG3	1:A:39:VAL:HG12	2	0.48	0.09	0.48
(1,484)	1:A:30:LYS:HG3	1:A:39:VAL:HG13	2	0.48	0.09	0.48
(1,484)	1:A:30:LYS:HG3	1:A:39:VAL:HG21	2	0.48	0.09	0.48
(1,484)	1:A:30:LYS:HG3	1:A:39:VAL:HG22	2	0.48	0.09	0.48
(1,484)	1:A:30:LYS:HG3	1:A:39:VAL:HG23	2	0.48	0.09	0.48
(1,605)	1:A:49:PRO:HB3	1:A:51:ALA:HB1	2	0.48	0.13	0.48
(1,605)	1:A:49:PRO:HB3	1:A:51:ALA:HB2	2	0.48	0.13	0.48
(1,605)	1:A:49:PRO:HB3	1:A:51:ALA:HB3	2	0.48	0.13	0.48
(1,1574)	1:A:134:MET:HA	1:A:136:ASP:H	2	0.48	0.28	0.48
(1,579)	1:A:42:LYS:HG2	1:A:56:GLU:HB2	2	0.48	0.2	0.48
(1,579)	1:A:42:LYS:HG2	1:A:56:GLU:HB3	2	0.48	0.2	0.48
(1,579)	1:A:42:LYS:HG3	1:A:56:GLU:HB2	2	0.48	0.2	0.48
(1,579)	1:A:42:LYS:HG3	1:A:56:GLU:HB3	2	0.48	0.2	0.48

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models ¹	Mean (Å)	SD ¹ (Å)	Median (Å)
(3,25)	1:A:68:ARG:H	1:A:97:TYR:O	2	0.47	0.19	0.47
(1,620)	1:A:50:TYR:HB2	1:A:137:LEU:HD11	2	0.47	0.06	0.47
(1,620)	1:A:50:TYR:HB2	1:A:137:LEU:HD12	2	0.47	0.06	0.47
(1,620)	1:A:50:TYR:HB2	1:A:137:LEU:HD13	2	0.47	0.06	0.47
(1,620)	1:A:50:TYR:HB2	1:A:137:LEU:HD21	2	0.47	0.06	0.47
(1,620)	1:A:50:TYR:HB2	1:A:137:LEU:HD22	2	0.47	0.06	0.47
(1,620)	1:A:50:TYR:HB2	1:A:137:LEU:HD23	2	0.47	0.06	0.47
(1,620)	1:A:50:TYR:HB3	1:A:137:LEU:HD11	2	0.47	0.06	0.47
(1,620)	1:A:50:TYR:HB3	1:A:137:LEU:HD12	2	0.47	0.06	0.47
(1,620)	1:A:50:TYR:HB3	1:A:137:LEU:HD13	2	0.47	0.06	0.47
(1,620)	1:A:50:TYR:HB3	1:A:137:LEU:HD21	2	0.47	0.06	0.47
(1,620)	1:A:50:TYR:HB3	1:A:137:LEU:HD22	2	0.47	0.06	0.47
(1,620)	1:A:50:TYR:HB3	1:A:137:LEU:HD23	2	0.47	0.06	0.47
(3,37)	1:A:74:VAL:H	1:A:91:LYS:O	2	0.47	0.26	0.47
(1,28)	1:A:5:VAL:HA	1:A:36:THR:HB	2	0.46	0.08	0.46
(1,350)	1:A:21:LYS:HD3	1:A:22:HIS:H	2	0.45	0.32	0.45
(1,1462)	1:A:120:SER:HA	1:A:122:GLY:H	2	0.43	0.12	0.43
(1,1015)	1:A:84:GLU:H	1:A:85:GLY:H	2	0.43	0.18	0.43
(1,45)	1:A:6:LYS:H	1:A:37:ALA:HB1	2	0.42	0.22	0.42
(1,45)	1:A:6:LYS:H	1:A:37:ALA:HB2	2	0.42	0.22	0.42
(1,45)	1:A:6:LYS:H	1:A:37:ALA:HB3	2	0.42	0.22	0.42
(1,310)	1:A:18:LEU:HA	1:A:20:ASN:H	2	0.42	0.22	0.42
(1,44)	1:A:6:LYS:H	1:A:37:ALA:HA	2	0.42	0.12	0.42
(3,38)	1:A:74:VAL:N	1:A:91:LYS:O	2	0.42	0.26	0.42
(1,1356)	1:A:112:SER:HB2	1:A:116:ALA:HB1	2	0.4	0.04	0.4
(1,1356)	1:A:112:SER:HB2	1:A:116:ALA:HB2	2	0.4	0.04	0.4
(1,1356)	1:A:112:SER:HB2	1:A:116:ALA:HB3	2	0.4	0.04	0.4
(1,1356)	1:A:112:SER:HB3	1:A:116:ALA:HB1	2	0.4	0.04	0.4
(1,1356)	1:A:112:SER:HB3	1:A:116:ALA:HB2	2	0.4	0.04	0.4
(1,1356)	1:A:112:SER:HB3	1:A:116:ALA:HB3	2	0.4	0.04	0.4
(1,1649)	1:A:140:LYS:HD2	1:A:142:VAL:H	2	0.4	0.01	0.4
(1,1765)	1:A:148:SER:HB2	1:A:150:GLN:H	2	0.4	0.29	0.4
(1,697)	1:A:55:GLU:HA	1:A:57:MET:H	2	0.38	0.0	0.38
(1,703)	1:A:55:GLU:HA	1:A:58:LYS:HG2	2	0.38	0.1	0.38
(1,703)	1:A:55:GLU:HA	1:A:58:LYS:HG3	2	0.38	0.1	0.38
(1,1305)	1:A:108:MET:HG2	1:A:112:SER:H	2	0.37	0.26	0.37
(1,1305)	1:A:108:MET:HG3	1:A:112:SER:H	2	0.37	0.26	0.37
(1,593)	1:A:45:GLU:HB3	1:A:48:ALA:HB1	2	0.36	0.08	0.36
(1,593)	1:A:45:GLU:HB3	1:A:48:ALA:HB2	2	0.36	0.08	0.36
(1,593)	1:A:45:GLU:HB3	1:A:48:ALA:HB3	2	0.36	0.08	0.36
(1,1205)	1:A:102:ALA:HB1	1:A:106:ARG:HD2	2	0.36	0.11	0.36
(1,1205)	1:A:102:ALA:HB1	1:A:106:ARG:HD3	2	0.36	0.11	0.36

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models ¹	Mean (Å)	SD ¹ (Å)	Median (Å)
(1,1205)	1:A:102:ALA:HB2	1:A:106:ARG:HD2	2	0.36	0.11	0.36
(1,1205)	1:A:102:ALA:HB2	1:A:106:ARG:HD3	2	0.36	0.11	0.36
(1,1205)	1:A:102:ALA:HB3	1:A:106:ARG:HD2	2	0.36	0.11	0.36
(1,1205)	1:A:102:ALA:HB3	1:A:106:ARG:HD3	2	0.36	0.11	0.36
(1,600)	1:A:49:PRO:HA	1:A:53:PHE:H	2	0.34	0.06	0.34
(1,896)	1:A:75:GLU:HG3	1:A:88:THR:HG21	2	0.34	0.12	0.34
(1,896)	1:A:75:GLU:HG3	1:A:88:THR:HG22	2	0.34	0.12	0.34
(1,896)	1:A:75:GLU:HG3	1:A:88:THR:HG23	2	0.34	0.12	0.34
(1,1762)	1:A:148:SER:H	1:A:150:GLN:H	2	0.32	0.18	0.32
(1,699)	1:A:55:GLU:HA	1:A:58:LYS:HD2	2	0.32	0.08	0.32
(1,699)	1:A:55:GLU:HA	1:A:58:LYS:HD3	2	0.32	0.08	0.32
(1,1375)	1:A:114:VAL:HA	1:A:118:LYS:H	2	0.32	0.09	0.32
(1,644)	1:A:52:GLU:HA	1:A:55:GLU:H	2	0.32	0.08	0.32
(1,940)	1:A:77:THR:HG21	1:A:87:SER:H	2	0.32	0.18	0.32
(1,940)	1:A:77:THR:HG22	1:A:87:SER:H	2	0.32	0.18	0.32
(1,940)	1:A:77:THR:HG23	1:A:87:SER:H	2	0.32	0.18	0.32
(1,1498)	1:A:123:LEU:H	1:A:125:SER:H	2	0.32	0.12	0.32
(1,769)	1:A:60:LEU:H	1:A:60:LEU:HG	2	0.3	0.04	0.3
(1,1097)	1:A:93:ILE:HD11	1:A:129:VAL:HA	2	0.3	0.11	0.3
(1,1097)	1:A:93:ILE:HD12	1:A:129:VAL:HA	2	0.3	0.11	0.3
(1,1097)	1:A:93:ILE:HD13	1:A:129:VAL:HA	2	0.3	0.11	0.3
(1,218)	1:A:12:LYS:HG2	1:A:121:LEU:HA	2	0.3	0.08	0.3
(1,218)	1:A:12:LYS:HG3	1:A:121:LEU:HA	2	0.3	0.08	0.3
(1,1419)	1:A:117:LEU:H	1:A:119:ALA:H	2	0.28	0.12	0.28
(1,1745)	1:A:146:LEU:HG	1:A:147:MET:H	2	0.28	0.13	0.28
(1,219)	1:A:12:LYS:HG2	1:A:121:LEU:HD11	2	0.27	0.14	0.27
(1,219)	1:A:12:LYS:HG2	1:A:121:LEU:HD12	2	0.27	0.14	0.27
(1,219)	1:A:12:LYS:HG2	1:A:121:LEU:HD13	2	0.27	0.14	0.27
(1,219)	1:A:12:LYS:HG2	1:A:121:LEU:HD21	2	0.27	0.14	0.27
(1,219)	1:A:12:LYS:HG2	1:A:121:LEU:HD22	2	0.27	0.14	0.27
(1,219)	1:A:12:LYS:HG2	1:A:121:LEU:HD23	2	0.27	0.14	0.27
(1,219)	1:A:12:LYS:HG3	1:A:121:LEU:HD11	2	0.27	0.14	0.27
(1,219)	1:A:12:LYS:HG3	1:A:121:LEU:HD12	2	0.27	0.14	0.27
(1,219)	1:A:12:LYS:HG3	1:A:121:LEU:HD13	2	0.27	0.14	0.27
(1,219)	1:A:12:LYS:HG3	1:A:121:LEU:HD21	2	0.27	0.14	0.27
(1,219)	1:A:12:LYS:HG3	1:A:121:LEU:HD22	2	0.27	0.14	0.27
(1,219)	1:A:12:LYS:HG3	1:A:121:LEU:HD23	2	0.27	0.14	0.27
(1,325)	1:A:18:LEU:HD21	1:A:72:VAL:H	2	0.26	0.11	0.26
(1,325)	1:A:18:LEU:HD22	1:A:72:VAL:H	2	0.26	0.11	0.26
(1,325)	1:A:18:LEU:HD23	1:A:72:VAL:H	2	0.26	0.11	0.26
(1,733)	1:A:57:MET:HA	1:A:61:VAL:H	2	0.26	0.11	0.26
(1,386)	1:A:26:TYR:HB2	1:A:72:VAL:HG11	2	0.26	0.08	0.26

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models ¹	Mean (Å)	SD ¹ (Å)	Median (Å)
(1,386)	1:A:26:TYR:HB2	1:A:72:VAL:HG12	2	0.26	0.08	0.26
(1,386)	1:A:26:TYR:HB2	1:A:72:VAL:HG13	2	0.26	0.08	0.26
(1,386)	1:A:26:TYR:HB2	1:A:72:VAL:HG21	2	0.26	0.08	0.26
(1,386)	1:A:26:TYR:HB2	1:A:72:VAL:HG22	2	0.26	0.08	0.26
(1,386)	1:A:26:TYR:HB2	1:A:72:VAL:HG23	2	0.26	0.08	0.26
(1,386)	1:A:26:TYR:HB3	1:A:72:VAL:HG11	2	0.26	0.08	0.26
(1,386)	1:A:26:TYR:HB3	1:A:72:VAL:HG12	2	0.26	0.08	0.26
(1,386)	1:A:26:TYR:HB3	1:A:72:VAL:HG13	2	0.26	0.08	0.26
(1,386)	1:A:26:TYR:HB3	1:A:72:VAL:HG21	2	0.26	0.08	0.26
(1,386)	1:A:26:TYR:HB3	1:A:72:VAL:HG22	2	0.26	0.08	0.26
(1,386)	1:A:26:TYR:HB3	1:A:72:VAL:HG23	2	0.26	0.08	0.26
(1,1225)	1:A:104:VAL:HB	1:A:107:ARG:H	2	0.26	0.03	0.26
(1,1655)	1:A:140:LYS:HE3	1:A:142:VAL:H	2	0.26	0.12	0.26
(1,398)	1:A:27:ILE:HA	1:A:43:VAL:HB	2	0.25	0.13	0.25
(1,879)	1:A:75:GLU:HB2	1:A:88:THR:HA	2	0.24	0.13	0.24
(1,224)	1:A:13:ASN:HA	1:A:16:ASP:H	2	0.24	0.11	0.24
(1,1236)	1:A:104:VAL:HG21	1:A:108:MET:HB2	2	0.24	0.04	0.24
(1,1236)	1:A:104:VAL:HG22	1:A:108:MET:HB2	2	0.24	0.04	0.24
(1,1236)	1:A:104:VAL:HG23	1:A:108:MET:HB2	2	0.24	0.04	0.24
(1,1236)	1:A:104:VAL:HG21	1:A:108:MET:HB3	2	0.24	0.04	0.24
(1,1236)	1:A:104:VAL:HG22	1:A:108:MET:HB3	2	0.24	0.04	0.24
(1,1236)	1:A:104:VAL:HG23	1:A:108:MET:HB3	2	0.24	0.04	0.24
(1,1396)	1:A:115:ARG:HA	1:A:118:LYS:H	2	0.22	0.02	0.22
(1,1730)	1:A:145:ASP:H	1:A:147:MET:H	2	0.22	0.03	0.22
(1,1421)	1:A:117:LEU:HA	1:A:120:SER:H	2	0.22	0.07	0.22
(1,730)	1:A:57:MET:HA	1:A:60:LEU:H	2	0.21	0.01	0.21
(1,753)	1:A:58:LYS:HB3	1:A:60:LEU:H	2	0.21	0.08	0.21
(1,1723)	1:A:144:SER:HB2	1:A:146:LEU:H	2	0.2	0.04	0.2
(2,39)	1:A:135:SER:HA	1:A:140:LYS:HE3	2	0.2	0.07	0.2
(1,1433)	1:A:117:LEU:HD11	1:A:120:SER:H	2	0.19	0.03	0.19
(1,1433)	1:A:117:LEU:HD12	1:A:120:SER:H	2	0.19	0.03	0.19
(1,1433)	1:A:117:LEU:HD13	1:A:120:SER:H	2	0.19	0.03	0.19
(1,1433)	1:A:117:LEU:HD21	1:A:120:SER:H	2	0.19	0.03	0.19
(1,1433)	1:A:117:LEU:HD22	1:A:120:SER:H	2	0.19	0.03	0.19
(1,1433)	1:A:117:LEU:HD23	1:A:120:SER:H	2	0.19	0.03	0.19
(1,1727)	1:A:144:SER:HB3	1:A:147:MET:H	2	0.19	0.02	0.19
(1,131)	1:A:8:ASP:HB2	1:A:10:SER:H	2	0.18	0.01	0.18
(1,131)	1:A:8:ASP:HB3	1:A:10:SER:H	2	0.18	0.01	0.18
(1,1402)	1:A:115:ARG:HB2	1:A:118:LYS:H	2	0.18	0.08	0.18
(1,1402)	1:A:115:ARG:HB3	1:A:118:LYS:H	2	0.18	0.08	0.18
(1,291)	1:A:17:LEU:HA	1:A:20:ASN:H	2	0.18	0.06	0.18
(1,1135)	1:A:95:VAL:HG11	1:A:131:ALA:HA	2	0.18	0.03	0.18

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models ¹	Mean (Å)	SD ¹ (Å)	Median (Å)
(1,1135)	1:A:95:VAL:HG12	1:A:131:ALA:HA	2	0.18	0.03	0.18
(1,1135)	1:A:95:VAL:HG13	1:A:131:ALA:HA	2	0.18	0.03	0.18
(1,1488)	1:A:121:LEU:HD21	1:A:122:GLY:H	2	0.18	0.03	0.18
(1,1488)	1:A:121:LEU:HD22	1:A:122:GLY:H	2	0.18	0.03	0.18
(1,1488)	1:A:121:LEU:HD23	1:A:122:GLY:H	2	0.18	0.03	0.18
(1,273)	1:A:16:ASP:HA	1:A:19:HIS:H	2	0.17	0.0	0.17
(1,820)	1:A:69:TYR:HA	1:A:96:GLN:HG2	2	0.17	0.03	0.17
(1,820)	1:A:69:TYR:HA	1:A:96:GLN:HG3	2	0.17	0.03	0.17
(1,1244)	1:A:104:VAL:HG11	1:A:108:MET:HB2	2	0.17	0.06	0.17
(1,1244)	1:A:104:VAL:HG11	1:A:108:MET:HB3	2	0.17	0.06	0.17
(1,1244)	1:A:104:VAL:HG12	1:A:108:MET:HB2	2	0.17	0.06	0.17
(1,1244)	1:A:104:VAL:HG12	1:A:108:MET:HB3	2	0.17	0.06	0.17
(1,1244)	1:A:104:VAL:HG13	1:A:108:MET:HB2	2	0.17	0.06	0.17
(1,1244)	1:A:104:VAL:HG13	1:A:108:MET:HB3	2	0.17	0.06	0.17
(1,1244)	1:A:104:VAL:HG21	1:A:108:MET:HB2	2	0.17	0.06	0.17
(1,1244)	1:A:104:VAL:HG21	1:A:108:MET:HB3	2	0.17	0.06	0.17
(1,1244)	1:A:104:VAL:HG22	1:A:108:MET:HB2	2	0.17	0.06	0.17
(1,1244)	1:A:104:VAL:HG22	1:A:108:MET:HB3	2	0.17	0.06	0.17
(1,1244)	1:A:104:VAL:HG23	1:A:108:MET:HB2	2	0.17	0.06	0.17
(1,1244)	1:A:104:VAL:HG23	1:A:108:MET:HB3	2	0.17	0.06	0.17
(1,147)	1:A:10:SER:H	1:A:13:ASN:H	2	0.16	0.02	0.16
(1,184)	1:A:11:CYS:HB2	1:A:13:ASN:H	2	0.16	0.04	0.16
(1,184)	1:A:11:CYS:HB3	1:A:13:ASN:H	2	0.16	0.04	0.16
(1,215)	1:A:12:LYS:HB2	1:A:121:LEU:HD11	2	0.16	0.02	0.16
(1,215)	1:A:12:LYS:HB2	1:A:121:LEU:HD12	2	0.16	0.02	0.16
(1,215)	1:A:12:LYS:HB2	1:A:121:LEU:HD13	2	0.16	0.02	0.16
(1,215)	1:A:12:LYS:HB2	1:A:121:LEU:HD21	2	0.16	0.02	0.16
(1,215)	1:A:12:LYS:HB2	1:A:121:LEU:HD22	2	0.16	0.02	0.16
(1,215)	1:A:12:LYS:HB2	1:A:121:LEU:HD23	2	0.16	0.02	0.16
(1,215)	1:A:12:LYS:HB3	1:A:121:LEU:HD11	2	0.16	0.02	0.16
(1,215)	1:A:12:LYS:HB3	1:A:121:LEU:HD12	2	0.16	0.02	0.16
(1,215)	1:A:12:LYS:HB3	1:A:121:LEU:HD13	2	0.16	0.02	0.16
(1,215)	1:A:12:LYS:HB3	1:A:121:LEU:HD21	2	0.16	0.02	0.16
(1,215)	1:A:12:LYS:HB3	1:A:121:LEU:HD22	2	0.16	0.02	0.16
(1,215)	1:A:12:LYS:HB3	1:A:121:LEU:HD23	2	0.16	0.02	0.16
(1,1292)	1:A:108:MET:HA	1:A:109:LEU:HD11	2	0.16	0.05	0.16
(1,1292)	1:A:108:MET:HA	1:A:109:LEU:HD12	2	0.16	0.05	0.16
(1,1292)	1:A:108:MET:HA	1:A:109:LEU:HD13	2	0.16	0.05	0.16
(1,1292)	1:A:108:MET:HA	1:A:109:LEU:HD21	2	0.16	0.05	0.16
(1,1292)	1:A:108:MET:HA	1:A:109:LEU:HD22	2	0.16	0.05	0.16
(1,1292)	1:A:108:MET:HA	1:A:109:LEU:HD23	2	0.16	0.05	0.16
(1,1585)	1:A:135:SER:HA	1:A:136:ASP:HA	2	0.15	0.02	0.15

Continued on next page...

Continued from previous page...

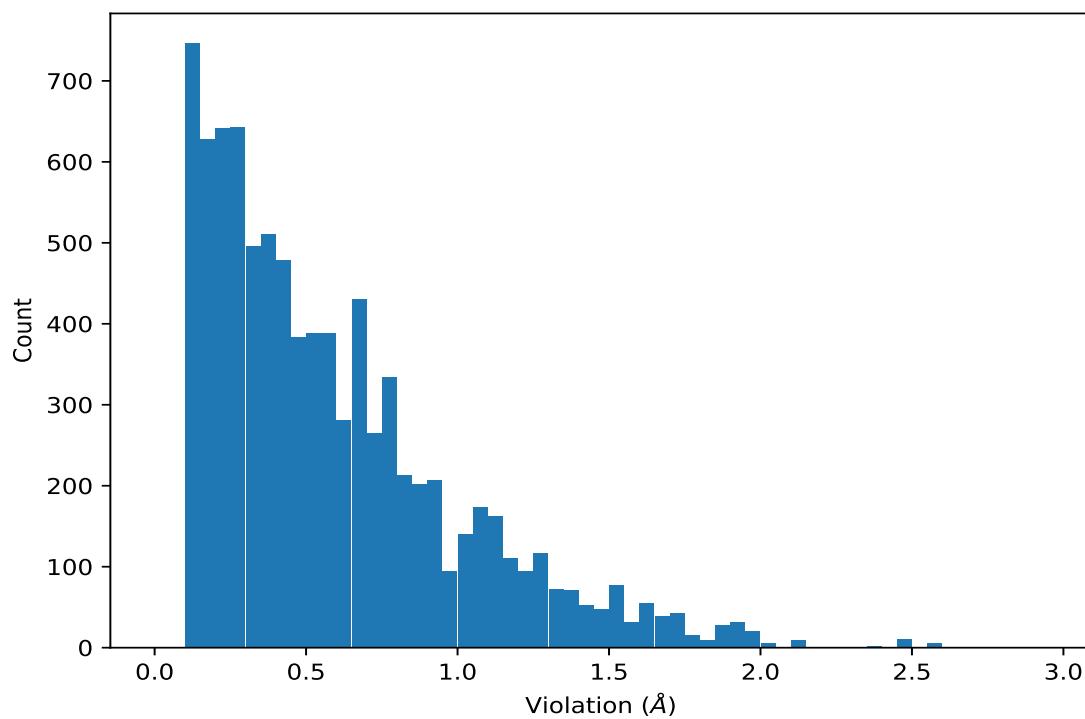
Key	Atom-1	Atom-2	Models ¹	Mean (Å)	SD ¹ (Å)	Median (Å)
(1,1147)	1:A:95:VAL:HG11	1:A:97:TYR:HB2	2	0.15	0.02	0.15
(1,1147)	1:A:95:VAL:HG11	1:A:97:TYR:HB3	2	0.15	0.02	0.15
(1,1147)	1:A:95:VAL:HG12	1:A:97:TYR:HB2	2	0.15	0.02	0.15
(1,1147)	1:A:95:VAL:HG12	1:A:97:TYR:HB3	2	0.15	0.02	0.15
(1,1147)	1:A:95:VAL:HG13	1:A:97:TYR:HB2	2	0.15	0.02	0.15
(1,1147)	1:A:95:VAL:HG13	1:A:97:TYR:HB3	2	0.15	0.02	0.15
(1,1147)	1:A:95:VAL:HG21	1:A:97:TYR:HB2	2	0.15	0.02	0.15
(1,1147)	1:A:95:VAL:HG21	1:A:97:TYR:HB3	2	0.15	0.02	0.15
(1,1147)	1:A:95:VAL:HG22	1:A:97:TYR:HB2	2	0.15	0.02	0.15
(1,1147)	1:A:95:VAL:HG22	1:A:97:TYR:HB3	2	0.15	0.02	0.15
(1,1147)	1:A:95:VAL:HG23	1:A:97:TYR:HB2	2	0.15	0.02	0.15
(1,1147)	1:A:95:VAL:HG23	1:A:97:TYR:HB3	2	0.15	0.02	0.15
(1,1469)	1:A:120:SER:HB2	1:A:122:GLY:H	2	0.15	0.03	0.15
(1,1469)	1:A:120:SER:HB3	1:A:122:GLY:H	2	0.15	0.03	0.15
(1,1645)	1:A:140:LYS:HA	1:A:142:VAL:H	2	0.14	0.01	0.14
(1,63)	1:A:7:VAL:H	1:A:8:ASP:H	2	0.14	0.01	0.14
(1,833)	1:A:71:ALA:HB1	1:A:93:ILE:H	2	0.14	0.02	0.14
(1,833)	1:A:71:ALA:HB2	1:A:93:ILE:H	2	0.14	0.02	0.14
(1,833)	1:A:71:ALA:HB3	1:A:93:ILE:H	2	0.14	0.02	0.14
(1,210)	1:A:12:LYS:HG2	1:A:13:ASN:H	2	0.13	0.01	0.13
(1,1037)	1:A:88:THR:HB	1:A:89:LEU:H	2	0.13	0.01	0.13
(1,1296)	1:A:108:MET:HA	1:A:112:SER:H	2	0.13	0.02	0.13
(1,1385)	1:A:114:VAL:HG11	1:A:116:ALA:H	2	0.12	0.0	0.12
(1,1385)	1:A:114:VAL:HG12	1:A:116:ALA:H	2	0.12	0.0	0.12
(1,1385)	1:A:114:VAL:HG13	1:A:116:ALA:H	2	0.12	0.0	0.12
(1,1385)	1:A:114:VAL:HG21	1:A:116:ALA:H	2	0.12	0.0	0.12
(1,1385)	1:A:114:VAL:HG22	1:A:116:ALA:H	2	0.12	0.0	0.12
(1,1385)	1:A:114:VAL:HG23	1:A:116:ALA:H	2	0.12	0.0	0.12
(1,1736)	1:A:146:LEU:H	1:A:146:LEU:HG	2	0.12	0.0	0.12

¹Number of violated models, ²Standard deviation

9.5 All violated distance restraints [\(i\)](#)

9.5.1 Histogram : Distribution of distance violations [\(i\)](#)

The following histogram shows the distribution of the absolute value of the violation for all violated restraints in the ensemble.



9.5.2 Table : All distance violations [\(i\)](#)

The following table lists the absolute value of the violation for each restraint in the ensemble sorted by its value. The Key (restraint list ID, restraint ID) is the unique identifier for a given restraint. Rows with same key represent combinatorial or ambiguous restraints and are counted as a single restraint.

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,889)	1:A:75:GLU:HG2	1:A:88:THR:HB	3	2.93
(1,889)	1:A:75:GLU:HG2	1:A:88:THR:HB	10	2.61
(1,1074)	1:A:92:VAL:HG11	1:A:125:SER:HA	7	2.58
(1,1074)	1:A:92:VAL:HG12	1:A:125:SER:HA	7	2.58
(1,1074)	1:A:92:VAL:HG13	1:A:125:SER:HA	7	2.58
(1,1074)	1:A:92:VAL:HG21	1:A:125:SER:HA	7	2.58
(1,1074)	1:A:92:VAL:HG22	1:A:125:SER:HA	7	2.58
(1,1074)	1:A:92:VAL:HG23	1:A:125:SER:HA	7	2.58
(1,715)	1:A:55:GLU:HG2	1:A:58:LYS:HE2	5	2.47
(1,715)	1:A:55:GLU:HG2	1:A:58:LYS:HE3	5	2.47
(1,715)	1:A:55:GLU:HG3	1:A:58:LYS:HE2	5	2.47
(1,715)	1:A:55:GLU:HG3	1:A:58:LYS:HE3	5	2.47
(1,1074)	1:A:92:VAL:HG11	1:A:125:SER:HA	3	2.46
(1,1074)	1:A:92:VAL:HG12	1:A:125:SER:HA	3	2.46
(1,1074)	1:A:92:VAL:HG13	1:A:125:SER:HA	3	2.46
(1,1074)	1:A:92:VAL:HG21	1:A:125:SER:HA	3	2.46

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,1074)	1:A:92:VAL:HG22	1:A:125:SER:HA	3	2.46
(1,1074)	1:A:92:VAL:HG23	1:A:125:SER:HA	3	2.46
(1,945)	1:A:78:VAL:H	1:A:86:THR:HB	6	2.38
(1,895)	1:A:75:GLU:HG3	1:A:88:THR:HB	3	2.38
(1,170)	1:A:11:CYS:H	1:A:40:VAL:HB	3	2.33
(1,170)	1:A:11:CYS:H	1:A:40:VAL:HB	2	2.16
(1,170)	1:A:11:CYS:H	1:A:40:VAL:HB	5	2.14
(1,578)	1:A:42:LYS:HD2	1:A:56:GLU:HB2	10	2.12
(1,578)	1:A:42:LYS:HD2	1:A:56:GLU:HB3	10	2.12
(1,578)	1:A:42:LYS:HD3	1:A:56:GLU:HB2	10	2.12
(1,578)	1:A:42:LYS:HD3	1:A:56:GLU:HB3	10	2.12
(1,578)	1:A:42:LYS:HD2	1:A:56:GLU:HB2	3	2.1
(1,578)	1:A:42:LYS:HD2	1:A:56:GLU:HB3	3	2.1
(1,578)	1:A:42:LYS:HD3	1:A:56:GLU:HB2	3	2.1
(1,578)	1:A:42:LYS:HD3	1:A:56:GLU:HB3	3	2.1
(1,170)	1:A:11:CYS:H	1:A:40:VAL:HB	7	2.07
(1,1074)	1:A:92:VAL:HG11	1:A:125:SER:HA	2	2.04
(1,1074)	1:A:92:VAL:HG12	1:A:125:SER:HA	2	2.04
(1,1074)	1:A:92:VAL:HG13	1:A:125:SER:HA	2	2.04
(1,1074)	1:A:92:VAL:HG21	1:A:125:SER:HA	2	2.04
(1,1074)	1:A:92:VAL:HG22	1:A:125:SER:HA	2	2.04
(1,1074)	1:A:92:VAL:HG23	1:A:125:SER:HA	2	2.04
(1,684)	1:A:54:VAL:HG11	1:A:138:ASP:H	10	1.99
(1,684)	1:A:54:VAL:HG12	1:A:138:ASP:H	10	1.99
(1,684)	1:A:54:VAL:HG13	1:A:138:ASP:H	10	1.99
(1,684)	1:A:54:VAL:HG21	1:A:138:ASP:H	10	1.99
(1,684)	1:A:54:VAL:HG22	1:A:138:ASP:H	10	1.99
(1,684)	1:A:54:VAL:HG23	1:A:138:ASP:H	10	1.99
(1,170)	1:A:11:CYS:H	1:A:40:VAL:HB	9	1.99
(1,163)	1:A:10:SER:HB2	1:A:40:VAL:HB	5	1.99
(1,163)	1:A:10:SER:HB3	1:A:40:VAL:HB	5	1.99
(1,578)	1:A:42:LYS:HD2	1:A:56:GLU:HB2	4	1.98
(1,578)	1:A:42:LYS:HD2	1:A:56:GLU:HB3	4	1.98
(1,578)	1:A:42:LYS:HD3	1:A:56:GLU:HB2	4	1.98
(1,578)	1:A:42:LYS:HD3	1:A:56:GLU:HB3	4	1.98
(1,252)	1:A:15:TYR:HA	1:A:121:LEU:HB2	9	1.98
(1,252)	1:A:15:TYR:HA	1:A:121:LEU:HB3	9	1.98
(1,495)	1:A:31:ILE:HG12	1:A:38:ILE:HD11	3	1.97
(1,495)	1:A:31:ILE:HG12	1:A:38:ILE:HD12	3	1.97
(1,495)	1:A:31:ILE:HG12	1:A:38:ILE:HD13	3	1.97
(1,252)	1:A:15:TYR:HA	1:A:121:LEU:HB2	7	1.96
(1,252)	1:A:15:TYR:HA	1:A:121:LEU:HB3	7	1.96

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,645)	1:A:52:GLU:HA	1:A:55:GLU:HG2	6	1.95
(1,645)	1:A:52:GLU:HA	1:A:55:GLU:HG3	6	1.95
(1,592)	1:A:45:GLU:HB3	1:A:48:ALA:HA	4	1.94
(1,889)	1:A:75:GLU:HG2	1:A:88:THR:HB	1	1.93
(1,686)	1:A:54:VAL:HG11	1:A:138:ASP:HB2	6	1.93
(1,686)	1:A:54:VAL:HG11	1:A:138:ASP:HB3	6	1.93
(1,686)	1:A:54:VAL:HG12	1:A:138:ASP:HB2	6	1.93
(1,686)	1:A:54:VAL:HG12	1:A:138:ASP:HB3	6	1.93
(1,686)	1:A:54:VAL:HG13	1:A:138:ASP:HB2	6	1.93
(1,686)	1:A:54:VAL:HG13	1:A:138:ASP:HB3	6	1.93
(1,686)	1:A:54:VAL:HG21	1:A:138:ASP:HB2	6	1.93
(1,686)	1:A:54:VAL:HG21	1:A:138:ASP:HB3	6	1.93
(1,686)	1:A:54:VAL:HG22	1:A:138:ASP:HB2	6	1.93
(1,686)	1:A:54:VAL:HG22	1:A:138:ASP:HB3	6	1.93
(1,686)	1:A:54:VAL:HG23	1:A:138:ASP:HB2	6	1.93
(1,686)	1:A:54:VAL:HG23	1:A:138:ASP:HB3	6	1.93
(1,592)	1:A:45:GLU:HB3	1:A:48:ALA:HA	9	1.93
(1,686)	1:A:54:VAL:HG11	1:A:138:ASP:HB2	10	1.91
(1,686)	1:A:54:VAL:HG11	1:A:138:ASP:HB3	10	1.91
(1,686)	1:A:54:VAL:HG12	1:A:138:ASP:HB2	10	1.91
(1,686)	1:A:54:VAL:HG12	1:A:138:ASP:HB3	10	1.91
(1,686)	1:A:54:VAL:HG13	1:A:138:ASP:HB2	10	1.91
(1,686)	1:A:54:VAL:HG13	1:A:138:ASP:HB3	10	1.91
(1,686)	1:A:54:VAL:HG21	1:A:138:ASP:HB2	10	1.91
(1,686)	1:A:54:VAL:HG21	1:A:138:ASP:HB3	10	1.91
(1,686)	1:A:54:VAL:HG22	1:A:138:ASP:HB2	10	1.91
(1,686)	1:A:54:VAL:HG22	1:A:138:ASP:HB3	10	1.91
(1,686)	1:A:54:VAL:HG23	1:A:138:ASP:HB2	10	1.91
(1,686)	1:A:54:VAL:HG23	1:A:138:ASP:HB3	10	1.91
(1,592)	1:A:45:GLU:HB3	1:A:48:ALA:HA	2	1.91
(1,170)	1:A:11:CYS:H	1:A:40:VAL:HB	6	1.91
(1,170)	1:A:11:CYS:H	1:A:40:VAL:HB	8	1.91
(1,495)	1:A:31:ILE:HG12	1:A:38:ILE:HD11	7	1.88
(1,495)	1:A:31:ILE:HG12	1:A:38:ILE:HD12	7	1.88
(1,495)	1:A:31:ILE:HG12	1:A:38:ILE:HD13	7	1.88
(1,252)	1:A:15:TYR:HA	1:A:121:LEU:HB2	3	1.88
(1,252)	1:A:15:TYR:HA	1:A:121:LEU:HB3	3	1.88
(1,170)	1:A:11:CYS:H	1:A:40:VAL:HB	1	1.88
(1,59)	1:A:6:LYS:HB2	1:A:38:ILE:HD11	10	1.87
(1,59)	1:A:6:LYS:HB2	1:A:38:ILE:HD12	10	1.87
(1,59)	1:A:6:LYS:HB2	1:A:38:ILE:HD13	10	1.87
(1,59)	1:A:6:LYS:HB3	1:A:38:ILE:HD11	10	1.87

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,59)	1:A:6:LYS:HB3	1:A:38:ILE:HD12	10	1.87
(1,59)	1:A:6:LYS:HB3	1:A:38:ILE:HD13	10	1.87
(1,1074)	1:A:92:VAL:HG11	1:A:125:SER:HA	4	1.87
(1,1074)	1:A:92:VAL:HG12	1:A:125:SER:HA	4	1.87
(1,1074)	1:A:92:VAL:HG13	1:A:125:SER:HA	4	1.87
(1,1074)	1:A:92:VAL:HG21	1:A:125:SER:HA	4	1.87
(1,1074)	1:A:92:VAL:HG22	1:A:125:SER:HA	4	1.87
(1,1074)	1:A:92:VAL:HG23	1:A:125:SER:HA	4	1.87
(1,1074)	1:A:92:VAL:HG11	1:A:125:SER:HA	8	1.87
(1,1074)	1:A:92:VAL:HG12	1:A:125:SER:HA	8	1.87
(1,1074)	1:A:92:VAL:HG13	1:A:125:SER:HA	8	1.87
(1,1074)	1:A:92:VAL:HG21	1:A:125:SER:HA	8	1.87
(1,1074)	1:A:92:VAL:HG22	1:A:125:SER:HA	8	1.87
(1,1074)	1:A:92:VAL:HG23	1:A:125:SER:HA	8	1.87
(1,908)	1:A:76:VAL:H	1:A:88:THR:HG21	6	1.85
(1,908)	1:A:76:VAL:H	1:A:88:THR:HG22	6	1.85
(1,908)	1:A:76:VAL:H	1:A:88:THR:HG23	6	1.85
(1,1084)	1:A:93:ILE:HA	1:A:146:LEU:HB2	3	1.85
(1,78)	1:A:7:VAL:HB	1:A:38:ILE:HG21	8	1.83
(1,78)	1:A:7:VAL:HB	1:A:38:ILE:HG22	8	1.83
(1,78)	1:A:7:VAL:HB	1:A:38:ILE:HG23	8	1.83
(1,252)	1:A:15:TYR:HA	1:A:121:LEU:HB2	2	1.83
(1,252)	1:A:15:TYR:HA	1:A:121:LEU:HB3	2	1.83
(1,592)	1:A:45:GLU:HB3	1:A:48:ALA:HA	3	1.82
(1,379)	1:A:26:TYR:HB2	1:A:72:VAL:HA	8	1.81
(1,736)	1:A:57:MET:HB2	1:A:60:LEU:HG	8	1.8
(1,736)	1:A:57:MET:HB3	1:A:60:LEU:HG	8	1.8
(1,76)	1:A:7:VAL:HB	1:A:38:ILE:HB	9	1.79
(1,757)	1:A:58:LYS:HD3	1:A:60:LEU:H	6	1.79
(1,715)	1:A:55:GLU:HG2	1:A:58:LYS:HE2	6	1.79
(1,715)	1:A:55:GLU:HG2	1:A:58:LYS:HE3	6	1.79
(1,715)	1:A:55:GLU:HG3	1:A:58:LYS:HE2	6	1.79
(1,715)	1:A:55:GLU:HG3	1:A:58:LYS:HE3	6	1.79
(1,491)	1:A:31:ILE:HG12	1:A:109:LEU:HA	4	1.78
(1,1653)	1:A:140:LYS:HE2	1:A:142:VAL:H	3	1.78
(1,889)	1:A:75:GLU:HG2	1:A:88:THR:HB	5	1.77
(1,502)	1:A:31:ILE:HD11	1:A:109:LEU:HA	1	1.77
(1,502)	1:A:31:ILE:HD12	1:A:109:LEU:HA	1	1.77
(1,502)	1:A:31:ILE:HD13	1:A:109:LEU:HA	1	1.77
(1,1084)	1:A:93:ILE:HA	1:A:146:LEU:HB2	1	1.77
(1,1084)	1:A:93:ILE:HA	1:A:146:LEU:HB2	8	1.76
(1,491)	1:A:31:ILE:HG12	1:A:109:LEU:HA	7	1.75

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,379)	1:A:26:TYR:HB2	1:A:72:VAL:HA	6	1.75
(1,76)	1:A:7:VAL:HB	1:A:38:ILE:HB	3	1.74
(1,170)	1:A:11:CYS:H	1:A:40:VAL:HB	10	1.74
(1,495)	1:A:31:ILE:HG12	1:A:38:ILE:HD11	5	1.73
(1,495)	1:A:31:ILE:HG12	1:A:38:ILE:HD12	5	1.73
(1,495)	1:A:31:ILE:HG12	1:A:38:ILE:HD13	5	1.73
(1,491)	1:A:31:ILE:HG12	1:A:109:LEU:HA	3	1.73
(1,491)	1:A:31:ILE:HG12	1:A:109:LEU:HA	9	1.73
(1,1001)	1:A:81:GLN:HB2	1:A:89:LEU:HD11	2	1.73
(1,1001)	1:A:81:GLN:HB2	1:A:89:LEU:HD12	2	1.73
(1,1001)	1:A:81:GLN:HB2	1:A:89:LEU:HD13	2	1.73
(1,1001)	1:A:81:GLN:HB2	1:A:89:LEU:HD21	2	1.73
(1,1001)	1:A:81:GLN:HB2	1:A:89:LEU:HD22	2	1.73
(1,1001)	1:A:81:GLN:HB2	1:A:89:LEU:HD23	2	1.73
(1,1001)	1:A:81:GLN:HB3	1:A:89:LEU:HD11	2	1.73
(1,1001)	1:A:81:GLN:HB3	1:A:89:LEU:HD12	2	1.73
(1,1001)	1:A:81:GLN:HB3	1:A:89:LEU:HD13	2	1.73
(1,1001)	1:A:81:GLN:HB3	1:A:89:LEU:HD21	2	1.73
(1,1001)	1:A:81:GLN:HB3	1:A:89:LEU:HD22	2	1.73
(1,1001)	1:A:81:GLN:HB3	1:A:89:LEU:HD23	2	1.73
(1,692)	1:A:54:VAL:HG11	1:A:58:LYS:HE2	5	1.72
(1,692)	1:A:54:VAL:HG11	1:A:58:LYS:HE3	5	1.72
(1,692)	1:A:54:VAL:HG12	1:A:58:LYS:HE2	5	1.72
(1,692)	1:A:54:VAL:HG12	1:A:58:LYS:HE3	5	1.72
(1,692)	1:A:54:VAL:HG13	1:A:58:LYS:HE2	5	1.72
(1,692)	1:A:54:VAL:HG13	1:A:58:LYS:HE3	5	1.72
(1,692)	1:A:54:VAL:HG21	1:A:58:LYS:HE2	5	1.72
(1,692)	1:A:54:VAL:HG21	1:A:58:LYS:HE3	5	1.72
(1,692)	1:A:54:VAL:HG22	1:A:58:LYS:HE2	5	1.72
(1,692)	1:A:54:VAL:HG22	1:A:58:LYS:HE3	5	1.72
(1,692)	1:A:54:VAL:HG23	1:A:58:LYS:HE2	5	1.72
(1,692)	1:A:54:VAL:HG23	1:A:58:LYS:HE3	5	1.72
(1,275)	1:A:16:ASP:HA	1:A:20:ASN:H	9	1.72
(1,897)	1:A:75:GLU:HG3	1:A:89:LEU:H	3	1.71
(1,490)	1:A:31:ILE:HB	1:A:109:LEU:HD11	4	1.71
(1,490)	1:A:31:ILE:HB	1:A:109:LEU:HD12	4	1.71
(1,490)	1:A:31:ILE:HB	1:A:109:LEU:HD13	4	1.71
(1,490)	1:A:31:ILE:HB	1:A:109:LEU:HD21	4	1.71
(1,490)	1:A:31:ILE:HB	1:A:109:LEU:HD22	4	1.71
(1,490)	1:A:31:ILE:HB	1:A:109:LEU:HD23	4	1.71
(1,169)	1:A:11:CYS:H	1:A:40:VAL:HA	8	1.71
(1,163)	1:A:10:SER:HB2	1:A:40:VAL:HB	7	1.71

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,163)	1:A:10:SER:HB3	1:A:40:VAL:HB	7	1.71
(1,895)	1:A:75:GLU:HG3	1:A:88:THR:HB	10	1.7
(1,76)	1:A:7:VAL:HB	1:A:38:ILE:HB	8	1.7
(1,897)	1:A:75:GLU:HG3	1:A:89:LEU:H	4	1.69
(1,78)	1:A:7:VAL:HB	1:A:38:ILE:HG21	7	1.69
(1,78)	1:A:7:VAL:HB	1:A:38:ILE:HG22	7	1.69
(1,78)	1:A:7:VAL:HB	1:A:38:ILE:HG23	7	1.69
(1,736)	1:A:57:MET:HB2	1:A:60:LEU:HG	9	1.69
(1,736)	1:A:57:MET:HB3	1:A:60:LEU:HG	9	1.69
(1,517)	1:A:32:ASP:HB2	1:A:37:ALA:HB1	9	1.69
(1,517)	1:A:32:ASP:HB2	1:A:37:ALA:HB2	9	1.69
(1,517)	1:A:32:ASP:HB2	1:A:37:ALA:HB3	9	1.69
(1,491)	1:A:31:ILE:HG12	1:A:109:LEU:HA	5	1.69
(1,1788)	1:A:150:GLN:HB2	1:A:152:ILE:H	5	1.69
(1,170)	1:A:11:CYS:H	1:A:40:VAL:HB	4	1.69
(1,169)	1:A:11:CYS:H	1:A:40:VAL:HA	5	1.69
(1,1074)	1:A:92:VAL:HG11	1:A:125:SER:HA	1	1.69
(1,1074)	1:A:92:VAL:HG12	1:A:125:SER:HA	1	1.69
(1,1074)	1:A:92:VAL:HG13	1:A:125:SER:HA	1	1.69
(1,1074)	1:A:92:VAL:HG21	1:A:125:SER:HA	1	1.69
(1,1074)	1:A:92:VAL:HG22	1:A:125:SER:HA	1	1.69
(1,1074)	1:A:92:VAL:HG23	1:A:125:SER:HA	1	1.69
(1,897)	1:A:75:GLU:HG3	1:A:89:LEU:H	5	1.68
(1,757)	1:A:58:LYS:HD3	1:A:60:LEU:H	9	1.68
(1,592)	1:A:45:GLU:HB3	1:A:48:ALA:HA	1	1.68
(1,1074)	1:A:92:VAL:HG11	1:A:125:SER:HA	5	1.68
(1,1074)	1:A:92:VAL:HG12	1:A:125:SER:HA	5	1.68
(1,1074)	1:A:92:VAL:HG13	1:A:125:SER:HA	5	1.68
(1,1074)	1:A:92:VAL:HG21	1:A:125:SER:HA	5	1.68
(1,1074)	1:A:92:VAL:HG22	1:A:125:SER:HA	5	1.68
(1,1074)	1:A:92:VAL:HG23	1:A:125:SER:HA	5	1.68
(1,978)	1:A:79:GLN:HG2	1:A:85:GLY:H	4	1.67
(1,897)	1:A:75:GLU:HG3	1:A:89:LEU:H	10	1.67
(1,736)	1:A:57:MET:HB2	1:A:60:LEU:HG	4	1.67
(1,736)	1:A:57:MET:HB3	1:A:60:LEU:HG	4	1.67
(1,169)	1:A:11:CYS:H	1:A:40:VAL:HA	6	1.67
(1,511)	1:A:31:ILE:HG21	1:A:109:LEU:HG	4	1.66
(1,511)	1:A:31:ILE:HG22	1:A:109:LEU:HG	4	1.66
(1,511)	1:A:31:ILE:HG23	1:A:109:LEU:HG	4	1.66
(1,169)	1:A:11:CYS:H	1:A:40:VAL:HA	4	1.66
(1,517)	1:A:32:ASP:HB2	1:A:37:ALA:HB1	2	1.65
(1,517)	1:A:32:ASP:HB2	1:A:37:ALA:HB2	2	1.65

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,517)	1:A:32:ASP:HB2	1:A:37:ALA:HB3	2	1.65
(1,495)	1:A:31:ILE:HG12	1:A:38:ILE:HD11	6	1.65
(1,495)	1:A:31:ILE:HG12	1:A:38:ILE:HD12	6	1.65
(1,495)	1:A:31:ILE:HG12	1:A:38:ILE:HD13	6	1.65
(1,1790)	1:A:150:GLN:HB3	1:A:152:ILE:H	2	1.65
(1,1790)	1:A:150:GLN:HB3	1:A:152:ILE:H	9	1.65
(1,169)	1:A:11:CYS:H	1:A:40:VAL:HA	9	1.65
(1,1074)	1:A:92:VAL:HG11	1:A:125:SER:HA	6	1.65
(1,1074)	1:A:92:VAL:HG12	1:A:125:SER:HA	6	1.65
(1,1074)	1:A:92:VAL:HG13	1:A:125:SER:HA	6	1.65
(1,1074)	1:A:92:VAL:HG21	1:A:125:SER:HA	6	1.65
(1,1074)	1:A:92:VAL:HG22	1:A:125:SER:HA	6	1.65
(1,1074)	1:A:92:VAL:HG23	1:A:125:SER:HA	6	1.65
(1,685)	1:A:54:VAL:HG11	1:A:138:ASP:HA	10	1.64
(1,685)	1:A:54:VAL:HG12	1:A:138:ASP:HA	10	1.64
(1,685)	1:A:54:VAL:HG13	1:A:138:ASP:HA	10	1.64
(1,685)	1:A:54:VAL:HG21	1:A:138:ASP:HA	10	1.64
(1,685)	1:A:54:VAL:HG22	1:A:138:ASP:HA	10	1.64
(1,685)	1:A:54:VAL:HG23	1:A:138:ASP:HA	10	1.64
(1,76)	1:A:7:VAL:HB	1:A:38:ILE:HB	2	1.63
(1,31)	1:A:5:VAL:HB	1:A:36:THR:HB	2	1.63
(1,252)	1:A:15:TYR:HA	1:A:121:LEU:HB2	5	1.63
(1,252)	1:A:15:TYR:HA	1:A:121:LEU:HB3	5	1.63
(1,252)	1:A:15:TYR:HA	1:A:121:LEU:HB2	10	1.62
(1,252)	1:A:15:TYR:HA	1:A:121:LEU:HB3	10	1.62
(1,1021)	1:A:85:GLY:H	1:A:86:THR:H	5	1.62
(1,969)	1:A:79:GLN:HA	1:A:86:THR:HA	5	1.61
(1,685)	1:A:54:VAL:HG11	1:A:138:ASP:HA	6	1.61
(1,685)	1:A:54:VAL:HG12	1:A:138:ASP:HA	6	1.61
(1,685)	1:A:54:VAL:HG13	1:A:138:ASP:HA	6	1.61
(1,685)	1:A:54:VAL:HG21	1:A:138:ASP:HA	6	1.61
(1,685)	1:A:54:VAL:HG22	1:A:138:ASP:HA	6	1.61
(1,685)	1:A:54:VAL:HG23	1:A:138:ASP:HA	6	1.61
(1,1002)	1:A:81:GLN:HG2	1:A:89:LEU:HD11	4	1.61
(1,1002)	1:A:81:GLN:HG2	1:A:89:LEU:HD12	4	1.61
(1,1002)	1:A:81:GLN:HG2	1:A:89:LEU:HD13	4	1.61
(1,1002)	1:A:81:GLN:HG2	1:A:89:LEU:HD21	4	1.61
(1,1002)	1:A:81:GLN:HG2	1:A:89:LEU:HD22	4	1.61
(1,1002)	1:A:81:GLN:HG2	1:A:89:LEU:HD23	4	1.61
(1,1002)	1:A:81:GLN:HG3	1:A:89:LEU:HD11	4	1.61
(1,1002)	1:A:81:GLN:HG3	1:A:89:LEU:HD12	4	1.61
(1,1002)	1:A:81:GLN:HG3	1:A:89:LEU:HD13	4	1.61

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,1002)	1:A:81:GLN:HG3	1:A:89:LEU:HD21	4	1.61
(1,1002)	1:A:81:GLN:HG3	1:A:89:LEU:HD22	4	1.61
(1,1002)	1:A:81:GLN:HG3	1:A:89:LEU:HD23	4	1.61
(1,994)	1:A:80:ARG:HG2	1:A:86:THR:HA	9	1.6
(1,994)	1:A:80:ARG:HG3	1:A:86:THR:HA	9	1.6
(1,78)	1:A:7:VAL:HB	1:A:38:ILE:HG21	3	1.6
(1,78)	1:A:7:VAL:HB	1:A:38:ILE:HG22	3	1.6
(1,78)	1:A:7:VAL:HB	1:A:38:ILE:HG23	3	1.6
(1,609)	1:A:49:PRO:HG2	1:A:51:ALA:H	2	1.6
(1,609)	1:A:49:PRO:HG3	1:A:51:ALA:H	2	1.6
(1,169)	1:A:11:CYS:H	1:A:40:VAL:HA	10	1.6
(1,945)	1:A:78:VAL:H	1:A:86:THR:HB	9	1.59
(1,1790)	1:A:150:GLN:HB3	1:A:152:ILE:H	6	1.59
(1,1788)	1:A:150:GLN:HB2	1:A:152:ILE:H	4	1.59
(1,169)	1:A:11:CYS:H	1:A:40:VAL:HA	2	1.59
(1,169)	1:A:11:CYS:H	1:A:40:VAL:HA	3	1.59
(1,169)	1:A:11:CYS:H	1:A:40:VAL:HA	7	1.59
(1,1576)	1:A:134:MET:HA	1:A:138:ASP:H	3	1.59
(1,1084)	1:A:93:ILE:HA	1:A:146:LEU:HB2	5	1.59
(1,907)	1:A:76:VAL:H	1:A:88:THR:HB	1	1.58
(1,907)	1:A:76:VAL:H	1:A:88:THR:HB	10	1.58
(1,76)	1:A:7:VAL:HB	1:A:38:ILE:HB	1	1.58
(1,715)	1:A:55:GLU:HG2	1:A:58:LYS:HE2	3	1.58
(1,715)	1:A:55:GLU:HG2	1:A:58:LYS:HE3	3	1.58
(1,715)	1:A:55:GLU:HG3	1:A:58:LYS:HE2	3	1.58
(1,715)	1:A:55:GLU:HG3	1:A:58:LYS:HE3	3	1.58
(1,1788)	1:A:150:GLN:HB2	1:A:152:ILE:H	6	1.58
(1,969)	1:A:79:GLN:HA	1:A:86:THR:HA	2	1.57
(1,945)	1:A:78:VAL:H	1:A:86:THR:HB	2	1.57
(1,757)	1:A:58:LYS:HD3	1:A:60:LEU:H	2	1.57
(1,252)	1:A:15:TYR:HA	1:A:121:LEU:HB2	1	1.57
(1,252)	1:A:15:TYR:HA	1:A:121:LEU:HB3	1	1.57
(1,1555)	1:A:132:SER:H	1:A:136:ASP:HA	1	1.57
(1,969)	1:A:79:GLN:HA	1:A:86:THR:HA	4	1.56
(1,76)	1:A:7:VAL:HB	1:A:38:ILE:HB	7	1.56
(1,1788)	1:A:150:GLN:HB2	1:A:152:ILE:H	2	1.55
(1,1074)	1:A:92:VAL:HG11	1:A:125:SER:HA	9	1.55
(1,1074)	1:A:92:VAL:HG12	1:A:125:SER:HA	9	1.55
(1,1074)	1:A:92:VAL:HG13	1:A:125:SER:HA	9	1.55
(1,1074)	1:A:92:VAL:HG21	1:A:125:SER:HA	9	1.55
(1,1074)	1:A:92:VAL:HG22	1:A:125:SER:HA	9	1.55
(1,1074)	1:A:92:VAL:HG23	1:A:125:SER:HA	9	1.55

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,935)	1:A:77:THR:HB	1:A:87:SER:H	3	1.54
(1,732)	1:A:57:MET:HA	1:A:60:LEU:HG	9	1.54
(1,252)	1:A:15:TYR:HA	1:A:121:LEU:HB2	6	1.54
(1,252)	1:A:15:TYR:HA	1:A:121:LEU:HB3	6	1.54
(1,1704)	1:A:143:LYS:HA	1:A:146:LEU:HB2	6	1.54
(1,1704)	1:A:143:LYS:HA	1:A:146:LEU:HB3	6	1.54
(1,1653)	1:A:140:LYS:HE2	1:A:142:VAL:H	1	1.54
(1,163)	1:A:10:SER:HB2	1:A:40:VAL:HB	3	1.54
(1,163)	1:A:10:SER:HB3	1:A:40:VAL:HB	3	1.54
(1,1002)	1:A:81:GLN:HG2	1:A:89:LEU:HD11	5	1.54
(1,1002)	1:A:81:GLN:HG2	1:A:89:LEU:HD12	5	1.54
(1,1002)	1:A:81:GLN:HG2	1:A:89:LEU:HD13	5	1.54
(1,1002)	1:A:81:GLN:HG2	1:A:89:LEU:HD21	5	1.54
(1,1002)	1:A:81:GLN:HG2	1:A:89:LEU:HD22	5	1.54
(1,1002)	1:A:81:GLN:HG2	1:A:89:LEU:HD23	5	1.54
(1,1002)	1:A:81:GLN:HG3	1:A:89:LEU:HD11	5	1.54
(1,1002)	1:A:81:GLN:HG3	1:A:89:LEU:HD12	5	1.54
(1,1002)	1:A:81:GLN:HG3	1:A:89:LEU:HD13	5	1.54
(1,1002)	1:A:81:GLN:HG3	1:A:89:LEU:HD21	5	1.54
(1,1002)	1:A:81:GLN:HG3	1:A:89:LEU:HD22	5	1.54
(1,1002)	1:A:81:GLN:HG3	1:A:89:LEU:HD23	5	1.54
(1,1001)	1:A:81:GLN:HB2	1:A:89:LEU:HD11	4	1.54
(1,1001)	1:A:81:GLN:HB2	1:A:89:LEU:HD12	4	1.54
(1,1001)	1:A:81:GLN:HB2	1:A:89:LEU:HD13	4	1.54
(1,1001)	1:A:81:GLN:HB2	1:A:89:LEU:HD21	4	1.54
(1,1001)	1:A:81:GLN:HB2	1:A:89:LEU:HD22	4	1.54
(1,1001)	1:A:81:GLN:HB2	1:A:89:LEU:HD23	4	1.54
(1,1001)	1:A:81:GLN:HB3	1:A:89:LEU:HD11	4	1.54
(1,1001)	1:A:81:GLN:HB3	1:A:89:LEU:HD12	4	1.54
(1,1001)	1:A:81:GLN:HB3	1:A:89:LEU:HD13	4	1.54
(1,1001)	1:A:81:GLN:HB3	1:A:89:LEU:HD21	4	1.54
(1,1001)	1:A:81:GLN:HB3	1:A:89:LEU:HD22	4	1.54
(1,1001)	1:A:81:GLN:HB3	1:A:89:LEU:HD23	4	1.54
(1,908)	1:A:76:VAL:H	1:A:88:THR:HG21	8	1.53
(1,908)	1:A:76:VAL:H	1:A:88:THR:HG22	8	1.53
(1,908)	1:A:76:VAL:H	1:A:88:THR:HG23	8	1.53
(1,889)	1:A:75:GLU:HG2	1:A:88:THR:HB	4	1.53
(1,78)	1:A:7:VAL:HB	1:A:38:ILE:HG21	1	1.53
(1,78)	1:A:7:VAL:HB	1:A:38:ILE:HG22	1	1.53
(1,78)	1:A:7:VAL:HB	1:A:38:ILE:HG23	1	1.53
(1,757)	1:A:58:LYS:HD3	1:A:60:LEU:H	1	1.53
(1,1220)	1:A:104:VAL:HA	1:A:107:ARG:HB2	7	1.53

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,1220)	1:A:104:VAL:HA	1:A:107:ARG:HG3	7	1.53
(1,994)	1:A:80:ARG:HG2	1:A:86:THR:HA	6	1.52
(1,994)	1:A:80:ARG:HG3	1:A:86:THR:HA	6	1.52
(1,316)	1:A:18:LEU:HD11	1:A:123:LEU:HG	8	1.52
(1,316)	1:A:18:LEU:HD12	1:A:123:LEU:HG	8	1.52
(1,316)	1:A:18:LEU:HD13	1:A:123:LEU:HG	8	1.52
(1,1653)	1:A:140:LYS:HE2	1:A:142:VAL:H	4	1.52
(1,1286)	1:A:107:ARG:HD2	1:A:111:ALA:HA	4	1.52
(1,1286)	1:A:107:ARG:HD3	1:A:111:ALA:HA	4	1.52
(1,1653)	1:A:140:LYS:HE2	1:A:142:VAL:H	9	1.51
(1,1286)	1:A:107:ARG:HD2	1:A:111:ALA:HA	3	1.51
(1,1286)	1:A:107:ARG:HD3	1:A:111:ALA:HA	3	1.51
(1,1220)	1:A:104:VAL:HA	1:A:107:ARG:HB2	4	1.51
(1,1220)	1:A:104:VAL:HA	1:A:107:ARG:HB3	4	1.51
(1,978)	1:A:79:GLN:HG2	1:A:85:GLY:H	3	1.5
(1,78)	1:A:7:VAL:HB	1:A:38:ILE:HG21	9	1.5
(1,78)	1:A:7:VAL:HB	1:A:38:ILE:HG22	9	1.5
(1,78)	1:A:7:VAL:HB	1:A:38:ILE:HG23	9	1.5
(1,76)	1:A:7:VAL:HB	1:A:38:ILE:HB	5	1.5
(1,715)	1:A:55:GLU:HG2	1:A:58:LYS:HE2	2	1.5
(1,715)	1:A:55:GLU:HG2	1:A:58:LYS:HE3	2	1.5
(1,715)	1:A:55:GLU:HG3	1:A:58:LYS:HE2	2	1.5
(1,715)	1:A:55:GLU:HG3	1:A:58:LYS:HE3	2	1.5
(1,1002)	1:A:81:GLN:HG2	1:A:89:LEU:HD11	2	1.5
(1,1002)	1:A:81:GLN:HG2	1:A:89:LEU:HD12	2	1.5
(1,1002)	1:A:81:GLN:HG2	1:A:89:LEU:HD13	2	1.5
(1,1002)	1:A:81:GLN:HG2	1:A:89:LEU:HD21	2	1.5
(1,1002)	1:A:81:GLN:HG2	1:A:89:LEU:HD22	2	1.5
(1,1002)	1:A:81:GLN:HG2	1:A:89:LEU:HD23	2	1.5
(1,1002)	1:A:81:GLN:HG3	1:A:89:LEU:HD11	2	1.5
(1,1002)	1:A:81:GLN:HG3	1:A:89:LEU:HD12	2	1.5
(1,1002)	1:A:81:GLN:HG3	1:A:89:LEU:HD13	2	1.5
(1,1002)	1:A:81:GLN:HG3	1:A:89:LEU:HD21	2	1.5
(1,1002)	1:A:81:GLN:HG3	1:A:89:LEU:HD22	2	1.5
(1,1002)	1:A:81:GLN:HG3	1:A:89:LEU:HD23	2	1.5
(1,994)	1:A:80:ARG:HG2	1:A:86:THR:HA	1	1.49
(1,994)	1:A:80:ARG:HG3	1:A:86:THR:HA	1	1.49
(1,994)	1:A:80:ARG:HG2	1:A:86:THR:HA	3	1.49
(1,994)	1:A:80:ARG:HG3	1:A:86:THR:HA	3	1.49
(1,123)	1:A:8:ASP:HB2	1:A:39:VAL:HA	3	1.49
(1,1084)	1:A:93:ILE:HA	1:A:146:LEU:HB2	6	1.49
(1,1002)	1:A:81:GLN:HG2	1:A:89:LEU:HD11	8	1.49

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,1002)	1:A:81:GLN:HG2	1:A:89:LEU:HD12	8	1.49
(1,1002)	1:A:81:GLN:HG2	1:A:89:LEU:HD13	8	1.49
(1,1002)	1:A:81:GLN:HG2	1:A:89:LEU:HD21	8	1.49
(1,1002)	1:A:81:GLN:HG2	1:A:89:LEU:HD22	8	1.49
(1,1002)	1:A:81:GLN:HG2	1:A:89:LEU:HD23	8	1.49
(1,1002)	1:A:81:GLN:HG3	1:A:89:LEU:HD11	8	1.49
(1,1002)	1:A:81:GLN:HG3	1:A:89:LEU:HD12	8	1.49
(1,1002)	1:A:81:GLN:HG3	1:A:89:LEU:HD13	8	1.49
(1,1002)	1:A:81:GLN:HG3	1:A:89:LEU:HD21	8	1.49
(1,1002)	1:A:81:GLN:HG3	1:A:89:LEU:HD22	8	1.49
(1,1002)	1:A:81:GLN:HG3	1:A:89:LEU:HD23	8	1.49
(1,78)	1:A:7:VAL:HB	1:A:38:ILE:HG21	2	1.48
(1,78)	1:A:7:VAL:HB	1:A:38:ILE:HG22	2	1.48
(1,78)	1:A:7:VAL:HB	1:A:38:ILE:HG23	2	1.48
(1,755)	1:A:58:LYS:HD2	1:A:60:LEU:H	6	1.48
(1,714)	1:A:55:GLU:HG2	1:A:58:LYS:HB2	4	1.48
(1,714)	1:A:55:GLU:HG2	1:A:58:LYS:HB3	4	1.48
(1,714)	1:A:55:GLU:HG3	1:A:58:LYS:HB2	4	1.48
(1,714)	1:A:55:GLU:HG3	1:A:58:LYS:HB3	4	1.48
(1,163)	1:A:10:SER:HB2	1:A:40:VAL:HB	1	1.48
(1,163)	1:A:10:SER:HB3	1:A:40:VAL:HB	1	1.48
(1,163)	1:A:10:SER:HB2	1:A:40:VAL:HB	9	1.48
(1,163)	1:A:10:SER:HB3	1:A:40:VAL:HB	9	1.48
(1,1286)	1:A:107:ARG:HD2	1:A:111:ALA:HA	7	1.48
(1,1286)	1:A:107:ARG:HD3	1:A:111:ALA:HA	7	1.48
(1,994)	1:A:80:ARG:HG2	1:A:86:THR:HA	2	1.47
(1,994)	1:A:80:ARG:HG3	1:A:86:THR:HA	2	1.47
(1,95)	1:A:7:VAL:HG21	1:A:38:ILE:HG21	8	1.47
(1,95)	1:A:7:VAL:HG21	1:A:38:ILE:HG22	8	1.47
(1,95)	1:A:7:VAL:HG21	1:A:38:ILE:HG23	8	1.47
(1,95)	1:A:7:VAL:HG22	1:A:38:ILE:HG21	8	1.47
(1,95)	1:A:7:VAL:HG22	1:A:38:ILE:HG22	8	1.47
(1,95)	1:A:7:VAL:HG22	1:A:38:ILE:HG23	8	1.47
(1,95)	1:A:7:VAL:HG23	1:A:38:ILE:HG21	8	1.47
(1,95)	1:A:7:VAL:HG23	1:A:38:ILE:HG22	8	1.47
(1,95)	1:A:7:VAL:HG23	1:A:38:ILE:HG23	8	1.47
(1,252)	1:A:15:TYR:HA	1:A:121:LEU:HB2	8	1.46
(1,252)	1:A:15:TYR:HA	1:A:121:LEU:HB3	8	1.46
(1,1653)	1:A:140:LYS:HE2	1:A:142:VAL:H	2	1.46
(1,1653)	1:A:140:LYS:HE2	1:A:142:VAL:H	10	1.46
(1,1084)	1:A:93:ILE:HA	1:A:146:LEU:HB2	7	1.46
(1,945)	1:A:78:VAL:H	1:A:86:THR:HB	10	1.45

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,686)	1:A:54:VAL:HG11	1:A:138:ASP:HB2	4	1.44
(1,686)	1:A:54:VAL:HG11	1:A:138:ASP:HB3	4	1.44
(1,686)	1:A:54:VAL:HG12	1:A:138:ASP:HB2	4	1.44
(1,686)	1:A:54:VAL:HG12	1:A:138:ASP:HB3	4	1.44
(1,686)	1:A:54:VAL:HG13	1:A:138:ASP:HB2	4	1.44
(1,686)	1:A:54:VAL:HG13	1:A:138:ASP:HB3	4	1.44
(1,686)	1:A:54:VAL:HG21	1:A:138:ASP:HB2	4	1.44
(1,686)	1:A:54:VAL:HG21	1:A:138:ASP:HB3	4	1.44
(1,686)	1:A:54:VAL:HG22	1:A:138:ASP:HB2	4	1.44
(1,686)	1:A:54:VAL:HG22	1:A:138:ASP:HB3	4	1.44
(1,686)	1:A:54:VAL:HG23	1:A:138:ASP:HB2	4	1.44
(1,686)	1:A:54:VAL:HG23	1:A:138:ASP:HB3	4	1.44
(1,580)	1:A:42:LYS:HG2	1:A:56:GLU:HG2	4	1.44
(1,580)	1:A:42:LYS:HG2	1:A:56:GLU:HG3	4	1.44
(1,580)	1:A:42:LYS:HG3	1:A:56:GLU:HG2	4	1.44
(1,580)	1:A:42:LYS:HG3	1:A:56:GLU:HG3	4	1.44
(1,379)	1:A:26:TYR:HB2	1:A:72:VAL:HA	5	1.44
(1,1447)	1:A:118:LYS:HG3	1:A:128:GLN:HB2	4	1.44
(1,1447)	1:A:118:LYS:HG3	1:A:128:GLN:HB3	4	1.44
(1,908)	1:A:76:VAL:H	1:A:88:THR:HG21	9	1.43
(1,908)	1:A:76:VAL:H	1:A:88:THR:HG22	9	1.43
(1,908)	1:A:76:VAL:H	1:A:88:THR:HG23	9	1.43
(1,894)	1:A:75:GLU:HG3	1:A:76:VAL:H	4	1.43
(1,894)	1:A:75:GLU:HG3	1:A:76:VAL:H	8	1.43
(1,891)	1:A:75:GLU:HG2	1:A:89:LEU:H	10	1.43
(1,897)	1:A:75:GLU:HG3	1:A:89:LEU:H	1	1.42
(1,894)	1:A:75:GLU:HG3	1:A:76:VAL:H	7	1.42
(1,592)	1:A:45:GLU:HB3	1:A:48:ALA:HA	5	1.42
(1,969)	1:A:79:GLN:HA	1:A:86:THR:HA	3	1.41
(1,959)	1:A:78:VAL:HG21	1:A:87:SER:HA	4	1.41
(1,959)	1:A:78:VAL:HG22	1:A:87:SER:HA	4	1.41
(1,959)	1:A:78:VAL:HG23	1:A:87:SER:HA	4	1.41
(1,894)	1:A:75:GLU:HG3	1:A:76:VAL:H	1	1.41
(1,755)	1:A:58:LYS:HD2	1:A:60:LEU:H	5	1.41
(1,524)	1:A:33:LYS:HG2	1:A:36:THR:HB	7	1.41
(1,316)	1:A:18:LEU:HD11	1:A:123:LEU:HG	10	1.41
(1,316)	1:A:18:LEU:HD12	1:A:123:LEU:HG	10	1.41
(1,316)	1:A:18:LEU:HD13	1:A:123:LEU:HG	10	1.41
(1,1344)	1:A:111:ALA:HA	1:A:115:ARG:H	10	1.41
(1,1002)	1:A:81:GLN:HG2	1:A:89:LEU:HD11	3	1.41
(1,1002)	1:A:81:GLN:HG2	1:A:89:LEU:HD12	3	1.41
(1,1002)	1:A:81:GLN:HG2	1:A:89:LEU:HD13	3	1.41

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,1002)	1:A:81:GLN:HG2	1:A:89:LEU:HD21	3	1.41
(1,1002)	1:A:81:GLN:HG2	1:A:89:LEU:HD22	3	1.41
(1,1002)	1:A:81:GLN:HG2	1:A:89:LEU:HD23	3	1.41
(1,1002)	1:A:81:GLN:HG3	1:A:89:LEU:HD11	3	1.41
(1,1002)	1:A:81:GLN:HG3	1:A:89:LEU:HD12	3	1.41
(1,1002)	1:A:81:GLN:HG3	1:A:89:LEU:HD13	3	1.41
(1,1002)	1:A:81:GLN:HG3	1:A:89:LEU:HD21	3	1.41
(1,1002)	1:A:81:GLN:HG3	1:A:89:LEU:HD22	3	1.41
(1,1002)	1:A:81:GLN:HG3	1:A:89:LEU:HD23	3	1.41
(1,94)	1:A:7:VAL:HG21	1:A:38:ILE:HB	8	1.4
(1,94)	1:A:7:VAL:HG22	1:A:38:ILE:HB	8	1.4
(1,94)	1:A:7:VAL:HG23	1:A:38:ILE:HB	8	1.4
(1,592)	1:A:45:GLU:HB3	1:A:48:ALA:HA	6	1.4
(1,517)	1:A:32:ASP:HB2	1:A:37:ALA:HB1	8	1.4
(1,517)	1:A:32:ASP:HB2	1:A:37:ALA:HB2	8	1.4
(1,517)	1:A:32:ASP:HB2	1:A:37:ALA:HB3	8	1.4
(1,292)	1:A:17:LEU:HA	1:A:21:LYS:H	9	1.4
(1,237)	1:A:14:ALA:HA	1:A:18:LEU:H	9	1.4
(1,72)	1:A:7:VAL:HB	1:A:117:LEU:HA	1	1.39
(1,609)	1:A:49:PRO:HG2	1:A:51:ALA:H	5	1.39
(1,609)	1:A:49:PRO:HG3	1:A:51:ALA:H	5	1.39
(1,59)	1:A:6:LYS:HB2	1:A:38:ILE:HD11	6	1.39
(1,59)	1:A:6:LYS:HB2	1:A:38:ILE:HD12	6	1.39
(1,59)	1:A:6:LYS:HB2	1:A:38:ILE:HD13	6	1.39
(1,59)	1:A:6:LYS:HB3	1:A:38:ILE:HD11	6	1.39
(1,59)	1:A:6:LYS:HB3	1:A:38:ILE:HD12	6	1.39
(1,59)	1:A:6:LYS:HB3	1:A:38:ILE:HD13	6	1.39
(1,491)	1:A:31:ILE:HG12	1:A:109:LEU:HA	6	1.39
(1,316)	1:A:18:LEU:HD11	1:A:123:LEU:HG	2	1.39
(1,316)	1:A:18:LEU:HD12	1:A:123:LEU:HG	2	1.39
(1,316)	1:A:18:LEU:HD13	1:A:123:LEU:HG	2	1.39
(1,316)	1:A:18:LEU:HD11	1:A:123:LEU:HG	9	1.39
(1,316)	1:A:18:LEU:HD12	1:A:123:LEU:HG	9	1.39
(1,316)	1:A:18:LEU:HD13	1:A:123:LEU:HG	9	1.39
(1,1002)	1:A:81:GLN:HG2	1:A:89:LEU:HD11	10	1.39
(1,1002)	1:A:81:GLN:HG2	1:A:89:LEU:HD12	10	1.39
(1,1002)	1:A:81:GLN:HG2	1:A:89:LEU:HD13	10	1.39
(1,1002)	1:A:81:GLN:HG2	1:A:89:LEU:HD21	10	1.39
(1,1002)	1:A:81:GLN:HG2	1:A:89:LEU:HD22	10	1.39
(1,1002)	1:A:81:GLN:HG2	1:A:89:LEU:HD23	10	1.39
(1,1002)	1:A:81:GLN:HG3	1:A:89:LEU:HD11	10	1.39
(1,1002)	1:A:81:GLN:HG3	1:A:89:LEU:HD12	10	1.39

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,1002)	1:A:81:GLN:HG3	1:A:89:LEU:HD13	10	1.39
(1,1002)	1:A:81:GLN:HG3	1:A:89:LEU:HD21	10	1.39
(1,1002)	1:A:81:GLN:HG3	1:A:89:LEU:HD22	10	1.39
(1,1002)	1:A:81:GLN:HG3	1:A:89:LEU:HD23	10	1.39
(1,894)	1:A:75:GLU:HG3	1:A:76:VAL:H	9	1.38
(1,517)	1:A:32:ASP:HB2	1:A:37:ALA:HB1	7	1.38
(1,517)	1:A:32:ASP:HB2	1:A:37:ALA:HB2	7	1.38
(1,517)	1:A:32:ASP:HB2	1:A:37:ALA:HB3	7	1.38
(1,316)	1:A:18:LEU:HD11	1:A:123:LEU:HG	1	1.38
(1,316)	1:A:18:LEU:HD12	1:A:123:LEU:HG	1	1.38
(1,316)	1:A:18:LEU:HD13	1:A:123:LEU:HG	1	1.38
(1,891)	1:A:75:GLU:HG2	1:A:89:LEU:H	3	1.37
(1,686)	1:A:54:VAL:HG11	1:A:138:ASP:HB2	2	1.37
(1,686)	1:A:54:VAL:HG11	1:A:138:ASP:HB3	2	1.37
(1,686)	1:A:54:VAL:HG12	1:A:138:ASP:HB2	2	1.37
(1,686)	1:A:54:VAL:HG12	1:A:138:ASP:HB3	2	1.37
(1,686)	1:A:54:VAL:HG13	1:A:138:ASP:HB2	2	1.37
(1,686)	1:A:54:VAL:HG13	1:A:138:ASP:HB3	2	1.37
(1,686)	1:A:54:VAL:HG21	1:A:138:ASP:HB2	2	1.37
(1,686)	1:A:54:VAL:HG21	1:A:138:ASP:HB3	2	1.37
(1,686)	1:A:54:VAL:HG22	1:A:138:ASP:HB2	2	1.37
(1,686)	1:A:54:VAL:HG22	1:A:138:ASP:HB3	2	1.37
(1,686)	1:A:54:VAL:HG23	1:A:138:ASP:HB2	2	1.37
(1,686)	1:A:54:VAL:HG23	1:A:138:ASP:HB3	2	1.37
(1,516)	1:A:32:ASP:HB2	1:A:37:ALA:H	9	1.37
(1,1021)	1:A:85:GLY:H	1:A:86:THR:H	8	1.37
(1,894)	1:A:75:GLU:HG3	1:A:76:VAL:H	10	1.36
(1,72)	1:A:7:VAL:HB	1:A:117:LEU:HA	10	1.36
(1,610)	1:A:49:PRO:HG2	1:A:51:ALA:HB1	2	1.36
(1,610)	1:A:49:PRO:HG2	1:A:51:ALA:HB2	2	1.36
(1,610)	1:A:49:PRO:HG2	1:A:51:ALA:HB3	2	1.36
(1,610)	1:A:49:PRO:HG3	1:A:51:ALA:HB1	2	1.36
(1,610)	1:A:49:PRO:HG3	1:A:51:ALA:HB2	2	1.36
(1,610)	1:A:49:PRO:HG3	1:A:51:ALA:HB3	2	1.36
(1,491)	1:A:31:ILE:HG12	1:A:109:LEU:HA	10	1.36
(1,959)	1:A:78:VAL:HG21	1:A:87:SER:HA	2	1.35
(1,959)	1:A:78:VAL:HG22	1:A:87:SER:HA	2	1.35
(1,959)	1:A:78:VAL:HG23	1:A:87:SER:HA	2	1.35
(1,1790)	1:A:150:GLN:HB3	1:A:152:ILE:H	7	1.34
(1,755)	1:A:58:LYS:HD2	1:A:60:LEU:H	9	1.33
(1,609)	1:A:49:PRO:HG2	1:A:51:ALA:H	1	1.33
(1,609)	1:A:49:PRO:HG3	1:A:51:ALA:H	1	1.33

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,891)	1:A:75:GLU:HG2	1:A:89:LEU:H	2	1.32
(1,529)	1:A:33:LYS:HG3	1:A:36:THR:HG21	10	1.32
(1,529)	1:A:33:LYS:HG3	1:A:36:THR:HG22	10	1.32
(1,529)	1:A:33:LYS:HG3	1:A:36:THR:HG23	10	1.32
(1,1443)	1:A:118:LYS:HE3	1:A:119:ALA:H	2	1.32
(1,95)	1:A:7:VAL:HG21	1:A:38:ILE:HG21	7	1.31
(1,95)	1:A:7:VAL:HG21	1:A:38:ILE:HG22	7	1.31
(1,95)	1:A:7:VAL:HG21	1:A:38:ILE:HG23	7	1.31
(1,95)	1:A:7:VAL:HG22	1:A:38:ILE:HG21	7	1.31
(1,95)	1:A:7:VAL:HG22	1:A:38:ILE:HG22	7	1.31
(1,95)	1:A:7:VAL:HG22	1:A:38:ILE:HG23	7	1.31
(1,95)	1:A:7:VAL:HG23	1:A:38:ILE:HG21	7	1.31
(1,95)	1:A:7:VAL:HG23	1:A:38:ILE:HG22	7	1.31
(1,95)	1:A:7:VAL:HG23	1:A:38:ILE:HG23	7	1.31
(1,385)	1:A:26:TYR:HB2	1:A:72:VAL:HA	8	1.31
(1,385)	1:A:26:TYR:HB3	1:A:72:VAL:HA	8	1.31
(1,907)	1:A:76:VAL:H	1:A:88:THR:HB	4	1.3
(1,895)	1:A:75:GLU:HG3	1:A:88:THR:HB	5	1.3
(1,609)	1:A:49:PRO:HG2	1:A:51:ALA:H	9	1.3
(1,609)	1:A:49:PRO:HG3	1:A:51:ALA:H	9	1.3
(1,1075)	1:A:92:VAL:HG11	1:A:146:LEU:HD11	3	1.3
(1,1075)	1:A:92:VAL:HG11	1:A:146:LEU:HD12	3	1.3
(1,1075)	1:A:92:VAL:HG11	1:A:146:LEU:HD13	3	1.3
(1,1075)	1:A:92:VAL:HG11	1:A:146:LEU:HD21	3	1.3
(1,1075)	1:A:92:VAL:HG11	1:A:146:LEU:HD22	3	1.3
(1,1075)	1:A:92:VAL:HG11	1:A:146:LEU:HD23	3	1.3
(1,1075)	1:A:92:VAL:HG12	1:A:146:LEU:HD11	3	1.3
(1,1075)	1:A:92:VAL:HG12	1:A:146:LEU:HD12	3	1.3
(1,1075)	1:A:92:VAL:HG12	1:A:146:LEU:HD13	3	1.3
(1,1075)	1:A:92:VAL:HG12	1:A:146:LEU:HD21	3	1.3
(1,1075)	1:A:92:VAL:HG12	1:A:146:LEU:HD22	3	1.3
(1,1075)	1:A:92:VAL:HG12	1:A:146:LEU:HD23	3	1.3
(1,1075)	1:A:92:VAL:HG13	1:A:146:LEU:HD11	3	1.3
(1,1075)	1:A:92:VAL:HG13	1:A:146:LEU:HD12	3	1.3
(1,1075)	1:A:92:VAL:HG13	1:A:146:LEU:HD13	3	1.3
(1,1075)	1:A:92:VAL:HG13	1:A:146:LEU:HD21	3	1.3
(1,1075)	1:A:92:VAL:HG13	1:A:146:LEU:HD22	3	1.3
(1,1075)	1:A:92:VAL:HG13	1:A:146:LEU:HD23	3	1.3
(1,1075)	1:A:92:VAL:HG21	1:A:146:LEU:HD11	3	1.3
(1,1075)	1:A:92:VAL:HG21	1:A:146:LEU:HD12	3	1.3
(1,1075)	1:A:92:VAL:HG21	1:A:146:LEU:HD13	3	1.3
(1,1075)	1:A:92:VAL:HG21	1:A:146:LEU:HD21	3	1.3

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,1075)	1:A:92:VAL:HG21	1:A:146:LEU:HD22	3	1.3
(1,1075)	1:A:92:VAL:HG21	1:A:146:LEU:HD23	3	1.3
(1,1075)	1:A:92:VAL:HG22	1:A:146:LEU:HD11	3	1.3
(1,1075)	1:A:92:VAL:HG22	1:A:146:LEU:HD12	3	1.3
(1,1075)	1:A:92:VAL:HG22	1:A:146:LEU:HD13	3	1.3
(1,1075)	1:A:92:VAL:HG22	1:A:146:LEU:HD21	3	1.3
(1,1075)	1:A:92:VAL:HG22	1:A:146:LEU:HD22	3	1.3
(1,1075)	1:A:92:VAL:HG22	1:A:146:LEU:HD23	3	1.3
(1,1075)	1:A:92:VAL:HG23	1:A:146:LEU:HD11	3	1.3
(1,1075)	1:A:92:VAL:HG23	1:A:146:LEU:HD12	3	1.3
(1,1075)	1:A:92:VAL:HG23	1:A:146:LEU:HD13	3	1.3
(1,1075)	1:A:92:VAL:HG23	1:A:146:LEU:HD21	3	1.3
(1,1075)	1:A:92:VAL:HG23	1:A:146:LEU:HD22	3	1.3
(1,1075)	1:A:92:VAL:HG23	1:A:146:LEU:HD23	3	1.3
(1,1001)	1:A:81:GLN:HB2	1:A:89:LEU:HD11	5	1.3
(1,1001)	1:A:81:GLN:HB2	1:A:89:LEU:HD12	5	1.3
(1,1001)	1:A:81:GLN:HB2	1:A:89:LEU:HD13	5	1.3
(1,1001)	1:A:81:GLN:HB2	1:A:89:LEU:HD21	5	1.3
(1,1001)	1:A:81:GLN:HB2	1:A:89:LEU:HD22	5	1.3
(1,1001)	1:A:81:GLN:HB2	1:A:89:LEU:HD23	5	1.3
(1,1001)	1:A:81:GLN:HB3	1:A:89:LEU:HD11	5	1.3
(1,1001)	1:A:81:GLN:HB3	1:A:89:LEU:HD12	5	1.3
(1,1001)	1:A:81:GLN:HB3	1:A:89:LEU:HD13	5	1.3
(1,1001)	1:A:81:GLN:HB3	1:A:89:LEU:HD21	5	1.3
(1,1001)	1:A:81:GLN:HB3	1:A:89:LEU:HD22	5	1.3
(1,1001)	1:A:81:GLN:HB3	1:A:89:LEU:HD23	5	1.3
(1,994)	1:A:80:ARG:HG2	1:A:86:THR:HA	4	1.29
(1,994)	1:A:80:ARG:HG3	1:A:86:THR:HA	4	1.29
(1,518)	1:A:32:ASP:HB3	1:A:37:ALA:H	9	1.29
(1,1189)	1:A:99:PRO:HG3	1:A:102:ALA:HA	3	1.29
(1,894)	1:A:75:GLU:HG3	1:A:76:VAL:H	6	1.28
(1,732)	1:A:57:MET:HA	1:A:60:LEU:HG	8	1.28
(1,519)	1:A:32:ASP:HB3	1:A:37:ALA:HB1	2	1.28
(1,519)	1:A:32:ASP:HB3	1:A:37:ALA:HB2	2	1.28
(1,519)	1:A:32:ASP:HB3	1:A:37:ALA:HB3	2	1.28
(1,519)	1:A:32:ASP:HB2	1:A:37:ALA:HB1	2	1.28
(1,519)	1:A:32:ASP:HB2	1:A:37:ALA:HB2	2	1.28
(1,519)	1:A:32:ASP:HB2	1:A:37:ALA:HB3	2	1.28
(1,519)	1:A:32:ASP:HB3	1:A:37:ALA:HB1	2	1.28
(1,519)	1:A:32:ASP:HB3	1:A:37:ALA:HB2	2	1.28
(1,519)	1:A:32:ASP:HB3	1:A:37:ALA:HB3	2	1.28
(1,508)	1:A:31:ILE:HG12	1:A:109:LEU:HD11	9	1.28

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,508)	1:A:31:ILE:HG12	1:A:109:LEU:HD12	9	1.28
(1,508)	1:A:31:ILE:HG12	1:A:109:LEU:HD13	9	1.28
(1,508)	1:A:31:ILE:HG12	1:A:109:LEU:HD21	9	1.28
(1,508)	1:A:31:ILE:HG12	1:A:109:LEU:HD22	9	1.28
(1,508)	1:A:31:ILE:HG12	1:A:109:LEU:HD23	9	1.28
(1,508)	1:A:31:ILE:HG13	1:A:109:LEU:HD11	9	1.28
(1,508)	1:A:31:ILE:HG13	1:A:109:LEU:HD12	9	1.28
(1,508)	1:A:31:ILE:HG13	1:A:109:LEU:HD13	9	1.28
(1,508)	1:A:31:ILE:HG13	1:A:109:LEU:HD21	9	1.28
(1,508)	1:A:31:ILE:HG13	1:A:109:LEU:HD22	9	1.28
(1,508)	1:A:31:ILE:HG13	1:A:109:LEU:HD23	9	1.28
(1,252)	1:A:15:TYR:HA	1:A:121:LEU:HB2	4	1.28
(1,252)	1:A:15:TYR:HA	1:A:121:LEU:HB3	4	1.28
(1,1449)	1:A:118:LYS:HG2	1:A:128:GLN:HB2	4	1.28
(1,1449)	1:A:118:LYS:HG2	1:A:128:GLN:HB3	4	1.28
(1,1449)	1:A:118:LYS:HG3	1:A:128:GLN:HB2	4	1.28
(1,1449)	1:A:118:LYS:HG3	1:A:128:GLN:HB3	4	1.28
(1,1172)	1:A:98:CYS:HB2	1:A:107:ARG:HA	1	1.28
(1,1172)	1:A:98:CYS:HB3	1:A:107:ARG:HA	1	1.28
(1,1067)	1:A:92:VAL:H	1:A:127:PHE:H	10	1.28
(1,908)	1:A:76:VAL:H	1:A:88:THR:HG21	7	1.27
(1,908)	1:A:76:VAL:H	1:A:88:THR:HG22	7	1.27
(1,908)	1:A:76:VAL:H	1:A:88:THR:HG23	7	1.27
(1,895)	1:A:75:GLU:HG3	1:A:88:THR:HB	1	1.27
(1,578)	1:A:42:LYS:HD2	1:A:56:GLU:HB2	9	1.27
(1,578)	1:A:42:LYS:HD2	1:A:56:GLU:HB3	9	1.27
(1,578)	1:A:42:LYS:HD3	1:A:56:GLU:HB2	9	1.27
(1,578)	1:A:42:LYS:HD3	1:A:56:GLU:HB3	9	1.27
(1,501)	1:A:31:ILE:HD11	1:A:109:LEU:H	8	1.27
(1,501)	1:A:31:ILE:HD12	1:A:109:LEU:H	8	1.27
(1,501)	1:A:31:ILE:HD13	1:A:109:LEU:H	8	1.27
(1,1653)	1:A:140:LYS:HE2	1:A:142:VAL:H	6	1.27
(1,1589)	1:A:135:SER:HA	1:A:140:LYS:HE2	4	1.27
(1,1241)	1:A:104:VAL:HG11	1:A:107:ARG:HB2	7	1.27
(1,1241)	1:A:104:VAL:HG11	1:A:107:ARG:HB3	7	1.27
(1,1241)	1:A:104:VAL:HG12	1:A:107:ARG:HB2	7	1.27
(1,1241)	1:A:104:VAL:HG12	1:A:107:ARG:HB3	7	1.27
(1,1241)	1:A:104:VAL:HG13	1:A:107:ARG:HB2	7	1.27
(1,1241)	1:A:104:VAL:HG13	1:A:107:ARG:HB3	7	1.27
(1,1241)	1:A:104:VAL:HG21	1:A:107:ARG:HB2	7	1.27
(1,1241)	1:A:104:VAL:HG21	1:A:107:ARG:HB3	7	1.27
(1,1241)	1:A:104:VAL:HG22	1:A:107:ARG:HB2	7	1.27

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,1241)	1:A:104:VAL:HG22	1:A:107:ARG:HB3	7	1.27
(1,1241)	1:A:104:VAL:HG23	1:A:107:ARG:HB2	7	1.27
(1,1241)	1:A:104:VAL:HG23	1:A:107:ARG:HB3	7	1.27
(1,1075)	1:A:92:VAL:HG11	1:A:146:LEU:HD11	10	1.27
(1,1075)	1:A:92:VAL:HG11	1:A:146:LEU:HD12	10	1.27
(1,1075)	1:A:92:VAL:HG11	1:A:146:LEU:HD13	10	1.27
(1,1075)	1:A:92:VAL:HG11	1:A:146:LEU:HD21	10	1.27
(1,1075)	1:A:92:VAL:HG11	1:A:146:LEU:HD22	10	1.27
(1,1075)	1:A:92:VAL:HG11	1:A:146:LEU:HD23	10	1.27
(1,1075)	1:A:92:VAL:HG12	1:A:146:LEU:HD11	10	1.27
(1,1075)	1:A:92:VAL:HG12	1:A:146:LEU:HD12	10	1.27
(1,1075)	1:A:92:VAL:HG12	1:A:146:LEU:HD13	10	1.27
(1,1075)	1:A:92:VAL:HG12	1:A:146:LEU:HD21	10	1.27
(1,1075)	1:A:92:VAL:HG12	1:A:146:LEU:HD22	10	1.27
(1,1075)	1:A:92:VAL:HG12	1:A:146:LEU:HD23	10	1.27
(1,1075)	1:A:92:VAL:HG13	1:A:146:LEU:HD11	10	1.27
(1,1075)	1:A:92:VAL:HG13	1:A:146:LEU:HD12	10	1.27
(1,1075)	1:A:92:VAL:HG13	1:A:146:LEU:HD13	10	1.27
(1,1075)	1:A:92:VAL:HG13	1:A:146:LEU:HD21	10	1.27
(1,1075)	1:A:92:VAL:HG13	1:A:146:LEU:HD22	10	1.27
(1,1075)	1:A:92:VAL:HG13	1:A:146:LEU:HD23	10	1.27
(1,1075)	1:A:92:VAL:HG21	1:A:146:LEU:HD11	10	1.27
(1,1075)	1:A:92:VAL:HG21	1:A:146:LEU:HD12	10	1.27
(1,1075)	1:A:92:VAL:HG21	1:A:146:LEU:HD13	10	1.27
(1,1075)	1:A:92:VAL:HG21	1:A:146:LEU:HD21	10	1.27
(1,1075)	1:A:92:VAL:HG21	1:A:146:LEU:HD22	10	1.27
(1,1075)	1:A:92:VAL:HG21	1:A:146:LEU:HD23	10	1.27
(1,1075)	1:A:92:VAL:HG22	1:A:146:LEU:HD11	10	1.27
(1,1075)	1:A:92:VAL:HG22	1:A:146:LEU:HD12	10	1.27
(1,1075)	1:A:92:VAL:HG22	1:A:146:LEU:HD13	10	1.27
(1,1075)	1:A:92:VAL:HG22	1:A:146:LEU:HD21	10	1.27
(1,1075)	1:A:92:VAL:HG22	1:A:146:LEU:HD22	10	1.27
(1,1075)	1:A:92:VAL:HG22	1:A:146:LEU:HD23	10	1.27
(1,1075)	1:A:92:VAL:HG23	1:A:146:LEU:HD11	10	1.27
(1,1075)	1:A:92:VAL:HG23	1:A:146:LEU:HD12	10	1.27
(1,1075)	1:A:92:VAL:HG23	1:A:146:LEU:HD13	10	1.27
(1,1075)	1:A:92:VAL:HG23	1:A:146:LEU:HD21	10	1.27
(1,1075)	1:A:92:VAL:HG23	1:A:146:LEU:HD22	10	1.27
(1,1075)	1:A:92:VAL:HG23	1:A:146:LEU:HD23	10	1.27
(1,1067)	1:A:92:VAL:H	1:A:127:PHE:H	7	1.27
(1,937)	1:A:77:THR:HB	1:A:88:THR:HB	9	1.26
(1,714)	1:A:55:GLU:HG2	1:A:58:LYS:HB2	10	1.26

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,714)	1:A:55:GLU:HG2	1:A:58:LYS:HB3	10	1.26
(1,714)	1:A:55:GLU:HG3	1:A:58:LYS:HB2	10	1.26
(1,714)	1:A:55:GLU:HG3	1:A:58:LYS:HB3	10	1.26
(1,518)	1:A:32:ASP:HB3	1:A:37:ALA:H	2	1.26
(1,1443)	1:A:118:LYS:HE3	1:A:119:ALA:H	10	1.26
(1,1084)	1:A:93:ILE:HA	1:A:146:LEU:HB2	2	1.26
(1,94)	1:A:7:VAL:HG21	1:A:38:ILE:HB	7	1.25
(1,94)	1:A:7:VAL:HG22	1:A:38:ILE:HB	7	1.25
(1,94)	1:A:7:VAL:HG23	1:A:38:ILE:HB	7	1.25
(1,715)	1:A:55:GLU:HG2	1:A:58:LYS:HE2	1	1.25
(1,715)	1:A:55:GLU:HG2	1:A:58:LYS:HE3	1	1.25
(1,715)	1:A:55:GLU:HG3	1:A:58:LYS:HE2	1	1.25
(1,715)	1:A:55:GLU:HG3	1:A:58:LYS:HE3	1	1.25
(1,528)	1:A:33:LYS:HG3	1:A:36:THR:HB	10	1.25
(1,527)	1:A:33:LYS:HG3	1:A:36:THR:HA	10	1.25
(1,1281)	1:A:107:ARG:HA	1:A:110:TYR:HA	8	1.25
(1,1067)	1:A:92:VAL:H	1:A:127:PHE:H	6	1.25
(1,959)	1:A:78:VAL:HG21	1:A:87:SER:HA	7	1.24
(1,959)	1:A:78:VAL:HG22	1:A:87:SER:HA	7	1.24
(1,959)	1:A:78:VAL:HG23	1:A:87:SER:HA	7	1.24
(1,295)	1:A:17:LEU:HA	1:A:21:LYS:HG2	2	1.24
(1,295)	1:A:17:LEU:HA	1:A:21:LYS:HG3	2	1.24
(1,295)	1:A:17:LEU:HA	1:A:21:LYS:HG2	5	1.24
(1,295)	1:A:17:LEU:HA	1:A:21:LYS:HG3	5	1.24
(1,1447)	1:A:118:LYS:HG3	1:A:128:GLN:HB2	1	1.24
(1,1447)	1:A:118:LYS:HG3	1:A:128:GLN:HB3	1	1.24
(1,684)	1:A:54:VAL:HG11	1:A:138:ASP:H	6	1.23
(1,684)	1:A:54:VAL:HG12	1:A:138:ASP:H	6	1.23
(1,684)	1:A:54:VAL:HG13	1:A:138:ASP:H	6	1.23
(1,684)	1:A:54:VAL:HG21	1:A:138:ASP:H	6	1.23
(1,684)	1:A:54:VAL:HG22	1:A:138:ASP:H	6	1.23
(1,684)	1:A:54:VAL:HG23	1:A:138:ASP:H	6	1.23
(1,1773)	1:A:149:ASN:HB3	1:A:151:ARG:HA	1	1.23
(1,1653)	1:A:140:LYS:HE2	1:A:142:VAL:H	7	1.23
(1,1241)	1:A:104:VAL:HG11	1:A:107:ARG:HB2	4	1.23
(1,1241)	1:A:104:VAL:HG11	1:A:107:ARG:HB3	4	1.23
(1,1241)	1:A:104:VAL:HG12	1:A:107:ARG:HB2	4	1.23
(1,1241)	1:A:104:VAL:HG12	1:A:107:ARG:HB3	4	1.23
(1,1241)	1:A:104:VAL:HG13	1:A:107:ARG:HB2	4	1.23
(1,1241)	1:A:104:VAL:HG13	1:A:107:ARG:HB3	4	1.23
(1,1241)	1:A:104:VAL:HG21	1:A:107:ARG:HB2	4	1.23
(1,1241)	1:A:104:VAL:HG21	1:A:107:ARG:HB3	4	1.23

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,1241)	1:A:104:VAL:HG22	1:A:107:ARG:HB2	4	1.23
(1,1241)	1:A:104:VAL:HG22	1:A:107:ARG:HB3	4	1.23
(1,1241)	1:A:104:VAL:HG23	1:A:107:ARG:HB2	4	1.23
(1,1241)	1:A:104:VAL:HG23	1:A:107:ARG:HB3	4	1.23
(1,1067)	1:A:92:VAL:H	1:A:127:PHE:H	1	1.23
(1,1067)	1:A:92:VAL:H	1:A:127:PHE:H	2	1.23
(1,994)	1:A:80:ARG:HG2	1:A:86:THR:HA	5	1.22
(1,994)	1:A:80:ARG:HG3	1:A:86:THR:HA	5	1.22
(1,971)	1:A:79:GLN:HA	1:A:86:THR:HG21	5	1.22
(1,971)	1:A:79:GLN:HA	1:A:86:THR:HG22	5	1.22
(1,971)	1:A:79:GLN:HA	1:A:86:THR:HG23	5	1.22
(1,970)	1:A:79:GLN:HA	1:A:86:THR:HB	2	1.22
(1,970)	1:A:79:GLN:HA	1:A:86:THR:HB	5	1.22
(1,969)	1:A:79:GLN:HA	1:A:86:THR:HA	6	1.22
(1,266)	1:A:15:TYR:HB2	1:A:123:LEU:HD11	9	1.22
(1,266)	1:A:15:TYR:HB2	1:A:123:LEU:HD12	9	1.22
(1,266)	1:A:15:TYR:HB2	1:A:123:LEU:HD13	9	1.22
(1,266)	1:A:15:TYR:HB2	1:A:123:LEU:HD21	9	1.22
(1,266)	1:A:15:TYR:HB2	1:A:123:LEU:HD22	9	1.22
(1,266)	1:A:15:TYR:HB2	1:A:123:LEU:HD23	9	1.22
(1,266)	1:A:15:TYR:HB3	1:A:123:LEU:HD11	9	1.22
(1,266)	1:A:15:TYR:HB3	1:A:123:LEU:HD12	9	1.22
(1,266)	1:A:15:TYR:HB3	1:A:123:LEU:HD13	9	1.22
(1,266)	1:A:15:TYR:HB3	1:A:123:LEU:HD21	9	1.22
(1,266)	1:A:15:TYR:HB3	1:A:123:LEU:HD22	9	1.22
(1,266)	1:A:15:TYR:HB3	1:A:123:LEU:HD23	9	1.22
(1,1773)	1:A:149:ASN:HB3	1:A:151:ARG:HA	3	1.22
(1,163)	1:A:10:SER:HB2	1:A:40:VAL:HB	6	1.22
(1,163)	1:A:10:SER:HB3	1:A:40:VAL:HB	6	1.22
(1,1159)	1:A:96:GLN:HB2	1:A:114:VAL:HG11	10	1.22
(1,1159)	1:A:96:GLN:HB2	1:A:114:VAL:HG12	10	1.22
(1,1159)	1:A:96:GLN:HB2	1:A:114:VAL:HG13	10	1.22
(1,1159)	1:A:96:GLN:HB2	1:A:114:VAL:HG21	10	1.22
(1,1159)	1:A:96:GLN:HB2	1:A:114:VAL:HG22	10	1.22
(1,1159)	1:A:96:GLN:HB2	1:A:114:VAL:HG23	10	1.22
(1,1159)	1:A:96:GLN:HB3	1:A:114:VAL:HG11	10	1.22
(1,1159)	1:A:96:GLN:HB3	1:A:114:VAL:HG12	10	1.22
(1,1159)	1:A:96:GLN:HB3	1:A:114:VAL:HG13	10	1.22
(1,1159)	1:A:96:GLN:HB3	1:A:114:VAL:HG21	10	1.22
(1,1159)	1:A:96:GLN:HB3	1:A:114:VAL:HG22	10	1.22
(1,1159)	1:A:96:GLN:HB3	1:A:114:VAL:HG23	10	1.22
(1,897)	1:A:75:GLU:HG3	1:A:89:LEU:H	9	1.21

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,78)	1:A:7:VAL:HB	1:A:38:ILE:HG21	5	1.21
(1,78)	1:A:7:VAL:HB	1:A:38:ILE:HG22	5	1.21
(1,78)	1:A:7:VAL:HB	1:A:38:ILE:HG23	5	1.21
(1,686)	1:A:54:VAL:HG11	1:A:138:ASP:HB2	8	1.21
(1,686)	1:A:54:VAL:HG11	1:A:138:ASP:HB3	8	1.21
(1,686)	1:A:54:VAL:HG12	1:A:138:ASP:HB2	8	1.21
(1,686)	1:A:54:VAL:HG12	1:A:138:ASP:HB3	8	1.21
(1,686)	1:A:54:VAL:HG13	1:A:138:ASP:HB2	8	1.21
(1,686)	1:A:54:VAL:HG13	1:A:138:ASP:HB3	8	1.21
(1,686)	1:A:54:VAL:HG21	1:A:138:ASP:HB2	8	1.21
(1,686)	1:A:54:VAL:HG21	1:A:138:ASP:HB3	8	1.21
(1,686)	1:A:54:VAL:HG22	1:A:138:ASP:HB2	8	1.21
(1,686)	1:A:54:VAL:HG22	1:A:138:ASP:HB3	8	1.21
(1,686)	1:A:54:VAL:HG23	1:A:138:ASP:HB2	8	1.21
(1,686)	1:A:54:VAL:HG23	1:A:138:ASP:HB3	8	1.21
(1,578)	1:A:42:LYS:HD2	1:A:56:GLU:HB2	5	1.21
(1,578)	1:A:42:LYS:HD2	1:A:56:GLU:HB3	5	1.21
(1,578)	1:A:42:LYS:HD3	1:A:56:GLU:HB2	5	1.21
(1,578)	1:A:42:LYS:HD3	1:A:56:GLU:HB3	5	1.21
(1,523)	1:A:33:LYS:HG2	1:A:36:THR:HA	10	1.21
(1,516)	1:A:32:ASP:HB2	1:A:37:ALA:H	2	1.21
(1,275)	1:A:16:ASP:HA	1:A:20:ASN:H	8	1.21
(1,1808)	1:A:152:ILE:H	1:A:152:ILE:HG12	9	1.21
(1,1808)	1:A:152:ILE:H	1:A:152:ILE:HG13	9	1.21
(1,1589)	1:A:135:SER:HA	1:A:140:LYS:HE2	1	1.21
(1,1443)	1:A:118:LYS:HE3	1:A:119:ALA:H	6	1.21
(1,1084)	1:A:93:ILE:HA	1:A:146:LEU:HB2	4	1.21
(2,19)	1:A:53:PHE:HA	1:A:72:VAL:HG11	2	1.2
(2,19)	1:A:53:PHE:HA	1:A:72:VAL:HG12	2	1.2
(2,19)	1:A:53:PHE:HA	1:A:72:VAL:HG13	2	1.2
(2,19)	1:A:53:PHE:HA	1:A:72:VAL:HG21	2	1.2
(2,19)	1:A:53:PHE:HA	1:A:72:VAL:HG22	2	1.2
(2,19)	1:A:53:PHE:HA	1:A:72:VAL:HG23	2	1.2
(1,959)	1:A:78:VAL:HG21	1:A:87:SER:HA	5	1.2
(1,959)	1:A:78:VAL:HG22	1:A:87:SER:HA	5	1.2
(1,959)	1:A:78:VAL:HG23	1:A:87:SER:HA	5	1.2
(1,946)	1:A:78:VAL:H	1:A:86:THR:HG21	2	1.2
(1,946)	1:A:78:VAL:H	1:A:86:THR:HG22	2	1.2
(1,946)	1:A:78:VAL:H	1:A:86:THR:HG23	2	1.2
(1,75)	1:A:7:VAL:HB	1:A:38:ILE:H	9	1.2
(1,525)	1:A:33:LYS:HG2	1:A:36:THR:HG21	10	1.2
(1,525)	1:A:33:LYS:HG2	1:A:36:THR:HG22	10	1.2

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,525)	1:A:33:LYS:HG2	1:A:36:THR:HG23	10	1.2
(1,237)	1:A:14:ALA:HA	1:A:18:LEU:H	10	1.2
(1,1774)	1:A:149:ASN:HB3	1:A:152:ILE:HD11	10	1.2
(1,1774)	1:A:149:ASN:HB3	1:A:152:ILE:HD12	10	1.2
(1,1774)	1:A:149:ASN:HB3	1:A:152:ILE:HD13	10	1.2
(1,1075)	1:A:92:VAL:HG11	1:A:146:LEU:HD11	2	1.2
(1,1075)	1:A:92:VAL:HG11	1:A:146:LEU:HD12	2	1.2
(1,1075)	1:A:92:VAL:HG11	1:A:146:LEU:HD13	2	1.2
(1,1075)	1:A:92:VAL:HG11	1:A:146:LEU:HD21	2	1.2
(1,1075)	1:A:92:VAL:HG11	1:A:146:LEU:HD22	2	1.2
(1,1075)	1:A:92:VAL:HG11	1:A:146:LEU:HD23	2	1.2
(1,1075)	1:A:92:VAL:HG12	1:A:146:LEU:HD11	2	1.2
(1,1075)	1:A:92:VAL:HG12	1:A:146:LEU:HD12	2	1.2
(1,1075)	1:A:92:VAL:HG12	1:A:146:LEU:HD13	2	1.2
(1,1075)	1:A:92:VAL:HG12	1:A:146:LEU:HD21	2	1.2
(1,1075)	1:A:92:VAL:HG12	1:A:146:LEU:HD22	2	1.2
(1,1075)	1:A:92:VAL:HG12	1:A:146:LEU:HD23	2	1.2
(1,1075)	1:A:92:VAL:HG13	1:A:146:LEU:HD11	2	1.2
(1,1075)	1:A:92:VAL:HG13	1:A:146:LEU:HD12	2	1.2
(1,1075)	1:A:92:VAL:HG13	1:A:146:LEU:HD13	2	1.2
(1,1075)	1:A:92:VAL:HG13	1:A:146:LEU:HD21	2	1.2
(1,1075)	1:A:92:VAL:HG13	1:A:146:LEU:HD22	2	1.2
(1,1075)	1:A:92:VAL:HG13	1:A:146:LEU:HD23	2	1.2
(1,1075)	1:A:92:VAL:HG21	1:A:146:LEU:HD11	2	1.2
(1,1075)	1:A:92:VAL:HG21	1:A:146:LEU:HD12	2	1.2
(1,1075)	1:A:92:VAL:HG21	1:A:146:LEU:HD13	2	1.2
(1,1075)	1:A:92:VAL:HG21	1:A:146:LEU:HD21	2	1.2
(1,1075)	1:A:92:VAL:HG21	1:A:146:LEU:HD22	2	1.2
(1,1075)	1:A:92:VAL:HG21	1:A:146:LEU:HD23	2	1.2
(1,1075)	1:A:92:VAL:HG22	1:A:146:LEU:HD11	2	1.2
(1,1075)	1:A:92:VAL:HG22	1:A:146:LEU:HD12	2	1.2
(1,1075)	1:A:92:VAL:HG22	1:A:146:LEU:HD13	2	1.2
(1,1075)	1:A:92:VAL:HG22	1:A:146:LEU:HD21	2	1.2
(1,1075)	1:A:92:VAL:HG22	1:A:146:LEU:HD22	2	1.2
(1,1075)	1:A:92:VAL:HG22	1:A:146:LEU:HD23	2	1.2
(1,1075)	1:A:92:VAL:HG23	1:A:146:LEU:HD11	2	1.2
(1,1075)	1:A:92:VAL:HG23	1:A:146:LEU:HD12	2	1.2
(1,1075)	1:A:92:VAL:HG23	1:A:146:LEU:HD13	2	1.2
(1,1075)	1:A:92:VAL:HG23	1:A:146:LEU:HD21	2	1.2
(1,1075)	1:A:92:VAL:HG23	1:A:146:LEU:HD22	2	1.2
(1,1075)	1:A:92:VAL:HG23	1:A:146:LEU:HD23	2	1.2
(1,994)	1:A:80:ARG:HG2	1:A:86:THR:HA	10	1.19

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,994)	1:A:80:ARG:HG3	1:A:86:THR:HA	10	1.19
(1,971)	1:A:79:GLN:HA	1:A:86:THR:HG21	4	1.19
(1,971)	1:A:79:GLN:HA	1:A:86:THR:HG22	4	1.19
(1,971)	1:A:79:GLN:HA	1:A:86:THR:HG23	4	1.19
(1,94)	1:A:7:VAL:HG21	1:A:38:ILE:HB	3	1.19
(1,94)	1:A:7:VAL:HG22	1:A:38:ILE:HB	3	1.19
(1,94)	1:A:7:VAL:HG23	1:A:38:ILE:HB	3	1.19
(1,907)	1:A:76:VAL:H	1:A:88:THR:HB	3	1.19
(1,523)	1:A:33:LYS:HG2	1:A:36:THR:HA	6	1.19
(1,292)	1:A:17:LEU:HA	1:A:21:LYS:H	10	1.19
(1,1593)	1:A:135:SER:HB2	1:A:140:LYS:HD2	6	1.19
(1,1593)	1:A:135:SER:HB2	1:A:140:LYS:HD3	6	1.19
(1,1593)	1:A:135:SER:HB3	1:A:140:LYS:HD2	6	1.19
(1,1593)	1:A:135:SER:HB3	1:A:140:LYS:HD3	6	1.19
(1,113)	1:A:8:ASP:H	1:A:37:ALA:HA	4	1.19
(1,1084)	1:A:93:ILE:HA	1:A:146:LEU:HB2	10	1.19
(1,895)	1:A:75:GLU:HG3	1:A:88:THR:HB	4	1.18
(1,737)	1:A:57:MET:HG2	1:A:60:LEU:HG	4	1.18
(1,737)	1:A:57:MET:HG3	1:A:60:LEU:HG	4	1.18
(1,524)	1:A:33:LYS:HG2	1:A:36:THR:HB	9	1.18
(1,490)	1:A:31:ILE:HB	1:A:109:LEU:HD11	7	1.18
(1,490)	1:A:31:ILE:HB	1:A:109:LEU:HD12	7	1.18
(1,490)	1:A:31:ILE:HB	1:A:109:LEU:HD13	7	1.18
(1,490)	1:A:31:ILE:HB	1:A:109:LEU:HD21	7	1.18
(1,490)	1:A:31:ILE:HB	1:A:109:LEU:HD22	7	1.18
(1,490)	1:A:31:ILE:HB	1:A:109:LEU:HD23	7	1.18
(1,163)	1:A:10:SER:HB2	1:A:40:VAL:HB	8	1.18
(1,163)	1:A:10:SER:HB3	1:A:40:VAL:HB	8	1.18
(1,1120)	1:A:94:PHE:HA	1:A:128:GLN:HB2	4	1.18
(1,1120)	1:A:94:PHE:HA	1:A:128:GLN:HB3	4	1.18
(1,1189)	1:A:99:PRO:HG3	1:A:102:ALA:HA	9	1.17
(1,1120)	1:A:94:PHE:HA	1:A:128:GLN:HB2	10	1.17
(1,1120)	1:A:94:PHE:HA	1:A:128:GLN:HB3	10	1.17
(1,959)	1:A:78:VAL:HG21	1:A:87:SER:HA	8	1.16
(1,959)	1:A:78:VAL:HG22	1:A:87:SER:HA	8	1.16
(1,959)	1:A:78:VAL:HG23	1:A:87:SER:HA	8	1.16
(1,891)	1:A:75:GLU:HG2	1:A:89:LEU:H	4	1.16
(1,211)	1:A:12:LYS:HG3	1:A:121:LEU:HD11	4	1.16
(1,211)	1:A:12:LYS:HG3	1:A:121:LEU:HD12	4	1.16
(1,211)	1:A:12:LYS:HG3	1:A:121:LEU:HD13	4	1.16
(1,207)	1:A:12:LYS:HD3	1:A:15:TYR:HA	7	1.16
(1,1771)	1:A:149:ASN:HB2	1:A:152:ILE:HD11	9	1.16

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,1771)	1:A:149:ASN:HB2	1:A:152:ILE:HD12	9	1.16
(1,1771)	1:A:149:ASN:HB2	1:A:152:ILE:HD13	9	1.16
(1,169)	1:A:11:CYS:H	1:A:40:VAL:HA	1	1.16
(1,163)	1:A:10:SER:HB2	1:A:40:VAL:HB	2	1.16
(1,163)	1:A:10:SER:HB3	1:A:40:VAL:HB	2	1.16
(1,1306)	1:A:108:MET:HG2	1:A:112:SER:HB2	7	1.16
(1,1306)	1:A:108:MET:HG2	1:A:112:SER:HB3	7	1.16
(1,1306)	1:A:108:MET:HG3	1:A:112:SER:HB2	7	1.16
(1,1306)	1:A:108:MET:HG3	1:A:112:SER:HB3	7	1.16
(1,1120)	1:A:94:PHE:HA	1:A:128:GLN:HB2	2	1.16
(1,1120)	1:A:94:PHE:HA	1:A:128:GLN:HB3	2	1.16
(1,970)	1:A:79:GLN:HA	1:A:86:THR:HB	4	1.15
(1,969)	1:A:79:GLN:HA	1:A:86:THR:HA	10	1.15
(1,529)	1:A:33:LYS:HG3	1:A:36:THR:HG21	3	1.15
(1,529)	1:A:33:LYS:HG3	1:A:36:THR:HG22	3	1.15
(1,529)	1:A:33:LYS:HG3	1:A:36:THR:HG23	3	1.15
(1,1773)	1:A:149:ASN:HB3	1:A:151:ARG:HA	5	1.15
(1,1589)	1:A:135:SER:HA	1:A:140:LYS:HE2	10	1.15
(1,123)	1:A:8:ASP:HB2	1:A:39:VAL:HA	6	1.15
(1,1122)	1:A:94:PHE:HB2	1:A:118:LYS:HE2	3	1.15
(1,1122)	1:A:94:PHE:HB2	1:A:118:LYS:HE3	3	1.15
(1,1122)	1:A:94:PHE:HB3	1:A:118:LYS:HE2	3	1.15
(1,1122)	1:A:94:PHE:HB3	1:A:118:LYS:HE3	3	1.15
(1,95)	1:A:7:VAL:HG21	1:A:38:ILE:HG21	3	1.14
(1,95)	1:A:7:VAL:HG21	1:A:38:ILE:HG22	3	1.14
(1,95)	1:A:7:VAL:HG21	1:A:38:ILE:HG23	3	1.14
(1,95)	1:A:7:VAL:HG22	1:A:38:ILE:HG21	3	1.14
(1,95)	1:A:7:VAL:HG22	1:A:38:ILE:HG22	3	1.14
(1,95)	1:A:7:VAL:HG22	1:A:38:ILE:HG23	3	1.14
(1,95)	1:A:7:VAL:HG23	1:A:38:ILE:HG21	3	1.14
(1,95)	1:A:7:VAL:HG23	1:A:38:ILE:HG22	3	1.14
(1,95)	1:A:7:VAL:HG23	1:A:38:ILE:HG23	3	1.14
(1,94)	1:A:7:VAL:HG21	1:A:38:ILE:HB	2	1.14
(1,94)	1:A:7:VAL:HG22	1:A:38:ILE:HB	2	1.14
(1,94)	1:A:7:VAL:HG23	1:A:38:ILE:HB	2	1.14
(1,891)	1:A:75:GLU:HG2	1:A:89:LEU:H	1	1.14
(1,757)	1:A:58:LYS:HD3	1:A:60:LEU:H	4	1.14
(1,686)	1:A:54:VAL:HG11	1:A:138:ASP:HB2	3	1.14
(1,686)	1:A:54:VAL:HG11	1:A:138:ASP:HB3	3	1.14
(1,686)	1:A:54:VAL:HG12	1:A:138:ASP:HB2	3	1.14
(1,686)	1:A:54:VAL:HG12	1:A:138:ASP:HB3	3	1.14
(1,686)	1:A:54:VAL:HG13	1:A:138:ASP:HB2	3	1.14

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,686)	1:A:54:VAL:HG13	1:A:138:ASP:HB3	3	1.14
(1,686)	1:A:54:VAL:HG21	1:A:138:ASP:HB2	3	1.14
(1,686)	1:A:54:VAL:HG21	1:A:138:ASP:HB3	3	1.14
(1,686)	1:A:54:VAL:HG22	1:A:138:ASP:HB2	3	1.14
(1,686)	1:A:54:VAL:HG22	1:A:138:ASP:HB3	3	1.14
(1,686)	1:A:54:VAL:HG23	1:A:138:ASP:HB2	3	1.14
(1,686)	1:A:54:VAL:HG23	1:A:138:ASP:HB3	3	1.14
(1,685)	1:A:54:VAL:HG11	1:A:138:ASP:HA	2	1.14
(1,685)	1:A:54:VAL:HG12	1:A:138:ASP:HA	2	1.14
(1,685)	1:A:54:VAL:HG13	1:A:138:ASP:HA	2	1.14
(1,685)	1:A:54:VAL:HG21	1:A:138:ASP:HA	2	1.14
(1,685)	1:A:54:VAL:HG22	1:A:138:ASP:HA	2	1.14
(1,685)	1:A:54:VAL:HG23	1:A:138:ASP:HA	2	1.14
(1,611)	1:A:49:PRO:HG2	1:A:52:GLU:H	10	1.14
(1,611)	1:A:49:PRO:HG3	1:A:52:GLU:H	10	1.14
(1,495)	1:A:31:ILE:HG12	1:A:38:ILE:HD11	10	1.14
(1,495)	1:A:31:ILE:HG12	1:A:38:ILE:HD12	10	1.14
(1,495)	1:A:31:ILE:HG12	1:A:38:ILE:HD13	10	1.14
(1,385)	1:A:26:TYR:HB2	1:A:72:VAL:HA	6	1.14
(1,385)	1:A:26:TYR:HB3	1:A:72:VAL:HA	6	1.14
(1,314)	1:A:18:LEU:HB2	1:A:71:ALA:HB1	7	1.14
(1,314)	1:A:18:LEU:HB2	1:A:71:ALA:HB2	7	1.14
(1,314)	1:A:18:LEU:HB2	1:A:71:ALA:HB3	7	1.14
(1,314)	1:A:18:LEU:HB3	1:A:71:ALA:HB1	7	1.14
(1,314)	1:A:18:LEU:HB3	1:A:71:ALA:HB2	7	1.14
(1,314)	1:A:18:LEU:HB3	1:A:71:ALA:HB3	7	1.14
(1,207)	1:A:12:LYS:HD3	1:A:15:TYR:HA	5	1.14
(1,117)	1:A:8:ASP:H	1:A:39:VAL:HB	5	1.14
(1,1021)	1:A:85:GLY:H	1:A:86:THR:H	7	1.14
(3,19)	1:A:29:PHE:O	1:A:69:TYR:H	8	1.13
(1,971)	1:A:79:GLN:HA	1:A:86:THR:HG21	3	1.13
(1,971)	1:A:79:GLN:HA	1:A:86:THR:HG22	3	1.13
(1,971)	1:A:79:GLN:HA	1:A:86:THR:HG23	3	1.13
(1,95)	1:A:7:VAL:HG21	1:A:38:ILE:HG21	1	1.13
(1,95)	1:A:7:VAL:HG21	1:A:38:ILE:HG22	1	1.13
(1,95)	1:A:7:VAL:HG21	1:A:38:ILE:HG23	1	1.13
(1,95)	1:A:7:VAL:HG22	1:A:38:ILE:HG21	1	1.13
(1,95)	1:A:7:VAL:HG22	1:A:38:ILE:HG22	1	1.13
(1,95)	1:A:7:VAL:HG22	1:A:38:ILE:HG23	1	1.13
(1,95)	1:A:7:VAL:HG23	1:A:38:ILE:HG21	1	1.13
(1,95)	1:A:7:VAL:HG23	1:A:38:ILE:HG22	1	1.13
(1,95)	1:A:7:VAL:HG23	1:A:38:ILE:HG23	1	1.13

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,757)	1:A:58:LYS:HD3	1:A:60:LEU:H	10	1.13
(1,645)	1:A:52:GLU:HA	1:A:55:GLU:HG2	4	1.13
(1,645)	1:A:52:GLU:HA	1:A:55:GLU:HG3	4	1.13
(1,528)	1:A:33:LYS:HG3	1:A:36:THR:HB	6	1.13
(1,524)	1:A:33:LYS:HG2	1:A:36:THR:HB	1	1.13
(1,499)	1:A:31:ILE:HG13	1:A:38:ILE:HB	8	1.13
(1,382)	1:A:26:TYR:HB3	1:A:72:VAL:HA	2	1.13
(1,225)	1:A:13:ASN:HA	1:A:17:LEU:H	10	1.13
(1,163)	1:A:10:SER:HB2	1:A:40:VAL:HB	4	1.13
(1,163)	1:A:10:SER:HB3	1:A:40:VAL:HB	4	1.13
(1,113)	1:A:8:ASP:H	1:A:37:ALA:HA	5	1.13
(1,1120)	1:A:94:PHE:HA	1:A:128:GLN:HB2	1	1.13
(1,1120)	1:A:94:PHE:HA	1:A:128:GLN:HB3	1	1.13
(1,645)	1:A:52:GLU:HA	1:A:55:GLU:HG2	7	1.12
(1,645)	1:A:52:GLU:HA	1:A:55:GLU:HG3	7	1.12
(1,645)	1:A:52:GLU:HA	1:A:55:GLU:HG2	9	1.12
(1,645)	1:A:52:GLU:HA	1:A:55:GLU:HG3	9	1.12
(1,519)	1:A:32:ASP:HB3	1:A:37:ALA:HB1	9	1.12
(1,519)	1:A:32:ASP:HB3	1:A:37:ALA:HB2	9	1.12
(1,519)	1:A:32:ASP:HB3	1:A:37:ALA:HB3	9	1.12
(1,519)	1:A:32:ASP:HB2	1:A:37:ALA:HB1	9	1.12
(1,519)	1:A:32:ASP:HB2	1:A:37:ALA:HB2	9	1.12
(1,519)	1:A:32:ASP:HB2	1:A:37:ALA:HB3	9	1.12
(1,519)	1:A:32:ASP:HB3	1:A:37:ALA:HB1	9	1.12
(1,519)	1:A:32:ASP:HB3	1:A:37:ALA:HB2	9	1.12
(1,519)	1:A:32:ASP:HB3	1:A:37:ALA:HB3	9	1.12
(1,207)	1:A:12:LYS:HD3	1:A:15:TYR:HA	1	1.12
(1,207)	1:A:12:LYS:HD3	1:A:15:TYR:HA	9	1.12
(1,1772)	1:A:149:ASN:HB2	1:A:152:ILE:HG21	6	1.12
(1,1772)	1:A:149:ASN:HB2	1:A:152:ILE:HG22	6	1.12
(1,1772)	1:A:149:ASN:HB2	1:A:152:ILE:HG23	6	1.12
(1,1771)	1:A:149:ASN:HB2	1:A:152:ILE:HD11	10	1.12
(1,1771)	1:A:149:ASN:HB2	1:A:152:ILE:HD12	10	1.12
(1,1771)	1:A:149:ASN:HB2	1:A:152:ILE:HD13	10	1.12
(1,1593)	1:A:135:SER:HB2	1:A:140:LYS:HD2	10	1.12
(1,1593)	1:A:135:SER:HB2	1:A:140:LYS:HD3	10	1.12
(1,1593)	1:A:135:SER:HB3	1:A:140:LYS:HD2	10	1.12
(1,1593)	1:A:135:SER:HB3	1:A:140:LYS:HD3	10	1.12
(1,1021)	1:A:85:GLY:H	1:A:86:THR:H	9	1.12
(1,971)	1:A:79:GLN:HA	1:A:86:THR:HG21	2	1.11
(1,971)	1:A:79:GLN:HA	1:A:86:THR:HG22	2	1.11
(1,971)	1:A:79:GLN:HA	1:A:86:THR:HG23	2	1.11

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,75)	1:A:7:VAL:HB	1:A:38:ILE:H	5	1.11
(1,684)	1:A:54:VAL:HG11	1:A:138:ASP:H	3	1.11
(1,684)	1:A:54:VAL:HG12	1:A:138:ASP:H	3	1.11
(1,684)	1:A:54:VAL:HG13	1:A:138:ASP:H	3	1.11
(1,684)	1:A:54:VAL:HG21	1:A:138:ASP:H	3	1.11
(1,684)	1:A:54:VAL:HG22	1:A:138:ASP:H	3	1.11
(1,684)	1:A:54:VAL:HG23	1:A:138:ASP:H	3	1.11
(1,578)	1:A:42:LYS:HD2	1:A:56:GLU:HB2	1	1.11
(1,578)	1:A:42:LYS:HD2	1:A:56:GLU:HB3	1	1.11
(1,578)	1:A:42:LYS:HD3	1:A:56:GLU:HB2	1	1.11
(1,578)	1:A:42:LYS:HD3	1:A:56:GLU:HB3	1	1.11
(1,527)	1:A:33:LYS:HG3	1:A:36:THR:HA	6	1.11
(1,524)	1:A:33:LYS:HG2	1:A:36:THR:HB	6	1.11
(1,316)	1:A:18:LEU:HD11	1:A:123:LEU:HG	7	1.11
(1,316)	1:A:18:LEU:HD12	1:A:123:LEU:HG	7	1.11
(1,316)	1:A:18:LEU:HD13	1:A:123:LEU:HG	7	1.11
(1,303)	1:A:17:LEU:HD11	1:A:21:LYS:HD2	7	1.11
(1,303)	1:A:17:LEU:HD11	1:A:21:LYS:HD3	7	1.11
(1,303)	1:A:17:LEU:HD12	1:A:21:LYS:HD2	7	1.11
(1,303)	1:A:17:LEU:HD12	1:A:21:LYS:HD3	7	1.11
(1,303)	1:A:17:LEU:HD13	1:A:21:LYS:HD2	7	1.11
(1,303)	1:A:17:LEU:HD13	1:A:21:LYS:HD3	7	1.11
(1,303)	1:A:17:LEU:HD21	1:A:21:LYS:HD2	7	1.11
(1,303)	1:A:17:LEU:HD21	1:A:21:LYS:HD3	7	1.11
(1,303)	1:A:17:LEU:HD22	1:A:21:LYS:HD2	7	1.11
(1,303)	1:A:17:LEU:HD22	1:A:21:LYS:HD3	7	1.11
(1,303)	1:A:17:LEU:HD23	1:A:21:LYS:HD2	7	1.11
(1,303)	1:A:17:LEU:HD23	1:A:21:LYS:HD3	7	1.11
(1,207)	1:A:12:LYS:HD3	1:A:15:TYR:HA	10	1.11
(1,1167)	1:A:97:TYR:HB2	1:A:131:ALA:HB1	7	1.11
(1,1167)	1:A:97:TYR:HB2	1:A:131:ALA:HB2	7	1.11
(1,1167)	1:A:97:TYR:HB2	1:A:131:ALA:HB3	7	1.11
(1,970)	1:A:79:GLN:HA	1:A:86:THR:HB	6	1.1
(1,94)	1:A:7:VAL:HG21	1:A:38:ILE:HB	1	1.1
(1,94)	1:A:7:VAL:HG22	1:A:38:ILE:HB	1	1.1
(1,94)	1:A:7:VAL:HG23	1:A:38:ILE:HB	1	1.1
(1,94)	1:A:7:VAL:HG21	1:A:38:ILE:HB	9	1.1
(1,94)	1:A:7:VAL:HG22	1:A:38:ILE:HB	9	1.1
(1,94)	1:A:7:VAL:HG23	1:A:38:ILE:HB	9	1.1
(1,700)	1:A:55:GLU:HA	1:A:58:LYS:HE2	5	1.1
(1,700)	1:A:55:GLU:HA	1:A:58:LYS:HE3	5	1.1
(1,495)	1:A:31:ILE:HG12	1:A:38:ILE:HD11	4	1.1

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,495)	1:A:31:ILE:HG12	1:A:38:ILE:HD12	4	1.1
(1,495)	1:A:31:ILE:HG12	1:A:38:ILE:HD13	4	1.1
(1,1772)	1:A:149:ASN:HB2	1:A:152:ILE:HG21	10	1.1
(1,1772)	1:A:149:ASN:HB2	1:A:152:ILE:HG22	10	1.1
(1,1772)	1:A:149:ASN:HB2	1:A:152:ILE:HG23	10	1.1
(1,959)	1:A:78:VAL:HG21	1:A:87:SER:HA	6	1.09
(1,959)	1:A:78:VAL:HG22	1:A:87:SER:HA	6	1.09
(1,959)	1:A:78:VAL:HG23	1:A:87:SER:HA	6	1.09
(1,891)	1:A:75:GLU:HG2	1:A:89:LEU:H	5	1.09
(1,885)	1:A:75:GLU:HB3	1:A:88:THR:HB	3	1.09
(1,207)	1:A:12:LYS:HD3	1:A:15:TYR:HA	3	1.09
(1,1773)	1:A:149:ASN:HB3	1:A:151:ARG:HA	8	1.09
(1,1609)	1:A:137:LEU:HG	1:A:138:ASP:H	9	1.09
(1,1443)	1:A:118:LYS:HE3	1:A:119:ALA:H	1	1.09
(1,95)	1:A:7:VAL:HG21	1:A:38:ILE:HG21	2	1.08
(1,95)	1:A:7:VAL:HG21	1:A:38:ILE:HG22	2	1.08
(1,95)	1:A:7:VAL:HG21	1:A:38:ILE:HG23	2	1.08
(1,95)	1:A:7:VAL:HG22	1:A:38:ILE:HG21	2	1.08
(1,95)	1:A:7:VAL:HG22	1:A:38:ILE:HG22	2	1.08
(1,95)	1:A:7:VAL:HG22	1:A:38:ILE:HG23	2	1.08
(1,95)	1:A:7:VAL:HG23	1:A:38:ILE:HG21	2	1.08
(1,95)	1:A:7:VAL:HG23	1:A:38:ILE:HG22	2	1.08
(1,95)	1:A:7:VAL:HG23	1:A:38:ILE:HG23	2	1.08
(1,908)	1:A:76:VAL:H	1:A:88:THR:HG21	2	1.08
(1,908)	1:A:76:VAL:H	1:A:88:THR:HG22	2	1.08
(1,908)	1:A:76:VAL:H	1:A:88:THR:HG23	2	1.08
(1,869)	1:A:75:GLU:H	1:A:146:LEU:HD11	10	1.08
(1,869)	1:A:75:GLU:H	1:A:146:LEU:HD12	10	1.08
(1,869)	1:A:75:GLU:H	1:A:146:LEU:HD13	10	1.08
(1,869)	1:A:75:GLU:H	1:A:146:LEU:HD21	10	1.08
(1,869)	1:A:75:GLU:H	1:A:146:LEU:HD22	10	1.08
(1,869)	1:A:75:GLU:H	1:A:146:LEU:HD23	10	1.08
(1,621)	1:A:50:TYR:HB2	1:A:143:LYS:HG2	1	1.08
(1,621)	1:A:50:TYR:HB2	1:A:143:LYS:HG3	1	1.08
(1,621)	1:A:50:TYR:HB3	1:A:143:LYS:HG2	1	1.08
(1,621)	1:A:50:TYR:HB3	1:A:143:LYS:HG3	1	1.08
(1,524)	1:A:33:LYS:HG2	1:A:36:THR:HB	10	1.08
(1,382)	1:A:26:TYR:HB3	1:A:72:VAL:HA	8	1.08
(1,207)	1:A:12:LYS:HD3	1:A:15:TYR:HA	8	1.08
(1,205)	1:A:12:LYS:HD3	1:A:14:ALA:H	1	1.08
(1,205)	1:A:12:LYS:HD3	1:A:14:ALA:H	10	1.08
(1,1306)	1:A:108:MET:HG2	1:A:112:SER:HB2	4	1.08

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,1306)	1:A:108:MET:HG2	1:A:112:SER:HB3	4	1.08
(1,1306)	1:A:108:MET:HG3	1:A:112:SER:HB2	4	1.08
(1,1306)	1:A:108:MET:HG3	1:A:112:SER:HB3	4	1.08
(1,970)	1:A:79:GLN:HA	1:A:86:THR:HB	9	1.07
(1,935)	1:A:77:THR:HB	1:A:87:SER:H	8	1.07
(1,889)	1:A:75:GLU:HG2	1:A:88:THR:HB	2	1.07
(1,737)	1:A:57:MET:HG2	1:A:60:LEU:HG	8	1.07
(1,737)	1:A:57:MET:HG3	1:A:60:LEU:HG	8	1.07
(1,706)	1:A:55:GLU:HA	1:A:59:LYS:HD2	9	1.07
(1,706)	1:A:55:GLU:HA	1:A:59:LYS:HD3	9	1.07
(1,578)	1:A:42:LYS:HD2	1:A:56:GLU:HB2	8	1.07
(1,578)	1:A:42:LYS:HD2	1:A:56:GLU:HB3	8	1.07
(1,578)	1:A:42:LYS:HD3	1:A:56:GLU:HB2	8	1.07
(1,578)	1:A:42:LYS:HD3	1:A:56:GLU:HB3	8	1.07
(1,574)	1:A:42:LYS:HA	1:A:56:GLU:HB2	3	1.07
(1,574)	1:A:42:LYS:HA	1:A:56:GLU:HB3	3	1.07
(1,529)	1:A:33:LYS:HG3	1:A:36:THR:HG21	9	1.07
(1,529)	1:A:33:LYS:HG3	1:A:36:THR:HG22	9	1.07
(1,529)	1:A:33:LYS:HG3	1:A:36:THR:HG23	9	1.07
(1,490)	1:A:31:ILE:HB	1:A:109:LEU:HD11	3	1.07
(1,490)	1:A:31:ILE:HB	1:A:109:LEU:HD12	3	1.07
(1,490)	1:A:31:ILE:HB	1:A:109:LEU:HD13	3	1.07
(1,490)	1:A:31:ILE:HB	1:A:109:LEU:HD21	3	1.07
(1,490)	1:A:31:ILE:HB	1:A:109:LEU:HD22	3	1.07
(1,490)	1:A:31:ILE:HB	1:A:109:LEU:HD23	3	1.07
(1,205)	1:A:12:LYS:HD3	1:A:14:ALA:H	4	1.07
(1,1788)	1:A:150:GLN:HB2	1:A:152:ILE:H	9	1.07
(1,1772)	1:A:149:ASN:HB2	1:A:152:ILE:HG21	2	1.07
(1,1772)	1:A:149:ASN:HB2	1:A:152:ILE:HG22	2	1.07
(1,1772)	1:A:149:ASN:HB2	1:A:152:ILE:HG23	2	1.07
(1,1704)	1:A:143:LYS:HA	1:A:146:LEU:HB2	4	1.07
(1,1704)	1:A:143:LYS:HA	1:A:146:LEU:HB3	4	1.07
(1,1704)	1:A:143:LYS:HA	1:A:146:LEU:HB2	7	1.07
(1,1704)	1:A:143:LYS:HA	1:A:146:LEU:HB3	7	1.07
(1,1606)	1:A:137:LEU:HA	1:A:140:LYS:HE2	8	1.07
(1,1606)	1:A:137:LEU:HA	1:A:140:LYS:HE3	8	1.07
(1,1447)	1:A:118:LYS:HG3	1:A:128:GLN:HB2	6	1.07
(1,1447)	1:A:118:LYS:HG3	1:A:128:GLN:HB3	6	1.07
(1,1107)	1:A:93:ILE:HG21	1:A:146:LEU:HA	3	1.07
(1,1107)	1:A:93:ILE:HG22	1:A:146:LEU:HA	3	1.07
(1,1107)	1:A:93:ILE:HG23	1:A:146:LEU:HA	3	1.07
(1,987)	1:A:80:ARG:H	1:A:85:GLY:H	3	1.06

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,889)	1:A:75:GLU:HG2	1:A:88:THR:HB	6	1.06
(1,75)	1:A:7:VAL:HB	1:A:38:ILE:H	2	1.06
(1,610)	1:A:49:PRO:HG2	1:A:51:ALA:HB1	5	1.06
(1,610)	1:A:49:PRO:HG2	1:A:51:ALA:HB2	5	1.06
(1,610)	1:A:49:PRO:HG2	1:A:51:ALA:HB3	5	1.06
(1,610)	1:A:49:PRO:HG3	1:A:51:ALA:HB1	5	1.06
(1,610)	1:A:49:PRO:HG3	1:A:51:ALA:HB2	5	1.06
(1,610)	1:A:49:PRO:HG3	1:A:51:ALA:HB3	5	1.06
(1,511)	1:A:31:ILE:HG21	1:A:109:LEU:HG	7	1.06
(1,511)	1:A:31:ILE:HG22	1:A:109:LEU:HG	7	1.06
(1,511)	1:A:31:ILE:HG23	1:A:109:LEU:HG	7	1.06
(1,498)	1:A:31:ILE:HG13	1:A:38:ILE:HA	6	1.06
(1,498)	1:A:31:ILE:HG13	1:A:38:ILE:HA	9	1.06
(1,316)	1:A:18:LEU:HD11	1:A:123:LEU:HG	3	1.06
(1,316)	1:A:18:LEU:HD12	1:A:123:LEU:HG	3	1.06
(1,316)	1:A:18:LEU:HD13	1:A:123:LEU:HG	3	1.06
(1,205)	1:A:12:LYS:HD3	1:A:14:ALA:H	6	1.06
(1,1721)	1:A:144:SER:HA	1:A:148:SER:H	10	1.06
(1,1441)	1:A:118:LYS:HE2	1:A:119:ALA:H	2	1.06
(1,1075)	1:A:92:VAL:HG11	1:A:146:LEU:HD11	9	1.06
(1,1075)	1:A:92:VAL:HG11	1:A:146:LEU:HD12	9	1.06
(1,1075)	1:A:92:VAL:HG11	1:A:146:LEU:HD13	9	1.06
(1,1075)	1:A:92:VAL:HG11	1:A:146:LEU:HD21	9	1.06
(1,1075)	1:A:92:VAL:HG11	1:A:146:LEU:HD22	9	1.06
(1,1075)	1:A:92:VAL:HG11	1:A:146:LEU:HD23	9	1.06
(1,1075)	1:A:92:VAL:HG12	1:A:146:LEU:HD11	9	1.06
(1,1075)	1:A:92:VAL:HG12	1:A:146:LEU:HD12	9	1.06
(1,1075)	1:A:92:VAL:HG12	1:A:146:LEU:HD13	9	1.06
(1,1075)	1:A:92:VAL:HG12	1:A:146:LEU:HD21	9	1.06
(1,1075)	1:A:92:VAL:HG12	1:A:146:LEU:HD22	9	1.06
(1,1075)	1:A:92:VAL:HG12	1:A:146:LEU:HD23	9	1.06
(1,1075)	1:A:92:VAL:HG13	1:A:146:LEU:HD11	9	1.06
(1,1075)	1:A:92:VAL:HG13	1:A:146:LEU:HD12	9	1.06
(1,1075)	1:A:92:VAL:HG13	1:A:146:LEU:HD13	9	1.06
(1,1075)	1:A:92:VAL:HG13	1:A:146:LEU:HD21	9	1.06
(1,1075)	1:A:92:VAL:HG13	1:A:146:LEU:HD22	9	1.06
(1,1075)	1:A:92:VAL:HG13	1:A:146:LEU:HD23	9	1.06
(1,1075)	1:A:92:VAL:HG21	1:A:146:LEU:HD11	9	1.06
(1,1075)	1:A:92:VAL:HG21	1:A:146:LEU:HD12	9	1.06
(1,1075)	1:A:92:VAL:HG21	1:A:146:LEU:HD13	9	1.06
(1,1075)	1:A:92:VAL:HG21	1:A:146:LEU:HD21	9	1.06
(1,1075)	1:A:92:VAL:HG21	1:A:146:LEU:HD22	9	1.06

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,1075)	1:A:92:VAL:HG21	1:A:146:LEU:HD23	9	1.06
(1,1075)	1:A:92:VAL:HG22	1:A:146:LEU:HD11	9	1.06
(1,1075)	1:A:92:VAL:HG22	1:A:146:LEU:HD12	9	1.06
(1,1075)	1:A:92:VAL:HG22	1:A:146:LEU:HD13	9	1.06
(1,1075)	1:A:92:VAL:HG22	1:A:146:LEU:HD21	9	1.06
(1,1075)	1:A:92:VAL:HG22	1:A:146:LEU:HD22	9	1.06
(1,1075)	1:A:92:VAL:HG22	1:A:146:LEU:HD23	9	1.06
(1,1075)	1:A:92:VAL:HG23	1:A:146:LEU:HD11	9	1.06
(1,1075)	1:A:92:VAL:HG23	1:A:146:LEU:HD12	9	1.06
(1,1075)	1:A:92:VAL:HG23	1:A:146:LEU:HD13	9	1.06
(1,1075)	1:A:92:VAL:HG23	1:A:146:LEU:HD21	9	1.06
(1,1075)	1:A:92:VAL:HG23	1:A:146:LEU:HD22	9	1.06
(1,1075)	1:A:92:VAL:HG23	1:A:146:LEU:HD23	9	1.06
(1,946)	1:A:78:VAL:H	1:A:86:THR:HG21	10	1.05
(1,946)	1:A:78:VAL:H	1:A:86:THR:HG22	10	1.05
(1,946)	1:A:78:VAL:H	1:A:86:THR:HG23	10	1.05
(1,755)	1:A:58:LYS:HD2	1:A:60:LEU:H	8	1.05
(1,525)	1:A:33:LYS:HG2	1:A:36:THR:HG21	6	1.05
(1,525)	1:A:33:LYS:HG2	1:A:36:THR:HG22	6	1.05
(1,525)	1:A:33:LYS:HG2	1:A:36:THR:HG23	6	1.05
(1,519)	1:A:32:ASP:HB3	1:A:37:ALA:HB1	7	1.05
(1,519)	1:A:32:ASP:HB3	1:A:37:ALA:HB2	7	1.05
(1,519)	1:A:32:ASP:HB3	1:A:37:ALA:HB3	7	1.05
(1,519)	1:A:32:ASP:HB2	1:A:37:ALA:HB1	7	1.05
(1,519)	1:A:32:ASP:HB2	1:A:37:ALA:HB2	7	1.05
(1,519)	1:A:32:ASP:HB2	1:A:37:ALA:HB3	7	1.05
(1,519)	1:A:32:ASP:HB3	1:A:37:ALA:HB1	7	1.05
(1,519)	1:A:32:ASP:HB3	1:A:37:ALA:HB2	7	1.05
(1,519)	1:A:32:ASP:HB3	1:A:37:ALA:HB3	7	1.05
(1,499)	1:A:31:ILE:HG13	1:A:38:ILE:HB	4	1.05
(1,327)	1:A:18:LEU:HD21	1:A:73:ASP:HA	6	1.05
(1,327)	1:A:18:LEU:HD22	1:A:73:ASP:HA	6	1.05
(1,327)	1:A:18:LEU:HD23	1:A:73:ASP:HA	6	1.05
(1,31)	1:A:5:VAL:HB	1:A:36:THR:HB	5	1.05
(1,205)	1:A:12:LYS:HD3	1:A:14:ALA:H	5	1.05
(1,205)	1:A:12:LYS:HD3	1:A:14:ALA:H	8	1.05
(1,1286)	1:A:107:ARG:HD2	1:A:111:ALA:HA	10	1.05
(1,1286)	1:A:107:ARG:HD3	1:A:111:ALA:HA	10	1.05
(1,1113)	1:A:94:PHE:H	1:A:128:GLN:HB2	1	1.05
(1,1113)	1:A:94:PHE:H	1:A:128:GLN:HB3	1	1.05
(1,1001)	1:A:81:GLN:HB2	1:A:89:LEU:HD11	8	1.05
(1,1001)	1:A:81:GLN:HB2	1:A:89:LEU:HD12	8	1.05

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,1001)	1:A:81:GLN:HB2	1:A:89:LEU:HD13	8	1.05
(1,1001)	1:A:81:GLN:HB2	1:A:89:LEU:HD21	8	1.05
(1,1001)	1:A:81:GLN:HB2	1:A:89:LEU:HD22	8	1.05
(1,1001)	1:A:81:GLN:HB2	1:A:89:LEU:HD23	8	1.05
(1,1001)	1:A:81:GLN:HB3	1:A:89:LEU:HD11	8	1.05
(1,1001)	1:A:81:GLN:HB3	1:A:89:LEU:HD12	8	1.05
(1,1001)	1:A:81:GLN:HB3	1:A:89:LEU:HD13	8	1.05
(1,1001)	1:A:81:GLN:HB3	1:A:89:LEU:HD21	8	1.05
(1,1001)	1:A:81:GLN:HB3	1:A:89:LEU:HD22	8	1.05
(1,1001)	1:A:81:GLN:HB3	1:A:89:LEU:HD23	8	1.05
(1,94)	1:A:7:VAL:HG21	1:A:38:ILE:HB	5	1.04
(1,94)	1:A:7:VAL:HG22	1:A:38:ILE:HB	5	1.04
(1,94)	1:A:7:VAL:HG23	1:A:38:ILE:HB	5	1.04
(1,894)	1:A:75:GLU:HG3	1:A:76:VAL:H	5	1.04
(1,887)	1:A:75:GLU:HB3	1:A:89:LEU:H	5	1.04
(1,692)	1:A:54:VAL:HG11	1:A:58:LYS:HE2	2	1.04
(1,692)	1:A:54:VAL:HG11	1:A:58:LYS:HE3	2	1.04
(1,692)	1:A:54:VAL:HG12	1:A:58:LYS:HE2	2	1.04
(1,692)	1:A:54:VAL:HG12	1:A:58:LYS:HE3	2	1.04
(1,692)	1:A:54:VAL:HG13	1:A:58:LYS:HE2	2	1.04
(1,692)	1:A:54:VAL:HG13	1:A:58:LYS:HE3	2	1.04
(1,692)	1:A:54:VAL:HG21	1:A:58:LYS:HE2	2	1.04
(1,692)	1:A:54:VAL:HG21	1:A:58:LYS:HE3	2	1.04
(1,692)	1:A:54:VAL:HG22	1:A:58:LYS:HE2	2	1.04
(1,692)	1:A:54:VAL:HG22	1:A:58:LYS:HE3	2	1.04
(1,692)	1:A:54:VAL:HG23	1:A:58:LYS:HE2	2	1.04
(1,692)	1:A:54:VAL:HG23	1:A:58:LYS:HE3	2	1.04
(1,684)	1:A:54:VAL:HG11	1:A:138:ASP:H	9	1.04
(1,684)	1:A:54:VAL:HG12	1:A:138:ASP:H	9	1.04
(1,684)	1:A:54:VAL:HG13	1:A:138:ASP:H	9	1.04
(1,684)	1:A:54:VAL:HG21	1:A:138:ASP:H	9	1.04
(1,684)	1:A:54:VAL:HG22	1:A:138:ASP:H	9	1.04
(1,684)	1:A:54:VAL:HG23	1:A:138:ASP:H	9	1.04
(1,59)	1:A:6:LYS:HB2	1:A:38:ILE:HD11	7	1.04
(1,59)	1:A:6:LYS:HB2	1:A:38:ILE:HD12	7	1.04
(1,59)	1:A:6:LYS:HB2	1:A:38:ILE:HD13	7	1.04
(1,59)	1:A:6:LYS:HB3	1:A:38:ILE:HD11	7	1.04
(1,59)	1:A:6:LYS:HB3	1:A:38:ILE:HD12	7	1.04
(1,59)	1:A:6:LYS:HB3	1:A:38:ILE:HD13	7	1.04
(1,529)	1:A:33:LYS:HG3	1:A:36:THR:HG21	6	1.04
(1,529)	1:A:33:LYS:HG3	1:A:36:THR:HG22	6	1.04
(1,529)	1:A:33:LYS:HG3	1:A:36:THR:HG23	6	1.04

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,511)	1:A:31:ILE:HG21	1:A:109:LEU:HG	6	1.04
(1,511)	1:A:31:ILE:HG22	1:A:109:LEU:HG	6	1.04
(1,511)	1:A:31:ILE:HG23	1:A:109:LEU:HG	6	1.04
(1,452)	1:A:28:ILE:HD11	1:A:71:ALA:H	6	1.04
(1,452)	1:A:28:ILE:HD12	1:A:71:ALA:H	6	1.04
(1,452)	1:A:28:ILE:HD13	1:A:71:ALA:H	6	1.04
(1,205)	1:A:12:LYS:HD3	1:A:14:ALA:H	2	1.04
(1,205)	1:A:12:LYS:HD3	1:A:14:ALA:H	3	1.04
(1,205)	1:A:12:LYS:HD3	1:A:14:ALA:H	7	1.04
(1,1772)	1:A:149:ASN:HB2	1:A:152:ILE:HG21	7	1.04
(1,1772)	1:A:149:ASN:HB2	1:A:152:ILE:HG22	7	1.04
(1,1772)	1:A:149:ASN:HB2	1:A:152:ILE:HG23	7	1.04
(1,163)	1:A:10:SER:HB2	1:A:40:VAL:HB	10	1.04
(1,163)	1:A:10:SER:HB3	1:A:40:VAL:HB	10	1.04
(1,95)	1:A:7:VAL:HG21	1:A:38:ILE:HG21	9	1.03
(1,95)	1:A:7:VAL:HG21	1:A:38:ILE:HG22	9	1.03
(1,95)	1:A:7:VAL:HG21	1:A:38:ILE:HG23	9	1.03
(1,95)	1:A:7:VAL:HG22	1:A:38:ILE:HG21	9	1.03
(1,95)	1:A:7:VAL:HG22	1:A:38:ILE:HG22	9	1.03
(1,95)	1:A:7:VAL:HG22	1:A:38:ILE:HG23	9	1.03
(1,95)	1:A:7:VAL:HG23	1:A:38:ILE:HG21	9	1.03
(1,95)	1:A:7:VAL:HG23	1:A:38:ILE:HG22	9	1.03
(1,95)	1:A:7:VAL:HG23	1:A:38:ILE:HG23	9	1.03
(1,894)	1:A:75:GLU:HG3	1:A:76:VAL:H	3	1.03
(1,775)	1:A:60:LEU:HG	1:A:61:VAL:H	4	1.03
(1,621)	1:A:50:TYR:HB2	1:A:143:LYS:HG2	2	1.03
(1,621)	1:A:50:TYR:HB2	1:A:143:LYS:HG3	2	1.03
(1,621)	1:A:50:TYR:HB3	1:A:143:LYS:HG2	2	1.03
(1,621)	1:A:50:TYR:HB3	1:A:143:LYS:HG3	2	1.03
(1,528)	1:A:33:LYS:HG3	1:A:36:THR:HB	7	1.03
(1,511)	1:A:31:ILE:HG21	1:A:109:LEU:HG	9	1.03
(1,511)	1:A:31:ILE:HG22	1:A:109:LEU:HG	9	1.03
(1,511)	1:A:31:ILE:HG23	1:A:109:LEU:HG	9	1.03
(1,1773)	1:A:149:ASN:HB3	1:A:151:ARG:HA	10	1.03
(1,1378)	1:A:114:VAL:HB	1:A:118:LYS:H	10	1.03
(1,1084)	1:A:93:ILE:HA	1:A:146:LEU:HB2	9	1.03
(1,969)	1:A:79:GLN:HA	1:A:86:THR:HA	7	1.02
(1,968)	1:A:79:GLN:HA	1:A:85:GLY:H	3	1.02
(1,897)	1:A:75:GLU:HG3	1:A:89:LEU:H	8	1.02
(1,72)	1:A:7:VAL:HB	1:A:117:LEU:HA	9	1.02
(1,621)	1:A:50:TYR:HB2	1:A:143:LYS:HG2	3	1.02
(1,621)	1:A:50:TYR:HB2	1:A:143:LYS:HG3	3	1.02

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,621)	1:A:50:TYR:HB3	1:A:143:LYS:HG2	3	1.02
(1,621)	1:A:50:TYR:HB3	1:A:143:LYS:HG3	3	1.02
(1,528)	1:A:33:LYS:HG3	1:A:36:THR:HB	4	1.02
(1,525)	1:A:33:LYS:HG2	1:A:36:THR:HG21	9	1.02
(1,525)	1:A:33:LYS:HG2	1:A:36:THR:HG22	9	1.02
(1,525)	1:A:33:LYS:HG2	1:A:36:THR:HG23	9	1.02
(1,466)	1:A:29:PHE:HB3	1:A:41:GLU:H	4	1.02
(1,205)	1:A:12:LYS:HD3	1:A:14:ALA:H	9	1.02
(1,1664)	1:A:141:SER:HA	1:A:143:LYS:H	2	1.02
(1,1325)	1:A:109:LEU:HD11	1:A:112:SER:HB2	8	1.02
(1,1325)	1:A:109:LEU:HD11	1:A:112:SER:HB3	8	1.02
(1,1325)	1:A:109:LEU:HD12	1:A:112:SER:HB2	8	1.02
(1,1325)	1:A:109:LEU:HD12	1:A:112:SER:HB3	8	1.02
(1,1325)	1:A:109:LEU:HD13	1:A:112:SER:HB2	8	1.02
(1,1325)	1:A:109:LEU:HD13	1:A:112:SER:HB3	8	1.02
(1,1325)	1:A:109:LEU:HD21	1:A:112:SER:HB2	8	1.02
(1,1325)	1:A:109:LEU:HD21	1:A:112:SER:HB3	8	1.02
(1,1325)	1:A:109:LEU:HD22	1:A:112:SER:HB2	8	1.02
(1,1325)	1:A:109:LEU:HD22	1:A:112:SER:HB3	8	1.02
(1,1325)	1:A:109:LEU:HD23	1:A:112:SER:HB2	8	1.02
(1,1325)	1:A:109:LEU:HD23	1:A:112:SER:HB3	8	1.02
(1,1185)	1:A:99:PRO:HG2	1:A:102:ALA:HA	3	1.02
(1,1161)	1:A:96:GLN:HG2	1:A:114:VAL:HG11	4	1.02
(1,1161)	1:A:96:GLN:HG2	1:A:114:VAL:HG12	4	1.02
(1,1161)	1:A:96:GLN:HG2	1:A:114:VAL:HG13	4	1.02
(1,1161)	1:A:96:GLN:HG2	1:A:114:VAL:HG21	4	1.02
(1,1161)	1:A:96:GLN:HG2	1:A:114:VAL:HG22	4	1.02
(1,1161)	1:A:96:GLN:HG2	1:A:114:VAL:HG23	4	1.02
(1,1161)	1:A:96:GLN:HG3	1:A:114:VAL:HG11	4	1.02
(1,1161)	1:A:96:GLN:HG3	1:A:114:VAL:HG12	4	1.02
(1,1161)	1:A:96:GLN:HG3	1:A:114:VAL:HG13	4	1.02
(1,1161)	1:A:96:GLN:HG3	1:A:114:VAL:HG21	4	1.02
(1,1161)	1:A:96:GLN:HG3	1:A:114:VAL:HG22	4	1.02
(1,1161)	1:A:96:GLN:HG3	1:A:114:VAL:HG23	4	1.02
(1,884)	1:A:75:GLU:HB3	1:A:88:THR:HA	3	1.01
(1,75)	1:A:7:VAL:HB	1:A:38:ILE:H	3	1.01
(1,685)	1:A:54:VAL:HG11	1:A:138:ASP:HA	4	1.01
(1,685)	1:A:54:VAL:HG12	1:A:138:ASP:HA	4	1.01
(1,685)	1:A:54:VAL:HG13	1:A:138:ASP:HA	4	1.01
(1,685)	1:A:54:VAL:HG21	1:A:138:ASP:HA	4	1.01
(1,685)	1:A:54:VAL:HG22	1:A:138:ASP:HA	4	1.01
(1,685)	1:A:54:VAL:HG23	1:A:138:ASP:HA	4	1.01

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,609)	1:A:49:PRO:HG2	1:A:51:ALA:H	3	1.01
(1,609)	1:A:49:PRO:HG3	1:A:51:ALA:H	3	1.01
(1,574)	1:A:42:LYS:HA	1:A:56:GLU:HB2	4	1.01
(1,574)	1:A:42:LYS:HA	1:A:56:GLU:HB3	4	1.01
(1,440)	1:A:28:ILE:HB	1:A:70:ALA:HB1	6	1.01
(1,440)	1:A:28:ILE:HB	1:A:70:ALA:HB2	6	1.01
(1,440)	1:A:28:ILE:HB	1:A:70:ALA:HB3	6	1.01
(1,1653)	1:A:140:LYS:HE2	1:A:142:VAL:H	8	1.01
(1,1589)	1:A:135:SER:HA	1:A:140:LYS:HE2	2	1.01
(1,1589)	1:A:135:SER:HA	1:A:140:LYS:HE2	6	1.01
(1,113)	1:A:8:ASP:H	1:A:37:ALA:HA	9	1.01
(1,1120)	1:A:94:PHE:HA	1:A:128:GLN:HB2	6	1.01
(1,1120)	1:A:94:PHE:HA	1:A:128:GLN:HB3	6	1.01
(1,705)	1:A:55:GLU:HA	1:A:59:LYS:HB3	9	1.0
(1,621)	1:A:50:TYR:HB2	1:A:143:LYS:HG2	6	1.0
(1,621)	1:A:50:TYR:HB2	1:A:143:LYS:HG3	6	1.0
(1,621)	1:A:50:TYR:HB3	1:A:143:LYS:HG2	6	1.0
(1,621)	1:A:50:TYR:HB3	1:A:143:LYS:HG3	6	1.0
(1,528)	1:A:33:LYS:HG3	1:A:36:THR:HB	3	1.0
(1,1763)	1:A:148:SER:HA	1:A:150:GLN:H	4	1.0
(1,1580)	1:A:134:MET:HB2	1:A:136:ASP:H	9	1.0
(1,1580)	1:A:134:MET:HB3	1:A:136:ASP:H	9	1.0
(1,1282)	1:A:107:ARG:HA	1:A:110:TYR:HB2	8	1.0
(1,1282)	1:A:107:ARG:HA	1:A:110:TYR:HB3	8	1.0
(1,945)	1:A:78:VAL:H	1:A:86:THR:HB	4	0.99
(1,910)	1:A:76:VAL:HA	1:A:147:MET:HG2	8	0.99
(1,910)	1:A:76:VAL:HA	1:A:147:MET:HG3	8	0.99
(1,91)	1:A:7:VAL:HG21	1:A:120:SER:HA	5	0.99
(1,91)	1:A:7:VAL:HG22	1:A:120:SER:HA	5	0.99
(1,91)	1:A:7:VAL:HG23	1:A:120:SER:HA	5	0.99
(1,737)	1:A:57:MET:HG2	1:A:60:LEU:HG	10	0.99
(1,737)	1:A:57:MET:HG3	1:A:60:LEU:HG	10	0.99
(1,684)	1:A:54:VAL:HG11	1:A:138:ASP:H	2	0.99
(1,684)	1:A:54:VAL:HG12	1:A:138:ASP:H	2	0.99
(1,684)	1:A:54:VAL:HG13	1:A:138:ASP:H	2	0.99
(1,684)	1:A:54:VAL:HG21	1:A:138:ASP:H	2	0.99
(1,684)	1:A:54:VAL:HG22	1:A:138:ASP:H	2	0.99
(1,684)	1:A:54:VAL:HG23	1:A:138:ASP:H	2	0.99
(1,621)	1:A:50:TYR:HB2	1:A:143:LYS:HG2	9	0.99
(1,621)	1:A:50:TYR:HB2	1:A:143:LYS:HG3	9	0.99
(1,621)	1:A:50:TYR:HB3	1:A:143:LYS:HG2	9	0.99
(1,621)	1:A:50:TYR:HB3	1:A:143:LYS:HG3	9	0.99

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,499)	1:A:31:ILE:HG13	1:A:38:ILE:HB	9	0.99
(1,1704)	1:A:143:LYS:HA	1:A:146:LEU:HB2	5	0.99
(1,1704)	1:A:143:LYS:HA	1:A:146:LEU:HB3	5	0.99
(1,1113)	1:A:94:PHE:H	1:A:128:GLN:HB2	10	0.99
(1,1113)	1:A:94:PHE:H	1:A:128:GLN:HB3	10	0.99
(1,91)	1:A:7:VAL:HG21	1:A:120:SER:HA	3	0.98
(1,91)	1:A:7:VAL:HG22	1:A:120:SER:HA	3	0.98
(1,91)	1:A:7:VAL:HG23	1:A:120:SER:HA	3	0.98
(1,756)	1:A:58:LYS:HD3	1:A:59:LYS:H	2	0.98
(1,686)	1:A:54:VAL:HG11	1:A:138:ASP:HB2	5	0.98
(1,686)	1:A:54:VAL:HG11	1:A:138:ASP:HB3	5	0.98
(1,686)	1:A:54:VAL:HG12	1:A:138:ASP:HB2	5	0.98
(1,686)	1:A:54:VAL:HG12	1:A:138:ASP:HB3	5	0.98
(1,686)	1:A:54:VAL:HG13	1:A:138:ASP:HB2	5	0.98
(1,686)	1:A:54:VAL:HG13	1:A:138:ASP:HB3	5	0.98
(1,686)	1:A:54:VAL:HG21	1:A:138:ASP:HB2	5	0.98
(1,686)	1:A:54:VAL:HG21	1:A:138:ASP:HB3	5	0.98
(1,686)	1:A:54:VAL:HG22	1:A:138:ASP:HB2	5	0.98
(1,686)	1:A:54:VAL:HG22	1:A:138:ASP:HB3	5	0.98
(1,686)	1:A:54:VAL:HG23	1:A:138:ASP:HB2	5	0.98
(1,686)	1:A:54:VAL:HG23	1:A:138:ASP:HB3	5	0.98
(1,524)	1:A:33:LYS:HG2	1:A:36:THR:HB	4	0.98
(1,511)	1:A:31:ILE:HG21	1:A:109:LEU:HG	3	0.98
(1,511)	1:A:31:ILE:HG22	1:A:109:LEU:HG	3	0.98
(1,511)	1:A:31:ILE:HG23	1:A:109:LEU:HG	3	0.98
(1,474)	1:A:30:LYS:HA	1:A:41:GLU:HG2	9	0.98
(1,474)	1:A:30:LYS:HA	1:A:41:GLU:HG3	9	0.98
(1,1169)	1:A:97:TYR:HB3	1:A:131:ALA:HB1	9	0.98
(1,1169)	1:A:97:TYR:HB3	1:A:131:ALA:HB2	9	0.98
(1,1169)	1:A:97:TYR:HB3	1:A:131:ALA:HB3	9	0.98
(1,75)	1:A:7:VAL:HB	1:A:38:ILE:H	1	0.97
(1,732)	1:A:57:MET:HA	1:A:60:LEU:HG	4	0.97
(1,692)	1:A:54:VAL:HG11	1:A:58:LYS:HE2	7	0.97
(1,692)	1:A:54:VAL:HG11	1:A:58:LYS:HE3	7	0.97
(1,692)	1:A:54:VAL:HG12	1:A:58:LYS:HE2	7	0.97
(1,692)	1:A:54:VAL:HG12	1:A:58:LYS:HE3	7	0.97
(1,692)	1:A:54:VAL:HG13	1:A:58:LYS:HE2	7	0.97
(1,692)	1:A:54:VAL:HG13	1:A:58:LYS:HE3	7	0.97
(1,692)	1:A:54:VAL:HG21	1:A:58:LYS:HE2	7	0.97
(1,692)	1:A:54:VAL:HG21	1:A:58:LYS:HE3	7	0.97
(1,692)	1:A:54:VAL:HG22	1:A:58:LYS:HE2	7	0.97
(1,692)	1:A:54:VAL:HG22	1:A:58:LYS:HE3	7	0.97

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,692)	1:A:54:VAL:HG23	1:A:58:LYS:HE2	7	0.97
(1,692)	1:A:54:VAL:HG23	1:A:58:LYS:HE3	7	0.97
(1,237)	1:A:14:ALA:HA	1:A:18:LEU:H	5	0.97
(1,1609)	1:A:137:LEU:HG	1:A:138:ASP:H	3	0.97
(1,1443)	1:A:118:LYS:HE3	1:A:119:ALA:H	7	0.97
(1,112)	1:A:8:ASP:H	1:A:11:CYS:HB2	1	0.97
(1,112)	1:A:8:ASP:H	1:A:11:CYS:HB3	1	0.97
(1,1021)	1:A:85:GLY:H	1:A:86:THR:H	6	0.97
(3,3)	1:A:8:ASP:H	1:A:38:ILE:O	5	0.96
(1,976)	1:A:79:GLN:HB3	1:A:86:THR:HG21	6	0.96
(1,976)	1:A:79:GLN:HB3	1:A:86:THR:HG22	6	0.96
(1,976)	1:A:79:GLN:HB3	1:A:86:THR:HG23	6	0.96
(1,888)	1:A:75:GLU:HG2	1:A:76:VAL:H	2	0.96
(1,480)	1:A:30:LYS:HB2	1:A:41:GLU:HA	10	0.96
(1,480)	1:A:30:LYS:HB3	1:A:41:GLU:HA	10	0.96
(1,335)	1:A:19:HIS:HA	1:A:21:LYS:H	8	0.96
(1,327)	1:A:18:LEU:HD21	1:A:73:ASP:HA	7	0.96
(1,327)	1:A:18:LEU:HD22	1:A:73:ASP:HA	7	0.96
(1,327)	1:A:18:LEU:HD23	1:A:73:ASP:HA	7	0.96
(1,255)	1:A:15:TYR:HA	1:A:19:HIS:H	9	0.96
(1,20)	1:A:4:GLY:H	1:A:5:VAL:HB	5	0.96
(1,1781)	1:A:149:ASN:HB2	1:A:152:ILE:HG21	7	0.96
(1,1781)	1:A:149:ASN:HB2	1:A:152:ILE:HG22	7	0.96
(1,1781)	1:A:149:ASN:HB2	1:A:152:ILE:HG23	7	0.96
(1,1781)	1:A:149:ASN:HB3	1:A:152:ILE:HG21	7	0.96
(1,1781)	1:A:149:ASN:HB3	1:A:152:ILE:HG22	7	0.96
(1,1781)	1:A:149:ASN:HB3	1:A:152:ILE:HG23	7	0.96
(1,1664)	1:A:141:SER:HA	1:A:143:LYS:H	4	0.96
(1,1576)	1:A:134:MET:HA	1:A:138:ASP:H	6	0.96
(1,1113)	1:A:94:PHE:H	1:A:128:GLN:HB2	2	0.96
(1,1113)	1:A:94:PHE:H	1:A:128:GLN:HB3	2	0.96
(1,1107)	1:A:93:ILE:HG21	1:A:146:LEU:HA	5	0.96
(1,1107)	1:A:93:ILE:HG22	1:A:146:LEU:HA	5	0.96
(1,1107)	1:A:93:ILE:HG23	1:A:146:LEU:HA	5	0.96
(1,946)	1:A:78:VAL:H	1:A:86:THR:HG21	5	0.95
(1,946)	1:A:78:VAL:H	1:A:86:THR:HG22	5	0.95
(1,946)	1:A:78:VAL:H	1:A:86:THR:HG23	5	0.95
(1,902)	1:A:75:GLU:HG2	1:A:90:ASN:HB2	7	0.95
(1,902)	1:A:75:GLU:HG2	1:A:90:ASN:HB3	7	0.95
(1,902)	1:A:75:GLU:HG3	1:A:90:ASN:HB2	7	0.95
(1,902)	1:A:75:GLU:HG3	1:A:90:ASN:HB3	7	0.95
(1,59)	1:A:6:LYS:HB2	1:A:38:ILE:HD11	1	0.95

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,59)	1:A:6:LYS:HB2	1:A:38:ILE:HD12	1	0.95
(1,59)	1:A:6:LYS:HB2	1:A:38:ILE:HD13	1	0.95
(1,59)	1:A:6:LYS:HB3	1:A:38:ILE:HD11	1	0.95
(1,59)	1:A:6:LYS:HB3	1:A:38:ILE:HD12	1	0.95
(1,59)	1:A:6:LYS:HB3	1:A:38:ILE:HD13	1	0.95
(1,533)	1:A:35:ASP:H	1:A:37:ALA:HB1	8	0.95
(1,533)	1:A:35:ASP:H	1:A:37:ALA:HB2	8	0.95
(1,533)	1:A:35:ASP:H	1:A:37:ALA:HB3	8	0.95
(1,207)	1:A:12:LYS:HD3	1:A:15:TYR:HA	2	0.95
(1,1788)	1:A:150:GLN:HB2	1:A:152:ILE:H	7	0.95
(1,1778)	1:A:149:ASN:HB2	1:A:151:ARG:HA	1	0.95
(1,1778)	1:A:149:ASN:HB3	1:A:151:ARG:HA	1	0.95
(1,1576)	1:A:134:MET:HA	1:A:138:ASP:H	1	0.95
(1,1576)	1:A:134:MET:HA	1:A:138:ASP:H	10	0.95
(1,1299)	1:A:108:MET:HB2	1:A:112:SER:H	4	0.95
(1,1113)	1:A:94:PHE:H	1:A:128:GLN:HB2	4	0.95
(1,1113)	1:A:94:PHE:H	1:A:128:GLN:HB3	4	0.95
(1,976)	1:A:79:GLN:HB3	1:A:86:THR:HG21	10	0.94
(1,976)	1:A:79:GLN:HB3	1:A:86:THR:HG22	10	0.94
(1,976)	1:A:79:GLN:HB3	1:A:86:THR:HG23	10	0.94
(1,969)	1:A:79:GLN:HA	1:A:86:THR:HA	1	0.94
(1,498)	1:A:31:ILE:HG13	1:A:38:ILE:HA	8	0.94
(1,207)	1:A:12:LYS:HD3	1:A:15:TYR:HA	4	0.94
(1,1664)	1:A:141:SER:HA	1:A:143:LYS:H	3	0.94
(1,1299)	1:A:108:MET:HB2	1:A:112:SER:H	10	0.94
(1,95)	1:A:7:VAL:HG21	1:A:38:ILE:HG21	5	0.93
(1,95)	1:A:7:VAL:HG21	1:A:38:ILE:HG22	5	0.93
(1,95)	1:A:7:VAL:HG21	1:A:38:ILE:HG23	5	0.93
(1,95)	1:A:7:VAL:HG22	1:A:38:ILE:HG21	5	0.93
(1,95)	1:A:7:VAL:HG22	1:A:38:ILE:HG22	5	0.93
(1,95)	1:A:7:VAL:HG22	1:A:38:ILE:HG23	5	0.93
(1,95)	1:A:7:VAL:HG23	1:A:38:ILE:HG21	5	0.93
(1,95)	1:A:7:VAL:HG23	1:A:38:ILE:HG22	5	0.93
(1,95)	1:A:7:VAL:HG23	1:A:38:ILE:HG23	5	0.93
(1,945)	1:A:78:VAL:H	1:A:86:THR:HB	5	0.93
(1,887)	1:A:75:GLU:HB3	1:A:89:LEU:H	4	0.93
(1,72)	1:A:7:VAL:HB	1:A:117:LEU:HA	2	0.93
(1,72)	1:A:7:VAL:HB	1:A:117:LEU:HA	6	0.93
(1,645)	1:A:52:GLU:HA	1:A:55:GLU:HG2	2	0.93
(1,645)	1:A:52:GLU:HA	1:A:55:GLU:HG3	2	0.93
(1,34)	1:A:5:VAL:HB	1:A:7:VAL:HG11	7	0.93
(1,34)	1:A:5:VAL:HB	1:A:7:VAL:HG12	7	0.93

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,34)	1:A:5:VAL:HB	1:A:7:VAL:HG13	7	0.93
(1,34)	1:A:5:VAL:HB	1:A:7:VAL:HG21	7	0.93
(1,34)	1:A:5:VAL:HB	1:A:7:VAL:HG22	7	0.93
(1,34)	1:A:5:VAL:HB	1:A:7:VAL:HG23	7	0.93
(1,327)	1:A:18:LEU:HD21	1:A:73:ASP:HA	3	0.93
(1,327)	1:A:18:LEU:HD22	1:A:73:ASP:HA	3	0.93
(1,327)	1:A:18:LEU:HD23	1:A:73:ASP:HA	3	0.93
(1,303)	1:A:17:LEU:HD11	1:A:21:LYS:HD2	3	0.93
(1,303)	1:A:17:LEU:HD11	1:A:21:LYS:HD3	3	0.93
(1,303)	1:A:17:LEU:HD12	1:A:21:LYS:HD2	3	0.93
(1,303)	1:A:17:LEU:HD12	1:A:21:LYS:HD3	3	0.93
(1,303)	1:A:17:LEU:HD13	1:A:21:LYS:HD2	3	0.93
(1,303)	1:A:17:LEU:HD13	1:A:21:LYS:HD3	3	0.93
(1,303)	1:A:17:LEU:HD21	1:A:21:LYS:HD2	3	0.93
(1,303)	1:A:17:LEU:HD21	1:A:21:LYS:HD3	3	0.93
(1,303)	1:A:17:LEU:HD22	1:A:21:LYS:HD2	3	0.93
(1,303)	1:A:17:LEU:HD22	1:A:21:LYS:HD3	3	0.93
(1,303)	1:A:17:LEU:HD23	1:A:21:LYS:HD2	3	0.93
(1,303)	1:A:17:LEU:HD23	1:A:21:LYS:HD3	3	0.93
(1,295)	1:A:17:LEU:HA	1:A:21:LYS:HG2	3	0.93
(1,295)	1:A:17:LEU:HA	1:A:21:LYS:HG3	3	0.93
(1,266)	1:A:15:TYR:HB2	1:A:123:LEU:HD11	2	0.93
(1,266)	1:A:15:TYR:HB2	1:A:123:LEU:HD12	2	0.93
(1,266)	1:A:15:TYR:HB2	1:A:123:LEU:HD13	2	0.93
(1,266)	1:A:15:TYR:HB2	1:A:123:LEU:HD21	2	0.93
(1,266)	1:A:15:TYR:HB2	1:A:123:LEU:HD22	2	0.93
(1,266)	1:A:15:TYR:HB2	1:A:123:LEU:HD23	2	0.93
(1,266)	1:A:15:TYR:HB3	1:A:123:LEU:HD11	2	0.93
(1,266)	1:A:15:TYR:HB3	1:A:123:LEU:HD12	2	0.93
(1,266)	1:A:15:TYR:HB3	1:A:123:LEU:HD13	2	0.93
(1,266)	1:A:15:TYR:HB3	1:A:123:LEU:HD21	2	0.93
(1,266)	1:A:15:TYR:HB3	1:A:123:LEU:HD22	2	0.93
(1,266)	1:A:15:TYR:HB3	1:A:123:LEU:HD23	2	0.93
(1,1773)	1:A:149:ASN:HB3	1:A:151:ARG:HA	9	0.93
(1,1718)	1:A:144:SER:H	1:A:146:LEU:H	6	0.93
(1,1576)	1:A:134:MET:HA	1:A:138:ASP:H	4	0.93
(1,1449)	1:A:118:LYS:HG2	1:A:128:GLN:HB2	6	0.93
(1,1449)	1:A:118:LYS:HG2	1:A:128:GLN:HB3	6	0.93
(1,1449)	1:A:118:LYS:HG3	1:A:128:GLN:HB2	6	0.93
(1,1449)	1:A:118:LYS:HG3	1:A:128:GLN:HB3	6	0.93
(1,1159)	1:A:96:GLN:HB2	1:A:114:VAL:HG11	8	0.93
(1,1159)	1:A:96:GLN:HB2	1:A:114:VAL:HG12	8	0.93

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,1159)	1:A:96:GLN:HB2	1:A:114:VAL:HG13	8	0.93
(1,1159)	1:A:96:GLN:HB2	1:A:114:VAL:HG21	8	0.93
(1,1159)	1:A:96:GLN:HB2	1:A:114:VAL:HG22	8	0.93
(1,1159)	1:A:96:GLN:HB2	1:A:114:VAL:HG23	8	0.93
(1,1159)	1:A:96:GLN:HB3	1:A:114:VAL:HG11	8	0.93
(1,1159)	1:A:96:GLN:HB3	1:A:114:VAL:HG12	8	0.93
(1,1159)	1:A:96:GLN:HB3	1:A:114:VAL:HG13	8	0.93
(1,1159)	1:A:96:GLN:HB3	1:A:114:VAL:HG21	8	0.93
(1,1159)	1:A:96:GLN:HB3	1:A:114:VAL:HG22	8	0.93
(1,1159)	1:A:96:GLN:HB3	1:A:114:VAL:HG23	8	0.93
(1,1145)	1:A:95:VAL:HG11	1:A:131:ALA:HA	5	0.93
(1,1145)	1:A:95:VAL:HG12	1:A:131:ALA:HA	5	0.93
(1,1145)	1:A:95:VAL:HG13	1:A:131:ALA:HA	5	0.93
(1,1145)	1:A:95:VAL:HG21	1:A:131:ALA:HA	5	0.93
(1,1145)	1:A:95:VAL:HG22	1:A:131:ALA:HA	5	0.93
(1,1145)	1:A:95:VAL:HG23	1:A:131:ALA:HA	5	0.93
(1,1120)	1:A:94:PHE:HA	1:A:128:GLN:HB2	3	0.93
(1,1120)	1:A:94:PHE:HA	1:A:128:GLN:HB3	3	0.93
(1,978)	1:A:79:GLN:HG2	1:A:85:GLY:H	6	0.92
(1,970)	1:A:79:GLN:HA	1:A:86:THR:HB	3	0.92
(1,969)	1:A:79:GLN:HA	1:A:86:THR:HA	9	0.92
(1,946)	1:A:78:VAL:H	1:A:86:THR:HG21	4	0.92
(1,946)	1:A:78:VAL:H	1:A:86:THR:HG22	4	0.92
(1,946)	1:A:78:VAL:H	1:A:86:THR:HG23	4	0.92
(1,684)	1:A:54:VAL:HG11	1:A:138:ASP:H	4	0.92
(1,684)	1:A:54:VAL:HG12	1:A:138:ASP:H	4	0.92
(1,684)	1:A:54:VAL:HG13	1:A:138:ASP:H	4	0.92
(1,684)	1:A:54:VAL:HG21	1:A:138:ASP:H	4	0.92
(1,684)	1:A:54:VAL:HG22	1:A:138:ASP:H	4	0.92
(1,684)	1:A:54:VAL:HG23	1:A:138:ASP:H	4	0.92
(1,611)	1:A:49:PRO:HG2	1:A:52:GLU:H	6	0.92
(1,611)	1:A:49:PRO:HG3	1:A:52:GLU:H	6	0.92
(1,490)	1:A:31:ILE:HB	1:A:109:LEU:HD11	6	0.92
(1,490)	1:A:31:ILE:HB	1:A:109:LEU:HD12	6	0.92
(1,490)	1:A:31:ILE:HB	1:A:109:LEU:HD13	6	0.92
(1,490)	1:A:31:ILE:HB	1:A:109:LEU:HD21	6	0.92
(1,490)	1:A:31:ILE:HB	1:A:109:LEU:HD22	6	0.92
(1,490)	1:A:31:ILE:HB	1:A:109:LEU:HD23	6	0.92
(1,474)	1:A:30:LYS:HA	1:A:41:GLU:HG2	6	0.92
(1,474)	1:A:30:LYS:HA	1:A:41:GLU:HG3	6	0.92
(1,1744)	1:A:146:LEU:HA	1:A:150:GLN:HA	9	0.92
(1,1704)	1:A:143:LYS:HA	1:A:146:LEU:HB2	2	0.92

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,1704)	1:A:143:LYS:HA	1:A:146:LEU:HB3	2	0.92
(1,14)	1:A:3:SER:H	1:A:113:SER:HA	7	0.92
(1,1316)	1:A:109:LEU:HA	1:A:113:SER:H	6	0.92
(1,1113)	1:A:94:PHE:H	1:A:128:GLN:HB2	6	0.92
(1,1113)	1:A:94:PHE:H	1:A:128:GLN:HB3	6	0.92
(1,102)	1:A:7:VAL:HG11	1:A:120:SER:HA	3	0.92
(1,102)	1:A:7:VAL:HG12	1:A:120:SER:HA	3	0.92
(1,102)	1:A:7:VAL:HG13	1:A:120:SER:HA	3	0.92
(1,102)	1:A:7:VAL:HG21	1:A:120:SER:HA	3	0.92
(1,102)	1:A:7:VAL:HG22	1:A:120:SER:HA	3	0.92
(1,102)	1:A:7:VAL:HG23	1:A:120:SER:HA	3	0.92
(1,968)	1:A:79:GLN:HA	1:A:85:GLY:H	6	0.91
(1,880)	1:A:75:GLU:HB2	1:A:88:THR:HB	3	0.91
(1,705)	1:A:55:GLU:HA	1:A:59:LYS:HB3	1	0.91
(1,609)	1:A:49:PRO:HG2	1:A:51:ALA:H	7	0.91
(1,609)	1:A:49:PRO:HG3	1:A:51:ALA:H	7	0.91
(1,59)	1:A:6:LYS:HB2	1:A:38:ILE:HD11	9	0.91
(1,59)	1:A:6:LYS:HB2	1:A:38:ILE:HD12	9	0.91
(1,59)	1:A:6:LYS:HB2	1:A:38:ILE:HD13	9	0.91
(1,59)	1:A:6:LYS:HB3	1:A:38:ILE:HD11	9	0.91
(1,59)	1:A:6:LYS:HB3	1:A:38:ILE:HD12	9	0.91
(1,59)	1:A:6:LYS:HB3	1:A:38:ILE:HD13	9	0.91
(1,510)	1:A:31:ILE:HG21	1:A:109:LEU:HA	4	0.91
(1,510)	1:A:31:ILE:HG22	1:A:109:LEU:HA	4	0.91
(1,510)	1:A:31:ILE:HG23	1:A:109:LEU:HA	4	0.91
(1,138)	1:A:8:ASP:HB2	1:A:9:PRO:HB2	5	0.91
(1,138)	1:A:8:ASP:HB2	1:A:9:PRO:HB3	5	0.91
(1,138)	1:A:8:ASP:HB3	1:A:9:PRO:HB2	5	0.91
(1,138)	1:A:8:ASP:HB3	1:A:9:PRO:HB3	5	0.91
(1,102)	1:A:7:VAL:HG11	1:A:120:SER:HA	5	0.91
(1,102)	1:A:7:VAL:HG12	1:A:120:SER:HA	5	0.91
(1,102)	1:A:7:VAL:HG13	1:A:120:SER:HA	5	0.91
(1,102)	1:A:7:VAL:HG21	1:A:120:SER:HA	5	0.91
(1,102)	1:A:7:VAL:HG22	1:A:120:SER:HA	5	0.91
(1,102)	1:A:7:VAL:HG23	1:A:120:SER:HA	5	0.91
(1,976)	1:A:79:GLN:HB3	1:A:86:THR:HG21	1	0.9
(1,976)	1:A:79:GLN:HB3	1:A:86:THR:HG22	1	0.9
(1,976)	1:A:79:GLN:HB3	1:A:86:THR:HG23	1	0.9
(1,976)	1:A:79:GLN:HB3	1:A:86:THR:HG21	2	0.9
(1,976)	1:A:79:GLN:HB3	1:A:86:THR:HG22	2	0.9
(1,976)	1:A:79:GLN:HB3	1:A:86:THR:HG23	2	0.9
(1,976)	1:A:79:GLN:HB3	1:A:86:THR:HG21	4	0.9

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,976)	1:A:79:GLN:HB3	1:A:86:THR:HG22	4	0.9
(1,976)	1:A:79:GLN:HB3	1:A:86:THR:HG23	4	0.9
(1,976)	1:A:79:GLN:HB3	1:A:86:THR:HG21	5	0.9
(1,976)	1:A:79:GLN:HB3	1:A:86:THR:HG22	5	0.9
(1,976)	1:A:79:GLN:HB3	1:A:86:THR:HG23	5	0.9
(1,971)	1:A:79:GLN:HA	1:A:86:THR:HG21	6	0.9
(1,971)	1:A:79:GLN:HA	1:A:86:THR:HG22	6	0.9
(1,971)	1:A:79:GLN:HA	1:A:86:THR:HG23	6	0.9
(1,897)	1:A:75:GLU:HG3	1:A:89:LEU:H	6	0.9
(1,528)	1:A:33:LYS:HG3	1:A:36:THR:HB	9	0.9
(1,316)	1:A:18:LEU:HD11	1:A:123:LEU:HG	6	0.9
(1,316)	1:A:18:LEU:HD12	1:A:123:LEU:HG	6	0.9
(1,316)	1:A:18:LEU:HD13	1:A:123:LEU:HG	6	0.9
(1,238)	1:A:14:ALA:HA	1:A:27:ILE:HD11	5	0.9
(1,238)	1:A:14:ALA:HA	1:A:27:ILE:HD12	5	0.9
(1,238)	1:A:14:ALA:HA	1:A:27:ILE:HD13	5	0.9
(1,1778)	1:A:149:ASN:HB2	1:A:151:ARG:HA	3	0.9
(1,1778)	1:A:149:ASN:HB3	1:A:151:ARG:HA	3	0.9
(1,1378)	1:A:114:VAL:HB	1:A:118:LYS:H	6	0.9
(1,1245)	1:A:104:VAL:HG11	1:A:108:MET:HG2	1	0.9
(1,1245)	1:A:104:VAL:HG11	1:A:108:MET:HG3	1	0.9
(1,1245)	1:A:104:VAL:HG12	1:A:108:MET:HG2	1	0.9
(1,1245)	1:A:104:VAL:HG12	1:A:108:MET:HG3	1	0.9
(1,1245)	1:A:104:VAL:HG13	1:A:108:MET:HG2	1	0.9
(1,1245)	1:A:104:VAL:HG13	1:A:108:MET:HG3	1	0.9
(1,1245)	1:A:104:VAL:HG21	1:A:108:MET:HG2	1	0.9
(1,1245)	1:A:104:VAL:HG21	1:A:108:MET:HG3	1	0.9
(1,1245)	1:A:104:VAL:HG22	1:A:108:MET:HG2	1	0.9
(1,1245)	1:A:104:VAL:HG22	1:A:108:MET:HG3	1	0.9
(1,1245)	1:A:104:VAL:HG23	1:A:108:MET:HG2	1	0.9
(1,1245)	1:A:104:VAL:HG23	1:A:108:MET:HG3	1	0.9
(1,935)	1:A:77:THR:HB	1:A:87:SER:H	10	0.89
(1,869)	1:A:75:GLU:H	1:A:146:LEU:HD11	9	0.89
(1,869)	1:A:75:GLU:H	1:A:146:LEU:HD12	9	0.89
(1,869)	1:A:75:GLU:H	1:A:146:LEU:HD13	9	0.89
(1,869)	1:A:75:GLU:H	1:A:146:LEU:HD21	9	0.89
(1,869)	1:A:75:GLU:H	1:A:146:LEU:HD22	9	0.89
(1,869)	1:A:75:GLU:H	1:A:146:LEU:HD23	9	0.89
(1,685)	1:A:54:VAL:HG11	1:A:138:ASP:HA	3	0.89
(1,685)	1:A:54:VAL:HG12	1:A:138:ASP:HA	3	0.89
(1,685)	1:A:54:VAL:HG13	1:A:138:ASP:HA	3	0.89
(1,685)	1:A:54:VAL:HG21	1:A:138:ASP:HA	3	0.89

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,685)	1:A:54:VAL:HG22	1:A:138:ASP:HA	3	0.89
(1,685)	1:A:54:VAL:HG23	1:A:138:ASP:HA	3	0.89
(1,684)	1:A:54:VAL:HG11	1:A:138:ASP:H	8	0.89
(1,684)	1:A:54:VAL:HG12	1:A:138:ASP:H	8	0.89
(1,684)	1:A:54:VAL:HG13	1:A:138:ASP:H	8	0.89
(1,684)	1:A:54:VAL:HG21	1:A:138:ASP:H	8	0.89
(1,684)	1:A:54:VAL:HG22	1:A:138:ASP:H	8	0.89
(1,684)	1:A:54:VAL:HG23	1:A:138:ASP:H	8	0.89
(1,59)	1:A:6:LYS:HB2	1:A:38:ILE:HD11	2	0.89
(1,59)	1:A:6:LYS:HB2	1:A:38:ILE:HD12	2	0.89
(1,59)	1:A:6:LYS:HB2	1:A:38:ILE:HD13	2	0.89
(1,59)	1:A:6:LYS:HB3	1:A:38:ILE:HD11	2	0.89
(1,59)	1:A:6:LYS:HB3	1:A:38:ILE:HD12	2	0.89
(1,59)	1:A:6:LYS:HB3	1:A:38:ILE:HD13	2	0.89
(1,525)	1:A:33:LYS:HG2	1:A:36:THR:HG21	7	0.89
(1,525)	1:A:33:LYS:HG2	1:A:36:THR:HG22	7	0.89
(1,525)	1:A:33:LYS:HG2	1:A:36:THR:HG23	7	0.89
(1,516)	1:A:32:ASP:HB2	1:A:37:ALA:H	8	0.89
(1,327)	1:A:18:LEU:HD21	1:A:73:ASP:HA	4	0.89
(1,327)	1:A:18:LEU:HD22	1:A:73:ASP:HA	4	0.89
(1,327)	1:A:18:LEU:HD23	1:A:73:ASP:HA	4	0.89
(1,1788)	1:A:150:GLN:HB2	1:A:152:ILE:H	3	0.89
(1,1670)	1:A:141:SER:HB3	1:A:145:ASP:HA	5	0.89
(1,1593)	1:A:135:SER:HB2	1:A:140:LYS:HD2	4	0.89
(1,1593)	1:A:135:SER:HB2	1:A:140:LYS:HD3	4	0.89
(1,1593)	1:A:135:SER:HB3	1:A:140:LYS:HD2	4	0.89
(1,1593)	1:A:135:SER:HB3	1:A:140:LYS:HD3	4	0.89
(1,14)	1:A:3:SER:H	1:A:113:SER:HA	3	0.89
(1,1306)	1:A:108:MET:HG2	1:A:112:SER:HB2	5	0.89
(1,1306)	1:A:108:MET:HG2	1:A:112:SER:HB3	5	0.89
(1,1306)	1:A:108:MET:HG3	1:A:112:SER:HB2	5	0.89
(1,1306)	1:A:108:MET:HG3	1:A:112:SER:HB3	5	0.89
(1,1196)	1:A:100:ASP:HA	1:A:132:SER:HB3	2	0.89
(1,1145)	1:A:95:VAL:HG11	1:A:131:ALA:HA	7	0.89
(1,1145)	1:A:95:VAL:HG12	1:A:131:ALA:HA	7	0.89
(1,1145)	1:A:95:VAL:HG13	1:A:131:ALA:HA	7	0.89
(1,1145)	1:A:95:VAL:HG21	1:A:131:ALA:HA	7	0.89
(1,1145)	1:A:95:VAL:HG22	1:A:131:ALA:HA	7	0.89
(1,1145)	1:A:95:VAL:HG23	1:A:131:ALA:HA	7	0.89
(1,1120)	1:A:94:PHE:HA	1:A:128:GLN:HB2	5	0.89
(1,1120)	1:A:94:PHE:HA	1:A:128:GLN:HB3	5	0.89
(1,962)	1:A:78:VAL:HG11	1:A:87:SER:HB2	8	0.88

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,962)	1:A:78:VAL:HG11	1:A:87:SER:HB3	8	0.88
(1,962)	1:A:78:VAL:HG12	1:A:87:SER:HB2	8	0.88
(1,962)	1:A:78:VAL:HG12	1:A:87:SER:HB3	8	0.88
(1,962)	1:A:78:VAL:HG13	1:A:87:SER:HB2	8	0.88
(1,962)	1:A:78:VAL:HG13	1:A:87:SER:HB3	8	0.88
(1,962)	1:A:78:VAL:HG21	1:A:87:SER:HB2	8	0.88
(1,962)	1:A:78:VAL:HG21	1:A:87:SER:HB3	8	0.88
(1,962)	1:A:78:VAL:HG22	1:A:87:SER:HB2	8	0.88
(1,962)	1:A:78:VAL:HG22	1:A:87:SER:HB3	8	0.88
(1,962)	1:A:78:VAL:HG23	1:A:87:SER:HB2	8	0.88
(1,962)	1:A:78:VAL:HG23	1:A:87:SER:HB3	8	0.88
(1,907)	1:A:76:VAL:H	1:A:88:THR:HB	6	0.88
(1,893)	1:A:75:GLU:HG2	1:A:90:ASN:HB2	7	0.88
(1,893)	1:A:75:GLU:HG2	1:A:90:ASN:HB3	7	0.88
(1,621)	1:A:50:TYR:HB2	1:A:143:LYS:HG2	5	0.88
(1,621)	1:A:50:TYR:HB2	1:A:143:LYS:HG3	5	0.88
(1,621)	1:A:50:TYR:HB3	1:A:143:LYS:HG2	5	0.88
(1,621)	1:A:50:TYR:HB3	1:A:143:LYS:HG3	5	0.88
(1,621)	1:A:50:TYR:HB2	1:A:143:LYS:HG2	8	0.88
(1,621)	1:A:50:TYR:HB2	1:A:143:LYS:HG3	8	0.88
(1,621)	1:A:50:TYR:HB3	1:A:143:LYS:HG2	8	0.88
(1,621)	1:A:50:TYR:HB3	1:A:143:LYS:HG3	8	0.88
(1,578)	1:A:42:LYS:HD2	1:A:56:GLU:HB2	2	0.88
(1,578)	1:A:42:LYS:HD2	1:A:56:GLU:HB3	2	0.88
(1,578)	1:A:42:LYS:HD3	1:A:56:GLU:HB2	2	0.88
(1,578)	1:A:42:LYS:HD3	1:A:56:GLU:HB3	2	0.88
(1,523)	1:A:33:LYS:HG2	1:A:36:THR:HA	4	0.88
(1,502)	1:A:31:ILE:HD11	1:A:109:LEU:HA	2	0.88
(1,502)	1:A:31:ILE:HD12	1:A:109:LEU:HA	2	0.88
(1,502)	1:A:31:ILE:HD13	1:A:109:LEU:HA	2	0.88
(1,482)	1:A:30:LYS:HB2	1:A:41:GLU:HG2	2	0.88
(1,482)	1:A:30:LYS:HB2	1:A:41:GLU:HG3	2	0.88
(1,482)	1:A:30:LYS:HB3	1:A:41:GLU:HG2	2	0.88
(1,482)	1:A:30:LYS:HB3	1:A:41:GLU:HG3	2	0.88
(1,434)	1:A:28:ILE:HB	1:A:41:GLU:HA	8	0.88
(1,237)	1:A:14:ALA:HA	1:A:18:LEU:H	2	0.88
(1,1779)	1:A:149:ASN:HB2	1:A:152:ILE:H	9	0.88
(1,1779)	1:A:149:ASN:HB3	1:A:152:ILE:H	9	0.88
(1,1775)	1:A:149:ASN:HB3	1:A:152:ILE:HG21	7	0.88
(1,1775)	1:A:149:ASN:HB3	1:A:152:ILE:HG22	7	0.88
(1,1775)	1:A:149:ASN:HB3	1:A:152:ILE:HG23	7	0.88
(1,1726)	1:A:144:SER:HB3	1:A:146:LEU:H	6	0.88

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,1196)	1:A:100:ASP:HA	1:A:132:SER:HB3	4	0.88
(1,1196)	1:A:100:ASP:HA	1:A:132:SER:HB3	6	0.88
(1,118)	1:A:8:ASP:H	1:A:39:VAL:HG11	5	0.88
(1,118)	1:A:8:ASP:H	1:A:39:VAL:HG12	5	0.88
(1,118)	1:A:8:ASP:H	1:A:39:VAL:HG13	5	0.88
(1,118)	1:A:8:ASP:H	1:A:39:VAL:HG21	5	0.88
(1,118)	1:A:8:ASP:H	1:A:39:VAL:HG22	5	0.88
(1,118)	1:A:8:ASP:H	1:A:39:VAL:HG23	5	0.88
(1,1173)	1:A:98:CYS:HB2	1:A:107:ARG:HD2	8	0.88
(1,1173)	1:A:98:CYS:HB2	1:A:107:ARG:HD3	8	0.88
(1,1173)	1:A:98:CYS:HB3	1:A:107:ARG:HD2	8	0.88
(1,1173)	1:A:98:CYS:HB3	1:A:107:ARG:HD3	8	0.88
(1,962)	1:A:78:VAL:HG11	1:A:87:SER:HB2	7	0.87
(1,962)	1:A:78:VAL:HG11	1:A:87:SER:HB3	7	0.87
(1,962)	1:A:78:VAL:HG12	1:A:87:SER:HB2	7	0.87
(1,962)	1:A:78:VAL:HG12	1:A:87:SER:HB3	7	0.87
(1,962)	1:A:78:VAL:HG13	1:A:87:SER:HB2	7	0.87
(1,962)	1:A:78:VAL:HG13	1:A:87:SER:HB3	7	0.87
(1,962)	1:A:78:VAL:HG21	1:A:87:SER:HB2	7	0.87
(1,962)	1:A:78:VAL:HG21	1:A:87:SER:HB3	7	0.87
(1,962)	1:A:78:VAL:HG22	1:A:87:SER:HB2	7	0.87
(1,962)	1:A:78:VAL:HG22	1:A:87:SER:HB3	7	0.87
(1,962)	1:A:78:VAL:HG23	1:A:87:SER:HB2	7	0.87
(1,962)	1:A:78:VAL:HG23	1:A:87:SER:HB3	7	0.87
(1,897)	1:A:75:GLU:HG3	1:A:89:LEU:H	7	0.87
(1,891)	1:A:75:GLU:HG2	1:A:89:LEU:H	9	0.87
(1,869)	1:A:75:GLU:H	1:A:146:LEU:HD11	6	0.87
(1,869)	1:A:75:GLU:H	1:A:146:LEU:HD12	6	0.87
(1,869)	1:A:75:GLU:H	1:A:146:LEU:HD13	6	0.87
(1,869)	1:A:75:GLU:H	1:A:146:LEU:HD21	6	0.87
(1,869)	1:A:75:GLU:H	1:A:146:LEU:HD22	6	0.87
(1,869)	1:A:75:GLU:H	1:A:146:LEU:HD23	6	0.87
(1,527)	1:A:33:LYS:HG3	1:A:36:THR:HA	4	0.87
(1,508)	1:A:31:ILE:HG12	1:A:109:LEU:HD11	4	0.87
(1,508)	1:A:31:ILE:HG12	1:A:109:LEU:HD12	4	0.87
(1,508)	1:A:31:ILE:HG12	1:A:109:LEU:HD13	4	0.87
(1,508)	1:A:31:ILE:HG12	1:A:109:LEU:HD21	4	0.87
(1,508)	1:A:31:ILE:HG12	1:A:109:LEU:HD22	4	0.87
(1,508)	1:A:31:ILE:HG12	1:A:109:LEU:HD23	4	0.87
(1,508)	1:A:31:ILE:HG13	1:A:109:LEU:HD11	4	0.87
(1,508)	1:A:31:ILE:HG13	1:A:109:LEU:HD12	4	0.87
(1,508)	1:A:31:ILE:HG13	1:A:109:LEU:HD13	4	0.87

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,508)	1:A:31:ILE:HG13	1:A:109:LEU:HD21	4	0.87
(1,508)	1:A:31:ILE:HG13	1:A:109:LEU:HD22	4	0.87
(1,508)	1:A:31:ILE:HG13	1:A:109:LEU:HD23	4	0.87
(1,1785)	1:A:150:GLN:H	1:A:151:ARG:H	4	0.87
(1,1780)	1:A:149:ASN:HB2	1:A:152:ILE:HD11	10	0.87
(1,1780)	1:A:149:ASN:HB2	1:A:152:ILE:HD12	10	0.87
(1,1780)	1:A:149:ASN:HB2	1:A:152:ILE:HD13	10	0.87
(1,1780)	1:A:149:ASN:HB3	1:A:152:ILE:HD11	10	0.87
(1,1780)	1:A:149:ASN:HB3	1:A:152:ILE:HD12	10	0.87
(1,1780)	1:A:149:ASN:HB3	1:A:152:ILE:HD13	10	0.87
(1,1555)	1:A:132:SER:H	1:A:136:ASP:HA	5	0.87
(1,1550)	1:A:131:ALA:HA	1:A:136:ASP:HA	1	0.87
(1,1443)	1:A:118:LYS:HE3	1:A:119:ALA:H	4	0.87
(1,14)	1:A:3:SER:H	1:A:113:SER:HA	10	0.87
(1,112)	1:A:8:ASP:H	1:A:11:CYS:HB2	3	0.87
(1,112)	1:A:8:ASP:H	1:A:11:CYS:HB3	3	0.87
(3,9)	1:A:26:TYR:H	1:A:44:GLY:O	8	0.86
(1,962)	1:A:78:VAL:HG11	1:A:87:SER:HB2	4	0.86
(1,962)	1:A:78:VAL:HG11	1:A:87:SER:HB3	4	0.86
(1,962)	1:A:78:VAL:HG12	1:A:87:SER:HB2	4	0.86
(1,962)	1:A:78:VAL:HG12	1:A:87:SER:HB3	4	0.86
(1,962)	1:A:78:VAL:HG13	1:A:87:SER:HB2	4	0.86
(1,962)	1:A:78:VAL:HG13	1:A:87:SER:HB3	4	0.86
(1,962)	1:A:78:VAL:HG21	1:A:87:SER:HB2	4	0.86
(1,962)	1:A:78:VAL:HG21	1:A:87:SER:HB3	4	0.86
(1,962)	1:A:78:VAL:HG22	1:A:87:SER:HB2	4	0.86
(1,962)	1:A:78:VAL:HG22	1:A:87:SER:HB3	4	0.86
(1,962)	1:A:78:VAL:HG23	1:A:87:SER:HB2	4	0.86
(1,962)	1:A:78:VAL:HG23	1:A:87:SER:HB3	4	0.86
(1,57)	1:A:6:LYS:HB2	1:A:37:ALA:HA	10	0.86
(1,57)	1:A:6:LYS:HB3	1:A:37:ALA:HA	10	0.86
(1,529)	1:A:33:LYS:HG3	1:A:36:THR:HG21	7	0.86
(1,529)	1:A:33:LYS:HG3	1:A:36:THR:HG22	7	0.86
(1,529)	1:A:33:LYS:HG3	1:A:36:THR:HG23	7	0.86
(1,525)	1:A:33:LYS:HG2	1:A:36:THR:HG21	4	0.86
(1,525)	1:A:33:LYS:HG2	1:A:36:THR:HG22	4	0.86
(1,525)	1:A:33:LYS:HG2	1:A:36:THR:HG23	4	0.86
(1,517)	1:A:32:ASP:HB2	1:A:37:ALA:HB1	4	0.86
(1,517)	1:A:32:ASP:HB2	1:A:37:ALA:HB2	4	0.86
(1,517)	1:A:32:ASP:HB2	1:A:37:ALA:HB3	4	0.86
(1,498)	1:A:31:ILE:HG13	1:A:38:ILE:HA	3	0.86
(1,492)	1:A:31:ILE:HG12	1:A:109:LEU:HD11	9	0.86

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,492)	1:A:31:ILE:HG12	1:A:109:LEU:HD12	9	0.86
(1,492)	1:A:31:ILE:HG12	1:A:109:LEU:HD13	9	0.86
(1,492)	1:A:31:ILE:HG12	1:A:109:LEU:HD21	9	0.86
(1,492)	1:A:31:ILE:HG12	1:A:109:LEU:HD22	9	0.86
(1,492)	1:A:31:ILE:HG12	1:A:109:LEU:HD23	9	0.86
(1,454)	1:A:28:ILE:HG12	1:A:41:GLU:HG2	8	0.86
(1,454)	1:A:28:ILE:HG12	1:A:41:GLU:HG3	8	0.86
(1,454)	1:A:28:ILE:HG13	1:A:41:GLU:HG2	8	0.86
(1,454)	1:A:28:ILE:HG13	1:A:41:GLU:HG3	8	0.86
(1,34)	1:A:5:VAL:HB	1:A:7:VAL:HG11	8	0.86
(1,34)	1:A:5:VAL:HB	1:A:7:VAL:HG12	8	0.86
(1,34)	1:A:5:VAL:HB	1:A:7:VAL:HG13	8	0.86
(1,34)	1:A:5:VAL:HB	1:A:7:VAL:HG21	8	0.86
(1,34)	1:A:5:VAL:HB	1:A:7:VAL:HG22	8	0.86
(1,34)	1:A:5:VAL:HB	1:A:7:VAL:HG23	8	0.86
(1,314)	1:A:18:LEU:HB2	1:A:71:ALA:HB1	2	0.86
(1,314)	1:A:18:LEU:HB2	1:A:71:ALA:HB2	2	0.86
(1,314)	1:A:18:LEU:HB2	1:A:71:ALA:HB3	2	0.86
(1,314)	1:A:18:LEU:HB3	1:A:71:ALA:HB1	2	0.86
(1,314)	1:A:18:LEU:HB3	1:A:71:ALA:HB2	2	0.86
(1,314)	1:A:18:LEU:HB3	1:A:71:ALA:HB3	2	0.86
(1,1576)	1:A:134:MET:HA	1:A:138:ASP:H	5	0.86
(1,1065)	1:A:91:LYS:HE3	1:A:150:GLN:H	3	0.86
(1,706)	1:A:55:GLU:HA	1:A:59:LYS:HD2	5	0.85
(1,706)	1:A:55:GLU:HA	1:A:59:LYS:HD3	5	0.85
(1,495)	1:A:31:ILE:HG12	1:A:38:ILE:HD11	1	0.85
(1,495)	1:A:31:ILE:HG12	1:A:38:ILE:HD12	1	0.85
(1,495)	1:A:31:ILE:HG12	1:A:38:ILE:HD13	1	0.85
(1,434)	1:A:28:ILE:HB	1:A:41:GLU:HA	9	0.85
(1,382)	1:A:26:TYR:HB3	1:A:72:VAL:HA	6	0.85
(1,245)	1:A:14:ALA:HB1	1:A:40:VAL:HB	1	0.85
(1,245)	1:A:14:ALA:HB2	1:A:40:VAL:HB	1	0.85
(1,245)	1:A:14:ALA:HB3	1:A:40:VAL:HB	1	0.85
(1,1781)	1:A:149:ASN:HB2	1:A:152:ILE:HG21	10	0.85
(1,1781)	1:A:149:ASN:HB2	1:A:152:ILE:HG22	10	0.85
(1,1781)	1:A:149:ASN:HB2	1:A:152:ILE:HG23	10	0.85
(1,1781)	1:A:149:ASN:HB3	1:A:152:ILE:HG21	10	0.85
(1,1781)	1:A:149:ASN:HB3	1:A:152:ILE:HG22	10	0.85
(1,1781)	1:A:149:ASN:HB3	1:A:152:ILE:HG23	10	0.85
(1,1670)	1:A:141:SER:HB3	1:A:145:ASP:HA	2	0.85
(1,1670)	1:A:141:SER:HB3	1:A:145:ASP:HA	3	0.85
(1,1593)	1:A:135:SER:HB2	1:A:140:LYS:HD2	1	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,1593)	1:A:135:SER:HB2	1:A:140:LYS:HD3	1	0.85
(1,1593)	1:A:135:SER:HB3	1:A:140:LYS:HD2	1	0.85
(1,1593)	1:A:135:SER:HB3	1:A:140:LYS:HD3	1	0.85
(1,1576)	1:A:134:MET:HA	1:A:138:ASP:H	2	0.85
(1,1171)	1:A:97:TYR:HB2	1:A:131:ALA:HB1	7	0.85
(1,1171)	1:A:97:TYR:HB2	1:A:131:ALA:HB2	7	0.85
(1,1171)	1:A:97:TYR:HB2	1:A:131:ALA:HB3	7	0.85
(1,1171)	1:A:97:TYR:HB3	1:A:131:ALA:HB1	7	0.85
(1,1171)	1:A:97:TYR:HB3	1:A:131:ALA:HB2	7	0.85
(1,1171)	1:A:97:TYR:HB3	1:A:131:ALA:HB3	7	0.85
(1,971)	1:A:79:GLN:HA	1:A:86:THR:HG21	10	0.84
(1,971)	1:A:79:GLN:HA	1:A:86:THR:HG22	10	0.84
(1,971)	1:A:79:GLN:HA	1:A:86:THR:HG23	10	0.84
(1,77)	1:A:7:VAL:HB	1:A:38:ILE:HD11	10	0.84
(1,77)	1:A:7:VAL:HB	1:A:38:ILE:HD12	10	0.84
(1,77)	1:A:7:VAL:HB	1:A:38:ILE:HD13	10	0.84
(1,594)	1:A:45:GLU:HG2	1:A:48:ALA:HB1	1	0.84
(1,594)	1:A:45:GLU:HG2	1:A:48:ALA:HB2	1	0.84
(1,594)	1:A:45:GLU:HG2	1:A:48:ALA:HB3	1	0.84
(1,594)	1:A:45:GLU:HG3	1:A:48:ALA:HB1	1	0.84
(1,594)	1:A:45:GLU:HG3	1:A:48:ALA:HB2	1	0.84
(1,594)	1:A:45:GLU:HG3	1:A:48:ALA:HB3	1	0.84
(1,594)	1:A:45:GLU:HG2	1:A:48:ALA:HB1	1	0.84
(1,594)	1:A:45:GLU:HG2	1:A:48:ALA:HB2	1	0.84
(1,594)	1:A:45:GLU:HG2	1:A:48:ALA:HB3	1	0.84
(1,594)	1:A:45:GLU:HG3	1:A:48:ALA:HB1	1	0.84
(1,594)	1:A:45:GLU:HG3	1:A:48:ALA:HB2	1	0.84
(1,594)	1:A:45:GLU:HG3	1:A:48:ALA:HB3	1	0.84
(1,574)	1:A:42:LYS:HA	1:A:56:GLU:HB2	8	0.84
(1,574)	1:A:42:LYS:HA	1:A:56:GLU:HB3	8	0.84
(1,498)	1:A:31:ILE:HG13	1:A:38:ILE:HA	7	0.84
(1,182)	1:A:11:CYS:HB2	1:A:121:LEU:HD11	7	0.84
(1,182)	1:A:11:CYS:HB2	1:A:121:LEU:HD12	7	0.84
(1,182)	1:A:11:CYS:HB2	1:A:121:LEU:HD13	7	0.84
(1,182)	1:A:11:CYS:HB2	1:A:121:LEU:HD21	7	0.84
(1,182)	1:A:11:CYS:HB2	1:A:121:LEU:HD22	7	0.84
(1,182)	1:A:11:CYS:HB2	1:A:121:LEU:HD23	7	0.84
(1,182)	1:A:11:CYS:HB3	1:A:121:LEU:HD11	7	0.84
(1,182)	1:A:11:CYS:HB3	1:A:121:LEU:HD12	7	0.84
(1,182)	1:A:11:CYS:HB3	1:A:121:LEU:HD13	7	0.84
(1,182)	1:A:11:CYS:HB3	1:A:121:LEU:HD21	7	0.84
(1,182)	1:A:11:CYS:HB3	1:A:121:LEU:HD22	7	0.84

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,182)	1:A:11:CYS:HB3	1:A:121:LEU:HD23	7	0.84
(1,1778)	1:A:149:ASN:HB2	1:A:151:ARG:HA	5	0.84
(1,1778)	1:A:149:ASN:HB3	1:A:151:ARG:HA	5	0.84
(1,1726)	1:A:144:SER:HB3	1:A:146:LEU:H	2	0.84
(1,1670)	1:A:141:SER:HB3	1:A:145:ASP:HA	10	0.84
(1,935)	1:A:77:THR:HB	1:A:87:SER:H	5	0.83
(1,706)	1:A:55:GLU:HA	1:A:59:LYS:HD2	1	0.83
(1,706)	1:A:55:GLU:HA	1:A:59:LYS:HD3	1	0.83
(1,606)	1:A:49:PRO:HB3	1:A:52:GLU:H	10	0.83
(1,529)	1:A:33:LYS:HG3	1:A:36:THR:HG21	4	0.83
(1,529)	1:A:33:LYS:HG3	1:A:36:THR:HG22	4	0.83
(1,529)	1:A:33:LYS:HG3	1:A:36:THR:HG23	4	0.83
(1,525)	1:A:33:LYS:HG2	1:A:36:THR:HG21	1	0.83
(1,525)	1:A:33:LYS:HG2	1:A:36:THR:HG22	1	0.83
(1,525)	1:A:33:LYS:HG2	1:A:36:THR:HG23	1	0.83
(1,511)	1:A:31:ILE:HG21	1:A:109:LEU:HG	1	0.83
(1,511)	1:A:31:ILE:HG22	1:A:109:LEU:HG	1	0.83
(1,511)	1:A:31:ILE:HG23	1:A:109:LEU:HG	1	0.83
(1,509)	1:A:31:ILE:HG21	1:A:109:LEU:H	9	0.83
(1,509)	1:A:31:ILE:HG22	1:A:109:LEU:H	9	0.83
(1,509)	1:A:31:ILE:HG23	1:A:109:LEU:H	9	0.83
(1,482)	1:A:30:LYS:HB2	1:A:41:GLU:HG2	9	0.83
(1,482)	1:A:30:LYS:HB2	1:A:41:GLU:HG3	9	0.83
(1,482)	1:A:30:LYS:HB3	1:A:41:GLU:HG2	9	0.83
(1,482)	1:A:30:LYS:HB3	1:A:41:GLU:HG3	9	0.83
(1,1772)	1:A:149:ASN:HB2	1:A:152:ILE:HG21	8	0.83
(1,1772)	1:A:149:ASN:HB2	1:A:152:ILE:HG22	8	0.83
(1,1772)	1:A:149:ASN:HB2	1:A:152:ILE:HG23	8	0.83
(1,1670)	1:A:141:SER:HB3	1:A:145:ASP:HA	1	0.83
(1,1670)	1:A:141:SER:HB3	1:A:145:ASP:HA	6	0.83
(1,1670)	1:A:141:SER:HB3	1:A:145:ASP:HA	8	0.83
(1,1664)	1:A:141:SER:HA	1:A:143:LYS:H	6	0.83
(1,1442)	1:A:118:LYS:HE2	1:A:121:LEU:H	8	0.83
(1,1240)	1:A:104:VAL:HG11	1:A:107:ARG:HA	4	0.83
(1,1240)	1:A:104:VAL:HG12	1:A:107:ARG:HA	4	0.83
(1,1240)	1:A:104:VAL:HG13	1:A:107:ARG:HA	4	0.83
(1,1240)	1:A:104:VAL:HG21	1:A:107:ARG:HA	4	0.83
(1,1240)	1:A:104:VAL:HG22	1:A:107:ARG:HA	4	0.83
(1,1240)	1:A:104:VAL:HG23	1:A:107:ARG:HA	4	0.83
(1,1187)	1:A:99:PRO:HG2	1:A:132:SER:HB3	9	0.83
(1,1107)	1:A:93:ILE:HG21	1:A:146:LEU:HA	4	0.83
(1,1107)	1:A:93:ILE:HG22	1:A:146:LEU:HA	4	0.83

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,1107)	1:A:93:ILE:HG23	1:A:146:LEU:HA	4	0.83
(1,974)	1:A:79:GLN:HB2	1:A:86:THR:HG21	6	0.82
(1,974)	1:A:79:GLN:HB2	1:A:86:THR:HG22	6	0.82
(1,974)	1:A:79:GLN:HB2	1:A:86:THR:HG23	6	0.82
(1,97)	1:A:7:VAL:HG11	1:A:116:ALA:H	10	0.82
(1,97)	1:A:7:VAL:HG12	1:A:116:ALA:H	10	0.82
(1,97)	1:A:7:VAL:HG13	1:A:116:ALA:H	10	0.82
(1,97)	1:A:7:VAL:HG21	1:A:116:ALA:H	10	0.82
(1,97)	1:A:7:VAL:HG22	1:A:116:ALA:H	10	0.82
(1,97)	1:A:7:VAL:HG23	1:A:116:ALA:H	10	0.82
(1,910)	1:A:76:VAL:HA	1:A:147:MET:HG2	9	0.82
(1,910)	1:A:76:VAL:HA	1:A:147:MET:HG3	9	0.82
(1,890)	1:A:75:GLU:HG2	1:A:88:THR:HG21	2	0.82
(1,890)	1:A:75:GLU:HG2	1:A:88:THR:HG22	2	0.82
(1,890)	1:A:75:GLU:HG2	1:A:88:THR:HG23	2	0.82
(1,884)	1:A:75:GLU:HB3	1:A:88:THR:HA	1	0.82
(1,70)	1:A:7:VAL:HA	1:A:38:ILE:HG21	8	0.82
(1,70)	1:A:7:VAL:HA	1:A:38:ILE:HG22	8	0.82
(1,70)	1:A:7:VAL:HA	1:A:38:ILE:HG23	8	0.82
(1,686)	1:A:54:VAL:HG11	1:A:138:ASP:HB2	9	0.82
(1,686)	1:A:54:VAL:HG11	1:A:138:ASP:HB3	9	0.82
(1,686)	1:A:54:VAL:HG12	1:A:138:ASP:HB2	9	0.82
(1,686)	1:A:54:VAL:HG12	1:A:138:ASP:HB3	9	0.82
(1,686)	1:A:54:VAL:HG13	1:A:138:ASP:HB2	9	0.82
(1,686)	1:A:54:VAL:HG13	1:A:138:ASP:HB3	9	0.82
(1,686)	1:A:54:VAL:HG21	1:A:138:ASP:HB2	9	0.82
(1,686)	1:A:54:VAL:HG21	1:A:138:ASP:HB3	9	0.82
(1,686)	1:A:54:VAL:HG22	1:A:138:ASP:HB2	9	0.82
(1,686)	1:A:54:VAL:HG22	1:A:138:ASP:HB3	9	0.82
(1,686)	1:A:54:VAL:HG23	1:A:138:ASP:HB2	9	0.82
(1,686)	1:A:54:VAL:HG23	1:A:138:ASP:HB3	9	0.82
(1,1778)	1:A:149:ASN:HB2	1:A:151:ARG:HA	8	0.82
(1,1778)	1:A:149:ASN:HB3	1:A:151:ARG:HA	8	0.82
(1,1721)	1:A:144:SER:HA	1:A:148:SER:H	9	0.82
(1,1670)	1:A:141:SER:HB3	1:A:145:ASP:HA	9	0.82
(1,1664)	1:A:141:SER:HA	1:A:143:LYS:H	5	0.82
(1,1387)	1:A:114:VAL:HG11	1:A:117:LEU:HB2	5	0.82
(1,1387)	1:A:114:VAL:HG11	1:A:117:LEU:HB3	5	0.82
(1,1387)	1:A:114:VAL:HG12	1:A:117:LEU:HB2	5	0.82
(1,1387)	1:A:114:VAL:HG12	1:A:117:LEU:HB3	5	0.82
(1,1387)	1:A:114:VAL:HG13	1:A:117:LEU:HB2	5	0.82
(1,1387)	1:A:114:VAL:HG13	1:A:117:LEU:HB3	5	0.82

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,1387)	1:A:114:VAL:HG21	1:A:117:LEU:HB2	5	0.82
(1,1387)	1:A:114:VAL:HG21	1:A:117:LEU:HB3	5	0.82
(1,1387)	1:A:114:VAL:HG22	1:A:117:LEU:HB2	5	0.82
(1,1387)	1:A:114:VAL:HG22	1:A:117:LEU:HB3	5	0.82
(1,1387)	1:A:114:VAL:HG23	1:A:117:LEU:HB2	5	0.82
(1,1387)	1:A:114:VAL:HG23	1:A:117:LEU:HB3	5	0.82
(1,1362)	1:A:113:SER:HA	1:A:117:LEU:HD11	2	0.82
(1,1362)	1:A:113:SER:HA	1:A:117:LEU:HD12	2	0.82
(1,1362)	1:A:113:SER:HA	1:A:117:LEU:HD13	2	0.82
(1,1362)	1:A:113:SER:HA	1:A:117:LEU:HD21	2	0.82
(1,1362)	1:A:113:SER:HA	1:A:117:LEU:HD22	2	0.82
(1,1362)	1:A:113:SER:HA	1:A:117:LEU:HD23	2	0.82
(1,1333)	1:A:110:TYR:HA	1:A:114:VAL:H	10	0.82
(1,123)	1:A:8:ASP:HB2	1:A:39:VAL:HA	8	0.82
(1,1120)	1:A:94:PHE:HA	1:A:128:GLN:HB2	8	0.82
(1,1120)	1:A:94:PHE:HA	1:A:128:GLN:HB3	8	0.82
(1,610)	1:A:49:PRO:HG2	1:A:51:ALA:HB1	9	0.81
(1,610)	1:A:49:PRO:HG2	1:A:51:ALA:HB2	9	0.81
(1,610)	1:A:49:PRO:HG2	1:A:51:ALA:HB3	9	0.81
(1,610)	1:A:49:PRO:HG3	1:A:51:ALA:HB1	9	0.81
(1,610)	1:A:49:PRO:HG3	1:A:51:ALA:HB2	9	0.81
(1,610)	1:A:49:PRO:HG3	1:A:51:ALA:HB3	9	0.81
(1,527)	1:A:33:LYS:HG3	1:A:36:THR:HA	3	0.81
(1,498)	1:A:31:ILE:HG13	1:A:38:ILE:HA	4	0.81
(1,474)	1:A:30:LYS:HA	1:A:41:GLU:HG2	2	0.81
(1,474)	1:A:30:LYS:HA	1:A:41:GLU:HG3	2	0.81
(1,474)	1:A:30:LYS:HA	1:A:41:GLU:HG2	3	0.81
(1,474)	1:A:30:LYS:HA	1:A:41:GLU:HG3	3	0.81
(1,316)	1:A:18:LEU:HD11	1:A:123:LEU:HG	5	0.81
(1,316)	1:A:18:LEU:HD12	1:A:123:LEU:HG	5	0.81
(1,316)	1:A:18:LEU:HD13	1:A:123:LEU:HG	5	0.81
(1,1744)	1:A:146:LEU:HA	1:A:150:GLN:HA	10	0.81
(1,1651)	1:A:140:LYS:HD3	1:A:142:VAL:H	6	0.81
(1,158)	1:A:10:SER:HB3	1:A:12:LYS:H	10	0.81
(1,1442)	1:A:118:LYS:HE2	1:A:121:LEU:H	2	0.81
(1,1442)	1:A:118:LYS:HE2	1:A:121:LEU:H	5	0.81
(1,138)	1:A:8:ASP:HB2	1:A:9:PRO:HB2	1	0.81
(1,138)	1:A:8:ASP:HB2	1:A:9:PRO:HB3	1	0.81
(1,138)	1:A:8:ASP:HB3	1:A:9:PRO:HB2	1	0.81
(1,138)	1:A:8:ASP:HB3	1:A:9:PRO:HB3	1	0.81
(1,1344)	1:A:111:ALA:HA	1:A:115:ARG:H	9	0.81
(1,1316)	1:A:109:LEU:HA	1:A:113:SER:H	9	0.81

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,124)	1:A:8:ASP:HB2	1:A:39:VAL:HB	3	0.81
(1,936)	1:A:77:THR:HB	1:A:88:THR:HA	9	0.8
(1,884)	1:A:75:GLU:HB3	1:A:88:THR:HA	4	0.8
(1,884)	1:A:75:GLU:HB3	1:A:88:THR:HA	5	0.8
(1,621)	1:A:50:TYR:HB2	1:A:143:LYS:HG2	7	0.8
(1,621)	1:A:50:TYR:HB2	1:A:143:LYS:HG3	7	0.8
(1,621)	1:A:50:TYR:HB3	1:A:143:LYS:HG2	7	0.8
(1,621)	1:A:50:TYR:HB3	1:A:143:LYS:HG3	7	0.8
(1,527)	1:A:33:LYS:HG3	1:A:36:THR:HA	7	0.8
(1,499)	1:A:31:ILE:HG13	1:A:38:ILE:HB	7	0.8
(1,429)	1:A:28:ILE:H	1:A:42:LYS:HG2	6	0.8
(1,429)	1:A:28:ILE:H	1:A:42:LYS:HG3	6	0.8
(1,367)	1:A:25:SER:HA	1:A:73:ASP:HB2	8	0.8
(1,367)	1:A:25:SER:HA	1:A:73:ASP:HB3	8	0.8
(1,367)	1:A:25:SER:HA	1:A:73:ASP:HB2	8	0.8
(1,367)	1:A:25:SER:HA	1:A:73:ASP:HB3	8	0.8
(1,1773)	1:A:149:ASN:HB3	1:A:151:ARG:HA	2	0.8
(1,1744)	1:A:146:LEU:HA	1:A:150:GLN:HA	1	0.8
(1,1664)	1:A:141:SER:HA	1:A:143:LYS:H	10	0.8
(1,1443)	1:A:118:LYS:HE3	1:A:119:ALA:H	9	0.8
(1,1442)	1:A:118:LYS:HE2	1:A:121:LEU:H	1	0.8
(1,1442)	1:A:118:LYS:HE2	1:A:121:LEU:H	3	0.8
(1,1442)	1:A:118:LYS:HE2	1:A:121:LEU:H	7	0.8
(1,1303)	1:A:108:MET:HG3	1:A:112:SER:H	7	0.8
(1,1187)	1:A:99:PRO:HG2	1:A:132:SER:HB3	5	0.8
(1,1117)	1:A:94:PHE:HA	1:A:128:GLN:HA	10	0.8
(1,968)	1:A:79:GLN:HA	1:A:85:GLY:H	5	0.79
(1,935)	1:A:77:THR:HB	1:A:87:SER:H	6	0.79
(1,91)	1:A:7:VAL:HG21	1:A:120:SER:HA	1	0.79
(1,91)	1:A:7:VAL:HG22	1:A:120:SER:HA	1	0.79
(1,91)	1:A:7:VAL:HG23	1:A:120:SER:HA	1	0.79
(1,91)	1:A:7:VAL:HG21	1:A:120:SER:HA	9	0.79
(1,91)	1:A:7:VAL:HG22	1:A:120:SER:HA	9	0.79
(1,91)	1:A:7:VAL:HG23	1:A:120:SER:HA	9	0.79
(1,692)	1:A:54:VAL:HG11	1:A:58:LYS:HE2	3	0.79
(1,692)	1:A:54:VAL:HG11	1:A:58:LYS:HE3	3	0.79
(1,692)	1:A:54:VAL:HG12	1:A:58:LYS:HE2	3	0.79
(1,692)	1:A:54:VAL:HG12	1:A:58:LYS:HE3	3	0.79
(1,692)	1:A:54:VAL:HG13	1:A:58:LYS:HE2	3	0.79
(1,692)	1:A:54:VAL:HG13	1:A:58:LYS:HE3	3	0.79
(1,692)	1:A:54:VAL:HG21	1:A:58:LYS:HE2	3	0.79
(1,692)	1:A:54:VAL:HG21	1:A:58:LYS:HE3	3	0.79

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,692)	1:A:54:VAL:HG22	1:A:58:LYS:HE2	3	0.79
(1,692)	1:A:54:VAL:HG22	1:A:58:LYS:HE3	3	0.79
(1,692)	1:A:54:VAL:HG23	1:A:58:LYS:HE2	3	0.79
(1,692)	1:A:54:VAL:HG23	1:A:58:LYS:HE3	3	0.79
(1,607)	1:A:49:PRO:HG2	1:A:51:ALA:HB1	2	0.79
(1,607)	1:A:49:PRO:HG2	1:A:51:ALA:HB2	2	0.79
(1,607)	1:A:49:PRO:HG2	1:A:51:ALA:HB3	2	0.79
(1,607)	1:A:49:PRO:HG3	1:A:51:ALA:HB1	2	0.79
(1,607)	1:A:49:PRO:HG3	1:A:51:ALA:HB2	2	0.79
(1,607)	1:A:49:PRO:HG3	1:A:51:ALA:HB3	2	0.79
(1,495)	1:A:31:ILE:HG12	1:A:38:ILE:HD11	8	0.79
(1,495)	1:A:31:ILE:HG12	1:A:38:ILE:HD12	8	0.79
(1,495)	1:A:31:ILE:HG12	1:A:38:ILE:HD13	8	0.79
(1,303)	1:A:17:LEU:HD11	1:A:21:LYS:HD2	9	0.79
(1,303)	1:A:17:LEU:HD11	1:A:21:LYS:HD3	9	0.79
(1,303)	1:A:17:LEU:HD12	1:A:21:LYS:HD2	9	0.79
(1,303)	1:A:17:LEU:HD12	1:A:21:LYS:HD3	9	0.79
(1,303)	1:A:17:LEU:HD13	1:A:21:LYS:HD2	9	0.79
(1,303)	1:A:17:LEU:HD13	1:A:21:LYS:HD3	9	0.79
(1,303)	1:A:17:LEU:HD21	1:A:21:LYS:HD2	9	0.79
(1,303)	1:A:17:LEU:HD21	1:A:21:LYS:HD3	9	0.79
(1,303)	1:A:17:LEU:HD22	1:A:21:LYS:HD2	9	0.79
(1,303)	1:A:17:LEU:HD22	1:A:21:LYS:HD3	9	0.79
(1,303)	1:A:17:LEU:HD23	1:A:21:LYS:HD2	9	0.79
(1,303)	1:A:17:LEU:HD23	1:A:21:LYS:HD3	9	0.79
(1,1774)	1:A:149:ASN:HB3	1:A:152:ILE:HD11	9	0.79
(1,1774)	1:A:149:ASN:HB3	1:A:152:ILE:HD12	9	0.79
(1,1774)	1:A:149:ASN:HB3	1:A:152:ILE:HD13	9	0.79
(1,1594)	1:A:135:SER:HB2	1:A:140:LYS:HG2	6	0.79
(1,1594)	1:A:135:SER:HB2	1:A:140:LYS:HG3	6	0.79
(1,1594)	1:A:135:SER:HB3	1:A:140:LYS:HG2	6	0.79
(1,1594)	1:A:135:SER:HB3	1:A:140:LYS:HG3	6	0.79
(1,1449)	1:A:118:LYS:HG2	1:A:128:GLN:HB2	5	0.79
(1,1449)	1:A:118:LYS:HG2	1:A:128:GLN:HB3	5	0.79
(1,1449)	1:A:118:LYS:HG3	1:A:128:GLN:HB2	5	0.79
(1,1449)	1:A:118:LYS:HG3	1:A:128:GLN:HB3	5	0.79
(1,138)	1:A:8:ASP:HB2	1:A:9:PRO:HB2	7	0.79
(1,138)	1:A:8:ASP:HB2	1:A:9:PRO:HB3	7	0.79
(1,138)	1:A:8:ASP:HB3	1:A:9:PRO:HB2	7	0.79
(1,138)	1:A:8:ASP:HB3	1:A:9:PRO:HB3	7	0.79
(1,138)	1:A:8:ASP:HB2	1:A:9:PRO:HB2	9	0.79
(1,138)	1:A:8:ASP:HB2	1:A:9:PRO:HB3	9	0.79

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,138)	1:A:8:ASP:HB3	1:A:9:PRO:HB2	9	0.79
(1,138)	1:A:8:ASP:HB3	1:A:9:PRO:HB3	9	0.79
(1,1333)	1:A:110:TYR:HA	1:A:114:VAL:H	7	0.79
(1,1189)	1:A:99:PRO:HG3	1:A:102:ALA:HA	6	0.79
(1,114)	1:A:8:ASP:H	1:A:37:ALA:HB1	5	0.79
(1,114)	1:A:8:ASP:H	1:A:37:ALA:HB2	5	0.79
(1,114)	1:A:8:ASP:H	1:A:37:ALA:HB3	5	0.79
(1,1001)	1:A:81:GLN:HB2	1:A:89:LEU:HD11	10	0.79
(1,1001)	1:A:81:GLN:HB2	1:A:89:LEU:HD12	10	0.79
(1,1001)	1:A:81:GLN:HB2	1:A:89:LEU:HD13	10	0.79
(1,1001)	1:A:81:GLN:HB2	1:A:89:LEU:HD21	10	0.79
(1,1001)	1:A:81:GLN:HB2	1:A:89:LEU:HD22	10	0.79
(1,1001)	1:A:81:GLN:HB2	1:A:89:LEU:HD23	10	0.79
(1,1001)	1:A:81:GLN:HB3	1:A:89:LEU:HD11	10	0.79
(1,1001)	1:A:81:GLN:HB3	1:A:89:LEU:HD12	10	0.79
(1,1001)	1:A:81:GLN:HB3	1:A:89:LEU:HD13	10	0.79
(1,1001)	1:A:81:GLN:HB3	1:A:89:LEU:HD21	10	0.79
(1,1001)	1:A:81:GLN:HB3	1:A:89:LEU:HD22	10	0.79
(1,1001)	1:A:81:GLN:HB3	1:A:89:LEU:HD23	10	0.79
(3,26)	1:A:68:ARG:N	1:A:97:TYR:O	9	0.78
(1,755)	1:A:58:LYS:HD2	1:A:60:LEU:H	7	0.78
(1,736)	1:A:57:MET:HB2	1:A:60:LEU:HG	3	0.78
(1,736)	1:A:57:MET:HB3	1:A:60:LEU:HG	3	0.78
(1,482)	1:A:30:LYS:HB2	1:A:41:GLU:HG2	3	0.78
(1,482)	1:A:30:LYS:HB2	1:A:41:GLU:HG3	3	0.78
(1,482)	1:A:30:LYS:HB3	1:A:41:GLU:HG2	3	0.78
(1,482)	1:A:30:LYS:HB3	1:A:41:GLU:HG3	3	0.78
(1,387)	1:A:26:TYR:HB2	1:A:73:ASP:H	8	0.78
(1,387)	1:A:26:TYR:HB3	1:A:73:ASP:H	8	0.78
(1,266)	1:A:15:TYR:HB2	1:A:123:LEU:HD11	7	0.78
(1,266)	1:A:15:TYR:HB2	1:A:123:LEU:HD12	7	0.78
(1,266)	1:A:15:TYR:HB2	1:A:123:LEU:HD13	7	0.78
(1,266)	1:A:15:TYR:HB2	1:A:123:LEU:HD21	7	0.78
(1,266)	1:A:15:TYR:HB2	1:A:123:LEU:HD22	7	0.78
(1,266)	1:A:15:TYR:HB2	1:A:123:LEU:HD23	7	0.78
(1,266)	1:A:15:TYR:HB3	1:A:123:LEU:HD11	7	0.78
(1,266)	1:A:15:TYR:HB3	1:A:123:LEU:HD12	7	0.78
(1,266)	1:A:15:TYR:HB3	1:A:123:LEU:HD13	7	0.78
(1,266)	1:A:15:TYR:HB3	1:A:123:LEU:HD21	7	0.78
(1,266)	1:A:15:TYR:HB3	1:A:123:LEU:HD22	7	0.78
(1,266)	1:A:15:TYR:HB3	1:A:123:LEU:HD23	7	0.78
(1,265)	1:A:15:TYR:HB2	1:A:121:LEU:HD11	1	0.78

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,265)	1:A:15:TYR:HB2	1:A:121:LEU:HD12	1	0.78
(1,265)	1:A:15:TYR:HB2	1:A:121:LEU:HD13	1	0.78
(1,265)	1:A:15:TYR:HB2	1:A:121:LEU:HD21	1	0.78
(1,265)	1:A:15:TYR:HB2	1:A:121:LEU:HD22	1	0.78
(1,265)	1:A:15:TYR:HB2	1:A:121:LEU:HD23	1	0.78
(1,265)	1:A:15:TYR:HB3	1:A:121:LEU:HD11	1	0.78
(1,265)	1:A:15:TYR:HB3	1:A:121:LEU:HD12	1	0.78
(1,265)	1:A:15:TYR:HB3	1:A:121:LEU:HD13	1	0.78
(1,265)	1:A:15:TYR:HB3	1:A:121:LEU:HD21	1	0.78
(1,265)	1:A:15:TYR:HB3	1:A:121:LEU:HD22	1	0.78
(1,265)	1:A:15:TYR:HB3	1:A:121:LEU:HD23	1	0.78
(1,207)	1:A:12:LYS:HD3	1:A:15:TYR:HA	6	0.78
(1,1670)	1:A:141:SER:HB3	1:A:145:ASP:HA	4	0.78
(1,1594)	1:A:135:SER:HB2	1:A:140:LYS:HG2	5	0.78
(1,1594)	1:A:135:SER:HB2	1:A:140:LYS:HG3	5	0.78
(1,1594)	1:A:135:SER:HB3	1:A:140:LYS:HG2	5	0.78
(1,1594)	1:A:135:SER:HB3	1:A:140:LYS:HG3	5	0.78
(1,138)	1:A:8:ASP:HB2	1:A:9:PRO:HB2	6	0.78
(1,138)	1:A:8:ASP:HB2	1:A:9:PRO:HB3	6	0.78
(1,138)	1:A:8:ASP:HB3	1:A:9:PRO:HB2	6	0.78
(1,138)	1:A:8:ASP:HB3	1:A:9:PRO:HB3	6	0.78
(1,138)	1:A:8:ASP:HB2	1:A:9:PRO:HB2	8	0.78
(1,138)	1:A:8:ASP:HB2	1:A:9:PRO:HB3	8	0.78
(1,138)	1:A:8:ASP:HB3	1:A:9:PRO:HB2	8	0.78
(1,138)	1:A:8:ASP:HB3	1:A:9:PRO:HB3	8	0.78
(1,1362)	1:A:113:SER:HA	1:A:117:LEU:HD11	7	0.78
(1,1362)	1:A:113:SER:HA	1:A:117:LEU:HD12	7	0.78
(1,1362)	1:A:113:SER:HA	1:A:117:LEU:HD13	7	0.78
(1,1362)	1:A:113:SER:HA	1:A:117:LEU:HD21	7	0.78
(1,1362)	1:A:113:SER:HA	1:A:117:LEU:HD22	7	0.78
(1,1362)	1:A:113:SER:HA	1:A:117:LEU:HD23	7	0.78
(1,1333)	1:A:110:TYR:HA	1:A:114:VAL:H	4	0.78
(1,1027)	1:A:86:THR:HB	1:A:87:SER:H	9	0.78
(1,912)	1:A:76:VAL:HA	1:A:88:THR:HG21	6	0.77
(1,912)	1:A:76:VAL:HA	1:A:88:THR:HG22	6	0.77
(1,912)	1:A:76:VAL:HA	1:A:88:THR:HG23	6	0.77
(1,910)	1:A:76:VAL:HA	1:A:147:MET:HG2	6	0.77
(1,910)	1:A:76:VAL:HA	1:A:147:MET:HG3	6	0.77
(1,909)	1:A:76:VAL:H	1:A:89:LEU:H	2	0.77
(1,898)	1:A:75:GLU:HG3	1:A:90:ASN:HA	9	0.77
(1,891)	1:A:75:GLU:HG2	1:A:89:LEU:H	6	0.77
(1,887)	1:A:75:GLU:HB3	1:A:89:LEU:H	10	0.77

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,755)	1:A:58:LYS:HD2	1:A:60:LEU:H	3	0.77
(1,686)	1:A:54:VAL:HG11	1:A:138:ASP:HB2	1	0.77
(1,686)	1:A:54:VAL:HG11	1:A:138:ASP:HB3	1	0.77
(1,686)	1:A:54:VAL:HG12	1:A:138:ASP:HB2	1	0.77
(1,686)	1:A:54:VAL:HG12	1:A:138:ASP:HB3	1	0.77
(1,686)	1:A:54:VAL:HG13	1:A:138:ASP:HB2	1	0.77
(1,686)	1:A:54:VAL:HG13	1:A:138:ASP:HB3	1	0.77
(1,686)	1:A:54:VAL:HG21	1:A:138:ASP:HB2	1	0.77
(1,686)	1:A:54:VAL:HG21	1:A:138:ASP:HB3	1	0.77
(1,686)	1:A:54:VAL:HG22	1:A:138:ASP:HB2	1	0.77
(1,686)	1:A:54:VAL:HG22	1:A:138:ASP:HB3	1	0.77
(1,686)	1:A:54:VAL:HG23	1:A:138:ASP:HB2	1	0.77
(1,686)	1:A:54:VAL:HG23	1:A:138:ASP:HB3	1	0.77
(1,610)	1:A:49:PRO:HG2	1:A:51:ALA:HB1	1	0.77
(1,610)	1:A:49:PRO:HG2	1:A:51:ALA:HB2	1	0.77
(1,610)	1:A:49:PRO:HG2	1:A:51:ALA:HB3	1	0.77
(1,610)	1:A:49:PRO:HG3	1:A:51:ALA:HB1	1	0.77
(1,610)	1:A:49:PRO:HG3	1:A:51:ALA:HB2	1	0.77
(1,610)	1:A:49:PRO:HG3	1:A:51:ALA:HB3	1	0.77
(1,55)	1:A:6:LYS:HE2	1:A:7:VAL:H	2	0.77
(1,55)	1:A:6:LYS:HE3	1:A:7:VAL:H	2	0.77
(1,508)	1:A:31:ILE:HG12	1:A:109:LEU:HD11	3	0.77
(1,508)	1:A:31:ILE:HG12	1:A:109:LEU:HD12	3	0.77
(1,508)	1:A:31:ILE:HG12	1:A:109:LEU:HD13	3	0.77
(1,508)	1:A:31:ILE:HG12	1:A:109:LEU:HD21	3	0.77
(1,508)	1:A:31:ILE:HG12	1:A:109:LEU:HD22	3	0.77
(1,508)	1:A:31:ILE:HG12	1:A:109:LEU:HD23	3	0.77
(1,508)	1:A:31:ILE:HG13	1:A:109:LEU:HD11	3	0.77
(1,508)	1:A:31:ILE:HG13	1:A:109:LEU:HD12	3	0.77
(1,508)	1:A:31:ILE:HG13	1:A:109:LEU:HD13	3	0.77
(1,508)	1:A:31:ILE:HG13	1:A:109:LEU:HD21	3	0.77
(1,508)	1:A:31:ILE:HG13	1:A:109:LEU:HD22	3	0.77
(1,508)	1:A:31:ILE:HG13	1:A:109:LEU:HD23	3	0.77
(1,454)	1:A:28:ILE:HG12	1:A:41:GLU:HG2	10	0.77
(1,454)	1:A:28:ILE:HG12	1:A:41:GLU:HG3	10	0.77
(1,454)	1:A:28:ILE:HG13	1:A:41:GLU:HG2	10	0.77
(1,454)	1:A:28:ILE:HG13	1:A:41:GLU:HG3	10	0.77
(1,385)	1:A:26:TYR:HB2	1:A:72:VAL:HA	5	0.77
(1,385)	1:A:26:TYR:HB3	1:A:72:VAL:HA	5	0.77
(1,350)	1:A:21:LYS:HD3	1:A:22:HIS:H	10	0.77
(1,1651)	1:A:140:LYS:HD3	1:A:142:VAL:H	1	0.77
(1,1447)	1:A:118:LYS:HG3	1:A:128:GLN:HB2	10	0.77

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,1447)	1:A:118:LYS:HG3	1:A:128:GLN:HB3	10	0.77
(1,1442)	1:A:118:LYS:HE2	1:A:121:LEU:H	6	0.77
(1,1442)	1:A:118:LYS:HE2	1:A:121:LEU:H	9	0.77
(1,1410)	1:A:116:ALA:HA	1:A:120:SER:H	2	0.77
(1,138)	1:A:8:ASP:HB2	1:A:9:PRO:HB2	2	0.77
(1,138)	1:A:8:ASP:HB2	1:A:9:PRO:HB3	2	0.77
(1,138)	1:A:8:ASP:HB3	1:A:9:PRO:HB2	2	0.77
(1,138)	1:A:8:ASP:HB3	1:A:9:PRO:HB3	2	0.77
(1,138)	1:A:8:ASP:HB2	1:A:9:PRO:HB2	4	0.77
(1,138)	1:A:8:ASP:HB2	1:A:9:PRO:HB3	4	0.77
(1,138)	1:A:8:ASP:HB3	1:A:9:PRO:HB2	4	0.77
(1,138)	1:A:8:ASP:HB3	1:A:9:PRO:HB3	4	0.77
(1,1240)	1:A:104:VAL:HG11	1:A:107:ARG:HA	7	0.77
(1,1240)	1:A:104:VAL:HG12	1:A:107:ARG:HA	7	0.77
(1,1240)	1:A:104:VAL:HG13	1:A:107:ARG:HA	7	0.77
(1,1240)	1:A:104:VAL:HG21	1:A:107:ARG:HA	7	0.77
(1,1240)	1:A:104:VAL:HG22	1:A:107:ARG:HA	7	0.77
(1,1240)	1:A:104:VAL:HG23	1:A:107:ARG:HA	7	0.77
(1,1167)	1:A:97:TYR:HB2	1:A:131:ALA:HB1	10	0.77
(1,1167)	1:A:97:TYR:HB2	1:A:131:ALA:HB2	10	0.77
(1,1167)	1:A:97:TYR:HB2	1:A:131:ALA:HB3	10	0.77
(3,7)	1:A:13:ASN:O	1:A:17:LEU:H	10	0.76
(1,978)	1:A:79:GLN:HG2	1:A:85:GLY:H	7	0.76
(1,970)	1:A:79:GLN:HA	1:A:86:THR:HB	10	0.76
(1,945)	1:A:78:VAL:H	1:A:86:THR:HB	1	0.76
(1,907)	1:A:76:VAL:H	1:A:88:THR:HB	5	0.76
(1,890)	1:A:75:GLU:HG2	1:A:88:THR:HG21	6	0.76
(1,890)	1:A:75:GLU:HG2	1:A:88:THR:HG22	6	0.76
(1,890)	1:A:75:GLU:HG2	1:A:88:THR:HG23	6	0.76
(1,783)	1:A:61:VAL:HG11	1:A:66:GLU:HB2	10	0.76
(1,783)	1:A:61:VAL:HG12	1:A:66:GLU:HB2	10	0.76
(1,783)	1:A:61:VAL:HG13	1:A:66:GLU:HB2	10	0.76
(1,783)	1:A:61:VAL:HG11	1:A:66:GLU:HB3	10	0.76
(1,783)	1:A:61:VAL:HG12	1:A:66:GLU:HB3	10	0.76
(1,783)	1:A:61:VAL:HG13	1:A:66:GLU:HB3	10	0.76
(1,621)	1:A:50:TYR:HB2	1:A:143:LYS:HG2	10	0.76
(1,621)	1:A:50:TYR:HB2	1:A:143:LYS:HG3	10	0.76
(1,621)	1:A:50:TYR:HB3	1:A:143:LYS:HG2	10	0.76
(1,621)	1:A:50:TYR:HB3	1:A:143:LYS:HG3	10	0.76
(1,531)	1:A:34:ASN:H	1:A:36:THR:HG21	2	0.76
(1,531)	1:A:34:ASN:H	1:A:36:THR:HG22	2	0.76
(1,531)	1:A:34:ASN:H	1:A:36:THR:HG23	2	0.76

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,516)	1:A:32:ASP:HB2	1:A:37:ALA:H	7	0.76
(1,482)	1:A:30:LYS:HB2	1:A:41:GLU:HG2	10	0.76
(1,482)	1:A:30:LYS:HB2	1:A:41:GLU:HG3	10	0.76
(1,482)	1:A:30:LYS:HB3	1:A:41:GLU:HG2	10	0.76
(1,482)	1:A:30:LYS:HB3	1:A:41:GLU:HG3	10	0.76
(1,439)	1:A:28:ILE:HB	1:A:42:LYS:HD2	5	0.76
(1,439)	1:A:28:ILE:HB	1:A:42:LYS:HD3	5	0.76
(1,335)	1:A:19:HIS:HA	1:A:21:LYS:H	2	0.76
(1,31)	1:A:5:VAL:HB	1:A:36:THR:HB	1	0.76
(1,1574)	1:A:134:MET:HA	1:A:136:ASP:H	9	0.76
(1,1550)	1:A:131:ALA:HA	1:A:136:ASP:HA	9	0.76
(1,1466)	1:A:120:SER:HB3	1:A:122:GLY:H	10	0.76
(1,1443)	1:A:118:LYS:HE3	1:A:119:ALA:H	8	0.76
(1,1378)	1:A:114:VAL:HB	1:A:118:LYS:H	4	0.76
(1,1362)	1:A:113:SER:HA	1:A:117:LEU:HD11	3	0.76
(1,1362)	1:A:113:SER:HA	1:A:117:LEU:HD12	3	0.76
(1,1362)	1:A:113:SER:HA	1:A:117:LEU:HD13	3	0.76
(1,1362)	1:A:113:SER:HA	1:A:117:LEU:HD21	3	0.76
(1,1362)	1:A:113:SER:HA	1:A:117:LEU:HD22	3	0.76
(1,1362)	1:A:113:SER:HA	1:A:117:LEU:HD23	3	0.76
(1,1344)	1:A:111:ALA:HA	1:A:115:ARG:H	8	0.76
(1,1299)	1:A:108:MET:HB2	1:A:112:SER:H	5	0.76
(1,1245)	1:A:104:VAL:HG11	1:A:108:MET:HG2	10	0.76
(1,1245)	1:A:104:VAL:HG11	1:A:108:MET:HG3	10	0.76
(1,1245)	1:A:104:VAL:HG12	1:A:108:MET:HG2	10	0.76
(1,1245)	1:A:104:VAL:HG12	1:A:108:MET:HG3	10	0.76
(1,1245)	1:A:104:VAL:HG13	1:A:108:MET:HG2	10	0.76
(1,1245)	1:A:104:VAL:HG13	1:A:108:MET:HG3	10	0.76
(1,1245)	1:A:104:VAL:HG21	1:A:108:MET:HG2	10	0.76
(1,1245)	1:A:104:VAL:HG21	1:A:108:MET:HG3	10	0.76
(1,1245)	1:A:104:VAL:HG22	1:A:108:MET:HG2	10	0.76
(1,1245)	1:A:104:VAL:HG22	1:A:108:MET:HG3	10	0.76
(1,1245)	1:A:104:VAL:HG23	1:A:108:MET:HG2	10	0.76
(1,1245)	1:A:104:VAL:HG23	1:A:108:MET:HG3	10	0.76
(1,1145)	1:A:95:VAL:HG11	1:A:131:ALA:HA	10	0.76
(1,1145)	1:A:95:VAL:HG12	1:A:131:ALA:HA	10	0.76
(1,1145)	1:A:95:VAL:HG13	1:A:131:ALA:HA	10	0.76
(1,1145)	1:A:95:VAL:HG21	1:A:131:ALA:HA	10	0.76
(1,1145)	1:A:95:VAL:HG22	1:A:131:ALA:HA	10	0.76
(1,1145)	1:A:95:VAL:HG23	1:A:131:ALA:HA	10	0.76
(1,102)	1:A:7:VAL:HG11	1:A:120:SER:HA	2	0.76
(1,102)	1:A:7:VAL:HG12	1:A:120:SER:HA	2	0.76

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,102)	1:A:7:VAL:HG13	1:A:120:SER:HA	2	0.76
(1,102)	1:A:7:VAL:HG21	1:A:120:SER:HA	2	0.76
(1,102)	1:A:7:VAL:HG22	1:A:120:SER:HA	2	0.76
(1,102)	1:A:7:VAL:HG23	1:A:120:SER:HA	2	0.76
(1,102)	1:A:7:VAL:HG11	1:A:120:SER:HA	9	0.76
(1,102)	1:A:7:VAL:HG12	1:A:120:SER:HA	9	0.76
(1,102)	1:A:7:VAL:HG13	1:A:120:SER:HA	9	0.76
(1,102)	1:A:7:VAL:HG21	1:A:120:SER:HA	9	0.76
(1,102)	1:A:7:VAL:HG22	1:A:120:SER:HA	9	0.76
(1,102)	1:A:7:VAL:HG23	1:A:120:SER:HA	9	0.76
(2,19)	1:A:53:PHE:HA	1:A:72:VAL:HG11	10	0.75
(2,19)	1:A:53:PHE:HA	1:A:72:VAL:HG12	10	0.75
(2,19)	1:A:53:PHE:HA	1:A:72:VAL:HG13	10	0.75
(2,19)	1:A:53:PHE:HA	1:A:72:VAL:HG21	10	0.75
(2,19)	1:A:53:PHE:HA	1:A:72:VAL:HG22	10	0.75
(2,19)	1:A:53:PHE:HA	1:A:72:VAL:HG23	10	0.75
(1,91)	1:A:7:VAL:HG21	1:A:120:SER:HA	2	0.75
(1,91)	1:A:7:VAL:HG22	1:A:120:SER:HA	2	0.75
(1,91)	1:A:7:VAL:HG23	1:A:120:SER:HA	2	0.75
(1,887)	1:A:75:GLU:HB3	1:A:89:LEU:H	3	0.75
(1,83)	1:A:7:VAL:HG11	1:A:120:SER:HA	6	0.75
(1,83)	1:A:7:VAL:HG12	1:A:120:SER:HA	6	0.75
(1,83)	1:A:7:VAL:HG13	1:A:120:SER:HA	6	0.75
(1,790)	1:A:61:VAL:HG11	1:A:66:GLU:HG2	7	0.75
(1,790)	1:A:61:VAL:HG11	1:A:66:GLU:HG3	7	0.75
(1,790)	1:A:61:VAL:HG12	1:A:66:GLU:HG2	7	0.75
(1,790)	1:A:61:VAL:HG12	1:A:66:GLU:HG3	7	0.75
(1,790)	1:A:61:VAL:HG13	1:A:66:GLU:HG2	7	0.75
(1,790)	1:A:61:VAL:HG13	1:A:66:GLU:HG3	7	0.75
(1,790)	1:A:61:VAL:HG21	1:A:66:GLU:HG2	7	0.75
(1,790)	1:A:61:VAL:HG21	1:A:66:GLU:HG3	7	0.75
(1,790)	1:A:61:VAL:HG22	1:A:66:GLU:HG2	7	0.75
(1,790)	1:A:61:VAL:HG22	1:A:66:GLU:HG3	7	0.75
(1,790)	1:A:61:VAL:HG23	1:A:66:GLU:HG2	7	0.75
(1,790)	1:A:61:VAL:HG23	1:A:66:GLU:HG3	7	0.75
(1,659)	1:A:53:PHE:HB2	1:A:56:GLU:H	6	0.75
(1,578)	1:A:42:LYS:HD2	1:A:56:GLU:HB2	6	0.75
(1,578)	1:A:42:LYS:HD2	1:A:56:GLU:HB3	6	0.75
(1,578)	1:A:42:LYS:HD3	1:A:56:GLU:HB2	6	0.75
(1,578)	1:A:42:LYS:HD3	1:A:56:GLU:HB3	6	0.75
(1,524)	1:A:33:LYS:HG2	1:A:36:THR:HB	8	0.75
(1,5)	1:A:1:MET:HA	1:A:114:VAL:HG11	9	0.75

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,5)	1:A:1:MET:HA	1:A:114:VAL:HG12	9	0.75
(1,5)	1:A:1:MET:HA	1:A:114:VAL:HG13	9	0.75
(1,5)	1:A:1:MET:HA	1:A:114:VAL:HG21	9	0.75
(1,5)	1:A:1:MET:HA	1:A:114:VAL:HG22	9	0.75
(1,5)	1:A:1:MET:HA	1:A:114:VAL:HG23	9	0.75
(1,439)	1:A:28:ILE:HB	1:A:42:LYS:HD2	3	0.75
(1,439)	1:A:28:ILE:HB	1:A:42:LYS:HD3	3	0.75
(1,277)	1:A:16:ASP:HB2	1:A:18:LEU:H	5	0.75
(1,1670)	1:A:141:SER:HB3	1:A:145:ASP:HA	7	0.75
(1,1664)	1:A:141:SER:HA	1:A:143:LYS:H	9	0.75
(1,1593)	1:A:135:SER:HB2	1:A:140:LYS:HD2	9	0.75
(1,1593)	1:A:135:SER:HB2	1:A:140:LYS:HD3	9	0.75
(1,1593)	1:A:135:SER:HB3	1:A:140:LYS:HD2	9	0.75
(1,1593)	1:A:135:SER:HB3	1:A:140:LYS:HD3	9	0.75
(1,1442)	1:A:118:LYS:HE2	1:A:121:LEU:H	10	0.75
(1,1344)	1:A:111:ALA:HA	1:A:115:ARG:H	1	0.75
(1,1286)	1:A:107:ARG:HD2	1:A:111:ALA:HA	6	0.75
(1,1286)	1:A:107:ARG:HD3	1:A:111:ALA:HA	6	0.75
(1,1185)	1:A:99:PRO:HG2	1:A:102:ALA:HA	9	0.75
(1,1178)	1:A:99:PRO:HB2	1:A:102:ALA:HA	6	0.75
(1,1172)	1:A:98:CYS:HB2	1:A:107:ARG:HA	6	0.75
(1,1172)	1:A:98:CYS:HB3	1:A:107:ARG:HA	6	0.75
(1,116)	1:A:8:ASP:H	1:A:39:VAL:HA	5	0.75
(1,113)	1:A:8:ASP:H	1:A:37:ALA:HA	1	0.75
(1,715)	1:A:55:GLU:HG2	1:A:58:LYS:HE2	4	0.74
(1,715)	1:A:55:GLU:HG2	1:A:58:LYS:HE3	4	0.74
(1,715)	1:A:55:GLU:HG3	1:A:58:LYS:HE2	4	0.74
(1,715)	1:A:55:GLU:HG3	1:A:58:LYS:HE3	4	0.74
(1,706)	1:A:55:GLU:HA	1:A:59:LYS:HD2	2	0.74
(1,706)	1:A:55:GLU:HA	1:A:59:LYS:HD3	2	0.74
(1,523)	1:A:33:LYS:HG2	1:A:36:THR:HA	7	0.74
(1,480)	1:A:30:LYS:HB2	1:A:41:GLU:HA	6	0.74
(1,480)	1:A:30:LYS:HB3	1:A:41:GLU:HA	6	0.74
(1,480)	1:A:30:LYS:HB2	1:A:41:GLU:HA	9	0.74
(1,480)	1:A:30:LYS:HB3	1:A:41:GLU:HA	9	0.74
(1,474)	1:A:30:LYS:HA	1:A:41:GLU:HG2	10	0.74
(1,474)	1:A:30:LYS:HA	1:A:41:GLU:HG3	10	0.74
(1,452)	1:A:28:ILE:HD11	1:A:71:ALA:H	10	0.74
(1,452)	1:A:28:ILE:HD12	1:A:71:ALA:H	10	0.74
(1,452)	1:A:28:ILE:HD13	1:A:71:ALA:H	10	0.74
(1,321)	1:A:18:LEU:HD11	1:A:73:ASP:HA	4	0.74
(1,321)	1:A:18:LEU:HD12	1:A:73:ASP:HA	4	0.74

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,321)	1:A:18:LEU:HD13	1:A:73:ASP:HA	4	0.74
(1,314)	1:A:18:LEU:HB2	1:A:71:ALA:HB1	3	0.74
(1,314)	1:A:18:LEU:HB2	1:A:71:ALA:HB2	3	0.74
(1,314)	1:A:18:LEU:HB2	1:A:71:ALA:HB3	3	0.74
(1,314)	1:A:18:LEU:HB3	1:A:71:ALA:HB1	3	0.74
(1,314)	1:A:18:LEU:HB3	1:A:71:ALA:HB2	3	0.74
(1,314)	1:A:18:LEU:HB3	1:A:71:ALA:HB3	3	0.74
(1,1802)	1:A:151:ARG:HD2	1:A:152:ILE:H	8	0.74
(1,1802)	1:A:151:ARG:HD3	1:A:152:ILE:H	8	0.74
(1,1726)	1:A:144:SER:HB3	1:A:146:LEU:H	9	0.74
(1,1449)	1:A:118:LYS:HG2	1:A:128:GLN:HB2	1	0.74
(1,1449)	1:A:118:LYS:HG2	1:A:128:GLN:HB3	1	0.74
(1,1449)	1:A:118:LYS:HG3	1:A:128:GLN:HB2	1	0.74
(1,1449)	1:A:118:LYS:HG3	1:A:128:GLN:HB3	1	0.74
(1,1445)	1:A:118:LYS:HG2	1:A:128:GLN:HB2	5	0.74
(1,1445)	1:A:118:LYS:HG2	1:A:128:GLN:HB3	5	0.74
(1,138)	1:A:8:ASP:HB2	1:A:9:PRO:HB2	3	0.74
(1,138)	1:A:8:ASP:HB2	1:A:9:PRO:HB3	3	0.74
(1,138)	1:A:8:ASP:HB3	1:A:9:PRO:HB2	3	0.74
(1,138)	1:A:8:ASP:HB3	1:A:9:PRO:HB3	3	0.74
(1,1358)	1:A:113:SER:H	1:A:115:ARG:H	10	0.74
(1,1172)	1:A:98:CYS:HB2	1:A:107:ARG:HA	8	0.74
(1,1172)	1:A:98:CYS:HB3	1:A:107:ARG:HA	8	0.74
(1,1159)	1:A:96:GLN:HB2	1:A:114:VAL:HG11	1	0.74
(1,1159)	1:A:96:GLN:HB2	1:A:114:VAL:HG12	1	0.74
(1,1159)	1:A:96:GLN:HB2	1:A:114:VAL:HG13	1	0.74
(1,1159)	1:A:96:GLN:HB2	1:A:114:VAL:HG21	1	0.74
(1,1159)	1:A:96:GLN:HB2	1:A:114:VAL:HG22	1	0.74
(1,1159)	1:A:96:GLN:HB2	1:A:114:VAL:HG23	1	0.74
(1,1159)	1:A:96:GLN:HB3	1:A:114:VAL:HG11	1	0.74
(1,1159)	1:A:96:GLN:HB3	1:A:114:VAL:HG12	1	0.74
(1,1159)	1:A:96:GLN:HB3	1:A:114:VAL:HG13	1	0.74
(1,1159)	1:A:96:GLN:HB3	1:A:114:VAL:HG21	1	0.74
(1,1159)	1:A:96:GLN:HB3	1:A:114:VAL:HG22	1	0.74
(1,1159)	1:A:96:GLN:HB3	1:A:114:VAL:HG23	1	0.74
(1,1122)	1:A:94:PHE:HB2	1:A:118:LYS:HE2	8	0.74
(1,1122)	1:A:94:PHE:HB2	1:A:118:LYS:HE3	8	0.74
(1,1122)	1:A:94:PHE:HB3	1:A:118:LYS:HE2	8	0.74
(1,1122)	1:A:94:PHE:HB3	1:A:118:LYS:HE3	8	0.74
(1,1067)	1:A:92:VAL:H	1:A:127:PHE:H	9	0.74
(3,37)	1:A:74:VAL:H	1:A:91:LYS:O	1	0.73
(1,974)	1:A:79:GLN:HB2	1:A:86:THR:HG21	4	0.73

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,974)	1:A:79:GLN:HB2	1:A:86:THR:HG22	4	0.73
(1,974)	1:A:79:GLN:HB2	1:A:86:THR:HG23	4	0.73
(1,909)	1:A:76:VAL:H	1:A:89:LEU:H	1	0.73
(1,685)	1:A:54:VAL:HG11	1:A:138:ASP:HA	9	0.73
(1,685)	1:A:54:VAL:HG12	1:A:138:ASP:HA	9	0.73
(1,685)	1:A:54:VAL:HG13	1:A:138:ASP:HA	9	0.73
(1,685)	1:A:54:VAL:HG21	1:A:138:ASP:HA	9	0.73
(1,685)	1:A:54:VAL:HG22	1:A:138:ASP:HA	9	0.73
(1,685)	1:A:54:VAL:HG23	1:A:138:ASP:HA	9	0.73
(1,609)	1:A:49:PRO:HG2	1:A:51:ALA:H	10	0.73
(1,609)	1:A:49:PRO:HG3	1:A:51:ALA:H	10	0.73
(1,59)	1:A:6:LYS:HB2	1:A:38:ILE:HD11	3	0.73
(1,59)	1:A:6:LYS:HB2	1:A:38:ILE:HD12	3	0.73
(1,59)	1:A:6:LYS:HB2	1:A:38:ILE:HD13	3	0.73
(1,59)	1:A:6:LYS:HB3	1:A:38:ILE:HD11	3	0.73
(1,59)	1:A:6:LYS:HB3	1:A:38:ILE:HD12	3	0.73
(1,59)	1:A:6:LYS:HB3	1:A:38:ILE:HD13	3	0.73
(1,516)	1:A:32:ASP:HB2	1:A:37:ALA:H	4	0.73
(1,508)	1:A:31:ILE:HG12	1:A:109:LEU:HD11	2	0.73
(1,508)	1:A:31:ILE:HG12	1:A:109:LEU:HD12	2	0.73
(1,508)	1:A:31:ILE:HG12	1:A:109:LEU:HD13	2	0.73
(1,508)	1:A:31:ILE:HG12	1:A:109:LEU:HD21	2	0.73
(1,508)	1:A:31:ILE:HG12	1:A:109:LEU:HD22	2	0.73
(1,508)	1:A:31:ILE:HG12	1:A:109:LEU:HD23	2	0.73
(1,508)	1:A:31:ILE:HG13	1:A:109:LEU:HD11	2	0.73
(1,508)	1:A:31:ILE:HG13	1:A:109:LEU:HD12	2	0.73
(1,508)	1:A:31:ILE:HG13	1:A:109:LEU:HD13	2	0.73
(1,508)	1:A:31:ILE:HG13	1:A:109:LEU:HD21	2	0.73
(1,508)	1:A:31:ILE:HG13	1:A:109:LEU:HD22	2	0.73
(1,508)	1:A:31:ILE:HG13	1:A:109:LEU:HD23	2	0.73
(1,499)	1:A:31:ILE:HG13	1:A:38:ILE:HB	3	0.73
(1,499)	1:A:31:ILE:HG13	1:A:38:ILE:HB	6	0.73
(1,439)	1:A:28:ILE:HB	1:A:42:LYS:HD2	2	0.73
(1,439)	1:A:28:ILE:HB	1:A:42:LYS:HD3	2	0.73
(1,33)	1:A:5:VAL:HB	1:A:7:VAL:HA	10	0.73
(1,211)	1:A:12:LYS:HG3	1:A:121:LEU:HD11	2	0.73
(1,211)	1:A:12:LYS:HG3	1:A:121:LEU:HD12	2	0.73
(1,211)	1:A:12:LYS:HG3	1:A:121:LEU:HD13	2	0.73
(1,1718)	1:A:144:SER:H	1:A:146:LEU:H	5	0.73
(1,1709)	1:A:143:LYS:HB2	1:A:147:MET:H	3	0.73
(1,1709)	1:A:143:LYS:HB2	1:A:147:MET:H	7	0.73
(1,1709)	1:A:143:LYS:HB2	1:A:147:MET:H	10	0.73

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,1704)	1:A:143:LYS:HA	1:A:146:LEU:HB2	9	0.73
(1,1704)	1:A:143:LYS:HA	1:A:146:LEU:HB3	9	0.73
(1,1651)	1:A:140:LYS:HD3	1:A:142:VAL:H	3	0.73
(1,1398)	1:A:115:ARG:HA	1:A:119:ALA:H	6	0.73
(1,1254)	1:A:105:ARG:HA	1:A:108:MET:HG2	3	0.73
(1,1254)	1:A:105:ARG:HA	1:A:108:MET:HG3	3	0.73
(1,1254)	1:A:105:ARG:HA	1:A:108:MET:HG2	3	0.73
(1,1254)	1:A:105:ARG:HA	1:A:108:MET:HG3	3	0.73
(1,1173)	1:A:98:CYS:HB2	1:A:107:ARG:HD2	5	0.73
(1,1173)	1:A:98:CYS:HB2	1:A:107:ARG:HD3	5	0.73
(1,1173)	1:A:98:CYS:HB3	1:A:107:ARG:HD2	5	0.73
(1,1173)	1:A:98:CYS:HB3	1:A:107:ARG:HD3	5	0.73
(1,1075)	1:A:92:VAL:HG11	1:A:146:LEU:HD11	6	0.73
(1,1075)	1:A:92:VAL:HG11	1:A:146:LEU:HD12	6	0.73
(1,1075)	1:A:92:VAL:HG11	1:A:146:LEU:HD13	6	0.73
(1,1075)	1:A:92:VAL:HG11	1:A:146:LEU:HD21	6	0.73
(1,1075)	1:A:92:VAL:HG11	1:A:146:LEU:HD22	6	0.73
(1,1075)	1:A:92:VAL:HG11	1:A:146:LEU:HD23	6	0.73
(1,1075)	1:A:92:VAL:HG12	1:A:146:LEU:HD11	6	0.73
(1,1075)	1:A:92:VAL:HG12	1:A:146:LEU:HD12	6	0.73
(1,1075)	1:A:92:VAL:HG12	1:A:146:LEU:HD13	6	0.73
(1,1075)	1:A:92:VAL:HG12	1:A:146:LEU:HD21	6	0.73
(1,1075)	1:A:92:VAL:HG12	1:A:146:LEU:HD22	6	0.73
(1,1075)	1:A:92:VAL:HG12	1:A:146:LEU:HD23	6	0.73
(1,1075)	1:A:92:VAL:HG13	1:A:146:LEU:HD11	6	0.73
(1,1075)	1:A:92:VAL:HG13	1:A:146:LEU:HD12	6	0.73
(1,1075)	1:A:92:VAL:HG13	1:A:146:LEU:HD13	6	0.73
(1,1075)	1:A:92:VAL:HG13	1:A:146:LEU:HD21	6	0.73
(1,1075)	1:A:92:VAL:HG13	1:A:146:LEU:HD22	6	0.73
(1,1075)	1:A:92:VAL:HG13	1:A:146:LEU:HD23	6	0.73
(1,1075)	1:A:92:VAL:HG21	1:A:146:LEU:HD11	6	0.73
(1,1075)	1:A:92:VAL:HG21	1:A:146:LEU:HD12	6	0.73
(1,1075)	1:A:92:VAL:HG21	1:A:146:LEU:HD13	6	0.73
(1,1075)	1:A:92:VAL:HG21	1:A:146:LEU:HD21	6	0.73
(1,1075)	1:A:92:VAL:HG21	1:A:146:LEU:HD22	6	0.73
(1,1075)	1:A:92:VAL:HG21	1:A:146:LEU:HD23	6	0.73
(1,1075)	1:A:92:VAL:HG22	1:A:146:LEU:HD11	6	0.73
(1,1075)	1:A:92:VAL:HG22	1:A:146:LEU:HD12	6	0.73
(1,1075)	1:A:92:VAL:HG22	1:A:146:LEU:HD13	6	0.73
(1,1075)	1:A:92:VAL:HG22	1:A:146:LEU:HD21	6	0.73
(1,1075)	1:A:92:VAL:HG22	1:A:146:LEU:HD22	6	0.73
(1,1075)	1:A:92:VAL:HG22	1:A:146:LEU:HD23	6	0.73

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,1075)	1:A:92:VAL:HG23	1:A:146:LEU:HD11	6	0.73
(1,1075)	1:A:92:VAL:HG23	1:A:146:LEU:HD12	6	0.73
(1,1075)	1:A:92:VAL:HG23	1:A:146:LEU:HD13	6	0.73
(1,1075)	1:A:92:VAL:HG23	1:A:146:LEU:HD21	6	0.73
(1,1075)	1:A:92:VAL:HG23	1:A:146:LEU:HD22	6	0.73
(1,1075)	1:A:92:VAL:HG23	1:A:146:LEU:HD23	6	0.73
(1,102)	1:A:7:VAL:HG11	1:A:120:SER:HA	1	0.73
(1,102)	1:A:7:VAL:HG12	1:A:120:SER:HA	1	0.73
(1,102)	1:A:7:VAL:HG13	1:A:120:SER:HA	1	0.73
(1,102)	1:A:7:VAL:HG21	1:A:120:SER:HA	1	0.73
(1,102)	1:A:7:VAL:HG22	1:A:120:SER:HA	1	0.73
(1,102)	1:A:7:VAL:HG23	1:A:120:SER:HA	1	0.73
(3,10)	1:A:26:TYR:N	1:A:44:GLY:O	8	0.72
(1,985)	1:A:80:ARG:H	1:A:80:ARG:HG2	1	0.72
(1,985)	1:A:80:ARG:H	1:A:80:ARG:HG3	1	0.72
(1,907)	1:A:76:VAL:H	1:A:88:THR:HB	2	0.72
(1,83)	1:A:7:VAL:HG11	1:A:120:SER:HA	3	0.72
(1,83)	1:A:7:VAL:HG12	1:A:120:SER:HA	3	0.72
(1,83)	1:A:7:VAL:HG13	1:A:120:SER:HA	3	0.72
(1,737)	1:A:57:MET:HG2	1:A:60:LEU:HG	7	0.72
(1,737)	1:A:57:MET:HG3	1:A:60:LEU:HG	7	0.72
(1,577)	1:A:42:LYS:HB2	1:A:53:PHE:HA	10	0.72
(1,577)	1:A:42:LYS:HB3	1:A:53:PHE:HA	10	0.72
(1,574)	1:A:42:LYS:HA	1:A:56:GLU:HB2	2	0.72
(1,574)	1:A:42:LYS:HA	1:A:56:GLU:HB3	2	0.72
(1,517)	1:A:32:ASP:HB2	1:A:37:ALA:HB1	10	0.72
(1,517)	1:A:32:ASP:HB2	1:A:37:ALA:HB2	10	0.72
(1,517)	1:A:32:ASP:HB2	1:A:37:ALA:HB3	10	0.72
(1,1790)	1:A:150:GLN:HB3	1:A:152:ILE:H	5	0.72
(1,176)	1:A:11:CYS:HB2	1:A:121:LEU:HD11	9	0.72
(1,176)	1:A:11:CYS:HB2	1:A:121:LEU:HD12	9	0.72
(1,176)	1:A:11:CYS:HB2	1:A:121:LEU:HD13	9	0.72
(1,176)	1:A:11:CYS:HB2	1:A:121:LEU:HD21	9	0.72
(1,176)	1:A:11:CYS:HB2	1:A:121:LEU:HD22	9	0.72
(1,176)	1:A:11:CYS:HB2	1:A:121:LEU:HD23	9	0.72
(1,1726)	1:A:144:SER:HB3	1:A:146:LEU:H	5	0.72
(1,159)	1:A:10:SER:HB3	1:A:13:ASN:H	3	0.72
(1,159)	1:A:10:SER:HB3	1:A:13:ASN:H	10	0.72
(1,1449)	1:A:118:LYS:HG2	1:A:128:GLN:HB2	7	0.72
(1,1449)	1:A:118:LYS:HG2	1:A:128:GLN:HB3	7	0.72
(1,1449)	1:A:118:LYS:HG3	1:A:128:GLN:HB2	7	0.72
(1,1449)	1:A:118:LYS:HG3	1:A:128:GLN:HB3	7	0.72

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,14)	1:A:3:SER:H	1:A:113:SER:HA	6	0.72
(1,137)	1:A:8:ASP:HB2	1:A:9:PRO:HA	4	0.72
(1,137)	1:A:8:ASP:HB3	1:A:9:PRO:HA	4	0.72
(1,1333)	1:A:110:TYR:HA	1:A:114:VAL:H	6	0.72
(1,1299)	1:A:108:MET:HB2	1:A:112:SER:H	9	0.72
(1,124)	1:A:8:ASP:HB2	1:A:39:VAL:HB	4	0.72
(3,20)	1:A:29:PHE:O	1:A:69:TYR:N	8	0.71
(1,950)	1:A:78:VAL:HA	1:A:88:THR:HG21	1	0.71
(1,950)	1:A:78:VAL:HA	1:A:88:THR:HG22	1	0.71
(1,950)	1:A:78:VAL:HA	1:A:88:THR:HG23	1	0.71
(1,935)	1:A:77:THR:HB	1:A:87:SER:H	7	0.71
(1,78)	1:A:7:VAL:HB	1:A:38:ILE:HG21	6	0.71
(1,78)	1:A:7:VAL:HB	1:A:38:ILE:HG22	6	0.71
(1,78)	1:A:7:VAL:HB	1:A:38:ILE:HG23	6	0.71
(1,55)	1:A:6:LYS:HE2	1:A:7:VAL:H	3	0.71
(1,55)	1:A:6:LYS:HE3	1:A:7:VAL:H	3	0.71
(1,507)	1:A:31:ILE:HG12	1:A:109:LEU:HB2	9	0.71
(1,507)	1:A:31:ILE:HG12	1:A:109:LEU:HB3	9	0.71
(1,507)	1:A:31:ILE:HG13	1:A:109:LEU:HB2	9	0.71
(1,507)	1:A:31:ILE:HG13	1:A:109:LEU:HB3	9	0.71
(1,501)	1:A:31:ILE:HD11	1:A:109:LEU:H	1	0.71
(1,501)	1:A:31:ILE:HD12	1:A:109:LEU:H	1	0.71
(1,501)	1:A:31:ILE:HD13	1:A:109:LEU:H	1	0.71
(1,370)	1:A:25:SER:HB2	1:A:73:ASP:HB2	9	0.71
(1,370)	1:A:25:SER:HB2	1:A:73:ASP:HB3	9	0.71
(1,370)	1:A:25:SER:HB3	1:A:73:ASP:HB2	9	0.71
(1,370)	1:A:25:SER:HB3	1:A:73:ASP:HB3	9	0.71
(1,237)	1:A:14:ALA:HA	1:A:18:LEU:H	7	0.71
(1,20)	1:A:4:GLY:H	1:A:5:VAL:HB	1	0.71
(1,1719)	1:A:144:SER:HA	1:A:146:LEU:H	6	0.71
(1,1709)	1:A:143:LYS:HB2	1:A:147:MET:H	6	0.71
(1,135)	1:A:8:ASP:HB2	1:A:39:VAL:HB	5	0.71
(1,135)	1:A:8:ASP:HB3	1:A:39:VAL:HB	5	0.71
(1,1325)	1:A:109:LEU:HD11	1:A:112:SER:HB2	9	0.71
(1,1325)	1:A:109:LEU:HD11	1:A:112:SER:HB3	9	0.71
(1,1325)	1:A:109:LEU:HD12	1:A:112:SER:HB2	9	0.71
(1,1325)	1:A:109:LEU:HD12	1:A:112:SER:HB3	9	0.71
(1,1325)	1:A:109:LEU:HD13	1:A:112:SER:HB2	9	0.71
(1,1325)	1:A:109:LEU:HD13	1:A:112:SER:HB3	9	0.71
(1,1325)	1:A:109:LEU:HD21	1:A:112:SER:HB2	9	0.71
(1,1325)	1:A:109:LEU:HD21	1:A:112:SER:HB3	9	0.71
(1,1325)	1:A:109:LEU:HD22	1:A:112:SER:HB2	9	0.71

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,1325)	1:A:109:LEU:HD22	1:A:112:SER:HB3	9	0.71
(1,1325)	1:A:109:LEU:HD23	1:A:112:SER:HB2	9	0.71
(1,1325)	1:A:109:LEU:HD23	1:A:112:SER:HB3	9	0.71
(1,1299)	1:A:108:MET:HB2	1:A:112:SER:H	3	0.71
(1,1254)	1:A:105:ARG:HA	1:A:108:MET:HG2	1	0.71
(1,1254)	1:A:105:ARG:HA	1:A:108:MET:HG3	1	0.71
(1,1254)	1:A:105:ARG:HA	1:A:108:MET:HG2	1	0.71
(1,1254)	1:A:105:ARG:HA	1:A:108:MET:HG3	1	0.71
(1,1220)	1:A:104:VAL:HA	1:A:107:ARG:HB2	9	0.71
(1,1220)	1:A:104:VAL:HA	1:A:107:ARG:HB3	9	0.71
(1,1184)	1:A:99:PRO:HG2	1:A:100:ASP:H	7	0.71
(1,1172)	1:A:98:CYS:HB2	1:A:107:ARG:HA	9	0.71
(1,1172)	1:A:98:CYS:HB3	1:A:107:ARG:HA	9	0.71
(1,1161)	1:A:96:GLN:HG2	1:A:114:VAL:HG11	10	0.71
(1,1161)	1:A:96:GLN:HG2	1:A:114:VAL:HG12	10	0.71
(1,1161)	1:A:96:GLN:HG2	1:A:114:VAL:HG13	10	0.71
(1,1161)	1:A:96:GLN:HG2	1:A:114:VAL:HG21	10	0.71
(1,1161)	1:A:96:GLN:HG2	1:A:114:VAL:HG22	10	0.71
(1,1161)	1:A:96:GLN:HG2	1:A:114:VAL:HG23	10	0.71
(1,1161)	1:A:96:GLN:HG3	1:A:114:VAL:HG11	10	0.71
(1,1161)	1:A:96:GLN:HG3	1:A:114:VAL:HG12	10	0.71
(1,1161)	1:A:96:GLN:HG3	1:A:114:VAL:HG13	10	0.71
(1,1161)	1:A:96:GLN:HG3	1:A:114:VAL:HG21	10	0.71
(1,1161)	1:A:96:GLN:HG3	1:A:114:VAL:HG22	10	0.71
(1,1161)	1:A:96:GLN:HG3	1:A:114:VAL:HG23	10	0.71
(1,1002)	1:A:81:GLN:HG2	1:A:89:LEU:HD11	1	0.71
(1,1002)	1:A:81:GLN:HG2	1:A:89:LEU:HD12	1	0.71
(1,1002)	1:A:81:GLN:HG2	1:A:89:LEU:HD13	1	0.71
(1,1002)	1:A:81:GLN:HG2	1:A:89:LEU:HD21	1	0.71
(1,1002)	1:A:81:GLN:HG2	1:A:89:LEU:HD22	1	0.71
(1,1002)	1:A:81:GLN:HG2	1:A:89:LEU:HD23	1	0.71
(1,1002)	1:A:81:GLN:HG3	1:A:89:LEU:HD11	1	0.71
(1,1002)	1:A:81:GLN:HG3	1:A:89:LEU:HD12	1	0.71
(1,1002)	1:A:81:GLN:HG3	1:A:89:LEU:HD13	1	0.71
(1,1002)	1:A:81:GLN:HG3	1:A:89:LEU:HD21	1	0.71
(1,1002)	1:A:81:GLN:HG3	1:A:89:LEU:HD22	1	0.71
(1,1002)	1:A:81:GLN:HG3	1:A:89:LEU:HD23	1	0.71
(1,976)	1:A:79:GLN:HB3	1:A:86:THR:HG21	3	0.7
(1,976)	1:A:79:GLN:HB3	1:A:86:THR:HG22	3	0.7
(1,976)	1:A:79:GLN:HB3	1:A:86:THR:HG23	3	0.7
(1,971)	1:A:79:GLN:HA	1:A:86:THR:HG21	7	0.7
(1,971)	1:A:79:GLN:HA	1:A:86:THR:HG22	7	0.7

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,971)	1:A:79:GLN:HA	1:A:86:THR:HG23	7	0.7
(1,946)	1:A:78:VAL:H	1:A:86:THR:HG21	7	0.7
(1,946)	1:A:78:VAL:H	1:A:86:THR:HG22	7	0.7
(1,946)	1:A:78:VAL:H	1:A:86:THR:HG23	7	0.7
(1,884)	1:A:75:GLU:HB3	1:A:88:THR:HA	10	0.7
(1,721)	1:A:56:GLU:HA	1:A:59:LYS:HE2	5	0.7
(1,721)	1:A:56:GLU:HA	1:A:59:LYS:HE3	5	0.7
(1,594)	1:A:45:GLU:HG2	1:A:48:ALA:HB1	7	0.7
(1,594)	1:A:45:GLU:HG2	1:A:48:ALA:HB2	7	0.7
(1,594)	1:A:45:GLU:HG2	1:A:48:ALA:HB3	7	0.7
(1,594)	1:A:45:GLU:HG3	1:A:48:ALA:HB1	7	0.7
(1,594)	1:A:45:GLU:HG3	1:A:48:ALA:HB2	7	0.7
(1,594)	1:A:45:GLU:HG3	1:A:48:ALA:HB3	7	0.7
(1,594)	1:A:45:GLU:HG2	1:A:48:ALA:HB1	7	0.7
(1,594)	1:A:45:GLU:HG2	1:A:48:ALA:HB2	7	0.7
(1,594)	1:A:45:GLU:HG2	1:A:48:ALA:HB3	7	0.7
(1,594)	1:A:45:GLU:HG3	1:A:48:ALA:HB1	7	0.7
(1,594)	1:A:45:GLU:HG3	1:A:48:ALA:HB2	7	0.7
(1,594)	1:A:45:GLU:HG3	1:A:48:ALA:HB3	7	0.7
(1,577)	1:A:42:LYS:HB2	1:A:53:PHE:HA	5	0.7
(1,577)	1:A:42:LYS:HB3	1:A:53:PHE:HA	5	0.7
(1,533)	1:A:35:ASP:H	1:A:37:ALA:HB1	2	0.7
(1,533)	1:A:35:ASP:H	1:A:37:ALA:HB2	2	0.7
(1,533)	1:A:35:ASP:H	1:A:37:ALA:HB3	2	0.7
(1,524)	1:A:33:LYS:HG2	1:A:36:THR:HB	3	0.7
(1,48)	1:A:6:LYS:H	1:A:6:LYS:HE2	5	0.7
(1,48)	1:A:6:LYS:H	1:A:6:LYS:HE3	5	0.7
(1,429)	1:A:28:ILE:H	1:A:42:LYS:HG2	4	0.7
(1,429)	1:A:28:ILE:H	1:A:42:LYS:HG3	4	0.7
(1,384)	1:A:26:TYR:HB2	1:A:71:ALA:H	8	0.7
(1,384)	1:A:26:TYR:HB3	1:A:71:ALA:H	8	0.7
(1,314)	1:A:18:LEU:HB2	1:A:71:ALA:HB1	1	0.7
(1,314)	1:A:18:LEU:HB2	1:A:71:ALA:HB2	1	0.7
(1,314)	1:A:18:LEU:HB2	1:A:71:ALA:HB3	1	0.7
(1,314)	1:A:18:LEU:HB3	1:A:71:ALA:HB1	1	0.7
(1,314)	1:A:18:LEU:HB3	1:A:71:ALA:HB2	1	0.7
(1,314)	1:A:18:LEU:HB3	1:A:71:ALA:HB3	1	0.7
(1,1726)	1:A:144:SER:HB3	1:A:146:LEU:H	4	0.7
(1,1589)	1:A:135:SER:HA	1:A:140:LYS:HE2	3	0.7
(1,1397)	1:A:115:ARG:HA	1:A:118:LYS:HD2	9	0.7
(1,1397)	1:A:115:ARG:HA	1:A:118:LYS:HD3	9	0.7
(1,137)	1:A:8:ASP:HB2	1:A:9:PRO:HA	6	0.7

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,137)	1:A:8:ASP:HB3	1:A:9:PRO:HA	6	0.7
(1,1224)	1:A:104:VAL:HB	1:A:106:ARG:H	1	0.7
(1,1218)	1:A:104:VAL:HA	1:A:106:ARG:H	6	0.7
(1,1173)	1:A:98:CYS:HB2	1:A:107:ARG:HD2	4	0.7
(1,1173)	1:A:98:CYS:HB2	1:A:107:ARG:HD3	4	0.7
(1,1173)	1:A:98:CYS:HB3	1:A:107:ARG:HD2	4	0.7
(1,1173)	1:A:98:CYS:HB3	1:A:107:ARG:HD3	4	0.7
(1,1167)	1:A:97:TYR:HB2	1:A:131:ALA:HB1	8	0.7
(1,1167)	1:A:97:TYR:HB2	1:A:131:ALA:HB2	8	0.7
(1,1167)	1:A:97:TYR:HB2	1:A:131:ALA:HB3	8	0.7
(1,1075)	1:A:92:VAL:HG11	1:A:146:LEU:HD11	4	0.7
(1,1075)	1:A:92:VAL:HG11	1:A:146:LEU:HD12	4	0.7
(1,1075)	1:A:92:VAL:HG11	1:A:146:LEU:HD13	4	0.7
(1,1075)	1:A:92:VAL:HG11	1:A:146:LEU:HD21	4	0.7
(1,1075)	1:A:92:VAL:HG11	1:A:146:LEU:HD22	4	0.7
(1,1075)	1:A:92:VAL:HG11	1:A:146:LEU:HD23	4	0.7
(1,1075)	1:A:92:VAL:HG12	1:A:146:LEU:HD11	4	0.7
(1,1075)	1:A:92:VAL:HG12	1:A:146:LEU:HD12	4	0.7
(1,1075)	1:A:92:VAL:HG12	1:A:146:LEU:HD13	4	0.7
(1,1075)	1:A:92:VAL:HG12	1:A:146:LEU:HD21	4	0.7
(1,1075)	1:A:92:VAL:HG12	1:A:146:LEU:HD22	4	0.7
(1,1075)	1:A:92:VAL:HG12	1:A:146:LEU:HD23	4	0.7
(1,1075)	1:A:92:VAL:HG13	1:A:146:LEU:HD11	4	0.7
(1,1075)	1:A:92:VAL:HG13	1:A:146:LEU:HD12	4	0.7
(1,1075)	1:A:92:VAL:HG13	1:A:146:LEU:HD13	4	0.7
(1,1075)	1:A:92:VAL:HG13	1:A:146:LEU:HD21	4	0.7
(1,1075)	1:A:92:VAL:HG13	1:A:146:LEU:HD22	4	0.7
(1,1075)	1:A:92:VAL:HG13	1:A:146:LEU:HD23	4	0.7
(1,1075)	1:A:92:VAL:HG21	1:A:146:LEU:HD11	4	0.7
(1,1075)	1:A:92:VAL:HG21	1:A:146:LEU:HD12	4	0.7
(1,1075)	1:A:92:VAL:HG21	1:A:146:LEU:HD13	4	0.7
(1,1075)	1:A:92:VAL:HG21	1:A:146:LEU:HD21	4	0.7
(1,1075)	1:A:92:VAL:HG21	1:A:146:LEU:HD22	4	0.7
(1,1075)	1:A:92:VAL:HG21	1:A:146:LEU:HD23	4	0.7
(1,1075)	1:A:92:VAL:HG22	1:A:146:LEU:HD11	4	0.7
(1,1075)	1:A:92:VAL:HG22	1:A:146:LEU:HD12	4	0.7
(1,1075)	1:A:92:VAL:HG22	1:A:146:LEU:HD13	4	0.7
(1,1075)	1:A:92:VAL:HG22	1:A:146:LEU:HD21	4	0.7
(1,1075)	1:A:92:VAL:HG22	1:A:146:LEU:HD22	4	0.7
(1,1075)	1:A:92:VAL:HG22	1:A:146:LEU:HD23	4	0.7
(1,1075)	1:A:92:VAL:HG23	1:A:146:LEU:HD11	4	0.7
(1,1075)	1:A:92:VAL:HG23	1:A:146:LEU:HD12	4	0.7

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,1075)	1:A:92:VAL:HG23	1:A:146:LEU:HD13	4	0.7
(1,1075)	1:A:92:VAL:HG23	1:A:146:LEU:HD21	4	0.7
(1,1075)	1:A:92:VAL:HG23	1:A:146:LEU:HD22	4	0.7
(1,1075)	1:A:92:VAL:HG23	1:A:146:LEU:HD23	4	0.7
(3,3)	1:A:8:ASP:H	1:A:38:ILE:O	4	0.69
(3,20)	1:A:29:PHE:O	1:A:69:TYR:N	5	0.69
(1,978)	1:A:79:GLN:HG2	1:A:85:GLY:H	5	0.69
(1,978)	1:A:79:GLN:HG2	1:A:85:GLY:H	8	0.69
(1,962)	1:A:78:VAL:HG11	1:A:87:SER:HB2	5	0.69
(1,962)	1:A:78:VAL:HG11	1:A:87:SER:HB3	5	0.69
(1,962)	1:A:78:VAL:HG12	1:A:87:SER:HB2	5	0.69
(1,962)	1:A:78:VAL:HG12	1:A:87:SER:HB3	5	0.69
(1,962)	1:A:78:VAL:HG13	1:A:87:SER:HB2	5	0.69
(1,962)	1:A:78:VAL:HG13	1:A:87:SER:HB3	5	0.69
(1,962)	1:A:78:VAL:HG21	1:A:87:SER:HB2	5	0.69
(1,962)	1:A:78:VAL:HG21	1:A:87:SER:HB3	5	0.69
(1,962)	1:A:78:VAL:HG22	1:A:87:SER:HB2	5	0.69
(1,962)	1:A:78:VAL:HG22	1:A:87:SER:HB3	5	0.69
(1,962)	1:A:78:VAL:HG23	1:A:87:SER:HB2	5	0.69
(1,962)	1:A:78:VAL:HG23	1:A:87:SER:HB3	5	0.69
(1,950)	1:A:78:VAL:HA	1:A:88:THR:HG21	3	0.69
(1,950)	1:A:78:VAL:HA	1:A:88:THR:HG22	3	0.69
(1,950)	1:A:78:VAL:HA	1:A:88:THR:HG23	3	0.69
(1,950)	1:A:78:VAL:HA	1:A:88:THR:HG21	5	0.69
(1,950)	1:A:78:VAL:HA	1:A:88:THR:HG22	5	0.69
(1,950)	1:A:78:VAL:HA	1:A:88:THR:HG23	5	0.69
(1,886)	1:A:75:GLU:HB3	1:A:88:THR:HG21	6	0.69
(1,886)	1:A:75:GLU:HB3	1:A:88:THR:HG22	6	0.69
(1,886)	1:A:75:GLU:HB3	1:A:88:THR:HG23	6	0.69
(1,737)	1:A:57:MET:HG2	1:A:60:LEU:HG	3	0.69
(1,737)	1:A:57:MET:HG3	1:A:60:LEU:HG	3	0.69
(1,519)	1:A:32:ASP:HB3	1:A:37:ALA:HB1	8	0.69
(1,519)	1:A:32:ASP:HB3	1:A:37:ALA:HB2	8	0.69
(1,519)	1:A:32:ASP:HB3	1:A:37:ALA:HB3	8	0.69
(1,519)	1:A:32:ASP:HB2	1:A:37:ALA:HB1	8	0.69
(1,519)	1:A:32:ASP:HB2	1:A:37:ALA:HB2	8	0.69
(1,519)	1:A:32:ASP:HB2	1:A:37:ALA:HB3	8	0.69
(1,519)	1:A:32:ASP:HB3	1:A:37:ALA:HB1	8	0.69
(1,519)	1:A:32:ASP:HB3	1:A:37:ALA:HB2	8	0.69
(1,519)	1:A:32:ASP:HB3	1:A:37:ALA:HB3	8	0.69
(1,500)	1:A:31:ILE:HG13	1:A:38:ILE:HD11	7	0.69
(1,500)	1:A:31:ILE:HG13	1:A:38:ILE:HD12	7	0.69

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,500)	1:A:31:ILE:HG13	1:A:38:ILE:HD13	7	0.69
(1,482)	1:A:30:LYS:HB2	1:A:41:GLU:HG2	6	0.69
(1,482)	1:A:30:LYS:HB2	1:A:41:GLU:HG3	6	0.69
(1,482)	1:A:30:LYS:HB3	1:A:41:GLU:HG2	6	0.69
(1,482)	1:A:30:LYS:HB3	1:A:41:GLU:HG3	6	0.69
(1,1806)	1:A:152:ILE:H	1:A:152:ILE:HG12	9	0.69
(1,1806)	1:A:152:ILE:H	1:A:152:ILE:HG13	9	0.69
(1,1780)	1:A:149:ASN:HB2	1:A:152:ILE:HD11	9	0.69
(1,1780)	1:A:149:ASN:HB2	1:A:152:ILE:HD12	9	0.69
(1,1780)	1:A:149:ASN:HB2	1:A:152:ILE:HD13	9	0.69
(1,1780)	1:A:149:ASN:HB3	1:A:152:ILE:HD11	9	0.69
(1,1780)	1:A:149:ASN:HB3	1:A:152:ILE:HD12	9	0.69
(1,1780)	1:A:149:ASN:HB3	1:A:152:ILE:HD13	9	0.69
(1,1765)	1:A:148:SER:HB2	1:A:150:GLN:H	4	0.69
(1,1709)	1:A:143:LYS:HB2	1:A:147:MET:H	2	0.69
(1,1664)	1:A:141:SER:HA	1:A:143:LYS:H	1	0.69
(1,1651)	1:A:140:LYS:HD3	1:A:142:VAL:H	9	0.69
(1,1387)	1:A:114:VAL:HG11	1:A:117:LEU:HB2	8	0.69
(1,1387)	1:A:114:VAL:HG11	1:A:117:LEU:HB3	8	0.69
(1,1387)	1:A:114:VAL:HG12	1:A:117:LEU:HB2	8	0.69
(1,1387)	1:A:114:VAL:HG12	1:A:117:LEU:HB3	8	0.69
(1,1387)	1:A:114:VAL:HG13	1:A:117:LEU:HB2	8	0.69
(1,1387)	1:A:114:VAL:HG13	1:A:117:LEU:HB3	8	0.69
(1,1387)	1:A:114:VAL:HG21	1:A:117:LEU:HB2	8	0.69
(1,1387)	1:A:114:VAL:HG21	1:A:117:LEU:HB3	8	0.69
(1,1387)	1:A:114:VAL:HG22	1:A:117:LEU:HB2	8	0.69
(1,1387)	1:A:114:VAL:HG22	1:A:117:LEU:HB3	8	0.69
(1,1387)	1:A:114:VAL:HG23	1:A:117:LEU:HB2	8	0.69
(1,1387)	1:A:114:VAL:HG23	1:A:117:LEU:HB3	8	0.69
(1,135)	1:A:8:ASP:HB2	1:A:39:VAL:HB	4	0.69
(1,135)	1:A:8:ASP:HB3	1:A:39:VAL:HB	4	0.69
(1,1316)	1:A:109:LEU:HA	1:A:113:SER:H	4	0.69
(1,1298)	1:A:108:MET:HB2	1:A:110:TYR:H	8	0.69
(1,113)	1:A:8:ASP:H	1:A:37:ALA:HA	7	0.69
(1,113)	1:A:8:ASP:H	1:A:37:ALA:HA	8	0.69
(1,1075)	1:A:92:VAL:HG11	1:A:146:LEU:HD11	5	0.69
(1,1075)	1:A:92:VAL:HG11	1:A:146:LEU:HD12	5	0.69
(1,1075)	1:A:92:VAL:HG11	1:A:146:LEU:HD13	5	0.69
(1,1075)	1:A:92:VAL:HG11	1:A:146:LEU:HD21	5	0.69
(1,1075)	1:A:92:VAL:HG11	1:A:146:LEU:HD22	5	0.69
(1,1075)	1:A:92:VAL:HG11	1:A:146:LEU:HD23	5	0.69
(1,1075)	1:A:92:VAL:HG12	1:A:146:LEU:HD11	5	0.69

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,1075)	1:A:92:VAL:HG12	1:A:146:LEU:HD12	5	0.69
(1,1075)	1:A:92:VAL:HG12	1:A:146:LEU:HD13	5	0.69
(1,1075)	1:A:92:VAL:HG12	1:A:146:LEU:HD21	5	0.69
(1,1075)	1:A:92:VAL:HG12	1:A:146:LEU:HD22	5	0.69
(1,1075)	1:A:92:VAL:HG12	1:A:146:LEU:HD23	5	0.69
(1,1075)	1:A:92:VAL:HG13	1:A:146:LEU:HD11	5	0.69
(1,1075)	1:A:92:VAL:HG13	1:A:146:LEU:HD12	5	0.69
(1,1075)	1:A:92:VAL:HG13	1:A:146:LEU:HD13	5	0.69
(1,1075)	1:A:92:VAL:HG13	1:A:146:LEU:HD21	5	0.69
(1,1075)	1:A:92:VAL:HG13	1:A:146:LEU:HD22	5	0.69
(1,1075)	1:A:92:VAL:HG13	1:A:146:LEU:HD23	5	0.69
(1,1075)	1:A:92:VAL:HG21	1:A:146:LEU:HD11	5	0.69
(1,1075)	1:A:92:VAL:HG21	1:A:146:LEU:HD12	5	0.69
(1,1075)	1:A:92:VAL:HG21	1:A:146:LEU:HD13	5	0.69
(1,1075)	1:A:92:VAL:HG21	1:A:146:LEU:HD21	5	0.69
(1,1075)	1:A:92:VAL:HG21	1:A:146:LEU:HD22	5	0.69
(1,1075)	1:A:92:VAL:HG21	1:A:146:LEU:HD23	5	0.69
(1,1075)	1:A:92:VAL:HG22	1:A:146:LEU:HD11	5	0.69
(1,1075)	1:A:92:VAL:HG22	1:A:146:LEU:HD12	5	0.69
(1,1075)	1:A:92:VAL:HG22	1:A:146:LEU:HD13	5	0.69
(1,1075)	1:A:92:VAL:HG22	1:A:146:LEU:HD21	5	0.69
(1,1075)	1:A:92:VAL:HG22	1:A:146:LEU:HD22	5	0.69
(1,1075)	1:A:92:VAL:HG22	1:A:146:LEU:HD23	5	0.69
(1,1075)	1:A:92:VAL:HG23	1:A:146:LEU:HD11	5	0.69
(1,1075)	1:A:92:VAL:HG23	1:A:146:LEU:HD12	5	0.69
(1,1075)	1:A:92:VAL:HG23	1:A:146:LEU:HD13	5	0.69
(1,1075)	1:A:92:VAL:HG23	1:A:146:LEU:HD21	5	0.69
(1,1075)	1:A:92:VAL:HG23	1:A:146:LEU:HD22	5	0.69
(1,1075)	1:A:92:VAL:HG23	1:A:146:LEU:HD23	5	0.69
(1,1067)	1:A:92:VAL:H	1:A:127:PHE:H	3	0.69
(3,38)	1:A:74:VAL:N	1:A:91:LYS:O	1	0.68
(1,970)	1:A:79:GLN:HA	1:A:86:THR:HB	7	0.68
(1,97)	1:A:7:VAL:HG11	1:A:116:ALA:H	1	0.68
(1,97)	1:A:7:VAL:HG12	1:A:116:ALA:H	1	0.68
(1,97)	1:A:7:VAL:HG13	1:A:116:ALA:H	1	0.68
(1,97)	1:A:7:VAL:HG21	1:A:116:ALA:H	1	0.68
(1,97)	1:A:7:VAL:HG22	1:A:116:ALA:H	1	0.68
(1,97)	1:A:7:VAL:HG23	1:A:116:ALA:H	1	0.68
(1,97)	1:A:7:VAL:HG11	1:A:116:ALA:H	2	0.68
(1,97)	1:A:7:VAL:HG12	1:A:116:ALA:H	2	0.68
(1,97)	1:A:7:VAL:HG13	1:A:116:ALA:H	2	0.68
(1,97)	1:A:7:VAL:HG21	1:A:116:ALA:H	2	0.68

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,97)	1:A:7:VAL:HG22	1:A:116:ALA:H	2	0.68
(1,97)	1:A:7:VAL:HG23	1:A:116:ALA:H	2	0.68
(1,959)	1:A:78:VAL:HG21	1:A:87:SER:HA	9	0.68
(1,959)	1:A:78:VAL:HG22	1:A:87:SER:HA	9	0.68
(1,959)	1:A:78:VAL:HG23	1:A:87:SER:HA	9	0.68
(1,93)	1:A:7:VAL:HG21	1:A:38:ILE:H	5	0.68
(1,93)	1:A:7:VAL:HG22	1:A:38:ILE:H	5	0.68
(1,93)	1:A:7:VAL:HG23	1:A:38:ILE:H	5	0.68
(1,921)	1:A:76:VAL:HG11	1:A:143:LYS:HG2	10	0.68
(1,921)	1:A:76:VAL:HG11	1:A:143:LYS:HG3	10	0.68
(1,921)	1:A:76:VAL:HG12	1:A:143:LYS:HG2	10	0.68
(1,921)	1:A:76:VAL:HG12	1:A:143:LYS:HG3	10	0.68
(1,921)	1:A:76:VAL:HG13	1:A:143:LYS:HG2	10	0.68
(1,921)	1:A:76:VAL:HG13	1:A:143:LYS:HG3	10	0.68
(1,921)	1:A:76:VAL:HG21	1:A:143:LYS:HG2	10	0.68
(1,921)	1:A:76:VAL:HG21	1:A:143:LYS:HG3	10	0.68
(1,921)	1:A:76:VAL:HG22	1:A:143:LYS:HG2	10	0.68
(1,921)	1:A:76:VAL:HG22	1:A:143:LYS:HG3	10	0.68
(1,921)	1:A:76:VAL:HG23	1:A:143:LYS:HG2	10	0.68
(1,921)	1:A:76:VAL:HG23	1:A:143:LYS:HG3	10	0.68
(1,83)	1:A:7:VAL:HG11	1:A:120:SER:HA	5	0.68
(1,83)	1:A:7:VAL:HG12	1:A:120:SER:HA	5	0.68
(1,83)	1:A:7:VAL:HG13	1:A:120:SER:HA	5	0.68
(1,577)	1:A:42:LYS:HB2	1:A:53:PHE:HA	1	0.68
(1,577)	1:A:42:LYS:HB3	1:A:53:PHE:HA	1	0.68
(1,531)	1:A:34:ASN:H	1:A:36:THR:HG21	9	0.68
(1,531)	1:A:34:ASN:H	1:A:36:THR:HG22	9	0.68
(1,531)	1:A:34:ASN:H	1:A:36:THR:HG23	9	0.68
(1,521)	1:A:33:LYS:HE2	1:A:35:ASP:H	9	0.68
(1,521)	1:A:33:LYS:HE3	1:A:35:ASP:H	9	0.68
(1,5)	1:A:1:MET:HA	1:A:114:VAL:HG11	3	0.68
(1,5)	1:A:1:MET:HA	1:A:114:VAL:HG12	3	0.68
(1,5)	1:A:1:MET:HA	1:A:114:VAL:HG13	3	0.68
(1,5)	1:A:1:MET:HA	1:A:114:VAL:HG21	3	0.68
(1,5)	1:A:1:MET:HA	1:A:114:VAL:HG22	3	0.68
(1,5)	1:A:1:MET:HA	1:A:114:VAL:HG23	3	0.68
(1,331)	1:A:18:LEU:HD11	1:A:92:VAL:HA	7	0.68
(1,331)	1:A:18:LEU:HD12	1:A:92:VAL:HA	7	0.68
(1,331)	1:A:18:LEU:HD13	1:A:92:VAL:HA	7	0.68
(1,331)	1:A:18:LEU:HD21	1:A:92:VAL:HA	7	0.68
(1,331)	1:A:18:LEU:HD22	1:A:92:VAL:HA	7	0.68
(1,331)	1:A:18:LEU:HD23	1:A:92:VAL:HA	7	0.68

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,277)	1:A:16:ASP:HB2	1:A:18:LEU:H	9	0.68
(1,1778)	1:A:149:ASN:HB2	1:A:151:ARG:HA	10	0.68
(1,1778)	1:A:149:ASN:HB3	1:A:151:ARG:HA	10	0.68
(1,1718)	1:A:144:SER:H	1:A:146:LEU:H	2	0.68
(1,1665)	1:A:141:SER:HA	1:A:144:SER:H	2	0.68
(1,1555)	1:A:132:SER:H	1:A:136:ASP:HA	9	0.68
(1,135)	1:A:8:ASP:HB2	1:A:39:VAL:HB	2	0.68
(1,135)	1:A:8:ASP:HB3	1:A:39:VAL:HB	2	0.68
(1,123)	1:A:8:ASP:HB2	1:A:39:VAL:HA	10	0.68
(1,117)	1:A:8:ASP:H	1:A:39:VAL:HB	4	0.68
(1,968)	1:A:79:GLN:HA	1:A:85:GLY:H	4	0.67
(1,962)	1:A:78:VAL:HG11	1:A:87:SER:HB2	2	0.67
(1,962)	1:A:78:VAL:HG11	1:A:87:SER:HB3	2	0.67
(1,962)	1:A:78:VAL:HG12	1:A:87:SER:HB2	2	0.67
(1,962)	1:A:78:VAL:HG12	1:A:87:SER:HB3	2	0.67
(1,962)	1:A:78:VAL:HG13	1:A:87:SER:HB2	2	0.67
(1,962)	1:A:78:VAL:HG13	1:A:87:SER:HB3	2	0.67
(1,962)	1:A:78:VAL:HG21	1:A:87:SER:HB2	2	0.67
(1,962)	1:A:78:VAL:HG21	1:A:87:SER:HB3	2	0.67
(1,962)	1:A:78:VAL:HG22	1:A:87:SER:HB2	2	0.67
(1,962)	1:A:78:VAL:HG22	1:A:87:SER:HB3	2	0.67
(1,962)	1:A:78:VAL:HG23	1:A:87:SER:HB2	2	0.67
(1,962)	1:A:78:VAL:HG23	1:A:87:SER:HB3	2	0.67
(1,950)	1:A:78:VAL:HA	1:A:88:THR:HG21	4	0.67
(1,950)	1:A:78:VAL:HA	1:A:88:THR:HG22	4	0.67
(1,950)	1:A:78:VAL:HA	1:A:88:THR:HG23	4	0.67
(1,72)	1:A:7:VAL:HB	1:A:117:LEU:HA	3	0.67
(1,579)	1:A:42:LYS:HG2	1:A:56:GLU:HB2	4	0.67
(1,579)	1:A:42:LYS:HG2	1:A:56:GLU:HB3	4	0.67
(1,579)	1:A:42:LYS:HG3	1:A:56:GLU:HB2	4	0.67
(1,579)	1:A:42:LYS:HG3	1:A:56:GLU:HB3	4	0.67
(1,533)	1:A:35:ASP:H	1:A:37:ALA:HB1	5	0.67
(1,533)	1:A:35:ASP:H	1:A:37:ALA:HB2	5	0.67
(1,533)	1:A:35:ASP:H	1:A:37:ALA:HB3	5	0.67
(1,523)	1:A:33:LYS:HG2	1:A:36:THR:HA	9	0.67
(1,508)	1:A:31:ILE:HG12	1:A:109:LEU:HD11	7	0.67
(1,508)	1:A:31:ILE:HG12	1:A:109:LEU:HD12	7	0.67
(1,508)	1:A:31:ILE:HG12	1:A:109:LEU:HD13	7	0.67
(1,508)	1:A:31:ILE:HG12	1:A:109:LEU:HD21	7	0.67
(1,508)	1:A:31:ILE:HG12	1:A:109:LEU:HD22	7	0.67
(1,508)	1:A:31:ILE:HG12	1:A:109:LEU:HD23	7	0.67
(1,508)	1:A:31:ILE:HG13	1:A:109:LEU:HD11	7	0.67

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,508)	1:A:31:ILE:HG13	1:A:109:LEU:HD12	7	0.67
(1,508)	1:A:31:ILE:HG13	1:A:109:LEU:HD13	7	0.67
(1,508)	1:A:31:ILE:HG13	1:A:109:LEU:HD21	7	0.67
(1,508)	1:A:31:ILE:HG13	1:A:109:LEU:HD22	7	0.67
(1,508)	1:A:31:ILE:HG13	1:A:109:LEU:HD23	7	0.67
(1,507)	1:A:31:ILE:HG12	1:A:109:LEU:HB2	3	0.67
(1,507)	1:A:31:ILE:HG12	1:A:109:LEU:HB3	3	0.67
(1,507)	1:A:31:ILE:HG13	1:A:109:LEU:HB2	3	0.67
(1,507)	1:A:31:ILE:HG13	1:A:109:LEU:HB3	3	0.67
(1,439)	1:A:28:ILE:HB	1:A:42:LYS:HD2	1	0.67
(1,439)	1:A:28:ILE:HB	1:A:42:LYS:HD3	1	0.67
(1,335)	1:A:19:HIS:HA	1:A:21:LYS:H	3	0.67
(1,1593)	1:A:135:SER:HB2	1:A:140:LYS:HD2	2	0.67
(1,1593)	1:A:135:SER:HB2	1:A:140:LYS:HD3	2	0.67
(1,1593)	1:A:135:SER:HB3	1:A:140:LYS:HD2	2	0.67
(1,1593)	1:A:135:SER:HB3	1:A:140:LYS:HD3	2	0.67
(1,1443)	1:A:118:LYS:HE3	1:A:119:ALA:H	3	0.67
(1,137)	1:A:8:ASP:HB2	1:A:9:PRO:HA	1	0.67
(1,137)	1:A:8:ASP:HB3	1:A:9:PRO:HA	1	0.67
(1,1344)	1:A:111:ALA:HA	1:A:115:ARG:H	7	0.67
(1,1186)	1:A:99:PRO:HG2	1:A:132:SER:HA	4	0.67
(1,1002)	1:A:81:GLN:HG2	1:A:89:LEU:HD11	7	0.67
(1,1002)	1:A:81:GLN:HG2	1:A:89:LEU:HD12	7	0.67
(1,1002)	1:A:81:GLN:HG2	1:A:89:LEU:HD13	7	0.67
(1,1002)	1:A:81:GLN:HG2	1:A:89:LEU:HD21	7	0.67
(1,1002)	1:A:81:GLN:HG2	1:A:89:LEU:HD22	7	0.67
(1,1002)	1:A:81:GLN:HG2	1:A:89:LEU:HD23	7	0.67
(1,1002)	1:A:81:GLN:HG3	1:A:89:LEU:HD11	7	0.67
(1,1002)	1:A:81:GLN:HG3	1:A:89:LEU:HD12	7	0.67
(1,1002)	1:A:81:GLN:HG3	1:A:89:LEU:HD13	7	0.67
(1,1002)	1:A:81:GLN:HG3	1:A:89:LEU:HD21	7	0.67
(1,1002)	1:A:81:GLN:HG3	1:A:89:LEU:HD22	7	0.67
(1,1002)	1:A:81:GLN:HG3	1:A:89:LEU:HD23	7	0.67
(3,25)	1:A:68:ARG:H	1:A:97:TYR:O	9	0.66
(1,987)	1:A:80:ARG:H	1:A:85:GLY:H	4	0.66
(1,974)	1:A:79:GLN:HB2	1:A:86:THR:HG21	1	0.66
(1,974)	1:A:79:GLN:HB2	1:A:86:THR:HG22	1	0.66
(1,974)	1:A:79:GLN:HB2	1:A:86:THR:HG23	1	0.66
(1,945)	1:A:78:VAL:H	1:A:86:THR:HB	7	0.66
(1,897)	1:A:75:GLU:HG3	1:A:89:LEU:H	2	0.66
(1,786)	1:A:61:VAL:HG21	1:A:66:GLU:HB2	10	0.66
(1,786)	1:A:61:VAL:HG22	1:A:66:GLU:HB2	10	0.66

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,786)	1:A:61:VAL:HG23	1:A:66:GLU:HB2	10	0.66
(1,786)	1:A:61:VAL:HG21	1:A:66:GLU:HB3	10	0.66
(1,786)	1:A:61:VAL:HG22	1:A:66:GLU:HB3	10	0.66
(1,786)	1:A:61:VAL:HG23	1:A:66:GLU:HB3	10	0.66
(1,702)	1:A:55:GLU:HA	1:A:58:LYS:HB2	4	0.66
(1,702)	1:A:55:GLU:HA	1:A:58:LYS:HB3	4	0.66
(1,1704)	1:A:143:LYS:HA	1:A:146:LEU:HB2	10	0.66
(1,1704)	1:A:143:LYS:HA	1:A:146:LEU:HB3	10	0.66
(1,1651)	1:A:140:LYS:HD3	1:A:142:VAL:H	7	0.66
(1,1234)	1:A:104:VAL:HG21	1:A:107:ARG:H	7	0.66
(1,1234)	1:A:104:VAL:HG22	1:A:107:ARG:H	7	0.66
(1,1234)	1:A:104:VAL:HG23	1:A:107:ARG:H	7	0.66
(1,1162)	1:A:96:GLN:HG2	1:A:130:GLN:HA	10	0.66
(1,1162)	1:A:96:GLN:HG3	1:A:130:GLN:HA	10	0.66
(1,1113)	1:A:94:PHE:H	1:A:128:GLN:HB2	3	0.66
(1,1113)	1:A:94:PHE:H	1:A:128:GLN:HB3	3	0.66
(1,974)	1:A:79:GLN:HB2	1:A:86:THR:HG21	10	0.65
(1,974)	1:A:79:GLN:HB2	1:A:86:THR:HG22	10	0.65
(1,974)	1:A:79:GLN:HB2	1:A:86:THR:HG23	10	0.65
(1,910)	1:A:76:VAL:HA	1:A:147:MET:HG2	1	0.65
(1,910)	1:A:76:VAL:HA	1:A:147:MET:HG3	1	0.65
(1,892)	1:A:75:GLU:HG2	1:A:90:ASN:HA	3	0.65
(1,790)	1:A:61:VAL:HG11	1:A:66:GLU:HG2	8	0.65
(1,790)	1:A:61:VAL:HG11	1:A:66:GLU:HG3	8	0.65
(1,790)	1:A:61:VAL:HG12	1:A:66:GLU:HG2	8	0.65
(1,790)	1:A:61:VAL:HG12	1:A:66:GLU:HG3	8	0.65
(1,790)	1:A:61:VAL:HG13	1:A:66:GLU:HG2	8	0.65
(1,790)	1:A:61:VAL:HG13	1:A:66:GLU:HG3	8	0.65
(1,790)	1:A:61:VAL:HG21	1:A:66:GLU:HG2	8	0.65
(1,790)	1:A:61:VAL:HG21	1:A:66:GLU:HG3	8	0.65
(1,790)	1:A:61:VAL:HG22	1:A:66:GLU:HG2	8	0.65
(1,790)	1:A:61:VAL:HG22	1:A:66:GLU:HG3	8	0.65
(1,790)	1:A:61:VAL:HG23	1:A:66:GLU:HG2	8	0.65
(1,790)	1:A:61:VAL:HG23	1:A:66:GLU:HG3	8	0.65
(1,756)	1:A:58:LYS:HD3	1:A:59:LYS:H	6	0.65
(1,609)	1:A:49:PRO:HG2	1:A:51:ALA:H	6	0.65
(1,609)	1:A:49:PRO:HG3	1:A:51:ALA:H	6	0.65
(1,55)	1:A:6:LYS:HE2	1:A:7:VAL:H	9	0.65
(1,55)	1:A:6:LYS:HE3	1:A:7:VAL:H	9	0.65
(1,507)	1:A:31:ILE:HG12	1:A:109:LEU:HB2	5	0.65
(1,507)	1:A:31:ILE:HG12	1:A:109:LEU:HB3	5	0.65
(1,507)	1:A:31:ILE:HG13	1:A:109:LEU:HB2	5	0.65

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,507)	1:A:31:ILE:HG13	1:A:109:LEU:HB3	5	0.65
(1,498)	1:A:31:ILE:HG13	1:A:38:ILE:HA	5	0.65
(1,48)	1:A:6:LYS:H	1:A:6:LYS:HE2	4	0.65
(1,48)	1:A:6:LYS:H	1:A:6:LYS:HE3	4	0.65
(1,474)	1:A:30:LYS:HA	1:A:41:GLU:HG2	7	0.65
(1,474)	1:A:30:LYS:HA	1:A:41:GLU:HG3	7	0.65
(1,454)	1:A:28:ILE:HG12	1:A:41:GLU:HG2	6	0.65
(1,454)	1:A:28:ILE:HG12	1:A:41:GLU:HG3	6	0.65
(1,454)	1:A:28:ILE:HG13	1:A:41:GLU:HG2	6	0.65
(1,454)	1:A:28:ILE:HG13	1:A:41:GLU:HG3	6	0.65
(1,366)	1:A:25:SER:H	1:A:73:ASP:H	8	0.65
(1,345)	1:A:21:LYS:H	1:A:21:LYS:HE2	5	0.65
(1,345)	1:A:21:LYS:H	1:A:21:LYS:HE3	5	0.65
(1,34)	1:A:5:VAL:HB	1:A:7:VAL:HG11	10	0.65
(1,34)	1:A:5:VAL:HB	1:A:7:VAL:HG12	10	0.65
(1,34)	1:A:5:VAL:HB	1:A:7:VAL:HG13	10	0.65
(1,34)	1:A:5:VAL:HB	1:A:7:VAL:HG21	10	0.65
(1,34)	1:A:5:VAL:HB	1:A:7:VAL:HG22	10	0.65
(1,34)	1:A:5:VAL:HB	1:A:7:VAL:HG23	10	0.65
(1,1777)	1:A:149:ASN:HB2	1:A:151:ARG:H	9	0.65
(1,1777)	1:A:149:ASN:HB3	1:A:151:ARG:H	9	0.65
(1,1744)	1:A:146:LEU:HA	1:A:150:GLN:HA	7	0.65
(1,1726)	1:A:144:SER:HB3	1:A:146:LEU:H	7	0.65
(1,1726)	1:A:144:SER:HB3	1:A:146:LEU:H	10	0.65
(1,1636)	1:A:139:GLU:HG2	1:A:142:VAL:HG11	5	0.65
(1,1636)	1:A:139:GLU:HG2	1:A:142:VAL:HG12	5	0.65
(1,1636)	1:A:139:GLU:HG2	1:A:142:VAL:HG13	5	0.65
(1,1636)	1:A:139:GLU:HG2	1:A:142:VAL:HG21	5	0.65
(1,1636)	1:A:139:GLU:HG2	1:A:142:VAL:HG22	5	0.65
(1,1636)	1:A:139:GLU:HG2	1:A:142:VAL:HG23	5	0.65
(1,1636)	1:A:139:GLU:HG3	1:A:142:VAL:HG11	5	0.65
(1,1636)	1:A:139:GLU:HG3	1:A:142:VAL:HG12	5	0.65
(1,1636)	1:A:139:GLU:HG3	1:A:142:VAL:HG13	5	0.65
(1,1636)	1:A:139:GLU:HG3	1:A:142:VAL:HG21	5	0.65
(1,1636)	1:A:139:GLU:HG3	1:A:142:VAL:HG22	5	0.65
(1,1636)	1:A:139:GLU:HG3	1:A:142:VAL:HG23	5	0.65
(1,1449)	1:A:118:LYS:HG2	1:A:128:GLN:HB2	10	0.65
(1,1449)	1:A:118:LYS:HG2	1:A:128:GLN:HB3	10	0.65
(1,1449)	1:A:118:LYS:HG3	1:A:128:GLN:HB2	10	0.65
(1,1449)	1:A:118:LYS:HG3	1:A:128:GLN:HB3	10	0.65
(1,1224)	1:A:104:VAL:HB	1:A:106:ARG:H	6	0.65
(1,117)	1:A:8:ASP:H	1:A:39:VAL:HB	9	0.65

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,113)	1:A:8:ASP:H	1:A:37:ALA:HA	2	0.65
(1,1122)	1:A:94:PHE:HB2	1:A:118:LYS:HE2	5	0.65
(1,1122)	1:A:94:PHE:HB2	1:A:118:LYS:HE3	5	0.65
(1,1122)	1:A:94:PHE:HB3	1:A:118:LYS:HE2	5	0.65
(1,1122)	1:A:94:PHE:HB3	1:A:118:LYS:HE3	5	0.65
(1,994)	1:A:80:ARG:HG2	1:A:86:THR:HA	7	0.64
(1,994)	1:A:80:ARG:HG3	1:A:86:THR:HA	7	0.64
(1,950)	1:A:78:VAL:HA	1:A:88:THR:HG21	10	0.64
(1,950)	1:A:78:VAL:HA	1:A:88:THR:HG22	10	0.64
(1,950)	1:A:78:VAL:HA	1:A:88:THR:HG23	10	0.64
(1,889)	1:A:75:GLU:HG2	1:A:88:THR:HB	9	0.64
(1,784)	1:A:61:VAL:HG11	1:A:66:GLU:HG2	9	0.64
(1,784)	1:A:61:VAL:HG12	1:A:66:GLU:HG2	9	0.64
(1,784)	1:A:61:VAL:HG13	1:A:66:GLU:HG2	9	0.64
(1,784)	1:A:61:VAL:HG11	1:A:66:GLU:HG3	9	0.64
(1,784)	1:A:61:VAL:HG12	1:A:66:GLU:HG3	9	0.64
(1,784)	1:A:61:VAL:HG13	1:A:66:GLU:HG3	9	0.64
(1,715)	1:A:55:GLU:HG2	1:A:58:LYS:HE2	10	0.64
(1,715)	1:A:55:GLU:HG2	1:A:58:LYS:HE3	10	0.64
(1,715)	1:A:55:GLU:HG3	1:A:58:LYS:HE2	10	0.64
(1,715)	1:A:55:GLU:HG3	1:A:58:LYS:HE3	10	0.64
(1,64)	1:A:7:VAL:HA	1:A:117:LEU:HA	6	0.64
(1,574)	1:A:42:LYS:HA	1:A:56:GLU:HB2	10	0.64
(1,574)	1:A:42:LYS:HA	1:A:56:GLU:HB3	10	0.64
(1,498)	1:A:31:ILE:HG13	1:A:38:ILE:HA	10	0.64
(1,453)	1:A:28:ILE:HG12	1:A:41:GLU:HB2	9	0.64
(1,453)	1:A:28:ILE:HG12	1:A:41:GLU:HB3	9	0.64
(1,453)	1:A:28:ILE:HG13	1:A:41:GLU:HB2	9	0.64
(1,453)	1:A:28:ILE:HG13	1:A:41:GLU:HB3	9	0.64
(1,45)	1:A:6:LYS:H	1:A:37:ALA:HB1	5	0.64
(1,45)	1:A:6:LYS:H	1:A:37:ALA:HB2	5	0.64
(1,45)	1:A:6:LYS:H	1:A:37:ALA:HB3	5	0.64
(1,345)	1:A:21:LYS:H	1:A:21:LYS:HE2	2	0.64
(1,345)	1:A:21:LYS:H	1:A:21:LYS:HE3	2	0.64
(1,310)	1:A:18:LEU:HA	1:A:20:ASN:H	6	0.64
(1,302)	1:A:17:LEU:HD21	1:A:19:HIS:H	1	0.64
(1,302)	1:A:17:LEU:HD22	1:A:19:HIS:H	1	0.64
(1,302)	1:A:17:LEU:HD23	1:A:19:HIS:H	1	0.64
(1,275)	1:A:16:ASP:HA	1:A:20:ASN:H	10	0.64
(1,20)	1:A:4:GLY:H	1:A:5:VAL:HB	10	0.64
(1,1718)	1:A:144:SER:H	1:A:146:LEU:H	4	0.64
(1,1664)	1:A:141:SER:HA	1:A:143:LYS:H	7	0.64

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,1651)	1:A:140:LYS:HD3	1:A:142:VAL:H	4	0.64
(1,1443)	1:A:118:LYS:HE3	1:A:119:ALA:H	5	0.64
(1,137)	1:A:8:ASP:HB2	1:A:9:PRO:HA	10	0.64
(1,137)	1:A:8:ASP:HB3	1:A:9:PRO:HA	10	0.64
(1,1241)	1:A:104:VAL:HG11	1:A:107:ARG:HB2	9	0.64
(1,1241)	1:A:104:VAL:HG11	1:A:107:ARG:HB3	9	0.64
(1,1241)	1:A:104:VAL:HG12	1:A:107:ARG:HB2	9	0.64
(1,1241)	1:A:104:VAL:HG12	1:A:107:ARG:HB3	9	0.64
(1,1241)	1:A:104:VAL:HG13	1:A:107:ARG:HB2	9	0.64
(1,1241)	1:A:104:VAL:HG13	1:A:107:ARG:HB3	9	0.64
(1,1241)	1:A:104:VAL:HG21	1:A:107:ARG:HB2	9	0.64
(1,1241)	1:A:104:VAL:HG21	1:A:107:ARG:HB3	9	0.64
(1,1241)	1:A:104:VAL:HG22	1:A:107:ARG:HB2	9	0.64
(1,1241)	1:A:104:VAL:HG22	1:A:107:ARG:HB3	9	0.64
(1,1241)	1:A:104:VAL:HG23	1:A:107:ARG:HB2	9	0.64
(1,1241)	1:A:104:VAL:HG23	1:A:107:ARG:HB3	9	0.64
(1,1075)	1:A:92:VAL:HG11	1:A:146:LEU:HD11	7	0.64
(1,1075)	1:A:92:VAL:HG11	1:A:146:LEU:HD12	7	0.64
(1,1075)	1:A:92:VAL:HG11	1:A:146:LEU:HD13	7	0.64
(1,1075)	1:A:92:VAL:HG11	1:A:146:LEU:HD21	7	0.64
(1,1075)	1:A:92:VAL:HG11	1:A:146:LEU:HD22	7	0.64
(1,1075)	1:A:92:VAL:HG11	1:A:146:LEU:HD23	7	0.64
(1,1075)	1:A:92:VAL:HG12	1:A:146:LEU:HD11	7	0.64
(1,1075)	1:A:92:VAL:HG12	1:A:146:LEU:HD12	7	0.64
(1,1075)	1:A:92:VAL:HG12	1:A:146:LEU:HD13	7	0.64
(1,1075)	1:A:92:VAL:HG12	1:A:146:LEU:HD21	7	0.64
(1,1075)	1:A:92:VAL:HG12	1:A:146:LEU:HD22	7	0.64
(1,1075)	1:A:92:VAL:HG12	1:A:146:LEU:HD23	7	0.64
(1,1075)	1:A:92:VAL:HG13	1:A:146:LEU:HD11	7	0.64
(1,1075)	1:A:92:VAL:HG13	1:A:146:LEU:HD12	7	0.64
(1,1075)	1:A:92:VAL:HG13	1:A:146:LEU:HD13	7	0.64
(1,1075)	1:A:92:VAL:HG13	1:A:146:LEU:HD21	7	0.64
(1,1075)	1:A:92:VAL:HG13	1:A:146:LEU:HD22	7	0.64
(1,1075)	1:A:92:VAL:HG13	1:A:146:LEU:HD23	7	0.64
(1,1075)	1:A:92:VAL:HG21	1:A:146:LEU:HD11	7	0.64
(1,1075)	1:A:92:VAL:HG21	1:A:146:LEU:HD12	7	0.64
(1,1075)	1:A:92:VAL:HG21	1:A:146:LEU:HD13	7	0.64
(1,1075)	1:A:92:VAL:HG21	1:A:146:LEU:HD21	7	0.64
(1,1075)	1:A:92:VAL:HG21	1:A:146:LEU:HD22	7	0.64
(1,1075)	1:A:92:VAL:HG21	1:A:146:LEU:HD23	7	0.64
(1,1075)	1:A:92:VAL:HG22	1:A:146:LEU:HD11	7	0.64
(1,1075)	1:A:92:VAL:HG22	1:A:146:LEU:HD12	7	0.64

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,1075)	1:A:92:VAL:HG22	1:A:146:LEU:HD13	7	0.64
(1,1075)	1:A:92:VAL:HG22	1:A:146:LEU:HD21	7	0.64
(1,1075)	1:A:92:VAL:HG22	1:A:146:LEU:HD22	7	0.64
(1,1075)	1:A:92:VAL:HG22	1:A:146:LEU:HD23	7	0.64
(1,1075)	1:A:92:VAL:HG23	1:A:146:LEU:HD11	7	0.64
(1,1075)	1:A:92:VAL:HG23	1:A:146:LEU:HD12	7	0.64
(1,1075)	1:A:92:VAL:HG23	1:A:146:LEU:HD13	7	0.64
(1,1075)	1:A:92:VAL:HG23	1:A:146:LEU:HD21	7	0.64
(1,1075)	1:A:92:VAL:HG23	1:A:146:LEU:HD22	7	0.64
(1,1075)	1:A:92:VAL:HG23	1:A:146:LEU:HD23	7	0.64
(1,1002)	1:A:81:GLN:HG2	1:A:89:LEU:HD11	6	0.64
(1,1002)	1:A:81:GLN:HG2	1:A:89:LEU:HD12	6	0.64
(1,1002)	1:A:81:GLN:HG2	1:A:89:LEU:HD13	6	0.64
(1,1002)	1:A:81:GLN:HG2	1:A:89:LEU:HD21	6	0.64
(1,1002)	1:A:81:GLN:HG2	1:A:89:LEU:HD22	6	0.64
(1,1002)	1:A:81:GLN:HG2	1:A:89:LEU:HD23	6	0.64
(1,1002)	1:A:81:GLN:HG3	1:A:89:LEU:HD11	6	0.64
(1,1002)	1:A:81:GLN:HG3	1:A:89:LEU:HD12	6	0.64
(1,1002)	1:A:81:GLN:HG3	1:A:89:LEU:HD13	6	0.64
(1,1002)	1:A:81:GLN:HG3	1:A:89:LEU:HD21	6	0.64
(1,1002)	1:A:81:GLN:HG3	1:A:89:LEU:HD22	6	0.64
(1,1002)	1:A:81:GLN:HG3	1:A:89:LEU:HD23	6	0.64
(3,8)	1:A:13:ASN:O	1:A:17:LEU:N	10	0.63
(1,987)	1:A:80:ARG:H	1:A:85:GLY:H	9	0.63
(1,974)	1:A:79:GLN:HB2	1:A:86:THR:HG21	5	0.63
(1,974)	1:A:79:GLN:HB2	1:A:86:THR:HG22	5	0.63
(1,974)	1:A:79:GLN:HB2	1:A:86:THR:HG23	5	0.63
(1,947)	1:A:78:VAL:H	1:A:87:SER:H	3	0.63
(1,947)	1:A:78:VAL:H	1:A:87:SER:H	9	0.63
(1,910)	1:A:76:VAL:HA	1:A:147:MET:HG2	4	0.63
(1,910)	1:A:76:VAL:HA	1:A:147:MET:HG3	4	0.63
(1,892)	1:A:75:GLU:HG2	1:A:90:ASN:HA	9	0.63
(1,790)	1:A:61:VAL:HG11	1:A:66:GLU:HG2	9	0.63
(1,790)	1:A:61:VAL:HG11	1:A:66:GLU:HG3	9	0.63
(1,790)	1:A:61:VAL:HG12	1:A:66:GLU:HG2	9	0.63
(1,790)	1:A:61:VAL:HG12	1:A:66:GLU:HG3	9	0.63
(1,790)	1:A:61:VAL:HG13	1:A:66:GLU:HG2	9	0.63
(1,790)	1:A:61:VAL:HG13	1:A:66:GLU:HG3	9	0.63
(1,790)	1:A:61:VAL:HG21	1:A:66:GLU:HG2	9	0.63
(1,790)	1:A:61:VAL:HG21	1:A:66:GLU:HG3	9	0.63
(1,790)	1:A:61:VAL:HG22	1:A:66:GLU:HG2	9	0.63
(1,790)	1:A:61:VAL:HG22	1:A:66:GLU:HG3	9	0.63

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,790)	1:A:61:VAL:HG23	1:A:66:GLU:HG2	9	0.63
(1,790)	1:A:61:VAL:HG23	1:A:66:GLU:HG3	9	0.63
(1,705)	1:A:55:GLU:HA	1:A:59:LYS:HB3	4	0.63
(1,4)	1:A:1:MET:HA	1:A:114:VAL:HB	10	0.63
(1,237)	1:A:14:ALA:HA	1:A:18:LEU:H	3	0.63
(1,234)	1:A:14:ALA:H	1:A:43:VAL:HG11	8	0.63
(1,234)	1:A:14:ALA:H	1:A:43:VAL:HG12	8	0.63
(1,234)	1:A:14:ALA:H	1:A:43:VAL:HG13	8	0.63
(1,234)	1:A:14:ALA:H	1:A:43:VAL:HG21	8	0.63
(1,234)	1:A:14:ALA:H	1:A:43:VAL:HG22	8	0.63
(1,234)	1:A:14:ALA:H	1:A:43:VAL:HG23	8	0.63
(1,211)	1:A:12:LYS:HG3	1:A:121:LEU:HD11	9	0.63
(1,211)	1:A:12:LYS:HG3	1:A:121:LEU:HD12	9	0.63
(1,211)	1:A:12:LYS:HG3	1:A:121:LEU:HD13	9	0.63
(1,1775)	1:A:149:ASN:HB3	1:A:152:ILE:HG21	10	0.63
(1,1775)	1:A:149:ASN:HB3	1:A:152:ILE:HG22	10	0.63
(1,1775)	1:A:149:ASN:HB3	1:A:152:ILE:HG23	10	0.63
(1,1566)	1:A:133:GLU:HG2	1:A:135:SER:H	8	0.63
(1,1566)	1:A:133:GLU:HG3	1:A:135:SER:H	8	0.63
(1,14)	1:A:3:SER:H	1:A:113:SER:HA	2	0.63
(1,1333)	1:A:110:TYR:HA	1:A:114:VAL:H	1	0.63
(1,1305)	1:A:108:MET:HG2	1:A:112:SER:H	7	0.63
(1,1305)	1:A:108:MET:HG3	1:A:112:SER:H	7	0.63
(1,1293)	1:A:108:MET:HA	1:A:110:TYR:H	8	0.63
(1,1234)	1:A:104:VAL:HG21	1:A:107:ARG:H	4	0.63
(1,1234)	1:A:104:VAL:HG22	1:A:107:ARG:H	4	0.63
(1,1234)	1:A:104:VAL:HG23	1:A:107:ARG:H	4	0.63
(1,1027)	1:A:86:THR:HB	1:A:87:SER:H	6	0.63
(3,10)	1:A:26:TYR:N	1:A:44:GLY:O	4	0.62
(1,974)	1:A:79:GLN:HB2	1:A:86:THR:HG21	2	0.62
(1,974)	1:A:79:GLN:HB2	1:A:86:THR:HG22	2	0.62
(1,974)	1:A:79:GLN:HB2	1:A:86:THR:HG23	2	0.62
(1,970)	1:A:79:GLN:HA	1:A:86:THR:HB	1	0.62
(1,874)	1:A:75:GLU:HA	1:A:88:THR:HG21	6	0.62
(1,874)	1:A:75:GLU:HA	1:A:88:THR:HG22	6	0.62
(1,874)	1:A:75:GLU:HA	1:A:88:THR:HG23	6	0.62
(1,819)	1:A:69:TYR:HA	1:A:96:GLN:HB3	7	0.62
(1,749)	1:A:58:LYS:HA	1:A:62:GLU:H	1	0.62
(1,737)	1:A:57:MET:HG2	1:A:60:LEU:HG	6	0.62
(1,737)	1:A:57:MET:HG3	1:A:60:LEU:HG	6	0.62
(1,645)	1:A:52:GLU:HA	1:A:55:GLU:HG2	8	0.62
(1,645)	1:A:52:GLU:HA	1:A:55:GLU:HG3	8	0.62

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,594)	1:A:45:GLU:HG2	1:A:48:ALA:HB1	9	0.62
(1,594)	1:A:45:GLU:HG2	1:A:48:ALA:HB2	9	0.62
(1,594)	1:A:45:GLU:HG2	1:A:48:ALA:HB3	9	0.62
(1,594)	1:A:45:GLU:HG3	1:A:48:ALA:HB1	9	0.62
(1,594)	1:A:45:GLU:HG3	1:A:48:ALA:HB2	9	0.62
(1,594)	1:A:45:GLU:HG3	1:A:48:ALA:HB3	9	0.62
(1,594)	1:A:45:GLU:HG2	1:A:48:ALA:HB1	9	0.62
(1,594)	1:A:45:GLU:HG2	1:A:48:ALA:HB2	9	0.62
(1,594)	1:A:45:GLU:HG2	1:A:48:ALA:HB3	9	0.62
(1,594)	1:A:45:GLU:HG3	1:A:48:ALA:HB1	9	0.62
(1,594)	1:A:45:GLU:HG3	1:A:48:ALA:HB2	9	0.62
(1,594)	1:A:45:GLU:HG3	1:A:48:ALA:HB3	9	0.62
(1,509)	1:A:31:ILE:HG21	1:A:109:LEU:H	1	0.62
(1,509)	1:A:31:ILE:HG22	1:A:109:LEU:H	1	0.62
(1,509)	1:A:31:ILE:HG23	1:A:109:LEU:H	1	0.62
(1,402)	1:A:27:ILE:HB	1:A:43:VAL:HA	5	0.62
(1,387)	1:A:26:TYR:HB2	1:A:73:ASP:H	6	0.62
(1,387)	1:A:26:TYR:HB3	1:A:73:ASP:H	6	0.62
(1,1777)	1:A:149:ASN:HB2	1:A:151:ARG:H	6	0.62
(1,1777)	1:A:149:ASN:HB3	1:A:151:ARG:H	6	0.62
(1,1777)	1:A:149:ASN:HB2	1:A:151:ARG:H	7	0.62
(1,1777)	1:A:149:ASN:HB3	1:A:151:ARG:H	7	0.62
(1,1774)	1:A:149:ASN:HB3	1:A:152:ILE:HD11	7	0.62
(1,1774)	1:A:149:ASN:HB3	1:A:152:ILE:HD12	7	0.62
(1,1774)	1:A:149:ASN:HB3	1:A:152:ILE:HD13	7	0.62
(1,1771)	1:A:149:ASN:HB2	1:A:152:ILE:HD11	4	0.62
(1,1771)	1:A:149:ASN:HB2	1:A:152:ILE:HD12	4	0.62
(1,1771)	1:A:149:ASN:HB2	1:A:152:ILE:HD13	4	0.62
(1,1725)	1:A:144:SER:HB3	1:A:145:ASP:H	2	0.62
(1,158)	1:A:10:SER:HB3	1:A:12:LYS:H	5	0.62
(1,1189)	1:A:99:PRO:HG3	1:A:102:ALA:HA	7	0.62
(1,1174)	1:A:99:PRO:HA	1:A:102:ALA:H	6	0.62
(1,1001)	1:A:81:GLN:HB2	1:A:89:LEU:HD11	3	0.62
(1,1001)	1:A:81:GLN:HB2	1:A:89:LEU:HD12	3	0.62
(1,1001)	1:A:81:GLN:HB2	1:A:89:LEU:HD13	3	0.62
(1,1001)	1:A:81:GLN:HB2	1:A:89:LEU:HD21	3	0.62
(1,1001)	1:A:81:GLN:HB2	1:A:89:LEU:HD22	3	0.62
(1,1001)	1:A:81:GLN:HB2	1:A:89:LEU:HD23	3	0.62
(1,1001)	1:A:81:GLN:HB3	1:A:89:LEU:HD11	3	0.62
(1,1001)	1:A:81:GLN:HB3	1:A:89:LEU:HD12	3	0.62
(1,1001)	1:A:81:GLN:HB3	1:A:89:LEU:HD13	3	0.62
(1,1001)	1:A:81:GLN:HB3	1:A:89:LEU:HD21	3	0.62

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,1001)	1:A:81:GLN:HB3	1:A:89:LEU:HD22	3	0.62
(1,1001)	1:A:81:GLN:HB3	1:A:89:LEU:HD23	3	0.62
(1,968)	1:A:79:GLN:HA	1:A:85:GLY:H	9	0.61
(1,692)	1:A:54:VAL:HG11	1:A:58:LYS:HE2	8	0.61
(1,692)	1:A:54:VAL:HG11	1:A:58:LYS:HE3	8	0.61
(1,692)	1:A:54:VAL:HG12	1:A:58:LYS:HE2	8	0.61
(1,692)	1:A:54:VAL:HG12	1:A:58:LYS:HE3	8	0.61
(1,692)	1:A:54:VAL:HG13	1:A:58:LYS:HE2	8	0.61
(1,692)	1:A:54:VAL:HG13	1:A:58:LYS:HE3	8	0.61
(1,692)	1:A:54:VAL:HG21	1:A:58:LYS:HE2	8	0.61
(1,692)	1:A:54:VAL:HG21	1:A:58:LYS:HE3	8	0.61
(1,692)	1:A:54:VAL:HG22	1:A:58:LYS:HE2	8	0.61
(1,692)	1:A:54:VAL:HG22	1:A:58:LYS:HE3	8	0.61
(1,692)	1:A:54:VAL:HG23	1:A:58:LYS:HE2	8	0.61
(1,692)	1:A:54:VAL:HG23	1:A:58:LYS:HE3	8	0.61
(1,685)	1:A:54:VAL:HG11	1:A:138:ASP:HA	8	0.61
(1,685)	1:A:54:VAL:HG12	1:A:138:ASP:HA	8	0.61
(1,685)	1:A:54:VAL:HG13	1:A:138:ASP:HA	8	0.61
(1,685)	1:A:54:VAL:HG21	1:A:138:ASP:HA	8	0.61
(1,685)	1:A:54:VAL:HG22	1:A:138:ASP:HA	8	0.61
(1,685)	1:A:54:VAL:HG23	1:A:138:ASP:HA	8	0.61
(1,65)	1:A:7:VAL:HA	1:A:37:ALA:HA	9	0.61
(1,611)	1:A:49:PRO:HG2	1:A:52:GLU:H	2	0.61
(1,611)	1:A:49:PRO:HG3	1:A:52:GLU:H	2	0.61
(1,611)	1:A:49:PRO:HG2	1:A:52:GLU:H	9	0.61
(1,611)	1:A:49:PRO:HG3	1:A:52:GLU:H	9	0.61
(1,605)	1:A:49:PRO:HB3	1:A:51:ALA:HB1	4	0.61
(1,605)	1:A:49:PRO:HB3	1:A:51:ALA:HB2	4	0.61
(1,605)	1:A:49:PRO:HB3	1:A:51:ALA:HB3	4	0.61
(1,533)	1:A:35:ASP:H	1:A:37:ALA:HB1	7	0.61
(1,533)	1:A:35:ASP:H	1:A:37:ALA:HB2	7	0.61
(1,533)	1:A:35:ASP:H	1:A:37:ALA:HB3	7	0.61
(1,523)	1:A:33:LYS:HG2	1:A:36:THR:HA	1	0.61
(1,500)	1:A:31:ILE:HG13	1:A:38:ILE:HD11	3	0.61
(1,500)	1:A:31:ILE:HG13	1:A:38:ILE:HD12	3	0.61
(1,500)	1:A:31:ILE:HG13	1:A:38:ILE:HD13	3	0.61
(1,440)	1:A:28:ILE:HB	1:A:70:ALA:HB1	4	0.61
(1,440)	1:A:28:ILE:HB	1:A:70:ALA:HB2	4	0.61
(1,440)	1:A:28:ILE:HB	1:A:70:ALA:HB3	4	0.61
(1,434)	1:A:28:ILE:HB	1:A:41:GLU:HA	10	0.61
(1,303)	1:A:17:LEU:HD11	1:A:21:LYS:HD2	4	0.61
(1,303)	1:A:17:LEU:HD11	1:A:21:LYS:HD3	4	0.61

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,303)	1:A:17:LEU:HD12	1:A:21:LYS:HD2	4	0.61
(1,303)	1:A:17:LEU:HD12	1:A:21:LYS:HD3	4	0.61
(1,303)	1:A:17:LEU:HD13	1:A:21:LYS:HD2	4	0.61
(1,303)	1:A:17:LEU:HD13	1:A:21:LYS:HD3	4	0.61
(1,303)	1:A:17:LEU:HD21	1:A:21:LYS:HD2	4	0.61
(1,303)	1:A:17:LEU:HD21	1:A:21:LYS:HD3	4	0.61
(1,303)	1:A:17:LEU:HD22	1:A:21:LYS:HD2	4	0.61
(1,303)	1:A:17:LEU:HD22	1:A:21:LYS:HD3	4	0.61
(1,303)	1:A:17:LEU:HD23	1:A:21:LYS:HD2	4	0.61
(1,303)	1:A:17:LEU:HD23	1:A:21:LYS:HD3	4	0.61
(1,27)	1:A:5:VAL:HA	1:A:36:THR:HA	4	0.61
(1,1799)	1:A:151:ARG:H	1:A:152:ILE:H	6	0.61
(1,1726)	1:A:144:SER:HB3	1:A:146:LEU:H	8	0.61
(1,1703)	1:A:143:LYS:HA	1:A:146:LEU:HA	6	0.61
(1,1636)	1:A:139:GLU:HG2	1:A:142:VAL:HG11	6	0.61
(1,1636)	1:A:139:GLU:HG2	1:A:142:VAL:HG12	6	0.61
(1,1636)	1:A:139:GLU:HG2	1:A:142:VAL:HG13	6	0.61
(1,1636)	1:A:139:GLU:HG2	1:A:142:VAL:HG21	6	0.61
(1,1636)	1:A:139:GLU:HG2	1:A:142:VAL:HG22	6	0.61
(1,1636)	1:A:139:GLU:HG2	1:A:142:VAL:HG23	6	0.61
(1,1636)	1:A:139:GLU:HG3	1:A:142:VAL:HG11	6	0.61
(1,1636)	1:A:139:GLU:HG3	1:A:142:VAL:HG12	6	0.61
(1,1636)	1:A:139:GLU:HG3	1:A:142:VAL:HG13	6	0.61
(1,1636)	1:A:139:GLU:HG3	1:A:142:VAL:HG21	6	0.61
(1,1636)	1:A:139:GLU:HG3	1:A:142:VAL:HG22	6	0.61
(1,1636)	1:A:139:GLU:HG3	1:A:142:VAL:HG23	6	0.61
(1,137)	1:A:8:ASP:HB2	1:A:9:PRO:HA	5	0.61
(1,137)	1:A:8:ASP:HB3	1:A:9:PRO:HA	5	0.61
(1,1344)	1:A:111:ALA:HA	1:A:115:ARG:H	6	0.61
(1,1172)	1:A:98:CYS:HB2	1:A:107:ARG:HA	10	0.61
(1,1172)	1:A:98:CYS:HB3	1:A:107:ARG:HA	10	0.61
(1,117)	1:A:8:ASP:H	1:A:39:VAL:HB	7	0.61
(1,116)	1:A:8:ASP:H	1:A:39:VAL:HA	3	0.61
(1,1015)	1:A:84:GLU:H	1:A:85:GLY:H	9	0.61
(1,971)	1:A:79:GLN:HA	1:A:86:THR:HG21	1	0.6
(1,971)	1:A:79:GLN:HA	1:A:86:THR:HG22	1	0.6
(1,971)	1:A:79:GLN:HA	1:A:86:THR:HG23	1	0.6
(1,894)	1:A:75:GLU:HG3	1:A:76:VAL:H	2	0.6
(1,887)	1:A:75:GLU:HB3	1:A:89:LEU:H	1	0.6
(1,705)	1:A:55:GLU:HA	1:A:59:LYS:HB3	5	0.6
(1,578)	1:A:42:LYS:HD2	1:A:56:GLU:HB2	7	0.6
(1,578)	1:A:42:LYS:HD2	1:A:56:GLU:HB3	7	0.6

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,578)	1:A:42:LYS:HD3	1:A:56:GLU:HB2	7	0.6
(1,578)	1:A:42:LYS:HD3	1:A:56:GLU:HB3	7	0.6
(1,489)	1:A:31:ILE:HA	1:A:38:ILE:HD11	2	0.6
(1,489)	1:A:31:ILE:HA	1:A:38:ILE:HD12	2	0.6
(1,489)	1:A:31:ILE:HA	1:A:38:ILE:HD13	2	0.6
(1,453)	1:A:28:ILE:HG12	1:A:41:GLU:HB2	8	0.6
(1,453)	1:A:28:ILE:HG12	1:A:41:GLU:HB3	8	0.6
(1,453)	1:A:28:ILE:HG13	1:A:41:GLU:HB2	8	0.6
(1,453)	1:A:28:ILE:HG13	1:A:41:GLU:HB3	8	0.6
(1,402)	1:A:27:ILE:HB	1:A:43:VAL:HA	6	0.6
(1,331)	1:A:18:LEU:HD11	1:A:92:VAL:HA	6	0.6
(1,331)	1:A:18:LEU:HD12	1:A:92:VAL:HA	6	0.6
(1,331)	1:A:18:LEU:HD13	1:A:92:VAL:HA	6	0.6
(1,331)	1:A:18:LEU:HD21	1:A:92:VAL:HA	6	0.6
(1,331)	1:A:18:LEU:HD22	1:A:92:VAL:HA	6	0.6
(1,331)	1:A:18:LEU:HD23	1:A:92:VAL:HA	6	0.6
(1,323)	1:A:18:LEU:HD21	1:A:71:ALA:HA	7	0.6
(1,323)	1:A:18:LEU:HD22	1:A:71:ALA:HA	7	0.6
(1,323)	1:A:18:LEU:HD23	1:A:71:ALA:HA	7	0.6
(1,266)	1:A:15:TYR:HB2	1:A:123:LEU:HD11	10	0.6
(1,266)	1:A:15:TYR:HB2	1:A:123:LEU:HD12	10	0.6
(1,266)	1:A:15:TYR:HB2	1:A:123:LEU:HD13	10	0.6
(1,266)	1:A:15:TYR:HB2	1:A:123:LEU:HD21	10	0.6
(1,266)	1:A:15:TYR:HB2	1:A:123:LEU:HD22	10	0.6
(1,266)	1:A:15:TYR:HB2	1:A:123:LEU:HD23	10	0.6
(1,266)	1:A:15:TYR:HB3	1:A:123:LEU:HD11	10	0.6
(1,266)	1:A:15:TYR:HB3	1:A:123:LEU:HD12	10	0.6
(1,266)	1:A:15:TYR:HB3	1:A:123:LEU:HD13	10	0.6
(1,266)	1:A:15:TYR:HB3	1:A:123:LEU:HD21	10	0.6
(1,266)	1:A:15:TYR:HB3	1:A:123:LEU:HD22	10	0.6
(1,266)	1:A:15:TYR:HB3	1:A:123:LEU:HD23	10	0.6
(1,211)	1:A:12:LYS:HG3	1:A:121:LEU:HD11	10	0.6
(1,211)	1:A:12:LYS:HG3	1:A:121:LEU:HD12	10	0.6
(1,211)	1:A:12:LYS:HG3	1:A:121:LEU:HD13	10	0.6
(1,1771)	1:A:149:ASN:HB2	1:A:152:ILE:HD11	8	0.6
(1,1771)	1:A:149:ASN:HB2	1:A:152:ILE:HD12	8	0.6
(1,1771)	1:A:149:ASN:HB2	1:A:152:ILE:HD13	8	0.6
(1,1664)	1:A:141:SER:HA	1:A:143:LYS:H	8	0.6
(1,1316)	1:A:109:LEU:HA	1:A:113:SER:H	1	0.6
(1,1260)	1:A:105:ARG:HD2	1:A:106:ARG:H	3	0.6
(1,1260)	1:A:105:ARG:HD3	1:A:106:ARG:H	3	0.6
(1,1161)	1:A:96:GLN:HG2	1:A:114:VAL:HG11	1	0.6

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,1161)	1:A:96:GLN:HG2	1:A:114:VAL:HG12	1	0.6
(1,1161)	1:A:96:GLN:HG2	1:A:114:VAL:HG13	1	0.6
(1,1161)	1:A:96:GLN:HG2	1:A:114:VAL:HG21	1	0.6
(1,1161)	1:A:96:GLN:HG2	1:A:114:VAL:HG22	1	0.6
(1,1161)	1:A:96:GLN:HG2	1:A:114:VAL:HG23	1	0.6
(1,1161)	1:A:96:GLN:HG3	1:A:114:VAL:HG11	1	0.6
(1,1161)	1:A:96:GLN:HG3	1:A:114:VAL:HG12	1	0.6
(1,1161)	1:A:96:GLN:HG3	1:A:114:VAL:HG13	1	0.6
(1,1161)	1:A:96:GLN:HG3	1:A:114:VAL:HG21	1	0.6
(1,1161)	1:A:96:GLN:HG3	1:A:114:VAL:HG22	1	0.6
(1,1161)	1:A:96:GLN:HG3	1:A:114:VAL:HG23	1	0.6
(1,1120)	1:A:94:PHE:HA	1:A:128:GLN:HB2	9	0.6
(1,1120)	1:A:94:PHE:HA	1:A:128:GLN:HB3	9	0.6
(1,1104)	1:A:93:ILE:HG12	1:A:127:PHE:HB2	10	0.6
(1,1104)	1:A:93:ILE:HG12	1:A:127:PHE:HB3	10	0.6
(1,1104)	1:A:93:ILE:HG13	1:A:127:PHE:HB2	10	0.6
(1,1104)	1:A:93:ILE:HG13	1:A:127:PHE:HB3	10	0.6
(2,19)	1:A:53:PHE:HA	1:A:72:VAL:HG11	9	0.59
(2,19)	1:A:53:PHE:HA	1:A:72:VAL:HG12	9	0.59
(2,19)	1:A:53:PHE:HA	1:A:72:VAL:HG13	9	0.59
(2,19)	1:A:53:PHE:HA	1:A:72:VAL:HG21	9	0.59
(2,19)	1:A:53:PHE:HA	1:A:72:VAL:HG22	9	0.59
(2,19)	1:A:53:PHE:HA	1:A:72:VAL:HG23	9	0.59
(1,93)	1:A:7:VAL:HG21	1:A:38:ILE:H	2	0.59
(1,93)	1:A:7:VAL:HG22	1:A:38:ILE:H	2	0.59
(1,93)	1:A:7:VAL:HG23	1:A:38:ILE:H	2	0.59
(1,752)	1:A:58:LYS:HB3	1:A:59:LYS:H	4	0.59
(1,654)	1:A:53:PHE:HA	1:A:55:GLU:H	6	0.59
(1,524)	1:A:33:LYS:HG2	1:A:36:THR:HB	5	0.59
(1,314)	1:A:18:LEU:HB2	1:A:71:ALA:HB1	5	0.59
(1,314)	1:A:18:LEU:HB2	1:A:71:ALA:HB2	5	0.59
(1,314)	1:A:18:LEU:HB2	1:A:71:ALA:HB3	5	0.59
(1,314)	1:A:18:LEU:HB3	1:A:71:ALA:HB1	5	0.59
(1,314)	1:A:18:LEU:HB3	1:A:71:ALA:HB2	5	0.59
(1,314)	1:A:18:LEU:HB3	1:A:71:ALA:HB3	5	0.59
(1,256)	1:A:15:TYR:HB2	1:A:121:LEU:HG	9	0.59
(1,225)	1:A:13:ASN:HA	1:A:17:LEU:H	2	0.59
(1,206)	1:A:12:LYS:HD3	1:A:15:TYR:H	10	0.59
(1,1441)	1:A:118:LYS:HE2	1:A:119:ALA:H	7	0.59
(1,1316)	1:A:109:LEU:HA	1:A:113:SER:H	7	0.59
(1,1165)	1:A:97:TYR:HA	1:A:131:ALA:HA	9	0.59
(1,968)	1:A:79:GLN:HA	1:A:85:GLY:H	7	0.58

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,968)	1:A:79:GLN:HA	1:A:85:GLY:H	8	0.58
(1,891)	1:A:75:GLU:HG2	1:A:89:LEU:H	8	0.58
(1,83)	1:A:7:VAL:HG11	1:A:120:SER:HA	2	0.58
(1,83)	1:A:7:VAL:HG12	1:A:120:SER:HA	2	0.58
(1,83)	1:A:7:VAL:HG13	1:A:120:SER:HA	2	0.58
(1,73)	1:A:7:VAL:HB	1:A:120:SER:HA	8	0.58
(1,705)	1:A:55:GLU:HA	1:A:59:LYS:HB3	10	0.58
(1,702)	1:A:55:GLU:HA	1:A:58:LYS:HB2	10	0.58
(1,702)	1:A:55:GLU:HA	1:A:58:LYS:HB3	10	0.58
(1,66)	1:A:7:VAL:HA	1:A:37:ALA:HB1	5	0.58
(1,66)	1:A:7:VAL:HA	1:A:37:ALA:HB2	5	0.58
(1,66)	1:A:7:VAL:HA	1:A:37:ALA:HB3	5	0.58
(1,655)	1:A:53:PHE:HA	1:A:56:GLU:H	6	0.58
(1,608)	1:A:49:PRO:HG2	1:A:50:TYR:H	2	0.58
(1,608)	1:A:49:PRO:HG3	1:A:50:TYR:H	2	0.58
(1,590)	1:A:45:GLU:HB2	1:A:48:ALA:HA	4	0.58
(1,574)	1:A:42:LYS:HA	1:A:56:GLU:HB2	5	0.58
(1,574)	1:A:42:LYS:HA	1:A:56:GLU:HB3	5	0.58
(1,574)	1:A:42:LYS:HA	1:A:56:GLU:HB2	7	0.58
(1,574)	1:A:42:LYS:HA	1:A:56:GLU:HB3	7	0.58
(1,518)	1:A:32:ASP:HB3	1:A:37:ALA:H	7	0.58
(1,482)	1:A:30:LYS:HB2	1:A:41:GLU:HG2	7	0.58
(1,482)	1:A:30:LYS:HB2	1:A:41:GLU:HG3	7	0.58
(1,482)	1:A:30:LYS:HB3	1:A:41:GLU:HG2	7	0.58
(1,482)	1:A:30:LYS:HB3	1:A:41:GLU:HG3	7	0.58
(1,439)	1:A:28:ILE:HB	1:A:42:LYS:HD2	10	0.58
(1,439)	1:A:28:ILE:HB	1:A:42:LYS:HD3	10	0.58
(1,316)	1:A:18:LEU:HD11	1:A:123:LEU:HG	4	0.58
(1,316)	1:A:18:LEU:HD12	1:A:123:LEU:HG	4	0.58
(1,316)	1:A:18:LEU:HD13	1:A:123:LEU:HG	4	0.58
(1,1799)	1:A:151:ARG:H	1:A:152:ILE:H	4	0.58
(1,1781)	1:A:149:ASN:HB2	1:A:152:ILE:HG21	6	0.58
(1,1781)	1:A:149:ASN:HB2	1:A:152:ILE:HG22	6	0.58
(1,1781)	1:A:149:ASN:HB2	1:A:152:ILE:HG23	6	0.58
(1,1781)	1:A:149:ASN:HB3	1:A:152:ILE:HG21	6	0.58
(1,1781)	1:A:149:ASN:HB3	1:A:152:ILE:HG22	6	0.58
(1,1781)	1:A:149:ASN:HB3	1:A:152:ILE:HG23	6	0.58
(1,1777)	1:A:149:ASN:HB2	1:A:151:ARG:H	4	0.58
(1,1777)	1:A:149:ASN:HB3	1:A:151:ARG:H	4	0.58
(1,1709)	1:A:143:LYS:HB2	1:A:147:MET:H	4	0.58
(1,1709)	1:A:143:LYS:HB2	1:A:147:MET:H	9	0.58
(1,162)	1:A:10:SER:HB2	1:A:13:ASN:H	10	0.58

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,162)	1:A:10:SER:HB3	1:A:13:ASN:H	10	0.58
(1,1580)	1:A:134:MET:HB2	1:A:136:ASP:H	10	0.58
(1,1580)	1:A:134:MET:HB3	1:A:136:ASP:H	10	0.58
(1,1558)	1:A:133:GLU:H	1:A:133:GLU:HG2	3	0.58
(1,1558)	1:A:133:GLU:H	1:A:133:GLU:HG3	3	0.58
(1,1441)	1:A:118:LYS:HE2	1:A:119:ALA:H	1	0.58
(1,137)	1:A:8:ASP:HB2	1:A:9:PRO:HA	8	0.58
(1,137)	1:A:8:ASP:HB3	1:A:9:PRO:HA	8	0.58
(1,1316)	1:A:109:LEU:HA	1:A:113:SER:H	8	0.58
(1,1299)	1:A:108:MET:HB2	1:A:112:SER:H	1	0.58
(1,1299)	1:A:108:MET:HB2	1:A:112:SER:H	8	0.58
(1,1218)	1:A:104:VAL:HA	1:A:106:ARG:H	1	0.58
(1,1174)	1:A:99:PRO:HA	1:A:102:ALA:H	10	0.58
(1,1169)	1:A:97:TYR:HB3	1:A:131:ALA:HB1	5	0.58
(1,1169)	1:A:97:TYR:HB3	1:A:131:ALA:HB2	5	0.58
(1,1169)	1:A:97:TYR:HB3	1:A:131:ALA:HB3	5	0.58
(1,1145)	1:A:95:VAL:HG11	1:A:131:ALA:HA	1	0.58
(1,1145)	1:A:95:VAL:HG12	1:A:131:ALA:HA	1	0.58
(1,1145)	1:A:95:VAL:HG13	1:A:131:ALA:HA	1	0.58
(1,1145)	1:A:95:VAL:HG21	1:A:131:ALA:HA	1	0.58
(1,1145)	1:A:95:VAL:HG22	1:A:131:ALA:HA	1	0.58
(1,1145)	1:A:95:VAL:HG23	1:A:131:ALA:HA	1	0.58
(1,973)	1:A:79:GLN:HB2	1:A:85:GLY:H	8	0.57
(1,935)	1:A:77:THR:HB	1:A:87:SER:H	9	0.57
(1,898)	1:A:75:GLU:HG3	1:A:90:ASN:HA	10	0.57
(1,822)	1:A:70:ALA:H	1:A:94:PHE:HA	9	0.57
(1,74)	1:A:7:VAL:HB	1:A:120:SER:HB2	1	0.57
(1,74)	1:A:7:VAL:HB	1:A:120:SER:HB3	1	0.57
(1,74)	1:A:7:VAL:HB	1:A:120:SER:HB2	1	0.57
(1,74)	1:A:7:VAL:HB	1:A:120:SER:HB3	1	0.57
(1,73)	1:A:7:VAL:HB	1:A:120:SER:HA	2	0.57
(1,611)	1:A:49:PRO:HG2	1:A:52:GLU:H	8	0.57
(1,611)	1:A:49:PRO:HG3	1:A:52:GLU:H	8	0.57
(1,484)	1:A:30:LYS:HG2	1:A:39:VAL:HG11	4	0.57
(1,484)	1:A:30:LYS:HG2	1:A:39:VAL:HG12	4	0.57
(1,484)	1:A:30:LYS:HG2	1:A:39:VAL:HG13	4	0.57
(1,484)	1:A:30:LYS:HG2	1:A:39:VAL:HG21	4	0.57
(1,484)	1:A:30:LYS:HG2	1:A:39:VAL:HG22	4	0.57
(1,484)	1:A:30:LYS:HG2	1:A:39:VAL:HG23	4	0.57
(1,484)	1:A:30:LYS:HG3	1:A:39:VAL:HG11	4	0.57
(1,484)	1:A:30:LYS:HG3	1:A:39:VAL:HG12	4	0.57
(1,484)	1:A:30:LYS:HG3	1:A:39:VAL:HG13	4	0.57

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,484)	1:A:30:LYS:HG3	1:A:39:VAL:HG21	4	0.57
(1,484)	1:A:30:LYS:HG3	1:A:39:VAL:HG22	4	0.57
(1,484)	1:A:30:LYS:HG3	1:A:39:VAL:HG23	4	0.57
(1,434)	1:A:28:ILE:HB	1:A:41:GLU:HA	4	0.57
(1,225)	1:A:13:ASN:HA	1:A:17:LEU:H	6	0.57
(1,225)	1:A:13:ASN:HA	1:A:17:LEU:H	8	0.57
(1,214)	1:A:12:LYS:HG3	1:A:15:TYR:H	5	0.57
(1,211)	1:A:12:LYS:HG3	1:A:121:LEU:HD11	1	0.57
(1,211)	1:A:12:LYS:HG3	1:A:121:LEU:HD12	1	0.57
(1,211)	1:A:12:LYS:HG3	1:A:121:LEU:HD13	1	0.57
(1,1778)	1:A:149:ASN:HB2	1:A:151:ARG:HA	9	0.57
(1,1778)	1:A:149:ASN:HB3	1:A:151:ARG:HA	9	0.57
(1,1756)	1:A:147:MET:HA	1:A:149:ASN:H	4	0.57
(1,1636)	1:A:139:GLU:HG2	1:A:142:VAL:HG11	3	0.57
(1,1636)	1:A:139:GLU:HG2	1:A:142:VAL:HG12	3	0.57
(1,1636)	1:A:139:GLU:HG2	1:A:142:VAL:HG13	3	0.57
(1,1636)	1:A:139:GLU:HG2	1:A:142:VAL:HG21	3	0.57
(1,1636)	1:A:139:GLU:HG2	1:A:142:VAL:HG22	3	0.57
(1,1636)	1:A:139:GLU:HG2	1:A:142:VAL:HG23	3	0.57
(1,1636)	1:A:139:GLU:HG3	1:A:142:VAL:HG11	3	0.57
(1,1636)	1:A:139:GLU:HG3	1:A:142:VAL:HG12	3	0.57
(1,1636)	1:A:139:GLU:HG3	1:A:142:VAL:HG13	3	0.57
(1,1636)	1:A:139:GLU:HG3	1:A:142:VAL:HG21	3	0.57
(1,1636)	1:A:139:GLU:HG3	1:A:142:VAL:HG22	3	0.57
(1,1636)	1:A:139:GLU:HG3	1:A:142:VAL:HG23	3	0.57
(1,162)	1:A:10:SER:HB2	1:A:13:ASN:H	3	0.57
(1,162)	1:A:10:SER:HB3	1:A:13:ASN:H	3	0.57
(1,159)	1:A:10:SER:HB3	1:A:13:ASN:H	7	0.57
(1,158)	1:A:10:SER:HB3	1:A:12:LYS:H	3	0.57
(1,158)	1:A:10:SER:HB3	1:A:12:LYS:H	6	0.57
(1,1442)	1:A:118:LYS:HE2	1:A:121:LEU:H	4	0.57
(1,137)	1:A:8:ASP:HB2	1:A:9:PRO:HA	3	0.57
(1,137)	1:A:8:ASP:HB3	1:A:9:PRO:HA	3	0.57
(1,1299)	1:A:108:MET:HB2	1:A:112:SER:H	2	0.57
(1,1241)	1:A:104:VAL:HG11	1:A:107:ARG:HB2	5	0.57
(1,1241)	1:A:104:VAL:HG11	1:A:107:ARG:HB3	5	0.57
(1,1241)	1:A:104:VAL:HG12	1:A:107:ARG:HB2	5	0.57
(1,1241)	1:A:104:VAL:HG12	1:A:107:ARG:HB3	5	0.57
(1,1241)	1:A:104:VAL:HG13	1:A:107:ARG:HB2	5	0.57
(1,1241)	1:A:104:VAL:HG13	1:A:107:ARG:HB3	5	0.57
(1,1241)	1:A:104:VAL:HG21	1:A:107:ARG:HB2	5	0.57
(1,1241)	1:A:104:VAL:HG21	1:A:107:ARG:HB3	5	0.57

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,1241)	1:A:104:VAL:HG22	1:A:107:ARG:HB2	5	0.57
(1,1241)	1:A:104:VAL:HG22	1:A:107:ARG:HB3	5	0.57
(1,1241)	1:A:104:VAL:HG23	1:A:107:ARG:HB2	5	0.57
(1,1241)	1:A:104:VAL:HG23	1:A:107:ARG:HB3	5	0.57
(1,1208)	1:A:103:PRO:HA	1:A:107:ARG:H	7	0.57
(1,1082)	1:A:93:ILE:HA	1:A:127:PHE:HA	7	0.57
(1,1067)	1:A:92:VAL:H	1:A:127:PHE:H	4	0.57
(2,2)	1:A:2:ALA:HB1	1:A:112:SER:H	6	0.56
(2,2)	1:A:2:ALA:HB2	1:A:112:SER:H	6	0.56
(2,2)	1:A:2:ALA:HB3	1:A:112:SER:H	6	0.56
(1,976)	1:A:79:GLN:HB3	1:A:86:THR:HG21	7	0.56
(1,976)	1:A:79:GLN:HB3	1:A:86:THR:HG22	7	0.56
(1,976)	1:A:79:GLN:HB3	1:A:86:THR:HG23	7	0.56
(1,95)	1:A:7:VAL:HG21	1:A:38:ILE:HG21	6	0.56
(1,95)	1:A:7:VAL:HG21	1:A:38:ILE:HG22	6	0.56
(1,95)	1:A:7:VAL:HG21	1:A:38:ILE:HG23	6	0.56
(1,95)	1:A:7:VAL:HG22	1:A:38:ILE:HG21	6	0.56
(1,95)	1:A:7:VAL:HG22	1:A:38:ILE:HG22	6	0.56
(1,95)	1:A:7:VAL:HG22	1:A:38:ILE:HG23	6	0.56
(1,95)	1:A:7:VAL:HG23	1:A:38:ILE:HG21	6	0.56
(1,95)	1:A:7:VAL:HG23	1:A:38:ILE:HG22	6	0.56
(1,95)	1:A:7:VAL:HG23	1:A:38:ILE:HG23	6	0.56
(1,946)	1:A:78:VAL:H	1:A:86:THR:HG21	1	0.56
(1,946)	1:A:78:VAL:H	1:A:86:THR:HG22	1	0.56
(1,946)	1:A:78:VAL:H	1:A:86:THR:HG23	1	0.56
(1,93)	1:A:7:VAL:HG21	1:A:38:ILE:H	9	0.56
(1,93)	1:A:7:VAL:HG22	1:A:38:ILE:H	9	0.56
(1,93)	1:A:7:VAL:HG23	1:A:38:ILE:H	9	0.56
(1,715)	1:A:55:GLU:HG2	1:A:58:LYS:HE2	7	0.56
(1,715)	1:A:55:GLU:HG2	1:A:58:LYS:HE3	7	0.56
(1,715)	1:A:55:GLU:HG3	1:A:58:LYS:HE2	7	0.56
(1,715)	1:A:55:GLU:HG3	1:A:58:LYS:HE3	7	0.56
(1,70)	1:A:7:VAL:HA	1:A:38:ILE:HG21	7	0.56
(1,70)	1:A:7:VAL:HA	1:A:38:ILE:HG22	7	0.56
(1,70)	1:A:7:VAL:HA	1:A:38:ILE:HG23	7	0.56
(1,669)	1:A:54:VAL:HA	1:A:56:GLU:H	6	0.56
(1,574)	1:A:42:LYS:HA	1:A:56:GLU:HB2	1	0.56
(1,574)	1:A:42:LYS:HA	1:A:56:GLU:HB3	1	0.56
(1,529)	1:A:33:LYS:HG3	1:A:36:THR:HG21	2	0.56
(1,529)	1:A:33:LYS:HG3	1:A:36:THR:HG22	2	0.56
(1,529)	1:A:33:LYS:HG3	1:A:36:THR:HG23	2	0.56
(1,511)	1:A:31:ILE:HG21	1:A:109:LEU:HG	2	0.56

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,511)	1:A:31:ILE:HG22	1:A:109:LEU:HG	2	0.56
(1,511)	1:A:31:ILE:HG23	1:A:109:LEU:HG	2	0.56
(1,508)	1:A:31:ILE:HG12	1:A:109:LEU:HD11	1	0.56
(1,508)	1:A:31:ILE:HG12	1:A:109:LEU:HD12	1	0.56
(1,508)	1:A:31:ILE:HG12	1:A:109:LEU:HD13	1	0.56
(1,508)	1:A:31:ILE:HG12	1:A:109:LEU:HD21	1	0.56
(1,508)	1:A:31:ILE:HG12	1:A:109:LEU:HD22	1	0.56
(1,508)	1:A:31:ILE:HG12	1:A:109:LEU:HD23	1	0.56
(1,508)	1:A:31:ILE:HG13	1:A:109:LEU:HD11	1	0.56
(1,508)	1:A:31:ILE:HG13	1:A:109:LEU:HD12	1	0.56
(1,508)	1:A:31:ILE:HG13	1:A:109:LEU:HD13	1	0.56
(1,508)	1:A:31:ILE:HG13	1:A:109:LEU:HD21	1	0.56
(1,508)	1:A:31:ILE:HG13	1:A:109:LEU:HD22	1	0.56
(1,508)	1:A:31:ILE:HG13	1:A:109:LEU:HD23	1	0.56
(1,450)	1:A:28:ILE:HD11	1:A:70:ALA:HA	6	0.56
(1,450)	1:A:28:ILE:HD12	1:A:70:ALA:HA	6	0.56
(1,450)	1:A:28:ILE:HD13	1:A:70:ALA:HA	6	0.56
(1,27)	1:A:5:VAL:HA	1:A:36:THR:HA	2	0.56
(1,182)	1:A:11:CYS:HB2	1:A:121:LEU:HD11	9	0.56
(1,182)	1:A:11:CYS:HB2	1:A:121:LEU:HD12	9	0.56
(1,182)	1:A:11:CYS:HB2	1:A:121:LEU:HD13	9	0.56
(1,182)	1:A:11:CYS:HB2	1:A:121:LEU:HD21	9	0.56
(1,182)	1:A:11:CYS:HB2	1:A:121:LEU:HD22	9	0.56
(1,182)	1:A:11:CYS:HB2	1:A:121:LEU:HD23	9	0.56
(1,182)	1:A:11:CYS:HB3	1:A:121:LEU:HD11	9	0.56
(1,182)	1:A:11:CYS:HB3	1:A:121:LEU:HD12	9	0.56
(1,182)	1:A:11:CYS:HB3	1:A:121:LEU:HD13	9	0.56
(1,182)	1:A:11:CYS:HB3	1:A:121:LEU:HD21	9	0.56
(1,182)	1:A:11:CYS:HB3	1:A:121:LEU:HD22	9	0.56
(1,182)	1:A:11:CYS:HB3	1:A:121:LEU:HD23	9	0.56
(1,1704)	1:A:143:LYS:HA	1:A:146:LEU:HB2	3	0.56
(1,1704)	1:A:143:LYS:HA	1:A:146:LEU:HB3	3	0.56
(1,1636)	1:A:139:GLU:HG2	1:A:142:VAL:HG11	7	0.56
(1,1636)	1:A:139:GLU:HG2	1:A:142:VAL:HG12	7	0.56
(1,1636)	1:A:139:GLU:HG2	1:A:142:VAL:HG13	7	0.56
(1,1636)	1:A:139:GLU:HG2	1:A:142:VAL:HG21	7	0.56
(1,1636)	1:A:139:GLU:HG2	1:A:142:VAL:HG22	7	0.56
(1,1636)	1:A:139:GLU:HG2	1:A:142:VAL:HG23	7	0.56
(1,1636)	1:A:139:GLU:HG3	1:A:142:VAL:HG11	7	0.56
(1,1636)	1:A:139:GLU:HG3	1:A:142:VAL:HG12	7	0.56
(1,1636)	1:A:139:GLU:HG3	1:A:142:VAL:HG13	7	0.56
(1,1636)	1:A:139:GLU:HG3	1:A:142:VAL:HG21	7	0.56

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,1636)	1:A:139:GLU:HG3	1:A:142:VAL:HG22	7	0.56
(1,1636)	1:A:139:GLU:HG3	1:A:142:VAL:HG23	7	0.56
(1,1566)	1:A:133:GLU:HG2	1:A:135:SER:H	10	0.56
(1,1566)	1:A:133:GLU:HG3	1:A:135:SER:H	10	0.56
(1,137)	1:A:8:ASP:HB2	1:A:9:PRO:HA	7	0.56
(1,137)	1:A:8:ASP:HB3	1:A:9:PRO:HA	7	0.56
(1,137)	1:A:8:ASP:HB2	1:A:9:PRO:HA	9	0.56
(1,137)	1:A:8:ASP:HB3	1:A:9:PRO:HA	9	0.56
(1,1306)	1:A:108:MET:HG2	1:A:112:SER:HB2	6	0.56
(1,1306)	1:A:108:MET:HG2	1:A:112:SER:HB3	6	0.56
(1,1306)	1:A:108:MET:HG3	1:A:112:SER:HB2	6	0.56
(1,1306)	1:A:108:MET:HG3	1:A:112:SER:HB3	6	0.56
(1,1245)	1:A:104:VAL:HG11	1:A:108:MET:HG2	6	0.56
(1,1245)	1:A:104:VAL:HG11	1:A:108:MET:HG3	6	0.56
(1,1245)	1:A:104:VAL:HG12	1:A:108:MET:HG2	6	0.56
(1,1245)	1:A:104:VAL:HG12	1:A:108:MET:HG3	6	0.56
(1,1245)	1:A:104:VAL:HG13	1:A:108:MET:HG2	6	0.56
(1,1245)	1:A:104:VAL:HG13	1:A:108:MET:HG3	6	0.56
(1,1245)	1:A:104:VAL:HG21	1:A:108:MET:HG2	6	0.56
(1,1245)	1:A:104:VAL:HG21	1:A:108:MET:HG3	6	0.56
(1,1245)	1:A:104:VAL:HG22	1:A:108:MET:HG2	6	0.56
(1,1245)	1:A:104:VAL:HG22	1:A:108:MET:HG3	6	0.56
(1,1245)	1:A:104:VAL:HG23	1:A:108:MET:HG2	6	0.56
(1,1245)	1:A:104:VAL:HG23	1:A:108:MET:HG3	6	0.56
(1,124)	1:A:8:ASP:HB2	1:A:39:VAL:HB	5	0.56
(1,1184)	1:A:99:PRO:HG2	1:A:100:ASP:H	9	0.56
(1,112)	1:A:8:ASP:H	1:A:11:CYS:HB2	7	0.56
(1,112)	1:A:8:ASP:H	1:A:11:CYS:HB3	7	0.56
(1,1117)	1:A:94:PHE:HA	1:A:128:GLN:HA	1	0.56
(2,35)	1:A:118:LYS:HE3	1:A:128:GLN:HA	5	0.55
(2,34)	1:A:114:VAL:HA	1:A:117:LEU:HA	5	0.55
(2,1)	1:A:1:MET:HA	1:A:114:VAL:HA	4	0.55
(2,1)	1:A:1:MET:HA	1:A:114:VAL:HA	10	0.55
(1,75)	1:A:7:VAL:HB	1:A:38:ILE:H	7	0.55
(1,73)	1:A:7:VAL:HB	1:A:120:SER:HA	7	0.55
(1,65)	1:A:7:VAL:HA	1:A:37:ALA:HA	2	0.55
(1,507)	1:A:31:ILE:HG12	1:A:109:LEU:HB2	7	0.55
(1,507)	1:A:31:ILE:HG12	1:A:109:LEU:HB3	7	0.55
(1,507)	1:A:31:ILE:HG13	1:A:109:LEU:HB2	7	0.55
(1,507)	1:A:31:ILE:HG13	1:A:109:LEU:HB3	7	0.55
(1,466)	1:A:29:PHE:HB3	1:A:41:GLU:H	6	0.55
(1,452)	1:A:28:ILE:HD11	1:A:71:ALA:H	4	0.55

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,452)	1:A:28:ILE:HD12	1:A:71:ALA:H	4	0.55
(1,452)	1:A:28:ILE:HD13	1:A:71:ALA:H	4	0.55
(1,34)	1:A:5:VAL:HB	1:A:7:VAL:HG11	9	0.55
(1,34)	1:A:5:VAL:HB	1:A:7:VAL:HG12	9	0.55
(1,34)	1:A:5:VAL:HB	1:A:7:VAL:HG13	9	0.55
(1,34)	1:A:5:VAL:HB	1:A:7:VAL:HG21	9	0.55
(1,34)	1:A:5:VAL:HB	1:A:7:VAL:HG22	9	0.55
(1,34)	1:A:5:VAL:HB	1:A:7:VAL:HG23	9	0.55
(1,33)	1:A:5:VAL:HB	1:A:7:VAL:HA	7	0.55
(1,33)	1:A:5:VAL:HB	1:A:7:VAL:HA	8	0.55
(1,303)	1:A:17:LEU:HD11	1:A:21:LYS:HD2	5	0.55
(1,303)	1:A:17:LEU:HD11	1:A:21:LYS:HD3	5	0.55
(1,303)	1:A:17:LEU:HD12	1:A:21:LYS:HD2	5	0.55
(1,303)	1:A:17:LEU:HD12	1:A:21:LYS:HD3	5	0.55
(1,303)	1:A:17:LEU:HD13	1:A:21:LYS:HD2	5	0.55
(1,303)	1:A:17:LEU:HD13	1:A:21:LYS:HD3	5	0.55
(1,303)	1:A:17:LEU:HD21	1:A:21:LYS:HD2	5	0.55
(1,303)	1:A:17:LEU:HD21	1:A:21:LYS:HD3	5	0.55
(1,303)	1:A:17:LEU:HD22	1:A:21:LYS:HD2	5	0.55
(1,303)	1:A:17:LEU:HD22	1:A:21:LYS:HD3	5	0.55
(1,303)	1:A:17:LEU:HD23	1:A:21:LYS:HD2	5	0.55
(1,303)	1:A:17:LEU:HD23	1:A:21:LYS:HD3	5	0.55
(1,1790)	1:A:150:GLN:HB3	1:A:152:ILE:H	8	0.55
(1,1773)	1:A:149:ASN:HB3	1:A:151:ARG:HA	6	0.55
(1,1757)	1:A:147:MET:HA	1:A:150:GLN:H	6	0.55
(1,1651)	1:A:140:LYS:HD3	1:A:142:VAL:H	2	0.55
(1,1482)	1:A:121:LEU:HG	1:A:123:LEU:HD11	9	0.55
(1,1482)	1:A:121:LEU:HG	1:A:123:LEU:HD12	9	0.55
(1,1482)	1:A:121:LEU:HG	1:A:123:LEU:HD13	9	0.55
(1,1482)	1:A:121:LEU:HG	1:A:123:LEU:HD21	9	0.55
(1,1482)	1:A:121:LEU:HG	1:A:123:LEU:HD22	9	0.55
(1,1482)	1:A:121:LEU:HG	1:A:123:LEU:HD23	9	0.55
(1,1462)	1:A:120:SER:HA	1:A:122:GLY:H	10	0.55
(1,138)	1:A:8:ASP:HB2	1:A:9:PRO:HB2	10	0.55
(1,138)	1:A:8:ASP:HB2	1:A:9:PRO:HB3	10	0.55
(1,138)	1:A:8:ASP:HB3	1:A:9:PRO:HB2	10	0.55
(1,138)	1:A:8:ASP:HB3	1:A:9:PRO:HB3	10	0.55
(1,1344)	1:A:111:ALA:HA	1:A:115:ARG:H	2	0.55
(1,1344)	1:A:111:ALA:HA	1:A:115:ARG:H	4	0.55
(1,1333)	1:A:110:TYR:HA	1:A:114:VAL:H	5	0.55
(1,1299)	1:A:108:MET:HB2	1:A:112:SER:H	6	0.55
(1,1286)	1:A:107:ARG:HD2	1:A:111:ALA:HA	1	0.55

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,1286)	1:A:107:ARG:HD3	1:A:111:ALA:HA	1	0.55
(1,1185)	1:A:99:PRO:HG2	1:A:102:ALA:HA	6	0.55
(1,1174)	1:A:99:PRO:HA	1:A:102:ALA:H	8	0.55
(3,59)	1:A:143:LYS:O	1:A:147:MET:H	3	0.54
(2,31)	1:A:97:TYR:HB2	1:A:131:ALA:HA	9	0.54
(2,31)	1:A:97:TYR:HB3	1:A:131:ALA:HA	9	0.54
(2,28)	1:A:79:GLN:HB3	1:A:85:GLY:H	3	0.54
(2,28)	1:A:79:GLN:HB3	1:A:85:GLY:H	5	0.54
(2,1)	1:A:1:MET:HA	1:A:114:VAL:HA	3	0.54
(1,950)	1:A:78:VAL:HA	1:A:88:THR:HG21	2	0.54
(1,950)	1:A:78:VAL:HA	1:A:88:THR:HG22	2	0.54
(1,950)	1:A:78:VAL:HA	1:A:88:THR:HG23	2	0.54
(1,93)	1:A:7:VAL:HG21	1:A:38:ILE:H	1	0.54
(1,93)	1:A:7:VAL:HG22	1:A:38:ILE:H	1	0.54
(1,93)	1:A:7:VAL:HG23	1:A:38:ILE:H	1	0.54
(1,910)	1:A:76:VAL:HA	1:A:147:MET:HG2	3	0.54
(1,910)	1:A:76:VAL:HA	1:A:147:MET:HG3	3	0.54
(1,910)	1:A:76:VAL:HA	1:A:147:MET:HG2	10	0.54
(1,910)	1:A:76:VAL:HA	1:A:147:MET:HG3	10	0.54
(1,899)	1:A:75:GLU:HG3	1:A:90:ASN:HB2	7	0.54
(1,899)	1:A:75:GLU:HG3	1:A:90:ASN:HB3	7	0.54
(1,898)	1:A:75:GLU:HG3	1:A:90:ASN:HA	8	0.54
(1,892)	1:A:75:GLU:HG2	1:A:90:ASN:HA	1	0.54
(1,892)	1:A:75:GLU:HG2	1:A:90:ASN:HA	8	0.54
(1,891)	1:A:75:GLU:HG2	1:A:89:LEU:H	7	0.54
(1,83)	1:A:7:VAL:HG11	1:A:120:SER:HA	9	0.54
(1,83)	1:A:7:VAL:HG12	1:A:120:SER:HA	9	0.54
(1,83)	1:A:7:VAL:HG13	1:A:120:SER:HA	9	0.54
(1,73)	1:A:7:VAL:HB	1:A:120:SER:HA	9	0.54
(1,533)	1:A:35:ASP:H	1:A:37:ALA:HB1	1	0.54
(1,533)	1:A:35:ASP:H	1:A:37:ALA:HB2	1	0.54
(1,533)	1:A:35:ASP:H	1:A:37:ALA:HB3	1	0.54
(1,517)	1:A:32:ASP:HB2	1:A:37:ALA:HB1	3	0.54
(1,517)	1:A:32:ASP:HB2	1:A:37:ALA:HB2	3	0.54
(1,517)	1:A:32:ASP:HB2	1:A:37:ALA:HB3	3	0.54
(1,494)	1:A:31:ILE:HG12	1:A:38:ILE:HA	4	0.54
(1,454)	1:A:28:ILE:HG12	1:A:41:GLU:HG2	9	0.54
(1,454)	1:A:28:ILE:HG12	1:A:41:GLU:HG3	9	0.54
(1,454)	1:A:28:ILE:HG13	1:A:41:GLU:HG2	9	0.54
(1,454)	1:A:28:ILE:HG13	1:A:41:GLU:HG3	9	0.54
(1,44)	1:A:6:LYS:H	1:A:37:ALA:HA	5	0.54
(1,327)	1:A:18:LEU:HD21	1:A:73:ASP:HA	2	0.54

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,327)	1:A:18:LEU:HD22	1:A:73:ASP:HA	2	0.54
(1,327)	1:A:18:LEU:HD23	1:A:73:ASP:HA	2	0.54
(1,234)	1:A:14:ALA:H	1:A:43:VAL:HG11	6	0.54
(1,234)	1:A:14:ALA:H	1:A:43:VAL:HG12	6	0.54
(1,234)	1:A:14:ALA:H	1:A:43:VAL:HG13	6	0.54
(1,234)	1:A:14:ALA:H	1:A:43:VAL:HG21	6	0.54
(1,234)	1:A:14:ALA:H	1:A:43:VAL:HG22	6	0.54
(1,234)	1:A:14:ALA:H	1:A:43:VAL:HG23	6	0.54
(1,206)	1:A:12:LYS:HD3	1:A:15:TYR:H	3	0.54
(1,1744)	1:A:146:LEU:HA	1:A:150:GLN:HA	2	0.54
(1,1587)	1:A:135:SER:HA	1:A:138:ASP:H	1	0.54
(1,158)	1:A:10:SER:HB3	1:A:12:LYS:H	7	0.54
(1,1254)	1:A:105:ARG:HA	1:A:108:MET:HG2	2	0.54
(1,1254)	1:A:105:ARG:HA	1:A:108:MET:HG3	2	0.54
(1,1254)	1:A:105:ARG:HA	1:A:108:MET:HG2	2	0.54
(1,1254)	1:A:105:ARG:HA	1:A:108:MET:HG3	2	0.54
(1,1245)	1:A:104:VAL:HG11	1:A:108:MET:HG2	8	0.54
(1,1245)	1:A:104:VAL:HG11	1:A:108:MET:HG3	8	0.54
(1,1245)	1:A:104:VAL:HG12	1:A:108:MET:HG2	8	0.54
(1,1245)	1:A:104:VAL:HG12	1:A:108:MET:HG3	8	0.54
(1,1245)	1:A:104:VAL:HG13	1:A:108:MET:HG2	8	0.54
(1,1245)	1:A:104:VAL:HG13	1:A:108:MET:HG3	8	0.54
(1,1245)	1:A:104:VAL:HG21	1:A:108:MET:HG2	8	0.54
(1,1245)	1:A:104:VAL:HG21	1:A:108:MET:HG3	8	0.54
(1,1245)	1:A:104:VAL:HG22	1:A:108:MET:HG2	8	0.54
(1,1245)	1:A:104:VAL:HG22	1:A:108:MET:HG3	8	0.54
(1,1245)	1:A:104:VAL:HG23	1:A:108:MET:HG2	8	0.54
(1,1245)	1:A:104:VAL:HG23	1:A:108:MET:HG3	8	0.54
(1,117)	1:A:8:ASP:H	1:A:39:VAL:HB	2	0.54
(1,1122)	1:A:94:PHE:HB2	1:A:118:LYS:HE2	9	0.54
(1,1122)	1:A:94:PHE:HB2	1:A:118:LYS:HE3	9	0.54
(1,1122)	1:A:94:PHE:HB3	1:A:118:LYS:HE2	9	0.54
(1,1122)	1:A:94:PHE:HB3	1:A:118:LYS:HE3	9	0.54
(2,34)	1:A:114:VAL:HA	1:A:117:LEU:HA	10	0.53
(2,28)	1:A:79:GLN:HB3	1:A:85:GLY:H	7	0.53
(2,28)	1:A:79:GLN:HB3	1:A:85:GLY:H	8	0.53
(2,1)	1:A:1:MET:HA	1:A:114:VAL:HA	5	0.53
(2,1)	1:A:1:MET:HA	1:A:114:VAL:HA	7	0.53
(2,1)	1:A:1:MET:HA	1:A:114:VAL:HA	8	0.53
(1,973)	1:A:79:GLN:HB2	1:A:85:GLY:H	7	0.53
(1,945)	1:A:78:VAL:H	1:A:86:THR:HB	3	0.53
(1,93)	1:A:7:VAL:HG21	1:A:38:ILE:H	3	0.53

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,93)	1:A:7:VAL:HG22	1:A:38:ILE:H	3	0.53
(1,93)	1:A:7:VAL:HG23	1:A:38:ILE:H	3	0.53
(1,73)	1:A:7:VAL:HB	1:A:120:SER:HA	10	0.53
(1,686)	1:A:54:VAL:HG11	1:A:138:ASP:HB2	7	0.53
(1,686)	1:A:54:VAL:HG11	1:A:138:ASP:HB3	7	0.53
(1,686)	1:A:54:VAL:HG12	1:A:138:ASP:HB2	7	0.53
(1,686)	1:A:54:VAL:HG12	1:A:138:ASP:HB3	7	0.53
(1,686)	1:A:54:VAL:HG13	1:A:138:ASP:HB2	7	0.53
(1,686)	1:A:54:VAL:HG13	1:A:138:ASP:HB3	7	0.53
(1,686)	1:A:54:VAL:HG21	1:A:138:ASP:HB2	7	0.53
(1,686)	1:A:54:VAL:HG21	1:A:138:ASP:HB3	7	0.53
(1,686)	1:A:54:VAL:HG22	1:A:138:ASP:HB2	7	0.53
(1,686)	1:A:54:VAL:HG22	1:A:138:ASP:HB3	7	0.53
(1,686)	1:A:54:VAL:HG23	1:A:138:ASP:HB2	7	0.53
(1,686)	1:A:54:VAL:HG23	1:A:138:ASP:HB3	7	0.53
(1,685)	1:A:54:VAL:HG11	1:A:138:ASP:HA	1	0.53
(1,685)	1:A:54:VAL:HG12	1:A:138:ASP:HA	1	0.53
(1,685)	1:A:54:VAL:HG13	1:A:138:ASP:HA	1	0.53
(1,685)	1:A:54:VAL:HG21	1:A:138:ASP:HA	1	0.53
(1,685)	1:A:54:VAL:HG22	1:A:138:ASP:HA	1	0.53
(1,685)	1:A:54:VAL:HG23	1:A:138:ASP:HA	1	0.53
(1,659)	1:A:53:PHE:HB2	1:A:56:GLU:H	8	0.53
(1,620)	1:A:50:TYR:HB2	1:A:137:LEU:HD11	3	0.53
(1,620)	1:A:50:TYR:HB2	1:A:137:LEU:HD12	3	0.53
(1,620)	1:A:50:TYR:HB2	1:A:137:LEU:HD13	3	0.53
(1,620)	1:A:50:TYR:HB2	1:A:137:LEU:HD21	3	0.53
(1,620)	1:A:50:TYR:HB2	1:A:137:LEU:HD22	3	0.53
(1,620)	1:A:50:TYR:HB2	1:A:137:LEU:HD23	3	0.53
(1,620)	1:A:50:TYR:HB3	1:A:137:LEU:HD11	3	0.53
(1,620)	1:A:50:TYR:HB3	1:A:137:LEU:HD12	3	0.53
(1,620)	1:A:50:TYR:HB3	1:A:137:LEU:HD13	3	0.53
(1,620)	1:A:50:TYR:HB3	1:A:137:LEU:HD21	3	0.53
(1,620)	1:A:50:TYR:HB3	1:A:137:LEU:HD22	3	0.53
(1,620)	1:A:50:TYR:HB3	1:A:137:LEU:HD23	3	0.53
(1,606)	1:A:49:PRO:HB3	1:A:52:GLU:H	8	0.53
(1,589)	1:A:45:GLU:HA	1:A:48:ALA:HB1	1	0.53
(1,589)	1:A:45:GLU:HA	1:A:48:ALA:HB2	1	0.53
(1,589)	1:A:45:GLU:HA	1:A:48:ALA:HB3	1	0.53
(1,524)	1:A:33:LYS:HG2	1:A:36:THR:HB	2	0.53
(1,28)	1:A:5:VAL:HA	1:A:36:THR:HB	4	0.53
(1,277)	1:A:16:ASP:HB2	1:A:18:LEU:H	2	0.53
(1,1779)	1:A:149:ASN:HB2	1:A:152:ILE:H	6	0.53

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,1779)	1:A:149:ASN:HB3	1:A:152:ILE:H	6	0.53
(1,1587)	1:A:135:SER:HA	1:A:138:ASP:H	10	0.53
(1,1579)	1:A:134:MET:HB2	1:A:135:SER:H	5	0.53
(1,1579)	1:A:134:MET:HB3	1:A:135:SER:H	5	0.53
(1,1362)	1:A:113:SER:HA	1:A:117:LEU:HD11	1	0.53
(1,1362)	1:A:113:SER:HA	1:A:117:LEU:HD12	1	0.53
(1,1362)	1:A:113:SER:HA	1:A:117:LEU:HD13	1	0.53
(1,1362)	1:A:113:SER:HA	1:A:117:LEU:HD21	1	0.53
(1,1362)	1:A:113:SER:HA	1:A:117:LEU:HD22	1	0.53
(1,1362)	1:A:113:SER:HA	1:A:117:LEU:HD23	1	0.53
(1,1167)	1:A:97:TYR:HB2	1:A:131:ALA:HB1	1	0.53
(1,1167)	1:A:97:TYR:HB2	1:A:131:ALA:HB2	1	0.53
(1,1167)	1:A:97:TYR:HB2	1:A:131:ALA:HB3	1	0.53
(1,1117)	1:A:94:PHE:HA	1:A:128:GLN:HA	2	0.53
(3,59)	1:A:143:LYS:O	1:A:147:MET:H	10	0.52
(2,28)	1:A:79:GLN:HB3	1:A:85:GLY:H	6	0.52
(1,987)	1:A:80:ARG:H	1:A:85:GLY:H	5	0.52
(1,898)	1:A:75:GLU:HG3	1:A:90:ASN:HA	1	0.52
(1,898)	1:A:75:GLU:HG3	1:A:90:ASN:HA	3	0.52
(1,73)	1:A:7:VAL:HB	1:A:120:SER:HA	5	0.52
(1,724)	1:A:56:GLU:HG2	1:A:58:LYS:H	4	0.52
(1,72)	1:A:7:VAL:HB	1:A:117:LEU:HA	4	0.52
(1,72)	1:A:7:VAL:HB	1:A:117:LEU:HA	7	0.52
(1,706)	1:A:55:GLU:HA	1:A:59:LYS:HD2	7	0.52
(1,706)	1:A:55:GLU:HA	1:A:59:LYS:HD3	7	0.52
(1,669)	1:A:54:VAL:HA	1:A:56:GLU:H	1	0.52
(1,495)	1:A:31:ILE:HG12	1:A:38:ILE:HD11	2	0.52
(1,495)	1:A:31:ILE:HG12	1:A:38:ILE:HD12	2	0.52
(1,495)	1:A:31:ILE:HG12	1:A:38:ILE:HD13	2	0.52
(1,444)	1:A:28:ILE:HG13	1:A:71:ALA:H	6	0.52
(1,434)	1:A:28:ILE:HB	1:A:41:GLU:HA	7	0.52
(1,387)	1:A:26:TYR:HB2	1:A:73:ASP:H	5	0.52
(1,387)	1:A:26:TYR:HB3	1:A:73:ASP:H	5	0.52
(1,214)	1:A:12:LYS:HG3	1:A:15:TYR:H	9	0.52
(1,206)	1:A:12:LYS:HD3	1:A:15:TYR:H	4	0.52
(1,206)	1:A:12:LYS:HD3	1:A:15:TYR:H	5	0.52
(1,206)	1:A:12:LYS:HD3	1:A:15:TYR:H	8	0.52
(1,182)	1:A:11:CYS:HB2	1:A:121:LEU:HD11	1	0.52
(1,182)	1:A:11:CYS:HB2	1:A:121:LEU:HD12	1	0.52
(1,182)	1:A:11:CYS:HB2	1:A:121:LEU:HD13	1	0.52
(1,182)	1:A:11:CYS:HB2	1:A:121:LEU:HD21	1	0.52
(1,182)	1:A:11:CYS:HB2	1:A:121:LEU:HD22	1	0.52

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,182)	1:A:11:CYS:HB2	1:A:121:LEU:HD23	1	0.52
(1,182)	1:A:11:CYS:HB3	1:A:121:LEU:HD11	1	0.52
(1,182)	1:A:11:CYS:HB3	1:A:121:LEU:HD12	1	0.52
(1,182)	1:A:11:CYS:HB3	1:A:121:LEU:HD13	1	0.52
(1,182)	1:A:11:CYS:HB3	1:A:121:LEU:HD21	1	0.52
(1,182)	1:A:11:CYS:HB3	1:A:121:LEU:HD22	1	0.52
(1,182)	1:A:11:CYS:HB3	1:A:121:LEU:HD23	1	0.52
(1,1778)	1:A:149:ASN:HB2	1:A:151:ARG:HA	2	0.52
(1,1778)	1:A:149:ASN:HB3	1:A:151:ARG:HA	2	0.52
(1,1719)	1:A:144:SER:HA	1:A:146:LEU:H	2	0.52
(1,1719)	1:A:144:SER:HA	1:A:146:LEU:H	5	0.52
(1,1719)	1:A:144:SER:HA	1:A:146:LEU:H	10	0.52
(1,1658)	1:A:140:LYS:HB2	1:A:142:VAL:H	7	0.52
(1,1658)	1:A:140:LYS:HB3	1:A:142:VAL:H	7	0.52
(1,1653)	1:A:140:LYS:HE2	1:A:142:VAL:H	5	0.52
(1,1602)	1:A:137:LEU:H	1:A:137:LEU:HG	9	0.52
(1,1580)	1:A:134:MET:HB2	1:A:136:ASP:H	1	0.52
(1,1580)	1:A:134:MET:HB3	1:A:136:ASP:H	1	0.52
(1,1579)	1:A:134:MET:HB2	1:A:135:SER:H	1	0.52
(1,1579)	1:A:134:MET:HB3	1:A:135:SER:H	1	0.52
(1,1449)	1:A:118:LYS:HG2	1:A:128:GLN:HB2	9	0.52
(1,1449)	1:A:118:LYS:HG2	1:A:128:GLN:HB3	9	0.52
(1,1449)	1:A:118:LYS:HG3	1:A:128:GLN:HB2	9	0.52
(1,1449)	1:A:118:LYS:HG3	1:A:128:GLN:HB3	9	0.52
(1,1387)	1:A:114:VAL:HG11	1:A:117:LEU:HB2	4	0.52
(1,1387)	1:A:114:VAL:HG11	1:A:117:LEU:HB3	4	0.52
(1,1387)	1:A:114:VAL:HG12	1:A:117:LEU:HB2	4	0.52
(1,1387)	1:A:114:VAL:HG12	1:A:117:LEU:HB3	4	0.52
(1,1387)	1:A:114:VAL:HG13	1:A:117:LEU:HB2	4	0.52
(1,1387)	1:A:114:VAL:HG13	1:A:117:LEU:HB3	4	0.52
(1,1387)	1:A:114:VAL:HG21	1:A:117:LEU:HB2	4	0.52
(1,1387)	1:A:114:VAL:HG21	1:A:117:LEU:HB3	4	0.52
(1,1387)	1:A:114:VAL:HG22	1:A:117:LEU:HB2	4	0.52
(1,1387)	1:A:114:VAL:HG22	1:A:117:LEU:HB3	4	0.52
(1,1387)	1:A:114:VAL:HG23	1:A:117:LEU:HB2	4	0.52
(1,1387)	1:A:114:VAL:HG23	1:A:117:LEU:HB3	4	0.52
(1,1378)	1:A:114:VAL:HB	1:A:118:LYS:H	1	0.52
(1,135)	1:A:8:ASP:HB2	1:A:39:VAL:HB	9	0.52
(1,135)	1:A:8:ASP:HB3	1:A:39:VAL:HB	9	0.52
(1,1306)	1:A:108:MET:HG2	1:A:112:SER:HB2	3	0.52
(1,1306)	1:A:108:MET:HG2	1:A:112:SER:HB3	3	0.52
(1,1306)	1:A:108:MET:HG3	1:A:112:SER:HB2	3	0.52

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,1306)	1:A:108:MET:HG3	1:A:112:SER:HB3	3	0.52
(1,129)	1:A:8:ASP:HB3	1:A:39:VAL:HB	5	0.52
(1,1187)	1:A:99:PRO:HG2	1:A:132:SER:HB3	6	0.52
(1,1186)	1:A:99:PRO:HG2	1:A:132:SER:HA	6	0.52
(1,1184)	1:A:99:PRO:HG2	1:A:100:ASP:H	3	0.52
(1,1165)	1:A:97:TYR:HA	1:A:131:ALA:HA	4	0.52
(1,1145)	1:A:95:VAL:HG11	1:A:131:ALA:HA	9	0.52
(1,1145)	1:A:95:VAL:HG12	1:A:131:ALA:HA	9	0.52
(1,1145)	1:A:95:VAL:HG13	1:A:131:ALA:HA	9	0.52
(1,1145)	1:A:95:VAL:HG21	1:A:131:ALA:HA	9	0.52
(1,1145)	1:A:95:VAL:HG22	1:A:131:ALA:HA	9	0.52
(1,1145)	1:A:95:VAL:HG23	1:A:131:ALA:HA	9	0.52
(1,1082)	1:A:93:ILE:HA	1:A:127:PHE:HA	6	0.52
(2,35)	1:A:118:LYS:HE3	1:A:128:GLN:HA	3	0.51
(2,34)	1:A:114:VAL:HA	1:A:117:LEU:HA	4	0.51
(2,34)	1:A:114:VAL:HA	1:A:117:LEU:HA	6	0.51
(2,34)	1:A:114:VAL:HA	1:A:117:LEU:HA	8	0.51
(2,2)	1:A:2:ALA:HB1	1:A:112:SER:H	5	0.51
(2,2)	1:A:2:ALA:HB2	1:A:112:SER:H	5	0.51
(2,2)	1:A:2:ALA:HB3	1:A:112:SER:H	5	0.51
(2,1)	1:A:1:MET:HA	1:A:114:VAL:HA	9	0.51
(1,738)	1:A:57:MET:HG2	1:A:60:LEU:HB2	1	0.51
(1,738)	1:A:57:MET:HG2	1:A:60:LEU:HB3	1	0.51
(1,738)	1:A:57:MET:HG3	1:A:60:LEU:HB2	1	0.51
(1,738)	1:A:57:MET:HG3	1:A:60:LEU:HB3	1	0.51
(1,73)	1:A:7:VAL:HB	1:A:120:SER:HA	3	0.51
(1,724)	1:A:56:GLU:HG2	1:A:58:LYS:H	8	0.51
(1,706)	1:A:55:GLU:HA	1:A:59:LYS:HD2	3	0.51
(1,706)	1:A:55:GLU:HA	1:A:59:LYS:HD3	3	0.51
(1,60)	1:A:7:VAL:H	1:A:37:ALA:HB1	5	0.51
(1,60)	1:A:7:VAL:H	1:A:37:ALA:HB2	5	0.51
(1,60)	1:A:7:VAL:H	1:A:37:ALA:HB3	5	0.51
(1,59)	1:A:6:LYS:HB2	1:A:38:ILE:HD11	5	0.51
(1,59)	1:A:6:LYS:HB2	1:A:38:ILE:HD12	5	0.51
(1,59)	1:A:6:LYS:HB2	1:A:38:ILE:HD13	5	0.51
(1,59)	1:A:6:LYS:HB3	1:A:38:ILE:HD11	5	0.51
(1,59)	1:A:6:LYS:HB3	1:A:38:ILE:HD12	5	0.51
(1,59)	1:A:6:LYS:HB3	1:A:38:ILE:HD13	5	0.51
(1,528)	1:A:33:LYS:HG3	1:A:36:THR:HB	1	0.51
(1,502)	1:A:31:ILE:HD11	1:A:109:LEU:HA	8	0.51
(1,502)	1:A:31:ILE:HD12	1:A:109:LEU:HA	8	0.51
(1,502)	1:A:31:ILE:HD13	1:A:109:LEU:HA	8	0.51

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,491)	1:A:31:ILE:HG12	1:A:109:LEU:HA	1	0.51
(1,452)	1:A:28:ILE:HD11	1:A:71:ALA:H	1	0.51
(1,452)	1:A:28:ILE:HD12	1:A:71:ALA:H	1	0.51
(1,452)	1:A:28:ILE:HD13	1:A:71:ALA:H	1	0.51
(1,31)	1:A:5:VAL:HB	1:A:36:THR:HB	10	0.51
(1,206)	1:A:12:LYS:HD3	1:A:15:TYR:H	9	0.51
(1,1781)	1:A:149:ASN:HB2	1:A:152:ILE:HG21	2	0.51
(1,1781)	1:A:149:ASN:HB2	1:A:152:ILE:HG22	2	0.51
(1,1781)	1:A:149:ASN:HB2	1:A:152:ILE:HG23	2	0.51
(1,1781)	1:A:149:ASN:HB3	1:A:152:ILE:HG21	2	0.51
(1,1781)	1:A:149:ASN:HB3	1:A:152:ILE:HG22	2	0.51
(1,1781)	1:A:149:ASN:HB3	1:A:152:ILE:HG23	2	0.51
(1,1726)	1:A:144:SER:HB3	1:A:146:LEU:H	1	0.51
(1,1725)	1:A:144:SER:HB3	1:A:145:ASP:H	9	0.51
(1,1719)	1:A:144:SER:HA	1:A:146:LEU:H	9	0.51
(1,1718)	1:A:144:SER:H	1:A:146:LEU:H	8	0.51
(1,1718)	1:A:144:SER:H	1:A:146:LEU:H	10	0.51
(1,1709)	1:A:143:LYS:HB2	1:A:147:MET:H	5	0.51
(1,1700)	1:A:143:LYS:H	1:A:145:ASP:H	1	0.51
(1,1669)	1:A:141:SER:HB3	1:A:143:LYS:H	4	0.51
(1,1606)	1:A:137:LEU:HA	1:A:140:LYS:HE2	7	0.51
(1,1606)	1:A:137:LEU:HA	1:A:140:LYS:HE3	7	0.51
(1,1566)	1:A:133:GLU:HG2	1:A:135:SER:H	9	0.51
(1,1566)	1:A:133:GLU:HG3	1:A:135:SER:H	9	0.51
(1,156)	1:A:10:SER:HB2	1:A:13:ASN:H	10	0.51
(1,1440)	1:A:118:LYS:HD2	1:A:119:ALA:H	4	0.51
(1,1440)	1:A:118:LYS:HD3	1:A:119:ALA:H	4	0.51
(1,137)	1:A:8:ASP:HB2	1:A:9:PRO:HA	2	0.51
(1,137)	1:A:8:ASP:HB3	1:A:9:PRO:HA	2	0.51
(1,129)	1:A:8:ASP:HB3	1:A:39:VAL:HB	2	0.51
(1,1260)	1:A:105:ARG:HD2	1:A:106:ARG:H	4	0.51
(1,1260)	1:A:105:ARG:HD3	1:A:106:ARG:H	4	0.51
(1,1255)	1:A:105:ARG:HA	1:A:109:LEU:H	3	0.51
(1,124)	1:A:8:ASP:HB2	1:A:39:VAL:HB	2	0.51
(1,1218)	1:A:104:VAL:HA	1:A:106:ARG:H	7	0.51
(1,1174)	1:A:99:PRO:HA	1:A:102:ALA:H	1	0.51
(1,1173)	1:A:98:CYS:HB2	1:A:107:ARG:HD2	9	0.51
(1,1173)	1:A:98:CYS:HB2	1:A:107:ARG:HD3	9	0.51
(1,1173)	1:A:98:CYS:HB3	1:A:107:ARG:HD2	9	0.51
(1,1173)	1:A:98:CYS:HB3	1:A:107:ARG:HD3	9	0.51
(1,1172)	1:A:98:CYS:HB2	1:A:107:ARG:HA	7	0.51
(1,1172)	1:A:98:CYS:HB3	1:A:107:ARG:HA	7	0.51

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,1171)	1:A:97:TYR:HB2	1:A:131:ALA:HB1	8	0.51
(1,1171)	1:A:97:TYR:HB2	1:A:131:ALA:HB2	8	0.51
(1,1171)	1:A:97:TYR:HB2	1:A:131:ALA:HB3	8	0.51
(1,1171)	1:A:97:TYR:HB3	1:A:131:ALA:HB1	8	0.51
(1,1171)	1:A:97:TYR:HB3	1:A:131:ALA:HB2	8	0.51
(1,1171)	1:A:97:TYR:HB3	1:A:131:ALA:HB3	8	0.51
(1,1159)	1:A:96:GLN:HB2	1:A:114:VAL:HG11	9	0.51
(1,1159)	1:A:96:GLN:HB2	1:A:114:VAL:HG12	9	0.51
(1,1159)	1:A:96:GLN:HB2	1:A:114:VAL:HG13	9	0.51
(1,1159)	1:A:96:GLN:HB2	1:A:114:VAL:HG21	9	0.51
(1,1159)	1:A:96:GLN:HB2	1:A:114:VAL:HG22	9	0.51
(1,1159)	1:A:96:GLN:HB2	1:A:114:VAL:HG23	9	0.51
(1,1159)	1:A:96:GLN:HB3	1:A:114:VAL:HG11	9	0.51
(1,1159)	1:A:96:GLN:HB3	1:A:114:VAL:HG12	9	0.51
(1,1159)	1:A:96:GLN:HB3	1:A:114:VAL:HG13	9	0.51
(1,1159)	1:A:96:GLN:HB3	1:A:114:VAL:HG21	9	0.51
(1,1159)	1:A:96:GLN:HB3	1:A:114:VAL:HG22	9	0.51
(1,1159)	1:A:96:GLN:HB3	1:A:114:VAL:HG23	9	0.51
(1,1065)	1:A:91:LYS:HE3	1:A:150:GLN:H	2	0.51
(1,1027)	1:A:86:THR:HB	1:A:87:SER:H	2	0.51
(2,28)	1:A:79:GLN:HB3	1:A:85:GLY:H	4	0.5
(1,971)	1:A:79:GLN:HA	1:A:86:THR:HG21	9	0.5
(1,971)	1:A:79:GLN:HA	1:A:86:THR:HG22	9	0.5
(1,971)	1:A:79:GLN:HA	1:A:86:THR:HG23	9	0.5
(1,947)	1:A:78:VAL:H	1:A:87:SER:H	5	0.5
(1,946)	1:A:78:VAL:H	1:A:86:THR:HG21	3	0.5
(1,946)	1:A:78:VAL:H	1:A:86:THR:HG22	3	0.5
(1,946)	1:A:78:VAL:H	1:A:86:THR:HG23	3	0.5
(1,940)	1:A:77:THR:HG21	1:A:87:SER:H	3	0.5
(1,940)	1:A:77:THR:HG22	1:A:87:SER:H	3	0.5
(1,940)	1:A:77:THR:HG23	1:A:87:SER:H	3	0.5
(1,909)	1:A:76:VAL:H	1:A:89:LEU:H	4	0.5
(1,909)	1:A:76:VAL:H	1:A:89:LEU:H	6	0.5
(1,77)	1:A:7:VAL:HB	1:A:38:ILE:HD11	1	0.5
(1,77)	1:A:7:VAL:HB	1:A:38:ILE:HD12	1	0.5
(1,77)	1:A:7:VAL:HB	1:A:38:ILE:HD13	1	0.5
(1,76)	1:A:7:VAL:HB	1:A:38:ILE:HB	6	0.5
(1,736)	1:A:57:MET:HB2	1:A:60:LEU:HG	7	0.5
(1,736)	1:A:57:MET:HB3	1:A:60:LEU:HG	7	0.5
(1,73)	1:A:7:VAL:HB	1:A:120:SER:HA	6	0.5
(1,654)	1:A:53:PHE:HA	1:A:55:GLU:H	4	0.5
(1,645)	1:A:52:GLU:HA	1:A:55:GLU:HG2	5	0.5

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,645)	1:A:52:GLU:HA	1:A:55:GLU:HG3	5	0.5
(1,609)	1:A:49:PRO:HG2	1:A:51:ALA:H	8	0.5
(1,609)	1:A:49:PRO:HG3	1:A:51:ALA:H	8	0.5
(1,527)	1:A:33:LYS:HG3	1:A:36:THR:HA	9	0.5
(1,5)	1:A:1:MET:HA	1:A:114:VAL:HG11	7	0.5
(1,5)	1:A:1:MET:HA	1:A:114:VAL:HG12	7	0.5
(1,5)	1:A:1:MET:HA	1:A:114:VAL:HG13	7	0.5
(1,5)	1:A:1:MET:HA	1:A:114:VAL:HG21	7	0.5
(1,5)	1:A:1:MET:HA	1:A:114:VAL:HG22	7	0.5
(1,5)	1:A:1:MET:HA	1:A:114:VAL:HG23	7	0.5
(1,434)	1:A:28:ILE:HB	1:A:41:GLU:HA	6	0.5
(1,256)	1:A:15:TYR:HB2	1:A:121:LEU:HG	3	0.5
(1,206)	1:A:12:LYS:HD3	1:A:15:TYR:H	1	0.5
(1,1808)	1:A:152:ILE:H	1:A:152:ILE:HG12	7	0.5
(1,1808)	1:A:152:ILE:H	1:A:152:ILE:HG13	7	0.5
(1,1762)	1:A:148:SER:H	1:A:150:GLN:H	4	0.5
(1,1726)	1:A:144:SER:HB3	1:A:146:LEU:H	3	0.5
(1,1718)	1:A:144:SER:H	1:A:146:LEU:H	7	0.5
(1,1669)	1:A:141:SER:HB3	1:A:143:LYS:H	10	0.5
(1,1658)	1:A:140:LYS:HB2	1:A:142:VAL:H	3	0.5
(1,1658)	1:A:140:LYS:HB3	1:A:142:VAL:H	3	0.5
(1,1658)	1:A:140:LYS:HB2	1:A:142:VAL:H	5	0.5
(1,1658)	1:A:140:LYS:HB3	1:A:142:VAL:H	5	0.5
(1,1636)	1:A:139:GLU:HG2	1:A:142:VAL:HG11	2	0.5
(1,1636)	1:A:139:GLU:HG2	1:A:142:VAL:HG12	2	0.5
(1,1636)	1:A:139:GLU:HG2	1:A:142:VAL:HG13	2	0.5
(1,1636)	1:A:139:GLU:HG2	1:A:142:VAL:HG21	2	0.5
(1,1636)	1:A:139:GLU:HG2	1:A:142:VAL:HG22	2	0.5
(1,1636)	1:A:139:GLU:HG2	1:A:142:VAL:HG23	2	0.5
(1,1636)	1:A:139:GLU:HG3	1:A:142:VAL:HG11	2	0.5
(1,1636)	1:A:139:GLU:HG3	1:A:142:VAL:HG12	2	0.5
(1,1636)	1:A:139:GLU:HG3	1:A:142:VAL:HG13	2	0.5
(1,1636)	1:A:139:GLU:HG3	1:A:142:VAL:HG21	2	0.5
(1,1636)	1:A:139:GLU:HG3	1:A:142:VAL:HG22	2	0.5
(1,1636)	1:A:139:GLU:HG3	1:A:142:VAL:HG23	2	0.5
(1,159)	1:A:10:SER:HB3	1:A:13:ASN:H	8	0.5
(1,1587)	1:A:135:SER:HA	1:A:138:ASP:H	6	0.5
(1,156)	1:A:10:SER:HB2	1:A:13:ASN:H	3	0.5
(1,1441)	1:A:118:LYS:HE2	1:A:119:ALA:H	9	0.5
(1,1378)	1:A:114:VAL:HB	1:A:118:LYS:H	5	0.5
(1,1364)	1:A:113:SER:HB2	1:A:116:ALA:H	1	0.5
(1,1322)	1:A:109:LEU:HD21	1:A:113:SER:H	6	0.5

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,1322)	1:A:109:LEU:HD22	1:A:113:SER:H	6	0.5
(1,1322)	1:A:109:LEU:HD23	1:A:113:SER:H	6	0.5
(1,1220)	1:A:104:VAL:HA	1:A:107:ARG:HB2	5	0.5
(1,1220)	1:A:104:VAL:HA	1:A:107:ARG:HB3	5	0.5
(1,1172)	1:A:98:CYS:HB2	1:A:107:ARG:HA	3	0.5
(1,1172)	1:A:98:CYS:HB3	1:A:107:ARG:HA	3	0.5
(1,1113)	1:A:94:PHE:H	1:A:128:GLN:HB2	9	0.5
(1,1113)	1:A:94:PHE:H	1:A:128:GLN:HB3	9	0.5
(1,111)	1:A:7:VAL:HG11	1:A:9:PRO:HA	9	0.5
(1,111)	1:A:7:VAL:HG12	1:A:9:PRO:HA	9	0.5
(1,111)	1:A:7:VAL:HG13	1:A:9:PRO:HA	9	0.5
(1,111)	1:A:7:VAL:HG21	1:A:9:PRO:HA	9	0.5
(1,111)	1:A:7:VAL:HG22	1:A:9:PRO:HA	9	0.5
(1,111)	1:A:7:VAL:HG23	1:A:9:PRO:HA	9	0.5
(3,9)	1:A:26:TYR:H	1:A:44:GLY:O	10	0.49
(3,27)	1:A:68:ARG:O	1:A:97:TYR:H	8	0.49
(2,3)	1:A:5:VAL:HB	1:A:117:LEU:HG	6	0.49
(2,3)	1:A:5:VAL:HB	1:A:117:LEU:HG	10	0.49
(2,2)	1:A:2:ALA:HB1	1:A:112:SER:H	4	0.49
(2,2)	1:A:2:ALA:HB2	1:A:112:SER:H	4	0.49
(2,2)	1:A:2:ALA:HB3	1:A:112:SER:H	4	0.49
(2,1)	1:A:1:MET:HA	1:A:114:VAL:HA	6	0.49
(1,974)	1:A:79:GLN:HB2	1:A:86:THR:HG21	3	0.49
(1,974)	1:A:79:GLN:HB2	1:A:86:THR:HG22	3	0.49
(1,974)	1:A:79:GLN:HB2	1:A:86:THR:HG23	3	0.49
(1,952)	1:A:78:VAL:HB	1:A:80:ARG:HG2	9	0.49
(1,952)	1:A:78:VAL:HB	1:A:80:ARG:HG3	9	0.49
(1,952)	1:A:78:VAL:HB	1:A:80:ARG:HG2	9	0.49
(1,952)	1:A:78:VAL:HB	1:A:80:ARG:HG3	9	0.49
(1,912)	1:A:76:VAL:HA	1:A:88:THR:HG21	9	0.49
(1,912)	1:A:76:VAL:HA	1:A:88:THR:HG22	9	0.49
(1,912)	1:A:76:VAL:HA	1:A:88:THR:HG23	9	0.49
(1,907)	1:A:76:VAL:H	1:A:88:THR:HB	8	0.49
(1,784)	1:A:61:VAL:HG11	1:A:66:GLU:HG2	7	0.49
(1,784)	1:A:61:VAL:HG12	1:A:66:GLU:HG2	7	0.49
(1,784)	1:A:61:VAL:HG13	1:A:66:GLU:HG2	7	0.49
(1,784)	1:A:61:VAL:HG11	1:A:66:GLU:HG3	7	0.49
(1,784)	1:A:61:VAL:HG12	1:A:66:GLU:HG3	7	0.49
(1,784)	1:A:61:VAL:HG13	1:A:66:GLU:HG3	7	0.49
(1,78)	1:A:7:VAL:HB	1:A:38:ILE:HG21	10	0.49
(1,78)	1:A:7:VAL:HB	1:A:38:ILE:HG22	10	0.49
(1,78)	1:A:7:VAL:HB	1:A:38:ILE:HG23	10	0.49

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,611)	1:A:49:PRO:HG2	1:A:52:GLU:H	5	0.49
(1,611)	1:A:49:PRO:HG3	1:A:52:GLU:H	5	0.49
(1,607)	1:A:49:PRO:HG2	1:A:51:ALA:HB1	5	0.49
(1,607)	1:A:49:PRO:HG2	1:A:51:ALA:HB2	5	0.49
(1,607)	1:A:49:PRO:HG2	1:A:51:ALA:HB3	5	0.49
(1,607)	1:A:49:PRO:HG3	1:A:51:ALA:HB1	5	0.49
(1,607)	1:A:49:PRO:HG3	1:A:51:ALA:HB2	5	0.49
(1,607)	1:A:49:PRO:HG3	1:A:51:ALA:HB3	5	0.49
(1,604)	1:A:49:PRO:HB3	1:A:51:ALA:H	4	0.49
(1,599)	1:A:49:PRO:HA	1:A:52:GLU:H	8	0.49
(1,525)	1:A:33:LYS:HG2	1:A:36:THR:HG21	5	0.49
(1,525)	1:A:33:LYS:HG2	1:A:36:THR:HG22	5	0.49
(1,525)	1:A:33:LYS:HG2	1:A:36:THR:HG23	5	0.49
(1,500)	1:A:31:ILE:HG13	1:A:38:ILE:HD11	8	0.49
(1,500)	1:A:31:ILE:HG13	1:A:38:ILE:HD12	8	0.49
(1,500)	1:A:31:ILE:HG13	1:A:38:ILE:HD13	8	0.49
(1,482)	1:A:30:LYS:HB2	1:A:41:GLU:HG2	1	0.49
(1,482)	1:A:30:LYS:HB2	1:A:41:GLU:HG3	1	0.49
(1,482)	1:A:30:LYS:HB3	1:A:41:GLU:HG2	1	0.49
(1,482)	1:A:30:LYS:HB3	1:A:41:GLU:HG3	1	0.49
(1,464)	1:A:29:PHE:HB2	1:A:41:GLU:H	6	0.49
(1,38)	1:A:5:VAL:HG11	1:A:36:THR:HA	5	0.49
(1,38)	1:A:5:VAL:HG12	1:A:36:THR:HA	5	0.49
(1,38)	1:A:5:VAL:HG13	1:A:36:THR:HA	5	0.49
(1,38)	1:A:5:VAL:HG21	1:A:36:THR:HA	5	0.49
(1,38)	1:A:5:VAL:HG22	1:A:36:THR:HA	5	0.49
(1,38)	1:A:5:VAL:HG23	1:A:36:THR:HA	5	0.49
(1,206)	1:A:12:LYS:HD3	1:A:15:TYR:H	2	0.49
(1,1756)	1:A:147:MET:HA	1:A:149:ASN:H	5	0.49
(1,1362)	1:A:113:SER:HA	1:A:117:LEU:HD11	4	0.49
(1,1362)	1:A:113:SER:HA	1:A:117:LEU:HD12	4	0.49
(1,1362)	1:A:113:SER:HA	1:A:117:LEU:HD13	4	0.49
(1,1362)	1:A:113:SER:HA	1:A:117:LEU:HD21	4	0.49
(1,1362)	1:A:113:SER:HA	1:A:117:LEU:HD22	4	0.49
(1,1362)	1:A:113:SER:HA	1:A:117:LEU:HD23	4	0.49
(1,123)	1:A:8:ASP:HB2	1:A:39:VAL:HA	9	0.49
(1,1165)	1:A:97:TYR:HA	1:A:131:ALA:HA	7	0.49
(1,1086)	1:A:93:ILE:HB	1:A:127:PHE:H	1	0.49
(3,3)	1:A:8:ASP:H	1:A:38:ILE:O	3	0.48
(3,19)	1:A:29:PHE:O	1:A:69:TYR:H	5	0.48
(2,31)	1:A:97:TYR:HB2	1:A:131:ALA:HA	7	0.48
(2,31)	1:A:97:TYR:HB3	1:A:131:ALA:HA	7	0.48

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(2,31)	1:A:97:TYR:HB2	1:A:131:ALA:HA	8	0.48
(2,31)	1:A:97:TYR:HB3	1:A:131:ALA:HA	8	0.48
(2,3)	1:A:5:VAL:HB	1:A:117:LEU:HG	7	0.48
(1,94)	1:A:7:VAL:HG21	1:A:38:ILE:HB	6	0.48
(1,94)	1:A:7:VAL:HG22	1:A:38:ILE:HB	6	0.48
(1,94)	1:A:7:VAL:HG23	1:A:38:ILE:HB	6	0.48
(1,83)	1:A:7:VAL:HG11	1:A:120:SER:HA	1	0.48
(1,83)	1:A:7:VAL:HG12	1:A:120:SER:HA	1	0.48
(1,83)	1:A:7:VAL:HG13	1:A:120:SER:HA	1	0.48
(1,76)	1:A:7:VAL:HB	1:A:38:ILE:HB	4	0.48
(1,752)	1:A:58:LYS:HB3	1:A:59:LYS:H	10	0.48
(1,72)	1:A:7:VAL:HB	1:A:117:LEU:HA	5	0.48
(1,703)	1:A:55:GLU:HA	1:A:58:LYS:HG2	6	0.48
(1,703)	1:A:55:GLU:HA	1:A:58:LYS:HG3	6	0.48
(1,64)	1:A:7:VAL:HA	1:A:117:LEU:HA	1	0.48
(1,590)	1:A:45:GLU:HB2	1:A:48:ALA:HA	9	0.48
(1,516)	1:A:32:ASP:HB2	1:A:37:ALA:H	10	0.48
(1,507)	1:A:31:ILE:HG12	1:A:109:LEU:HB2	4	0.48
(1,507)	1:A:31:ILE:HG12	1:A:109:LEU:HB3	4	0.48
(1,507)	1:A:31:ILE:HG13	1:A:109:LEU:HB2	4	0.48
(1,507)	1:A:31:ILE:HG13	1:A:109:LEU:HB3	4	0.48
(1,48)	1:A:6:LYS:H	1:A:6:LYS:HE2	1	0.48
(1,48)	1:A:6:LYS:H	1:A:6:LYS:HE3	1	0.48
(1,334)	1:A:19:HIS:H	1:A:21:LYS:H	8	0.48
(1,314)	1:A:18:LEU:HB2	1:A:71:ALA:HB1	9	0.48
(1,314)	1:A:18:LEU:HB2	1:A:71:ALA:HB2	9	0.48
(1,314)	1:A:18:LEU:HB2	1:A:71:ALA:HB3	9	0.48
(1,314)	1:A:18:LEU:HB3	1:A:71:ALA:HB1	9	0.48
(1,314)	1:A:18:LEU:HB3	1:A:71:ALA:HB2	9	0.48
(1,314)	1:A:18:LEU:HB3	1:A:71:ALA:HB3	9	0.48
(1,19)	1:A:4:GLY:H	1:A:5:VAL:H	5	0.48
(1,1797)	1:A:151:ARG:H	1:A:151:ARG:HG2	5	0.48
(1,1797)	1:A:151:ARG:H	1:A:151:ARG:HG3	5	0.48
(1,1777)	1:A:149:ASN:HB2	1:A:151:ARG:H	1	0.48
(1,1777)	1:A:149:ASN:HB3	1:A:151:ARG:H	1	0.48
(1,1757)	1:A:147:MET:HA	1:A:150:GLN:H	4	0.48
(1,1744)	1:A:146:LEU:HA	1:A:150:GLN:HA	8	0.48
(1,158)	1:A:10:SER:HB3	1:A:12:LYS:H	2	0.48
(1,158)	1:A:10:SER:HB3	1:A:12:LYS:H	9	0.48
(1,1398)	1:A:115:ARG:HA	1:A:119:ALA:H	9	0.48
(1,1169)	1:A:97:TYR:HB3	1:A:131:ALA:HB1	4	0.48
(1,1169)	1:A:97:TYR:HB3	1:A:131:ALA:HB2	4	0.48

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,1169)	1:A:97:TYR:HB3	1:A:131:ALA:HB3	4	0.48
(1,1117)	1:A:94:PHE:HA	1:A:128:GLN:HA	7	0.48
(1,108)	1:A:7:VAL:HG11	1:A:38:ILE:HB	5	0.48
(1,108)	1:A:7:VAL:HG12	1:A:38:ILE:HB	5	0.48
(1,108)	1:A:7:VAL:HG13	1:A:38:ILE:HB	5	0.48
(1,108)	1:A:7:VAL:HG21	1:A:38:ILE:HB	5	0.48
(1,108)	1:A:7:VAL:HG22	1:A:38:ILE:HB	5	0.48
(1,108)	1:A:7:VAL:HG23	1:A:38:ILE:HB	5	0.48
(2,2)	1:A:2:ALA:HB1	1:A:112:SER:H	1	0.47
(2,2)	1:A:2:ALA:HB2	1:A:112:SER:H	1	0.47
(2,2)	1:A:2:ALA:HB3	1:A:112:SER:H	1	0.47
(2,2)	1:A:2:ALA:HB1	1:A:112:SER:H	10	0.47
(2,2)	1:A:2:ALA:HB2	1:A:112:SER:H	10	0.47
(2,2)	1:A:2:ALA:HB3	1:A:112:SER:H	10	0.47
(1,787)	1:A:61:VAL:HG21	1:A:66:GLU:HG3	8	0.47
(1,787)	1:A:61:VAL:HG22	1:A:66:GLU:HG3	8	0.47
(1,787)	1:A:61:VAL:HG23	1:A:66:GLU:HG3	8	0.47
(1,76)	1:A:7:VAL:HB	1:A:38:ILE:HB	10	0.47
(1,657)	1:A:53:PHE:HA	1:A:57:MET:H	8	0.47
(1,654)	1:A:53:PHE:HA	1:A:55:GLU:H	7	0.47
(1,645)	1:A:52:GLU:HA	1:A:55:GLU:HG2	3	0.47
(1,645)	1:A:52:GLU:HA	1:A:55:GLU:HG3	3	0.47
(1,598)	1:A:49:PRO:HA	1:A:51:ALA:HB1	4	0.47
(1,598)	1:A:49:PRO:HA	1:A:51:ALA:HB2	4	0.47
(1,598)	1:A:49:PRO:HA	1:A:51:ALA:HB3	4	0.47
(1,597)	1:A:49:PRO:HA	1:A:51:ALA:H	4	0.47
(1,214)	1:A:12:LYS:HG3	1:A:15:TYR:H	8	0.47
(1,206)	1:A:12:LYS:HD3	1:A:15:TYR:H	7	0.47
(1,1718)	1:A:144:SER:H	1:A:146:LEU:H	1	0.47
(1,1606)	1:A:137:LEU:HA	1:A:140:LYS:HE2	9	0.47
(1,1606)	1:A:137:LEU:HA	1:A:140:LYS:HE3	9	0.47
(1,1594)	1:A:135:SER:HB2	1:A:140:LYS:HG2	9	0.47
(1,1594)	1:A:135:SER:HB2	1:A:140:LYS:HG3	9	0.47
(1,1594)	1:A:135:SER:HB3	1:A:140:LYS:HG2	9	0.47
(1,1594)	1:A:135:SER:HB3	1:A:140:LYS:HG3	9	0.47
(1,158)	1:A:10:SER:HB3	1:A:12:LYS:H	4	0.47
(1,1429)	1:A:117:LEU:HB3	1:A:119:ALA:H	1	0.47
(1,1285)	1:A:107:ARG:HD2	1:A:108:MET:H	1	0.47
(1,1285)	1:A:107:ARG:HD3	1:A:108:MET:H	1	0.47
(1,1285)	1:A:107:ARG:HD2	1:A:108:MET:H	1	0.47
(1,1285)	1:A:107:ARG:HD3	1:A:108:MET:H	1	0.47
(1,1254)	1:A:105:ARG:HA	1:A:108:MET:HG2	6	0.47

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,1254)	1:A:105:ARG:HA	1:A:108:MET:HG3	6	0.47
(1,1254)	1:A:105:ARG:HA	1:A:108:MET:HG2	6	0.47
(1,1254)	1:A:105:ARG:HA	1:A:108:MET:HG3	6	0.47
(1,1240)	1:A:104:VAL:HG11	1:A:107:ARG:HA	5	0.47
(1,1240)	1:A:104:VAL:HG12	1:A:107:ARG:HA	5	0.47
(1,1240)	1:A:104:VAL:HG13	1:A:107:ARG:HA	5	0.47
(1,1240)	1:A:104:VAL:HG21	1:A:107:ARG:HA	5	0.47
(1,1240)	1:A:104:VAL:HG22	1:A:107:ARG:HA	5	0.47
(1,1240)	1:A:104:VAL:HG23	1:A:107:ARG:HA	5	0.47
(1,1235)	1:A:104:VAL:HG21	1:A:108:MET:H	4	0.47
(1,1235)	1:A:104:VAL:HG22	1:A:108:MET:H	4	0.47
(1,1235)	1:A:104:VAL:HG23	1:A:108:MET:H	4	0.47
(1,1233)	1:A:104:VAL:HG21	1:A:106:ARG:H	6	0.47
(1,1233)	1:A:104:VAL:HG22	1:A:106:ARG:H	6	0.47
(1,1233)	1:A:104:VAL:HG23	1:A:106:ARG:H	6	0.47
(1,1186)	1:A:99:PRO:HG2	1:A:132:SER:HA	9	0.47
(1,1174)	1:A:99:PRO:HA	1:A:102:ALA:H	4	0.47
(1,1086)	1:A:93:ILE:HB	1:A:127:PHE:H	9	0.47
(2,3)	1:A:5:VAL:HB	1:A:117:LEU:HG	5	0.46
(2,1)	1:A:1:MET:HA	1:A:114:VAL:HA	1	0.46
(1,973)	1:A:79:GLN:HB2	1:A:85:GLY:H	5	0.46
(1,93)	1:A:7:VAL:HG21	1:A:38:ILE:H	8	0.46
(1,93)	1:A:7:VAL:HG22	1:A:38:ILE:H	8	0.46
(1,93)	1:A:7:VAL:HG23	1:A:38:ILE:H	8	0.46
(1,898)	1:A:75:GLU:HG3	1:A:90:ASN:HA	5	0.46
(1,896)	1:A:75:GLU:HG3	1:A:88:THR:HG21	6	0.46
(1,896)	1:A:75:GLU:HG3	1:A:88:THR:HG22	6	0.46
(1,896)	1:A:75:GLU:HG3	1:A:88:THR:HG23	6	0.46
(1,892)	1:A:75:GLU:HG2	1:A:90:ASN:HA	4	0.46
(1,892)	1:A:75:GLU:HG2	1:A:90:ASN:HA	5	0.46
(1,883)	1:A:75:GLU:HB3	1:A:76:VAL:H	1	0.46
(1,75)	1:A:7:VAL:HB	1:A:38:ILE:H	8	0.46
(1,73)	1:A:7:VAL:HB	1:A:120:SER:HA	1	0.46
(1,700)	1:A:55:GLU:HA	1:A:58:LYS:HE2	7	0.46
(1,700)	1:A:55:GLU:HA	1:A:58:LYS:HE3	7	0.46
(1,684)	1:A:54:VAL:HG11	1:A:138:ASP:H	1	0.46
(1,684)	1:A:54:VAL:HG12	1:A:138:ASP:H	1	0.46
(1,684)	1:A:54:VAL:HG13	1:A:138:ASP:H	1	0.46
(1,684)	1:A:54:VAL:HG21	1:A:138:ASP:H	1	0.46
(1,684)	1:A:54:VAL:HG22	1:A:138:ASP:H	1	0.46
(1,684)	1:A:54:VAL:HG23	1:A:138:ASP:H	1	0.46
(1,599)	1:A:49:PRO:HA	1:A:52:GLU:H	10	0.46

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,529)	1:A:33:LYS:HG3	1:A:36:THR:HG21	8	0.46
(1,529)	1:A:33:LYS:HG3	1:A:36:THR:HG22	8	0.46
(1,529)	1:A:33:LYS:HG3	1:A:36:THR:HG23	8	0.46
(1,5)	1:A:1:MET:HA	1:A:114:VAL:HG11	2	0.46
(1,5)	1:A:1:MET:HA	1:A:114:VAL:HG12	2	0.46
(1,5)	1:A:1:MET:HA	1:A:114:VAL:HG13	2	0.46
(1,5)	1:A:1:MET:HA	1:A:114:VAL:HG21	2	0.46
(1,5)	1:A:1:MET:HA	1:A:114:VAL:HG22	2	0.46
(1,5)	1:A:1:MET:HA	1:A:114:VAL:HG23	2	0.46
(1,331)	1:A:18:LEU:HD11	1:A:92:VAL:HA	4	0.46
(1,331)	1:A:18:LEU:HD12	1:A:92:VAL:HA	4	0.46
(1,331)	1:A:18:LEU:HD13	1:A:92:VAL:HA	4	0.46
(1,331)	1:A:18:LEU:HD21	1:A:92:VAL:HA	4	0.46
(1,331)	1:A:18:LEU:HD22	1:A:92:VAL:HA	4	0.46
(1,331)	1:A:18:LEU:HD23	1:A:92:VAL:HA	4	0.46
(1,264)	1:A:15:TYR:HB3	1:A:27:ILE:HD11	4	0.46
(1,264)	1:A:15:TYR:HB3	1:A:27:ILE:HD12	4	0.46
(1,264)	1:A:15:TYR:HB3	1:A:27:ILE:HD13	4	0.46
(1,179)	1:A:11:CYS:HB3	1:A:121:LEU:HD11	7	0.46
(1,179)	1:A:11:CYS:HB3	1:A:121:LEU:HD12	7	0.46
(1,179)	1:A:11:CYS:HB3	1:A:121:LEU:HD13	7	0.46
(1,179)	1:A:11:CYS:HB3	1:A:121:LEU:HD21	7	0.46
(1,179)	1:A:11:CYS:HB3	1:A:121:LEU:HD22	7	0.46
(1,179)	1:A:11:CYS:HB3	1:A:121:LEU:HD23	7	0.46
(1,1769)	1:A:149:ASN:H	1:A:150:GLN:H	4	0.46
(1,1721)	1:A:144:SER:HA	1:A:148:SER:H	2	0.46
(1,1718)	1:A:144:SER:H	1:A:146:LEU:H	9	0.46
(1,1669)	1:A:141:SER:HB3	1:A:143:LYS:H	2	0.46
(1,1597)	1:A:136:ASP:H	1:A:138:ASP:H	9	0.46
(1,1594)	1:A:135:SER:HB2	1:A:140:LYS:HG2	8	0.46
(1,1594)	1:A:135:SER:HB2	1:A:140:LYS:HG3	8	0.46
(1,1594)	1:A:135:SER:HB3	1:A:140:LYS:HG2	8	0.46
(1,1594)	1:A:135:SER:HB3	1:A:140:LYS:HG3	8	0.46
(1,1571)	1:A:134:MET:H	1:A:134:MET:HG2	3	0.46
(1,1571)	1:A:134:MET:H	1:A:134:MET:HG3	3	0.46
(1,1414)	1:A:116:ALA:HB1	1:A:120:SER:H	2	0.46
(1,1414)	1:A:116:ALA:HB2	1:A:120:SER:H	2	0.46
(1,1414)	1:A:116:ALA:HB3	1:A:120:SER:H	2	0.46
(1,1387)	1:A:114:VAL:HG11	1:A:117:LEU:HB2	6	0.46
(1,1387)	1:A:114:VAL:HG11	1:A:117:LEU:HB3	6	0.46
(1,1387)	1:A:114:VAL:HG12	1:A:117:LEU:HB2	6	0.46
(1,1387)	1:A:114:VAL:HG12	1:A:117:LEU:HB3	6	0.46

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,1387)	1:A:114:VAL:HG13	1:A:117:LEU:HB2	6	0.46
(1,1387)	1:A:114:VAL:HG13	1:A:117:LEU:HB3	6	0.46
(1,1387)	1:A:114:VAL:HG21	1:A:117:LEU:HB2	6	0.46
(1,1387)	1:A:114:VAL:HG21	1:A:117:LEU:HB3	6	0.46
(1,1387)	1:A:114:VAL:HG22	1:A:117:LEU:HB2	6	0.46
(1,1387)	1:A:114:VAL:HG22	1:A:117:LEU:HB3	6	0.46
(1,1387)	1:A:114:VAL:HG23	1:A:117:LEU:HB2	6	0.46
(1,1387)	1:A:114:VAL:HG23	1:A:117:LEU:HB3	6	0.46
(1,1322)	1:A:109:LEU:HD21	1:A:113:SER:H	9	0.46
(1,1322)	1:A:109:LEU:HD22	1:A:113:SER:H	9	0.46
(1,1322)	1:A:109:LEU:HD23	1:A:113:SER:H	9	0.46
(1,1306)	1:A:108:MET:HG2	1:A:112:SER:HB2	10	0.46
(1,1306)	1:A:108:MET:HG2	1:A:112:SER:HB3	10	0.46
(1,1306)	1:A:108:MET:HG3	1:A:112:SER:HB2	10	0.46
(1,1306)	1:A:108:MET:HG3	1:A:112:SER:HB3	10	0.46
(1,1240)	1:A:104:VAL:HG11	1:A:107:ARG:HA	9	0.46
(1,1240)	1:A:104:VAL:HG12	1:A:107:ARG:HA	9	0.46
(1,1240)	1:A:104:VAL:HG13	1:A:107:ARG:HA	9	0.46
(1,1240)	1:A:104:VAL:HG21	1:A:107:ARG:HA	9	0.46
(1,1240)	1:A:104:VAL:HG22	1:A:107:ARG:HA	9	0.46
(1,1240)	1:A:104:VAL:HG23	1:A:107:ARG:HA	9	0.46
(1,124)	1:A:8:ASP:HB2	1:A:39:VAL:HB	9	0.46
(1,1235)	1:A:104:VAL:HG21	1:A:108:MET:H	9	0.46
(1,1235)	1:A:104:VAL:HG22	1:A:108:MET:H	9	0.46
(1,1235)	1:A:104:VAL:HG23	1:A:108:MET:H	9	0.46
(1,1205)	1:A:102:ALA:HB1	1:A:106:ARG:HD2	3	0.46
(1,1205)	1:A:102:ALA:HB1	1:A:106:ARG:HD3	3	0.46
(1,1205)	1:A:102:ALA:HB2	1:A:106:ARG:HD2	3	0.46
(1,1205)	1:A:102:ALA:HB2	1:A:106:ARG:HD3	3	0.46
(1,1205)	1:A:102:ALA:HB3	1:A:106:ARG:HD2	3	0.46
(1,1205)	1:A:102:ALA:HB3	1:A:106:ARG:HD3	3	0.46
(1,1165)	1:A:97:TYR:HA	1:A:131:ALA:HA	8	0.46
(1,1159)	1:A:96:GLN:HB2	1:A:114:VAL:HG11	4	0.46
(1,1159)	1:A:96:GLN:HB2	1:A:114:VAL:HG12	4	0.46
(1,1159)	1:A:96:GLN:HB2	1:A:114:VAL:HG13	4	0.46
(1,1159)	1:A:96:GLN:HB2	1:A:114:VAL:HG21	4	0.46
(1,1159)	1:A:96:GLN:HB2	1:A:114:VAL:HG22	4	0.46
(1,1159)	1:A:96:GLN:HB2	1:A:114:VAL:HG23	4	0.46
(1,1159)	1:A:96:GLN:HB3	1:A:114:VAL:HG11	4	0.46
(1,1159)	1:A:96:GLN:HB3	1:A:114:VAL:HG12	4	0.46
(1,1159)	1:A:96:GLN:HB3	1:A:114:VAL:HG13	4	0.46
(1,1159)	1:A:96:GLN:HB3	1:A:114:VAL:HG21	4	0.46

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,1159)	1:A:96:GLN:HB3	1:A:114:VAL:HG22	4	0.46
(1,1159)	1:A:96:GLN:HB3	1:A:114:VAL:HG23	4	0.46
(1,1117)	1:A:94:PHE:HA	1:A:128:GLN:HA	4	0.46
(1,1107)	1:A:93:ILE:HG21	1:A:146:LEU:HA	10	0.46
(1,1107)	1:A:93:ILE:HG22	1:A:146:LEU:HA	10	0.46
(1,1107)	1:A:93:ILE:HG23	1:A:146:LEU:HA	10	0.46
(1,898)	1:A:75:GLU:HG3	1:A:90:ASN:HA	4	0.45
(1,888)	1:A:75:GLU:HG2	1:A:76:VAL:H	8	0.45
(1,888)	1:A:75:GLU:HG2	1:A:76:VAL:H	9	0.45
(1,736)	1:A:57:MET:HB2	1:A:60:LEU:HG	10	0.45
(1,736)	1:A:57:MET:HB3	1:A:60:LEU:HG	10	0.45
(1,664)	1:A:53:PHE:HB2	1:A:57:MET:H	8	0.45
(1,664)	1:A:53:PHE:HB3	1:A:57:MET:H	8	0.45
(1,608)	1:A:49:PRO:HG2	1:A:50:TYR:H	3	0.45
(1,608)	1:A:49:PRO:HG3	1:A:50:TYR:H	3	0.45
(1,593)	1:A:45:GLU:HB3	1:A:48:ALA:HB1	1	0.45
(1,593)	1:A:45:GLU:HB3	1:A:48:ALA:HB2	1	0.45
(1,593)	1:A:45:GLU:HB3	1:A:48:ALA:HB3	1	0.45
(1,577)	1:A:42:LYS:HB2	1:A:53:PHE:HA	4	0.45
(1,577)	1:A:42:LYS:HB3	1:A:53:PHE:HA	4	0.45
(1,529)	1:A:33:LYS:HG3	1:A:36:THR:HG21	5	0.45
(1,529)	1:A:33:LYS:HG3	1:A:36:THR:HG22	5	0.45
(1,529)	1:A:33:LYS:HG3	1:A:36:THR:HG23	5	0.45
(1,454)	1:A:28:ILE:HG12	1:A:41:GLU:HG2	7	0.45
(1,454)	1:A:28:ILE:HG12	1:A:41:GLU:HG3	7	0.45
(1,454)	1:A:28:ILE:HG13	1:A:41:GLU:HG2	7	0.45
(1,454)	1:A:28:ILE:HG13	1:A:41:GLU:HG3	7	0.45
(1,440)	1:A:28:ILE:HB	1:A:70:ALA:HB1	2	0.45
(1,440)	1:A:28:ILE:HB	1:A:70:ALA:HB2	2	0.45
(1,440)	1:A:28:ILE:HB	1:A:70:ALA:HB3	2	0.45
(1,323)	1:A:18:LEU:HD21	1:A:71:ALA:HA	2	0.45
(1,323)	1:A:18:LEU:HD22	1:A:71:ALA:HA	2	0.45
(1,323)	1:A:18:LEU:HD23	1:A:71:ALA:HA	2	0.45
(1,216)	1:A:12:LYS:HB2	1:A:40:VAL:HG11	1	0.45
(1,216)	1:A:12:LYS:HB2	1:A:40:VAL:HG12	1	0.45
(1,216)	1:A:12:LYS:HB2	1:A:40:VAL:HG13	1	0.45
(1,216)	1:A:12:LYS:HB2	1:A:40:VAL:HG21	1	0.45
(1,216)	1:A:12:LYS:HB2	1:A:40:VAL:HG22	1	0.45
(1,216)	1:A:12:LYS:HB2	1:A:40:VAL:HG23	1	0.45
(1,216)	1:A:12:LYS:HB3	1:A:40:VAL:HG11	1	0.45
(1,216)	1:A:12:LYS:HB3	1:A:40:VAL:HG12	1	0.45
(1,216)	1:A:12:LYS:HB3	1:A:40:VAL:HG13	1	0.45

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,216)	1:A:12:LYS:HB3	1:A:40:VAL:HG21	1	0.45
(1,216)	1:A:12:LYS:HB3	1:A:40:VAL:HG22	1	0.45
(1,216)	1:A:12:LYS:HB3	1:A:40:VAL:HG23	1	0.45
(1,216)	1:A:12:LYS:HB2	1:A:40:VAL:HG11	8	0.45
(1,216)	1:A:12:LYS:HB2	1:A:40:VAL:HG12	8	0.45
(1,216)	1:A:12:LYS:HB2	1:A:40:VAL:HG13	8	0.45
(1,216)	1:A:12:LYS:HB2	1:A:40:VAL:HG21	8	0.45
(1,216)	1:A:12:LYS:HB2	1:A:40:VAL:HG22	8	0.45
(1,216)	1:A:12:LYS:HB2	1:A:40:VAL:HG23	8	0.45
(1,216)	1:A:12:LYS:HB3	1:A:40:VAL:HG11	8	0.45
(1,216)	1:A:12:LYS:HB3	1:A:40:VAL:HG12	8	0.45
(1,216)	1:A:12:LYS:HB3	1:A:40:VAL:HG13	8	0.45
(1,216)	1:A:12:LYS:HB3	1:A:40:VAL:HG21	8	0.45
(1,216)	1:A:12:LYS:HB3	1:A:40:VAL:HG22	8	0.45
(1,216)	1:A:12:LYS:HB3	1:A:40:VAL:HG23	8	0.45
(1,1773)	1:A:149:ASN:HB3	1:A:151:ARG:HA	7	0.45
(1,1725)	1:A:144:SER:HB3	1:A:145:ASP:H	4	0.45
(1,1721)	1:A:144:SER:HA	1:A:148:SER:H	1	0.45
(1,1658)	1:A:140:LYS:HB2	1:A:142:VAL:H	8	0.45
(1,1658)	1:A:140:LYS:HB3	1:A:142:VAL:H	8	0.45
(1,1549)	1:A:131:ALA:H	1:A:136:ASP:HB2	9	0.45
(1,1549)	1:A:131:ALA:H	1:A:136:ASP:HB3	9	0.45
(1,1453)	1:A:119:ALA:HA	1:A:122:GLY:H	2	0.45
(1,1426)	1:A:117:LEU:HB2	1:A:119:ALA:H	1	0.45
(1,1409)	1:A:116:ALA:HA	1:A:119:ALA:HB1	1	0.45
(1,1409)	1:A:116:ALA:HA	1:A:119:ALA:HB2	1	0.45
(1,1409)	1:A:116:ALA:HA	1:A:119:ALA:HB3	1	0.45
(1,1378)	1:A:114:VAL:HB	1:A:118:LYS:H	8	0.45
(1,1344)	1:A:111:ALA:HA	1:A:115:ARG:H	5	0.45
(1,1325)	1:A:109:LEU:HD11	1:A:112:SER:HB2	2	0.45
(1,1325)	1:A:109:LEU:HD11	1:A:112:SER:HB3	2	0.45
(1,1325)	1:A:109:LEU:HD12	1:A:112:SER:HB2	2	0.45
(1,1325)	1:A:109:LEU:HD12	1:A:112:SER:HB3	2	0.45
(1,1325)	1:A:109:LEU:HD13	1:A:112:SER:HB2	2	0.45
(1,1325)	1:A:109:LEU:HD13	1:A:112:SER:HB3	2	0.45
(1,1325)	1:A:109:LEU:HD21	1:A:112:SER:HB2	2	0.45
(1,1325)	1:A:109:LEU:HD21	1:A:112:SER:HB3	2	0.45
(1,1325)	1:A:109:LEU:HD22	1:A:112:SER:HB2	2	0.45
(1,1325)	1:A:109:LEU:HD22	1:A:112:SER:HB3	2	0.45
(1,1325)	1:A:109:LEU:HD23	1:A:112:SER:HB2	2	0.45
(1,1325)	1:A:109:LEU:HD23	1:A:112:SER:HB3	2	0.45
(1,1285)	1:A:107:ARG:HD2	1:A:108:MET:H	10	0.45

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,1285)	1:A:107:ARG:HD3	1:A:108:MET:H	10	0.45
(1,1285)	1:A:107:ARG:HD2	1:A:108:MET:H	10	0.45
(1,1285)	1:A:107:ARG:HD3	1:A:108:MET:H	10	0.45
(1,1281)	1:A:107:ARG:HA	1:A:110:TYR:HA	6	0.45
(1,1224)	1:A:104:VAL:HB	1:A:106:ARG:H	8	0.45
(1,1224)	1:A:104:VAL:HB	1:A:106:ARG:H	10	0.45
(1,1165)	1:A:97:TYR:HA	1:A:131:ALA:HA	10	0.45
(1,1145)	1:A:95:VAL:HG11	1:A:131:ALA:HA	8	0.45
(1,1145)	1:A:95:VAL:HG12	1:A:131:ALA:HA	8	0.45
(1,1145)	1:A:95:VAL:HG13	1:A:131:ALA:HA	8	0.45
(1,1145)	1:A:95:VAL:HG21	1:A:131:ALA:HA	8	0.45
(1,1145)	1:A:95:VAL:HG22	1:A:131:ALA:HA	8	0.45
(1,1145)	1:A:95:VAL:HG23	1:A:131:ALA:HA	8	0.45
(1,1118)	1:A:94:PHE:HA	1:A:128:GLN:HB2	4	0.45
(1,102)	1:A:7:VAL:HG11	1:A:120:SER:HA	6	0.45
(1,102)	1:A:7:VAL:HG12	1:A:120:SER:HA	6	0.45
(1,102)	1:A:7:VAL:HG13	1:A:120:SER:HA	6	0.45
(1,102)	1:A:7:VAL:HG21	1:A:120:SER:HA	6	0.45
(1,102)	1:A:7:VAL:HG22	1:A:120:SER:HA	6	0.45
(1,102)	1:A:7:VAL:HG23	1:A:120:SER:HA	6	0.45
(3,49)	1:A:94:PHE:H	1:A:127:PHE:O	10	0.44
(3,41)	1:A:76:VAL:H	1:A:89:LEU:O	2	0.44
(3,26)	1:A:68:ARG:N	1:A:97:TYR:O	7	0.44
(3,10)	1:A:26:TYR:N	1:A:44:GLY:O	10	0.44
(2,34)	1:A:114:VAL:HA	1:A:117:LEU:HA	1	0.44
(2,29)	1:A:86:THR:HG21	1:A:88:THR:HA	7	0.44
(2,29)	1:A:86:THR:HG22	1:A:88:THR:HA	7	0.44
(2,29)	1:A:86:THR:HG23	1:A:88:THR:HA	7	0.44
(1,960)	1:A:78:VAL:HG21	1:A:87:SER:HB2	4	0.44
(1,960)	1:A:78:VAL:HG22	1:A:87:SER:HB2	4	0.44
(1,960)	1:A:78:VAL:HG23	1:A:87:SER:HB2	4	0.44
(1,960)	1:A:78:VAL:HG21	1:A:87:SER:HB3	4	0.44
(1,960)	1:A:78:VAL:HG22	1:A:87:SER:HB3	4	0.44
(1,960)	1:A:78:VAL:HG23	1:A:87:SER:HB3	4	0.44
(1,935)	1:A:77:THR:HB	1:A:87:SER:H	1	0.44
(1,93)	1:A:7:VAL:HG21	1:A:38:ILE:H	7	0.44
(1,93)	1:A:7:VAL:HG22	1:A:38:ILE:H	7	0.44
(1,93)	1:A:7:VAL:HG23	1:A:38:ILE:H	7	0.44
(1,888)	1:A:75:GLU:HG2	1:A:76:VAL:H	10	0.44
(1,885)	1:A:75:GLU:HB3	1:A:88:THR:HB	10	0.44
(1,705)	1:A:55:GLU:HA	1:A:59:LYS:HB3	2	0.44
(1,705)	1:A:55:GLU:HA	1:A:59:LYS:HB3	3	0.44

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,669)	1:A:54:VAL:HA	1:A:56:GLU:H	4	0.44
(1,669)	1:A:54:VAL:HA	1:A:56:GLU:H	5	0.44
(1,65)	1:A:7:VAL:HA	1:A:37:ALA:HA	5	0.44
(1,589)	1:A:45:GLU:HA	1:A:48:ALA:HB1	2	0.44
(1,589)	1:A:45:GLU:HA	1:A:48:ALA:HB2	2	0.44
(1,589)	1:A:45:GLU:HA	1:A:48:ALA:HB3	2	0.44
(1,529)	1:A:33:LYS:HG3	1:A:36:THR:HG21	1	0.44
(1,529)	1:A:33:LYS:HG3	1:A:36:THR:HG22	1	0.44
(1,529)	1:A:33:LYS:HG3	1:A:36:THR:HG23	1	0.44
(1,528)	1:A:33:LYS:HG3	1:A:36:THR:HB	5	0.44
(1,516)	1:A:32:ASP:HB2	1:A:37:ALA:H	5	0.44
(1,515)	1:A:31:ILE:HG21	1:A:37:ALA:H	4	0.44
(1,515)	1:A:31:ILE:HG22	1:A:37:ALA:H	4	0.44
(1,515)	1:A:31:ILE:HG23	1:A:37:ALA:H	4	0.44
(1,508)	1:A:31:ILE:HG12	1:A:109:LEU:HD11	6	0.44
(1,508)	1:A:31:ILE:HG12	1:A:109:LEU:HD12	6	0.44
(1,508)	1:A:31:ILE:HG12	1:A:109:LEU:HD13	6	0.44
(1,508)	1:A:31:ILE:HG12	1:A:109:LEU:HD21	6	0.44
(1,508)	1:A:31:ILE:HG12	1:A:109:LEU:HD22	6	0.44
(1,508)	1:A:31:ILE:HG12	1:A:109:LEU:HD23	6	0.44
(1,508)	1:A:31:ILE:HG13	1:A:109:LEU:HD11	6	0.44
(1,508)	1:A:31:ILE:HG13	1:A:109:LEU:HD12	6	0.44
(1,508)	1:A:31:ILE:HG13	1:A:109:LEU:HD13	6	0.44
(1,508)	1:A:31:ILE:HG13	1:A:109:LEU:HD21	6	0.44
(1,508)	1:A:31:ILE:HG13	1:A:109:LEU:HD22	6	0.44
(1,508)	1:A:31:ILE:HG13	1:A:109:LEU:HD23	6	0.44
(1,494)	1:A:31:ILE:HG12	1:A:38:ILE:HA	6	0.44
(1,474)	1:A:30:LYS:HA	1:A:41:GLU:HG2	5	0.44
(1,474)	1:A:30:LYS:HA	1:A:41:GLU:HG3	5	0.44
(1,323)	1:A:18:LEU:HD21	1:A:71:ALA:HA	3	0.44
(1,323)	1:A:18:LEU:HD22	1:A:71:ALA:HA	3	0.44
(1,323)	1:A:18:LEU:HD23	1:A:71:ALA:HA	3	0.44
(1,302)	1:A:17:LEU:HD21	1:A:19:HIS:H	3	0.44
(1,302)	1:A:17:LEU:HD22	1:A:19:HIS:H	3	0.44
(1,302)	1:A:17:LEU:HD23	1:A:19:HIS:H	3	0.44
(1,281)	1:A:16:ASP:HB3	1:A:19:HIS:H	6	0.44
(1,216)	1:A:12:LYS:HB2	1:A:40:VAL:HG11	4	0.44
(1,216)	1:A:12:LYS:HB2	1:A:40:VAL:HG12	4	0.44
(1,216)	1:A:12:LYS:HB2	1:A:40:VAL:HG13	4	0.44
(1,216)	1:A:12:LYS:HB2	1:A:40:VAL:HG21	4	0.44
(1,216)	1:A:12:LYS:HB2	1:A:40:VAL:HG22	4	0.44
(1,216)	1:A:12:LYS:HB2	1:A:40:VAL:HG23	4	0.44

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,216)	1:A:12:LYS:HB3	1:A:40:VAL:HG11	4	0.44
(1,216)	1:A:12:LYS:HB3	1:A:40:VAL:HG12	4	0.44
(1,216)	1:A:12:LYS:HB3	1:A:40:VAL:HG13	4	0.44
(1,216)	1:A:12:LYS:HB3	1:A:40:VAL:HG21	4	0.44
(1,216)	1:A:12:LYS:HB3	1:A:40:VAL:HG22	4	0.44
(1,216)	1:A:12:LYS:HB3	1:A:40:VAL:HG23	4	0.44
(1,214)	1:A:12:LYS:HG3	1:A:15:TYR:H	3	0.44
(1,1777)	1:A:149:ASN:HB2	1:A:151:ARG:H	5	0.44
(1,1777)	1:A:149:ASN:HB3	1:A:151:ARG:H	5	0.44
(1,1777)	1:A:149:ASN:HB2	1:A:151:ARG:H	10	0.44
(1,1777)	1:A:149:ASN:HB3	1:A:151:ARG:H	10	0.44
(1,1725)	1:A:144:SER:HB3	1:A:145:ASP:H	6	0.44
(1,1669)	1:A:141:SER:HB3	1:A:143:LYS:H	5	0.44
(1,1669)	1:A:141:SER:HB3	1:A:143:LYS:H	9	0.44
(1,1665)	1:A:141:SER:HA	1:A:144:SER:H	4	0.44
(1,161)	1:A:10:SER:HB2	1:A:12:LYS:H	10	0.44
(1,161)	1:A:10:SER:HB3	1:A:12:LYS:H	10	0.44
(1,1581)	1:A:134:MET:HG2	1:A:135:SER:H	6	0.44
(1,1581)	1:A:134:MET:HG3	1:A:135:SER:H	6	0.44
(1,1580)	1:A:134:MET:HB2	1:A:136:ASP:H	8	0.44
(1,1580)	1:A:134:MET:HB3	1:A:136:ASP:H	8	0.44
(1,1449)	1:A:118:LYS:HG2	1:A:128:GLN:HB2	3	0.44
(1,1449)	1:A:118:LYS:HG2	1:A:128:GLN:HB3	3	0.44
(1,1449)	1:A:118:LYS:HG3	1:A:128:GLN:HB2	3	0.44
(1,1449)	1:A:118:LYS:HG3	1:A:128:GLN:HB3	3	0.44
(1,1445)	1:A:118:LYS:HG2	1:A:128:GLN:HB2	8	0.44
(1,1445)	1:A:118:LYS:HG2	1:A:128:GLN:HB3	8	0.44
(1,1387)	1:A:114:VAL:HG11	1:A:117:LEU:HB2	1	0.44
(1,1387)	1:A:114:VAL:HG11	1:A:117:LEU:HB3	1	0.44
(1,1387)	1:A:114:VAL:HG12	1:A:117:LEU:HB2	1	0.44
(1,1387)	1:A:114:VAL:HG12	1:A:117:LEU:HB3	1	0.44
(1,1387)	1:A:114:VAL:HG13	1:A:117:LEU:HB2	1	0.44
(1,1387)	1:A:114:VAL:HG13	1:A:117:LEU:HB3	1	0.44
(1,1387)	1:A:114:VAL:HG21	1:A:117:LEU:HB2	1	0.44
(1,1387)	1:A:114:VAL:HG21	1:A:117:LEU:HB3	1	0.44
(1,1387)	1:A:114:VAL:HG22	1:A:117:LEU:HB2	1	0.44
(1,1387)	1:A:114:VAL:HG22	1:A:117:LEU:HB3	1	0.44
(1,1387)	1:A:114:VAL:HG23	1:A:117:LEU:HB2	1	0.44
(1,1387)	1:A:114:VAL:HG23	1:A:117:LEU:HB3	1	0.44
(1,1362)	1:A:113:SER:HA	1:A:117:LEU:HD11	6	0.44
(1,1362)	1:A:113:SER:HA	1:A:117:LEU:HD12	6	0.44
(1,1362)	1:A:113:SER:HA	1:A:117:LEU:HD13	6	0.44

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,1362)	1:A:113:SER:HA	1:A:117:LEU:HD21	6	0.44
(1,1362)	1:A:113:SER:HA	1:A:117:LEU:HD22	6	0.44
(1,1362)	1:A:113:SER:HA	1:A:117:LEU:HD23	6	0.44
(1,1356)	1:A:112:SER:HB2	1:A:116:ALA:HB1	9	0.44
(1,1356)	1:A:112:SER:HB2	1:A:116:ALA:HB2	9	0.44
(1,1356)	1:A:112:SER:HB2	1:A:116:ALA:HB3	9	0.44
(1,1356)	1:A:112:SER:HB3	1:A:116:ALA:HB1	9	0.44
(1,1356)	1:A:112:SER:HB3	1:A:116:ALA:HB2	9	0.44
(1,1356)	1:A:112:SER:HB3	1:A:116:ALA:HB3	9	0.44
(1,135)	1:A:8:ASP:HB2	1:A:39:VAL:HB	3	0.44
(1,135)	1:A:8:ASP:HB3	1:A:39:VAL:HB	3	0.44
(1,1333)	1:A:110:TYR:HA	1:A:114:VAL:H	3	0.44
(1,1314)	1:A:109:LEU:HA	1:A:112:SER:H	8	0.44
(1,1306)	1:A:108:MET:HG2	1:A:112:SER:HB2	9	0.44
(1,1306)	1:A:108:MET:HG2	1:A:112:SER:HB3	9	0.44
(1,1306)	1:A:108:MET:HG3	1:A:112:SER:HB2	9	0.44
(1,1306)	1:A:108:MET:HG3	1:A:112:SER:HB3	9	0.44
(1,1281)	1:A:107:ARG:HA	1:A:110:TYR:HA	9	0.44
(1,1233)	1:A:104:VAL:HG21	1:A:106:ARG:H	1	0.44
(1,1233)	1:A:104:VAL:HG22	1:A:106:ARG:H	1	0.44
(1,1233)	1:A:104:VAL:HG23	1:A:106:ARG:H	1	0.44
(1,123)	1:A:8:ASP:HB2	1:A:39:VAL:HA	4	0.44
(1,118)	1:A:8:ASP:H	1:A:39:VAL:HG11	3	0.44
(1,118)	1:A:8:ASP:H	1:A:39:VAL:HG12	3	0.44
(1,118)	1:A:8:ASP:H	1:A:39:VAL:HG13	3	0.44
(1,118)	1:A:8:ASP:H	1:A:39:VAL:HG21	3	0.44
(1,118)	1:A:8:ASP:H	1:A:39:VAL:HG22	3	0.44
(1,118)	1:A:8:ASP:H	1:A:39:VAL:HG23	3	0.44
(1,113)	1:A:94:PHE:H	1:A:128:GLN:HB2	8	0.44
(1,1113)	1:A:94:PHE:H	1:A:128:GLN:HB3	8	0.44
(1,111)	1:A:7:VAL:HG11	1:A:9:PRO:HA	3	0.44
(1,111)	1:A:7:VAL:HG12	1:A:9:PRO:HA	3	0.44
(1,111)	1:A:7:VAL:HG13	1:A:9:PRO:HA	3	0.44
(1,111)	1:A:7:VAL:HG21	1:A:9:PRO:HA	3	0.44
(1,111)	1:A:7:VAL:HG22	1:A:9:PRO:HA	3	0.44
(1,111)	1:A:7:VAL:HG23	1:A:9:PRO:HA	3	0.44
(3,59)	1:A:143:LYS:O	1:A:147:MET:H	9	0.43
(2,6)	1:A:12:LYS:HG2	1:A:15:TYR:H	5	0.43
(2,3)	1:A:5:VAL:HB	1:A:117:LEU:HG	2	0.43
(1,902)	1:A:75:GLU:HG2	1:A:90:ASN:HB2	9	0.43
(1,902)	1:A:75:GLU:HG2	1:A:90:ASN:HB3	9	0.43
(1,902)	1:A:75:GLU:HG3	1:A:90:ASN:HB2	9	0.43

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,902)	1:A:75:GLU:HG3	1:A:90:ASN:HB3	9	0.43
(1,888)	1:A:75:GLU:HG2	1:A:76:VAL:H	4	0.43
(1,888)	1:A:75:GLU:HG2	1:A:76:VAL:H	7	0.43
(1,884)	1:A:75:GLU:HB3	1:A:88:THR:HA	6	0.43
(1,800)	1:A:64:GLY:H	1:A:65:LYS:H	9	0.43
(1,75)	1:A:7:VAL:HB	1:A:38:ILE:H	4	0.43
(1,74)	1:A:7:VAL:HB	1:A:120:SER:HB2	6	0.43
(1,74)	1:A:7:VAL:HB	1:A:120:SER:HB3	6	0.43
(1,74)	1:A:7:VAL:HB	1:A:120:SER:HB2	6	0.43
(1,74)	1:A:7:VAL:HB	1:A:120:SER:HB3	6	0.43
(1,654)	1:A:53:PHE:HA	1:A:55:GLU:H	3	0.43
(1,611)	1:A:49:PRO:HG2	1:A:52:GLU:H	3	0.43
(1,611)	1:A:49:PRO:HG3	1:A:52:GLU:H	3	0.43
(1,479)	1:A:30:LYS:HB2	1:A:39:VAL:HG11	10	0.43
(1,479)	1:A:30:LYS:HB2	1:A:39:VAL:HG12	10	0.43
(1,479)	1:A:30:LYS:HB2	1:A:39:VAL:HG13	10	0.43
(1,479)	1:A:30:LYS:HB2	1:A:39:VAL:HG21	10	0.43
(1,479)	1:A:30:LYS:HB2	1:A:39:VAL:HG22	10	0.43
(1,479)	1:A:30:LYS:HB2	1:A:39:VAL:HG23	10	0.43
(1,479)	1:A:30:LYS:HB3	1:A:39:VAL:HG11	10	0.43
(1,479)	1:A:30:LYS:HB3	1:A:39:VAL:HG12	10	0.43
(1,479)	1:A:30:LYS:HB3	1:A:39:VAL:HG13	10	0.43
(1,479)	1:A:30:LYS:HB3	1:A:39:VAL:HG21	10	0.43
(1,479)	1:A:30:LYS:HB3	1:A:39:VAL:HG22	10	0.43
(1,479)	1:A:30:LYS:HB3	1:A:39:VAL:HG23	10	0.43
(1,351)	1:A:21:LYS:HE2	1:A:22:HIS:H	9	0.43
(1,351)	1:A:21:LYS:HE3	1:A:22:HIS:H	9	0.43
(1,328)	1:A:18:LEU:HD11	1:A:24:HIS:HB2	8	0.43
(1,328)	1:A:18:LEU:HD11	1:A:24:HIS:HB3	8	0.43
(1,328)	1:A:18:LEU:HD12	1:A:24:HIS:HB2	8	0.43
(1,328)	1:A:18:LEU:HD12	1:A:24:HIS:HB3	8	0.43
(1,328)	1:A:18:LEU:HD13	1:A:24:HIS:HB2	8	0.43
(1,328)	1:A:18:LEU:HD13	1:A:24:HIS:HB3	8	0.43
(1,328)	1:A:18:LEU:HD21	1:A:24:HIS:HB2	8	0.43
(1,328)	1:A:18:LEU:HD21	1:A:24:HIS:HB3	8	0.43
(1,328)	1:A:18:LEU:HD22	1:A:24:HIS:HB2	8	0.43
(1,328)	1:A:18:LEU:HD22	1:A:24:HIS:HB3	8	0.43
(1,328)	1:A:18:LEU:HD23	1:A:24:HIS:HB2	8	0.43
(1,328)	1:A:18:LEU:HD23	1:A:24:HIS:HB3	8	0.43
(1,1725)	1:A:144:SER:HB3	1:A:145:ASP:H	7	0.43
(1,1719)	1:A:144:SER:HA	1:A:146:LEU:H	8	0.43
(1,1669)	1:A:141:SER:HB3	1:A:143:LYS:H	3	0.43

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,1636)	1:A:139:GLU:HG2	1:A:142:VAL:HG11	1	0.43
(1,1636)	1:A:139:GLU:HG2	1:A:142:VAL:HG12	1	0.43
(1,1636)	1:A:139:GLU:HG2	1:A:142:VAL:HG13	1	0.43
(1,1636)	1:A:139:GLU:HG2	1:A:142:VAL:HG21	1	0.43
(1,1636)	1:A:139:GLU:HG2	1:A:142:VAL:HG22	1	0.43
(1,1636)	1:A:139:GLU:HG2	1:A:142:VAL:HG23	1	0.43
(1,1636)	1:A:139:GLU:HG3	1:A:142:VAL:HG11	1	0.43
(1,1636)	1:A:139:GLU:HG3	1:A:142:VAL:HG12	1	0.43
(1,1636)	1:A:139:GLU:HG3	1:A:142:VAL:HG13	1	0.43
(1,1636)	1:A:139:GLU:HG3	1:A:142:VAL:HG21	1	0.43
(1,1636)	1:A:139:GLU:HG3	1:A:142:VAL:HG22	1	0.43
(1,1636)	1:A:139:GLU:HG3	1:A:142:VAL:HG23	1	0.43
(1,1636)	1:A:139:GLU:HG2	1:A:142:VAL:HG11	4	0.43
(1,1636)	1:A:139:GLU:HG2	1:A:142:VAL:HG12	4	0.43
(1,1636)	1:A:139:GLU:HG2	1:A:142:VAL:HG13	4	0.43
(1,1636)	1:A:139:GLU:HG2	1:A:142:VAL:HG21	4	0.43
(1,1636)	1:A:139:GLU:HG2	1:A:142:VAL:HG22	4	0.43
(1,1636)	1:A:139:GLU:HG2	1:A:142:VAL:HG23	4	0.43
(1,1636)	1:A:139:GLU:HG3	1:A:142:VAL:HG11	4	0.43
(1,1636)	1:A:139:GLU:HG3	1:A:142:VAL:HG12	4	0.43
(1,1636)	1:A:139:GLU:HG3	1:A:142:VAL:HG13	4	0.43
(1,1636)	1:A:139:GLU:HG3	1:A:142:VAL:HG21	4	0.43
(1,1636)	1:A:139:GLU:HG3	1:A:142:VAL:HG22	4	0.43
(1,1636)	1:A:139:GLU:HG3	1:A:142:VAL:HG23	4	0.43
(1,1579)	1:A:134:MET:HB2	1:A:135:SER:H	9	0.43
(1,1579)	1:A:134:MET:HB3	1:A:135:SER:H	9	0.43
(1,1555)	1:A:132:SER:H	1:A:136:ASP:HA	7	0.43
(1,1498)	1:A:123:LEU:H	1:A:125:SER:H	2	0.43
(1,1344)	1:A:111:ALA:HA	1:A:115:ARG:H	3	0.43
(1,1306)	1:A:108:MET:HG2	1:A:112:SER:HB2	1	0.43
(1,1306)	1:A:108:MET:HG2	1:A:112:SER:HB3	1	0.43
(1,1306)	1:A:108:MET:HG3	1:A:112:SER:HB2	1	0.43
(1,1306)	1:A:108:MET:HG3	1:A:112:SER:HB3	1	0.43
(1,1224)	1:A:104:VAL:HB	1:A:106:ARG:H	2	0.43
(1,1182)	1:A:99:PRO:HB3	1:A:132:SER:HA	7	0.43
(1,118)	1:A:8:ASP:H	1:A:39:VAL:HG11	7	0.43
(1,118)	1:A:8:ASP:H	1:A:39:VAL:HG12	7	0.43
(1,118)	1:A:8:ASP:H	1:A:39:VAL:HG13	7	0.43
(1,118)	1:A:8:ASP:H	1:A:39:VAL:HG21	7	0.43
(1,118)	1:A:8:ASP:H	1:A:39:VAL:HG22	7	0.43
(1,118)	1:A:8:ASP:H	1:A:39:VAL:HG23	7	0.43
(1,1178)	1:A:99:PRO:HB2	1:A:102:ALA:HA	5	0.43

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,1117)	1:A:94:PHE:HA	1:A:128:GLN:HA	9	0.43
(1,1067)	1:A:92:VAL:H	1:A:127:PHE:H	8	0.43
(3,3)	1:A:8:ASP:H	1:A:38:ILE:O	7	0.42
(2,3)	1:A:5:VAL:HB	1:A:117:LEU:HG	3	0.42
(1,883)	1:A:75:GLU:HB3	1:A:76:VAL:H	4	0.42
(1,883)	1:A:75:GLU:HB3	1:A:76:VAL:H	8	0.42
(1,800)	1:A:64:GLY:H	1:A:65:LYS:H	2	0.42
(1,77)	1:A:7:VAL:HB	1:A:38:ILE:HD11	9	0.42
(1,77)	1:A:7:VAL:HB	1:A:38:ILE:HD12	9	0.42
(1,77)	1:A:7:VAL:HB	1:A:38:ILE:HD13	9	0.42
(1,675)	1:A:54:VAL:HB	1:A:56:GLU:H	8	0.42
(1,606)	1:A:49:PRO:HB3	1:A:52:GLU:H	6	0.42
(1,516)	1:A:32:ASP:HB2	1:A:37:ALA:H	6	0.42
(1,489)	1:A:31:ILE:HA	1:A:38:ILE:HD11	1	0.42
(1,489)	1:A:31:ILE:HA	1:A:38:ILE:HD12	1	0.42
(1,489)	1:A:31:ILE:HA	1:A:38:ILE:HD13	1	0.42
(1,452)	1:A:28:ILE:HD11	1:A:71:ALA:H	5	0.42
(1,452)	1:A:28:ILE:HD12	1:A:71:ALA:H	5	0.42
(1,452)	1:A:28:ILE:HD13	1:A:71:ALA:H	5	0.42
(1,382)	1:A:26:TYR:HB3	1:A:72:VAL:HA	5	0.42
(1,33)	1:A:5:VAL:HB	1:A:7:VAL:HA	9	0.42
(1,314)	1:A:18:LEU:HB2	1:A:71:ALA:HB1	10	0.42
(1,314)	1:A:18:LEU:HB2	1:A:71:ALA:HB2	10	0.42
(1,314)	1:A:18:LEU:HB2	1:A:71:ALA:HB3	10	0.42
(1,314)	1:A:18:LEU:HB3	1:A:71:ALA:HB1	10	0.42
(1,314)	1:A:18:LEU:HB3	1:A:71:ALA:HB2	10	0.42
(1,314)	1:A:18:LEU:HB3	1:A:71:ALA:HB3	10	0.42
(1,280)	1:A:16:ASP:HB3	1:A:18:LEU:H	8	0.42
(1,226)	1:A:13:ASN:HB2	1:A:14:ALA:H	8	0.42
(1,1725)	1:A:144:SER:HB3	1:A:145:ASP:H	10	0.42
(1,1721)	1:A:144:SER:HA	1:A:148:SER:H	3	0.42
(1,1719)	1:A:144:SER:HA	1:A:146:LEU:H	1	0.42
(1,1719)	1:A:144:SER:HA	1:A:146:LEU:H	4	0.42
(1,1652)	1:A:140:LYS:HE2	1:A:141:SER:H	3	0.42
(1,1581)	1:A:134:MET:HG2	1:A:135:SER:H	3	0.42
(1,1581)	1:A:134:MET:HG3	1:A:135:SER:H	3	0.42
(1,1581)	1:A:134:MET:HG2	1:A:135:SER:H	7	0.42
(1,1581)	1:A:134:MET:HG3	1:A:135:SER:H	7	0.42
(1,1286)	1:A:107:ARG:HD2	1:A:111:ALA:HA	5	0.42
(1,1286)	1:A:107:ARG:HD3	1:A:111:ALA:HA	5	0.42
(1,1286)	1:A:107:ARG:HD2	1:A:111:ALA:HA	9	0.42
(1,1286)	1:A:107:ARG:HD3	1:A:111:ALA:HA	9	0.42

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,1239)	1:A:104:VAL:HG11	1:A:107:ARG:H	4	0.42
(1,1239)	1:A:104:VAL:HG12	1:A:107:ARG:H	4	0.42
(1,1239)	1:A:104:VAL:HG13	1:A:107:ARG:H	4	0.42
(1,1239)	1:A:104:VAL:HG21	1:A:107:ARG:H	4	0.42
(1,1239)	1:A:104:VAL:HG22	1:A:107:ARG:H	4	0.42
(1,1239)	1:A:104:VAL:HG23	1:A:107:ARG:H	4	0.42
(1,1196)	1:A:100:ASP:HA	1:A:132:SER:HB3	10	0.42
(1,1187)	1:A:99:PRO:HG2	1:A:132:SER:HB3	4	0.42
(1,118)	1:A:8:ASP:H	1:A:39:VAL:HG11	4	0.42
(1,118)	1:A:8:ASP:H	1:A:39:VAL:HG12	4	0.42
(1,118)	1:A:8:ASP:H	1:A:39:VAL:HG13	4	0.42
(1,118)	1:A:8:ASP:H	1:A:39:VAL:HG21	4	0.42
(1,118)	1:A:8:ASP:H	1:A:39:VAL:HG22	4	0.42
(1,118)	1:A:8:ASP:H	1:A:39:VAL:HG23	4	0.42
(1,1120)	1:A:94:PHE:HA	1:A:128:GLN:HB2	7	0.42
(1,1120)	1:A:94:PHE:HA	1:A:128:GLN:HB3	7	0.42
(1,1114)	1:A:94:PHE:H	1:A:129:VAL:H	4	0.42
(1,1092)	1:A:93:ILE:HG12	1:A:127:PHE:H	3	0.42
(1,1092)	1:A:93:ILE:HG12	1:A:127:PHE:H	9	0.42
(3,59)	1:A:143:LYS:O	1:A:147:MET:H	7	0.41
(3,3)	1:A:8:ASP:H	1:A:38:ILE:O	9	0.41
(2,26)	1:A:77:THR:HB	1:A:78:VAL:HG11	2	0.41
(2,26)	1:A:77:THR:HB	1:A:78:VAL:HG12	2	0.41
(2,26)	1:A:77:THR:HB	1:A:78:VAL:HG13	2	0.41
(2,26)	1:A:77:THR:HB	1:A:78:VAL:HG11	4	0.41
(2,26)	1:A:77:THR:HB	1:A:78:VAL:HG12	4	0.41
(2,26)	1:A:77:THR:HB	1:A:78:VAL:HG13	4	0.41
(2,2)	1:A:2:ALA:HB1	1:A:112:SER:H	9	0.41
(2,2)	1:A:2:ALA:HB2	1:A:112:SER:H	9	0.41
(2,2)	1:A:2:ALA:HB3	1:A:112:SER:H	9	0.41
(1,987)	1:A:80:ARG:H	1:A:85:GLY:H	6	0.41
(1,883)	1:A:75:GLU:HB3	1:A:76:VAL:H	7	0.41
(1,822)	1:A:70:ALA:H	1:A:94:PHE:HA	2	0.41
(1,723)	1:A:56:GLU:HG2	1:A:57:MET:H	9	0.41
(1,664)	1:A:53:PHE:HB2	1:A:57:MET:H	6	0.41
(1,664)	1:A:53:PHE:HB3	1:A:57:MET:H	6	0.41
(1,629)	1:A:51:ALA:HA	1:A:54:VAL:HA	9	0.41
(1,620)	1:A:50:TYR:HB2	1:A:137:LEU:HD11	2	0.41
(1,620)	1:A:50:TYR:HB2	1:A:137:LEU:HD12	2	0.41
(1,620)	1:A:50:TYR:HB2	1:A:137:LEU:HD13	2	0.41
(1,620)	1:A:50:TYR:HB2	1:A:137:LEU:HD21	2	0.41
(1,620)	1:A:50:TYR:HB2	1:A:137:LEU:HD22	2	0.41

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,620)	1:A:50:TYR:HB2	1:A:137:LEU:HD23	2	0.41
(1,620)	1:A:50:TYR:HB3	1:A:137:LEU:HD11	2	0.41
(1,620)	1:A:50:TYR:HB3	1:A:137:LEU:HD12	2	0.41
(1,620)	1:A:50:TYR:HB3	1:A:137:LEU:HD13	2	0.41
(1,620)	1:A:50:TYR:HB3	1:A:137:LEU:HD21	2	0.41
(1,620)	1:A:50:TYR:HB3	1:A:137:LEU:HD22	2	0.41
(1,620)	1:A:50:TYR:HB3	1:A:137:LEU:HD23	2	0.41
(1,610)	1:A:49:PRO:HG2	1:A:51:ALA:HB1	10	0.41
(1,610)	1:A:49:PRO:HG2	1:A:51:ALA:HB2	10	0.41
(1,610)	1:A:49:PRO:HG2	1:A:51:ALA:HB3	10	0.41
(1,610)	1:A:49:PRO:HG3	1:A:51:ALA:HB1	10	0.41
(1,610)	1:A:49:PRO:HG3	1:A:51:ALA:HB2	10	0.41
(1,610)	1:A:49:PRO:HG3	1:A:51:ALA:HB3	10	0.41
(1,600)	1:A:49:PRO:HA	1:A:53:PHE:H	8	0.41
(1,525)	1:A:33:LYS:HG2	1:A:36:THR:HG21	3	0.41
(1,525)	1:A:33:LYS:HG2	1:A:36:THR:HG22	3	0.41
(1,525)	1:A:33:LYS:HG2	1:A:36:THR:HG23	3	0.41
(1,505)	1:A:31:ILE:HD11	1:A:32:ASP:H	9	0.41
(1,505)	1:A:31:ILE:HD12	1:A:32:ASP:H	9	0.41
(1,505)	1:A:31:ILE:HD13	1:A:32:ASP:H	9	0.41
(1,500)	1:A:31:ILE:HG13	1:A:38:ILE:HD11	5	0.41
(1,500)	1:A:31:ILE:HG13	1:A:38:ILE:HD12	5	0.41
(1,500)	1:A:31:ILE:HG13	1:A:38:ILE:HD13	5	0.41
(1,5)	1:A:1:MET:HA	1:A:114:VAL:HG11	8	0.41
(1,5)	1:A:1:MET:HA	1:A:114:VAL:HG12	8	0.41
(1,5)	1:A:1:MET:HA	1:A:114:VAL:HG13	8	0.41
(1,5)	1:A:1:MET:HA	1:A:114:VAL:HG21	8	0.41
(1,5)	1:A:1:MET:HA	1:A:114:VAL:HG22	8	0.41
(1,5)	1:A:1:MET:HA	1:A:114:VAL:HG23	8	0.41
(1,499)	1:A:31:ILE:HG13	1:A:38:ILE:HB	5	0.41
(1,302)	1:A:17:LEU:HD21	1:A:19:HIS:H	5	0.41
(1,302)	1:A:17:LEU:HD22	1:A:19:HIS:H	5	0.41
(1,302)	1:A:17:LEU:HD23	1:A:19:HIS:H	5	0.41
(1,226)	1:A:13:ASN:HB2	1:A:14:ALA:H	10	0.41
(1,225)	1:A:13:ASN:HA	1:A:17:LEU:H	9	0.41
(1,219)	1:A:12:LYS:HG2	1:A:121:LEU:HD11	4	0.41
(1,219)	1:A:12:LYS:HG2	1:A:121:LEU:HD12	4	0.41
(1,219)	1:A:12:LYS:HG2	1:A:121:LEU:HD13	4	0.41
(1,219)	1:A:12:LYS:HG2	1:A:121:LEU:HD21	4	0.41
(1,219)	1:A:12:LYS:HG2	1:A:121:LEU:HD22	4	0.41
(1,219)	1:A:12:LYS:HG2	1:A:121:LEU:HD23	4	0.41
(1,219)	1:A:12:LYS:HG3	1:A:121:LEU:HD11	4	0.41

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,219)	1:A:12:LYS:HG3	1:A:121:LEU:HD12	4	0.41
(1,219)	1:A:12:LYS:HG3	1:A:121:LEU:HD13	4	0.41
(1,219)	1:A:12:LYS:HG3	1:A:121:LEU:HD21	4	0.41
(1,219)	1:A:12:LYS:HG3	1:A:121:LEU:HD22	4	0.41
(1,219)	1:A:12:LYS:HG3	1:A:121:LEU:HD23	4	0.41
(1,1777)	1:A:149:ASN:HB2	1:A:151:ARG:H	8	0.41
(1,1777)	1:A:149:ASN:HB3	1:A:151:ARG:H	8	0.41
(1,1769)	1:A:149:ASN:H	1:A:150:GLN:H	7	0.41
(1,1745)	1:A:146:LEU:HG	1:A:147:MET:H	1	0.41
(1,1729)	1:A:145:ASP:H	1:A:146:LEU:H	5	0.41
(1,1729)	1:A:145:ASP:H	1:A:146:LEU:H	6	0.41
(1,1658)	1:A:140:LYS:HB2	1:A:142:VAL:H	2	0.41
(1,1658)	1:A:140:LYS:HB3	1:A:142:VAL:H	2	0.41
(1,1649)	1:A:140:LYS:HD2	1:A:142:VAL:H	8	0.41
(1,1580)	1:A:134:MET:HB2	1:A:136:ASP:H	5	0.41
(1,1580)	1:A:134:MET:HB3	1:A:136:ASP:H	5	0.41
(1,1576)	1:A:134:MET:HA	1:A:138:ASP:H	9	0.41
(1,1447)	1:A:118:LYS:HG3	1:A:128:GLN:HB2	7	0.41
(1,1447)	1:A:118:LYS:HG3	1:A:128:GLN:HB3	7	0.41
(1,1410)	1:A:116:ALA:HA	1:A:120:SER:H	6	0.41
(1,1378)	1:A:114:VAL:HB	1:A:118:LYS:H	7	0.41
(1,1375)	1:A:114:VAL:HA	1:A:118:LYS:H	10	0.41
(1,1362)	1:A:113:SER:HA	1:A:117:LEU:HD11	10	0.41
(1,1362)	1:A:113:SER:HA	1:A:117:LEU:HD12	10	0.41
(1,1362)	1:A:113:SER:HA	1:A:117:LEU:HD13	10	0.41
(1,1362)	1:A:113:SER:HA	1:A:117:LEU:HD21	10	0.41
(1,1362)	1:A:113:SER:HA	1:A:117:LEU:HD22	10	0.41
(1,1362)	1:A:113:SER:HA	1:A:117:LEU:HD23	10	0.41
(1,1286)	1:A:107:ARG:HD2	1:A:111:ALA:HA	8	0.41
(1,1286)	1:A:107:ARG:HD3	1:A:111:ALA:HA	8	0.41
(1,123)	1:A:8:ASP:HB2	1:A:39:VAL:HA	5	0.41
(1,1099)	1:A:93:ILE:HD11	1:A:142:VAL:HA	7	0.41
(1,1099)	1:A:93:ILE:HD12	1:A:142:VAL:HA	7	0.41
(1,1099)	1:A:93:ILE:HD13	1:A:142:VAL:HA	7	0.41
(1,1097)	1:A:93:ILE:HD11	1:A:129:VAL:HA	2	0.41
(1,1097)	1:A:93:ILE:HD12	1:A:129:VAL:HA	2	0.41
(1,1097)	1:A:93:ILE:HD13	1:A:129:VAL:HA	2	0.41
(1,1086)	1:A:93:ILE:HB	1:A:127:PHE:H	3	0.41
(2,3)	1:A:5:VAL:HB	1:A:117:LEU:HG	1	0.4
(1,883)	1:A:75:GLU:HB3	1:A:76:VAL:H	2	0.4
(1,883)	1:A:75:GLU:HB3	1:A:76:VAL:H	9	0.4
(1,737)	1:A:57:MET:HG2	1:A:60:LEU:HG	5	0.4

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,737)	1:A:57:MET:HG3	1:A:60:LEU:HG	5	0.4
(1,724)	1:A:56:GLU:HG2	1:A:58:LYS:H	10	0.4
(1,699)	1:A:55:GLU:HA	1:A:58:LYS:HD2	2	0.4
(1,699)	1:A:55:GLU:HA	1:A:58:LYS:HD3	2	0.4
(1,671)	1:A:54:VAL:HA	1:A:57:MET:HA	3	0.4
(1,669)	1:A:54:VAL:HA	1:A:56:GLU:H	8	0.4
(1,655)	1:A:53:PHE:HA	1:A:56:GLU:H	8	0.4
(1,531)	1:A:34:ASN:H	1:A:36:THR:HG21	8	0.4
(1,531)	1:A:34:ASN:H	1:A:36:THR:HG22	8	0.4
(1,531)	1:A:34:ASN:H	1:A:36:THR:HG23	8	0.4
(1,480)	1:A:30:LYS:HB2	1:A:41:GLU:HA	7	0.4
(1,480)	1:A:30:LYS:HB3	1:A:41:GLU:HA	7	0.4
(1,454)	1:A:28:ILE:HG12	1:A:41:GLU:HG2	4	0.4
(1,454)	1:A:28:ILE:HG12	1:A:41:GLU:HG3	4	0.4
(1,454)	1:A:28:ILE:HG13	1:A:41:GLU:HG2	4	0.4
(1,454)	1:A:28:ILE:HG13	1:A:41:GLU:HG3	4	0.4
(1,370)	1:A:25:SER:HB2	1:A:73:ASP:HB2	10	0.4
(1,370)	1:A:25:SER:HB2	1:A:73:ASP:HB3	10	0.4
(1,370)	1:A:25:SER:HB3	1:A:73:ASP:HB2	10	0.4
(1,370)	1:A:25:SER:HB3	1:A:73:ASP:HB3	10	0.4
(1,296)	1:A:17:LEU:HA	1:A:23:GLN:HB2	8	0.4
(1,296)	1:A:17:LEU:HA	1:A:23:GLN:HB3	8	0.4
(1,245)	1:A:14:ALA:HB1	1:A:40:VAL:HB	4	0.4
(1,245)	1:A:14:ALA:HB2	1:A:40:VAL:HB	4	0.4
(1,245)	1:A:14:ALA:HB3	1:A:40:VAL:HB	4	0.4
(1,226)	1:A:13:ASN:HB2	1:A:14:ALA:H	3	0.4
(1,214)	1:A:12:LYS:HG3	1:A:15:TYR:H	7	0.4
(1,1790)	1:A:150:GLN:HB3	1:A:152:ILE:H	4	0.4
(1,1709)	1:A:143:LYS:HB2	1:A:147:MET:H	1	0.4
(1,1700)	1:A:143:LYS:H	1:A:145:ASP:H	5	0.4
(1,1700)	1:A:143:LYS:H	1:A:145:ASP:H	8	0.4
(1,1700)	1:A:143:LYS:H	1:A:145:ASP:H	10	0.4
(1,1699)	1:A:143:LYS:H	1:A:144:SER:H	2	0.4
(1,162)	1:A:10:SER:HB2	1:A:13:ASN:H	7	0.4
(1,162)	1:A:10:SER:HB3	1:A:13:ASN:H	7	0.4
(1,162)	1:A:10:SER:HB2	1:A:13:ASN:H	8	0.4
(1,162)	1:A:10:SER:HB3	1:A:13:ASN:H	8	0.4
(1,1594)	1:A:135:SER:HB2	1:A:140:LYS:HG2	10	0.4
(1,1594)	1:A:135:SER:HB2	1:A:140:LYS:HG3	10	0.4
(1,1594)	1:A:135:SER:HB3	1:A:140:LYS:HG2	10	0.4
(1,1594)	1:A:135:SER:HB3	1:A:140:LYS:HG3	10	0.4
(1,1579)	1:A:134:MET:HB2	1:A:135:SER:H	10	0.4

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,1579)	1:A:134:MET:HB3	1:A:135:SER:H	10	0.4
(1,153)	1:A:10:SER:HA	1:A:40:VAL:HG11	5	0.4
(1,153)	1:A:10:SER:HA	1:A:40:VAL:HG12	5	0.4
(1,153)	1:A:10:SER:HA	1:A:40:VAL:HG13	5	0.4
(1,153)	1:A:10:SER:HA	1:A:40:VAL:HG21	5	0.4
(1,153)	1:A:10:SER:HA	1:A:40:VAL:HG22	5	0.4
(1,153)	1:A:10:SER:HA	1:A:40:VAL:HG23	5	0.4
(1,1419)	1:A:117:LEU:H	1:A:119:ALA:H	1	0.4
(1,1398)	1:A:115:ARG:HA	1:A:119:ALA:H	4	0.4
(1,1387)	1:A:114:VAL:HG11	1:A:117:LEU:HB2	10	0.4
(1,1387)	1:A:114:VAL:HG11	1:A:117:LEU:HB3	10	0.4
(1,1387)	1:A:114:VAL:HG12	1:A:117:LEU:HB2	10	0.4
(1,1387)	1:A:114:VAL:HG12	1:A:117:LEU:HB3	10	0.4
(1,1387)	1:A:114:VAL:HG13	1:A:117:LEU:HB2	10	0.4
(1,1387)	1:A:114:VAL:HG13	1:A:117:LEU:HB3	10	0.4
(1,1387)	1:A:114:VAL:HG21	1:A:117:LEU:HB2	10	0.4
(1,1387)	1:A:114:VAL:HG21	1:A:117:LEU:HB3	10	0.4
(1,1387)	1:A:114:VAL:HG22	1:A:117:LEU:HB2	10	0.4
(1,1387)	1:A:114:VAL:HG22	1:A:117:LEU:HB3	10	0.4
(1,1387)	1:A:114:VAL:HG23	1:A:117:LEU:HB2	10	0.4
(1,1387)	1:A:114:VAL:HG23	1:A:117:LEU:HB3	10	0.4
(1,1285)	1:A:107:ARG:HD2	1:A:108:MET:H	8	0.4
(1,1285)	1:A:107:ARG:HD3	1:A:108:MET:H	8	0.4
(1,1285)	1:A:107:ARG:HD2	1:A:108:MET:H	8	0.4
(1,1285)	1:A:107:ARG:HD3	1:A:108:MET:H	8	0.4
(1,1208)	1:A:103:PRO:HA	1:A:107:ARG:H	4	0.4
(1,1165)	1:A:97:TYR:HA	1:A:131:ALA:HA	1	0.4
(1,1117)	1:A:94:PHE:HA	1:A:128:GLN:HA	3	0.4
(1,1114)	1:A:94:PHE:H	1:A:129:VAL:H	6	0.4
(1,1113)	1:A:94:PHE:H	1:A:128:GLN:HB2	5	0.4
(1,1113)	1:A:94:PHE:H	1:A:128:GLN:HB3	5	0.4
(1,108)	1:A:7:VAL:HG11	1:A:38:ILE:HB	8	0.4
(1,108)	1:A:7:VAL:HG12	1:A:38:ILE:HB	8	0.4
(1,108)	1:A:7:VAL:HG13	1:A:38:ILE:HB	8	0.4
(1,108)	1:A:7:VAL:HG21	1:A:38:ILE:HB	8	0.4
(1,108)	1:A:7:VAL:HG22	1:A:38:ILE:HB	8	0.4
(1,108)	1:A:7:VAL:HG23	1:A:38:ILE:HB	8	0.4
(3,4)	1:A:8:ASP:N	1:A:38:ILE:O	5	0.39
(2,6)	1:A:12:LYS:HG2	1:A:15:TYR:H	9	0.39
(1,953)	1:A:78:VAL:HB	1:A:87:SER:HB2	8	0.39
(1,953)	1:A:78:VAL:HB	1:A:87:SER:HB3	8	0.39
(1,909)	1:A:76:VAL:H	1:A:89:LEU:H	10	0.39

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,892)	1:A:75:GLU:HG2	1:A:90:ASN:HA	10	0.39
(1,890)	1:A:75:GLU:HG2	1:A:88:THR:HG21	9	0.39
(1,890)	1:A:75:GLU:HG2	1:A:88:THR:HG22	9	0.39
(1,890)	1:A:75:GLU:HG2	1:A:88:THR:HG23	9	0.39
(1,888)	1:A:75:GLU:HG2	1:A:76:VAL:H	1	0.39
(1,887)	1:A:75:GLU:HB3	1:A:89:LEU:H	9	0.39
(1,886)	1:A:75:GLU:HB3	1:A:88:THR:HG21	9	0.39
(1,886)	1:A:75:GLU:HB3	1:A:88:THR:HG22	9	0.39
(1,886)	1:A:75:GLU:HB3	1:A:88:THR:HG23	9	0.39
(1,883)	1:A:75:GLU:HB3	1:A:76:VAL:H	10	0.39
(1,869)	1:A:75:GLU:H	1:A:146:LEU:HD11	8	0.39
(1,869)	1:A:75:GLU:H	1:A:146:LEU:HD12	8	0.39
(1,869)	1:A:75:GLU:H	1:A:146:LEU:HD13	8	0.39
(1,869)	1:A:75:GLU:H	1:A:146:LEU:HD21	8	0.39
(1,869)	1:A:75:GLU:H	1:A:146:LEU:HD22	8	0.39
(1,869)	1:A:75:GLU:H	1:A:146:LEU:HD23	8	0.39
(1,800)	1:A:64:GLY:H	1:A:65:LYS:H	1	0.39
(1,751)	1:A:58:LYS:HB2	1:A:60:LEU:H	1	0.39
(1,659)	1:A:53:PHE:HB2	1:A:56:GLU:H	1	0.39
(1,654)	1:A:53:PHE:HA	1:A:55:GLU:H	1	0.39
(1,644)	1:A:52:GLU:HA	1:A:55:GLU:H	6	0.39
(1,590)	1:A:45:GLU:HB2	1:A:48:ALA:HA	2	0.39
(1,521)	1:A:33:LYS:HE2	1:A:35:ASP:H	7	0.39
(1,521)	1:A:33:LYS:HE3	1:A:35:ASP:H	7	0.39
(1,5)	1:A:1:MET:HA	1:A:114:VAL:HG11	6	0.39
(1,5)	1:A:1:MET:HA	1:A:114:VAL:HG12	6	0.39
(1,5)	1:A:1:MET:HA	1:A:114:VAL:HG13	6	0.39
(1,5)	1:A:1:MET:HA	1:A:114:VAL:HG21	6	0.39
(1,5)	1:A:1:MET:HA	1:A:114:VAL:HG22	6	0.39
(1,5)	1:A:1:MET:HA	1:A:114:VAL:HG23	6	0.39
(1,484)	1:A:30:LYS:HG2	1:A:39:VAL:HG11	10	0.39
(1,484)	1:A:30:LYS:HG2	1:A:39:VAL:HG12	10	0.39
(1,484)	1:A:30:LYS:HG2	1:A:39:VAL:HG13	10	0.39
(1,484)	1:A:30:LYS:HG2	1:A:39:VAL:HG21	10	0.39
(1,484)	1:A:30:LYS:HG2	1:A:39:VAL:HG22	10	0.39
(1,484)	1:A:30:LYS:HG2	1:A:39:VAL:HG23	10	0.39
(1,484)	1:A:30:LYS:HG3	1:A:39:VAL:HG11	10	0.39
(1,484)	1:A:30:LYS:HG3	1:A:39:VAL:HG12	10	0.39
(1,484)	1:A:30:LYS:HG3	1:A:39:VAL:HG13	10	0.39
(1,484)	1:A:30:LYS:HG3	1:A:39:VAL:HG21	10	0.39
(1,484)	1:A:30:LYS:HG3	1:A:39:VAL:HG22	10	0.39
(1,484)	1:A:30:LYS:HG3	1:A:39:VAL:HG23	10	0.39

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,41)	1:A:5:VAL:HG11	1:A:37:ALA:HB1	5	0.39
(1,41)	1:A:5:VAL:HG11	1:A:37:ALA:HB2	5	0.39
(1,41)	1:A:5:VAL:HG11	1:A:37:ALA:HB3	5	0.39
(1,41)	1:A:5:VAL:HG12	1:A:37:ALA:HB1	5	0.39
(1,41)	1:A:5:VAL:HG12	1:A:37:ALA:HB2	5	0.39
(1,41)	1:A:5:VAL:HG12	1:A:37:ALA:HB3	5	0.39
(1,41)	1:A:5:VAL:HG13	1:A:37:ALA:HB1	5	0.39
(1,41)	1:A:5:VAL:HG13	1:A:37:ALA:HB2	5	0.39
(1,41)	1:A:5:VAL:HG13	1:A:37:ALA:HB3	5	0.39
(1,41)	1:A:5:VAL:HG21	1:A:37:ALA:HB1	5	0.39
(1,41)	1:A:5:VAL:HG21	1:A:37:ALA:HB2	5	0.39
(1,41)	1:A:5:VAL:HG21	1:A:37:ALA:HB3	5	0.39
(1,41)	1:A:5:VAL:HG22	1:A:37:ALA:HB1	5	0.39
(1,41)	1:A:5:VAL:HG22	1:A:37:ALA:HB2	5	0.39
(1,41)	1:A:5:VAL:HG22	1:A:37:ALA:HB3	5	0.39
(1,41)	1:A:5:VAL:HG23	1:A:37:ALA:HB1	5	0.39
(1,41)	1:A:5:VAL:HG23	1:A:37:ALA:HB2	5	0.39
(1,41)	1:A:5:VAL:HG23	1:A:37:ALA:HB3	5	0.39
(1,33)	1:A:5:VAL:HB	1:A:7:VAL:HA	6	0.39
(1,303)	1:A:17:LEU:HD11	1:A:21:LYS:HD2	10	0.39
(1,303)	1:A:17:LEU:HD11	1:A:21:LYS:HD3	10	0.39
(1,303)	1:A:17:LEU:HD12	1:A:21:LYS:HD2	10	0.39
(1,303)	1:A:17:LEU:HD12	1:A:21:LYS:HD3	10	0.39
(1,303)	1:A:17:LEU:HD13	1:A:21:LYS:HD2	10	0.39
(1,303)	1:A:17:LEU:HD13	1:A:21:LYS:HD3	10	0.39
(1,303)	1:A:17:LEU:HD21	1:A:21:LYS:HD2	10	0.39
(1,303)	1:A:17:LEU:HD21	1:A:21:LYS:HD3	10	0.39
(1,303)	1:A:17:LEU:HD22	1:A:21:LYS:HD2	10	0.39
(1,303)	1:A:17:LEU:HD22	1:A:21:LYS:HD3	10	0.39
(1,303)	1:A:17:LEU:HD23	1:A:21:LYS:HD2	10	0.39
(1,303)	1:A:17:LEU:HD23	1:A:21:LYS:HD3	10	0.39
(1,226)	1:A:13:ASN:HB2	1:A:14:ALA:H	5	0.39
(1,181)	1:A:11:CYS:HB3	1:A:13:ASN:H	7	0.39
(1,1799)	1:A:151:ARG:H	1:A:152:ILE:H	9	0.39
(1,1700)	1:A:143:LYS:H	1:A:145:ASP:H	4	0.39
(1,1660)	1:A:140:LYS:HG2	1:A:142:VAL:H	8	0.39
(1,1660)	1:A:140:LYS:HG3	1:A:142:VAL:H	8	0.39
(1,1659)	1:A:140:LYS:HB2	1:A:143:LYS:H	2	0.39
(1,1659)	1:A:140:LYS:HB3	1:A:143:LYS:H	2	0.39
(1,1658)	1:A:140:LYS:HB2	1:A:142:VAL:H	1	0.39
(1,1658)	1:A:140:LYS:HB3	1:A:142:VAL:H	1	0.39
(1,1649)	1:A:140:LYS:HD2	1:A:142:VAL:H	5	0.39

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,1593)	1:A:135:SER:HB2	1:A:140:LYS:HD2	7	0.39
(1,1593)	1:A:135:SER:HB2	1:A:140:LYS:HD3	7	0.39
(1,1593)	1:A:135:SER:HB3	1:A:140:LYS:HD2	7	0.39
(1,1593)	1:A:135:SER:HB3	1:A:140:LYS:HD3	7	0.39
(1,1579)	1:A:134:MET:HB2	1:A:135:SER:H	4	0.39
(1,1579)	1:A:134:MET:HB3	1:A:135:SER:H	4	0.39
(1,1576)	1:A:134:MET:HA	1:A:138:ASP:H	8	0.39
(1,1447)	1:A:118:LYS:HG3	1:A:128:GLN:HB2	5	0.39
(1,1447)	1:A:118:LYS:HG3	1:A:128:GLN:HB3	5	0.39
(1,1445)	1:A:118:LYS:HG2	1:A:128:GLN:HB2	4	0.39
(1,1445)	1:A:118:LYS:HG2	1:A:128:GLN:HB3	4	0.39
(1,1426)	1:A:117:LEU:HB2	1:A:119:ALA:H	9	0.39
(1,1362)	1:A:113:SER:HA	1:A:117:LEU:HD11	9	0.39
(1,1362)	1:A:113:SER:HA	1:A:117:LEU:HD12	9	0.39
(1,1362)	1:A:113:SER:HA	1:A:117:LEU:HD13	9	0.39
(1,1362)	1:A:113:SER:HA	1:A:117:LEU:HD21	9	0.39
(1,1362)	1:A:113:SER:HA	1:A:117:LEU:HD22	9	0.39
(1,1362)	1:A:113:SER:HA	1:A:117:LEU:HD23	9	0.39
(1,1285)	1:A:107:ARG:HD2	1:A:108:MET:H	3	0.39
(1,1285)	1:A:107:ARG:HD3	1:A:108:MET:H	3	0.39
(1,1285)	1:A:107:ARG:HD2	1:A:108:MET:H	3	0.39
(1,1285)	1:A:107:ARG:HD3	1:A:108:MET:H	3	0.39
(1,1285)	1:A:107:ARG:HD2	1:A:108:MET:H	6	0.39
(1,1285)	1:A:107:ARG:HD3	1:A:108:MET:H	6	0.39
(1,1285)	1:A:107:ARG:HD2	1:A:108:MET:H	6	0.39
(1,1285)	1:A:107:ARG:HD3	1:A:108:MET:H	6	0.39
(1,1235)	1:A:104:VAL:HG21	1:A:108:MET:H	7	0.39
(1,1235)	1:A:104:VAL:HG22	1:A:108:MET:H	7	0.39
(1,1235)	1:A:104:VAL:HG23	1:A:108:MET:H	7	0.39
(1,123)	1:A:8:ASP:HB2	1:A:39:VAL:HA	7	0.39
(1,121)	1:A:8:ASP:HB2	1:A:10:SER:H	10	0.39
(1,1207)	1:A:103:PRO:HA	1:A:106:ARG:H	7	0.39
(1,118)	1:A:8:ASP:H	1:A:39:VAL:HG11	9	0.39
(1,118)	1:A:8:ASP:H	1:A:39:VAL:HG12	9	0.39
(1,118)	1:A:8:ASP:H	1:A:39:VAL:HG13	9	0.39
(1,118)	1:A:8:ASP:H	1:A:39:VAL:HG21	9	0.39
(1,118)	1:A:8:ASP:H	1:A:39:VAL:HG22	9	0.39
(1,118)	1:A:8:ASP:H	1:A:39:VAL:HG23	9	0.39
(1,1161)	1:A:96:GLN:HG2	1:A:114:VAL:HG11	5	0.39
(1,1161)	1:A:96:GLN:HG2	1:A:114:VAL:HG12	5	0.39
(1,1161)	1:A:96:GLN:HG2	1:A:114:VAL:HG13	5	0.39
(1,1161)	1:A:96:GLN:HG2	1:A:114:VAL:HG21	5	0.39

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,1161)	1:A:96:GLN:HG2	1:A:114:VAL:HG22	5	0.39
(1,1161)	1:A:96:GLN:HG2	1:A:114:VAL:HG23	5	0.39
(1,1161)	1:A:96:GLN:HG3	1:A:114:VAL:HG11	5	0.39
(1,1161)	1:A:96:GLN:HG3	1:A:114:VAL:HG12	5	0.39
(1,1161)	1:A:96:GLN:HG3	1:A:114:VAL:HG13	5	0.39
(1,1161)	1:A:96:GLN:HG3	1:A:114:VAL:HG21	5	0.39
(1,1161)	1:A:96:GLN:HG3	1:A:114:VAL:HG22	5	0.39
(1,1161)	1:A:96:GLN:HG3	1:A:114:VAL:HG23	5	0.39
(1,1118)	1:A:94:PHE:HA	1:A:128:GLN:HB2	2	0.39
(1,1114)	1:A:94:PHE:H	1:A:129:VAL:H	2	0.39
(1,1082)	1:A:93:ILE:HA	1:A:127:PHE:HA	2	0.39
(1,108)	1:A:7:VAL:HG11	1:A:38:ILE:HB	7	0.39
(1,108)	1:A:7:VAL:HG12	1:A:38:ILE:HB	7	0.39
(1,108)	1:A:7:VAL:HG13	1:A:38:ILE:HB	7	0.39
(1,108)	1:A:7:VAL:HG21	1:A:38:ILE:HB	7	0.39
(1,108)	1:A:7:VAL:HG22	1:A:38:ILE:HB	7	0.39
(1,108)	1:A:7:VAL:HG23	1:A:38:ILE:HB	7	0.39
(1,1027)	1:A:86:THR:HB	1:A:87:SER:H	5	0.39
(1,102)	1:A:7:VAL:HG11	1:A:120:SER:HA	7	0.39
(1,102)	1:A:7:VAL:HG12	1:A:120:SER:HA	7	0.39
(1,102)	1:A:7:VAL:HG13	1:A:120:SER:HA	7	0.39
(1,102)	1:A:7:VAL:HG21	1:A:120:SER:HA	7	0.39
(1,102)	1:A:7:VAL:HG22	1:A:120:SER:HA	7	0.39
(1,102)	1:A:7:VAL:HG23	1:A:120:SER:HA	7	0.39
(3,7)	1:A:13:ASN:O	1:A:17:LEU:H	2	0.38
(3,60)	1:A:143:LYS:O	1:A:147:MET:N	10	0.38
(3,50)	1:A:94:PHE:N	1:A:127:PHE:O	10	0.38
(3,3)	1:A:8:ASP:H	1:A:38:ILE:O	8	0.38
(3,27)	1:A:68:ARG:O	1:A:97:TYR:H	9	0.38
(1,985)	1:A:80:ARG:H	1:A:80:ARG:HG2	8	0.38
(1,985)	1:A:80:ARG:H	1:A:80:ARG:HG3	8	0.38
(1,97)	1:A:7:VAL:HG11	1:A:116:ALA:H	4	0.38
(1,97)	1:A:7:VAL:HG12	1:A:116:ALA:H	4	0.38
(1,97)	1:A:7:VAL:HG13	1:A:116:ALA:H	4	0.38
(1,97)	1:A:7:VAL:HG21	1:A:116:ALA:H	4	0.38
(1,97)	1:A:7:VAL:HG22	1:A:116:ALA:H	4	0.38
(1,97)	1:A:7:VAL:HG23	1:A:116:ALA:H	4	0.38
(1,950)	1:A:78:VAL:HA	1:A:88:THR:HG21	6	0.38
(1,950)	1:A:78:VAL:HA	1:A:88:THR:HG22	6	0.38
(1,950)	1:A:78:VAL:HA	1:A:88:THR:HG23	6	0.38
(1,910)	1:A:76:VAL:HA	1:A:147:MET:HG2	7	0.38
(1,910)	1:A:76:VAL:HA	1:A:147:MET:HG3	7	0.38

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,889)	1:A:75:GLU:HG2	1:A:88:THR:HB	8	0.38
(1,77)	1:A:7:VAL:HB	1:A:38:ILE:HD11	7	0.38
(1,77)	1:A:7:VAL:HB	1:A:38:ILE:HD12	7	0.38
(1,77)	1:A:7:VAL:HB	1:A:38:ILE:HD13	7	0.38
(1,736)	1:A:57:MET:HB2	1:A:60:LEU:HG	6	0.38
(1,736)	1:A:57:MET:HB3	1:A:60:LEU:HG	6	0.38
(1,700)	1:A:55:GLU:HA	1:A:58:LYS:HE2	3	0.38
(1,700)	1:A:55:GLU:HA	1:A:58:LYS:HE3	3	0.38
(1,697)	1:A:55:GLU:HA	1:A:57:MET:H	1	0.38
(1,697)	1:A:55:GLU:HA	1:A:57:MET:H	3	0.38
(1,671)	1:A:54:VAL:HA	1:A:57:MET:HA	2	0.38
(1,55)	1:A:6:LYS:HE2	1:A:7:VAL:H	7	0.38
(1,55)	1:A:6:LYS:HE3	1:A:7:VAL:H	7	0.38
(1,507)	1:A:31:ILE:HG12	1:A:109:LEU:HB2	10	0.38
(1,507)	1:A:31:ILE:HG12	1:A:109:LEU:HB3	10	0.38
(1,507)	1:A:31:ILE:HG13	1:A:109:LEU:HB2	10	0.38
(1,507)	1:A:31:ILE:HG13	1:A:109:LEU:HB3	10	0.38
(1,482)	1:A:30:LYS:HB2	1:A:41:GLU:HG2	5	0.38
(1,482)	1:A:30:LYS:HB2	1:A:41:GLU:HG3	5	0.38
(1,482)	1:A:30:LYS:HB3	1:A:41:GLU:HG2	5	0.38
(1,482)	1:A:30:LYS:HB3	1:A:41:GLU:HG3	5	0.38
(1,4)	1:A:1:MET:HA	1:A:114:VAL:HB	9	0.38
(1,398)	1:A:27:ILE:HA	1:A:43:VAL:HB	2	0.38
(1,385)	1:A:26:TYR:HB2	1:A:72:VAL:HA	2	0.38
(1,385)	1:A:26:TYR:HB3	1:A:72:VAL:HA	2	0.38
(1,303)	1:A:17:LEU:HD11	1:A:21:LYS:HD2	8	0.38
(1,303)	1:A:17:LEU:HD11	1:A:21:LYS:HD3	8	0.38
(1,303)	1:A:17:LEU:HD12	1:A:21:LYS:HD2	8	0.38
(1,303)	1:A:17:LEU:HD12	1:A:21:LYS:HD3	8	0.38
(1,303)	1:A:17:LEU:HD13	1:A:21:LYS:HD2	8	0.38
(1,303)	1:A:17:LEU:HD13	1:A:21:LYS:HD3	8	0.38
(1,303)	1:A:17:LEU:HD13	1:A:21:LYS:HD3	8	0.38
(1,303)	1:A:17:LEU:HD21	1:A:21:LYS:HD2	8	0.38
(1,303)	1:A:17:LEU:HD21	1:A:21:LYS:HD3	8	0.38
(1,303)	1:A:17:LEU:HD22	1:A:21:LYS:HD2	8	0.38
(1,303)	1:A:17:LEU:HD22	1:A:21:LYS:HD3	8	0.38
(1,303)	1:A:17:LEU:HD23	1:A:21:LYS:HD2	8	0.38
(1,303)	1:A:17:LEU:HD23	1:A:21:LYS:HD3	8	0.38
(1,294)	1:A:17:LEU:HA	1:A:21:LYS:HD2	3	0.38
(1,294)	1:A:17:LEU:HA	1:A:21:LYS:HD3	3	0.38
(1,28)	1:A:5:VAL:HA	1:A:36:THR:HB	2	0.38
(1,272)	1:A:16:ASP:HA	1:A:18:LEU:H	8	0.38
(1,255)	1:A:15:TYR:HA	1:A:19:HIS:H	5	0.38

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,227)	1:A:13:ASN:HB2	1:A:15:TYR:H	8	0.38
(1,226)	1:A:13:ASN:HB2	1:A:14:ALA:H	2	0.38
(1,226)	1:A:13:ASN:HB2	1:A:14:ALA:H	7	0.38
(1,218)	1:A:12:LYS:HG2	1:A:121:LEU:HA	8	0.38
(1,218)	1:A:12:LYS:HG3	1:A:121:LEU:HA	8	0.38
(1,216)	1:A:12:LYS:HB2	1:A:40:VAL:HG11	2	0.38
(1,216)	1:A:12:LYS:HB2	1:A:40:VAL:HG12	2	0.38
(1,216)	1:A:12:LYS:HB2	1:A:40:VAL:HG13	2	0.38
(1,216)	1:A:12:LYS:HB2	1:A:40:VAL:HG21	2	0.38
(1,216)	1:A:12:LYS:HB2	1:A:40:VAL:HG22	2	0.38
(1,216)	1:A:12:LYS:HB2	1:A:40:VAL:HG23	2	0.38
(1,216)	1:A:12:LYS:HB3	1:A:40:VAL:HG11	2	0.38
(1,216)	1:A:12:LYS:HB3	1:A:40:VAL:HG12	2	0.38
(1,216)	1:A:12:LYS:HB3	1:A:40:VAL:HG13	2	0.38
(1,216)	1:A:12:LYS:HB3	1:A:40:VAL:HG21	2	0.38
(1,216)	1:A:12:LYS:HB3	1:A:40:VAL:HG22	2	0.38
(1,216)	1:A:12:LYS:HB3	1:A:40:VAL:HG23	2	0.38
(1,214)	1:A:12:LYS:HG3	1:A:15:TYR:H	4	0.38
(1,1665)	1:A:141:SER:HA	1:A:144:SER:H	3	0.38
(1,1612)	1:A:137:LEU:HD11	1:A:139:GLU:HG2	5	0.38
(1,1612)	1:A:137:LEU:HD11	1:A:139:GLU:HG3	5	0.38
(1,1612)	1:A:137:LEU:HD12	1:A:139:GLU:HG2	5	0.38
(1,1612)	1:A:137:LEU:HD12	1:A:139:GLU:HG3	5	0.38
(1,1612)	1:A:137:LEU:HD13	1:A:139:GLU:HG2	5	0.38
(1,1612)	1:A:137:LEU:HD13	1:A:139:GLU:HG3	5	0.38
(1,1612)	1:A:137:LEU:HD21	1:A:139:GLU:HG2	5	0.38
(1,1612)	1:A:137:LEU:HD21	1:A:139:GLU:HG3	5	0.38
(1,1612)	1:A:137:LEU:HD22	1:A:139:GLU:HG2	5	0.38
(1,1612)	1:A:137:LEU:HD22	1:A:139:GLU:HG3	5	0.38
(1,1612)	1:A:137:LEU:HD23	1:A:139:GLU:HG2	5	0.38
(1,1612)	1:A:137:LEU:HD23	1:A:139:GLU:HG3	5	0.38
(1,158)	1:A:10:SER:HB3	1:A:12:LYS:H	8	0.38
(1,1579)	1:A:134:MET:HB2	1:A:135:SER:H	2	0.38
(1,1579)	1:A:134:MET:HB3	1:A:135:SER:H	2	0.38
(1,1575)	1:A:134:MET:HA	1:A:137:LEU:H	3	0.38
(1,1555)	1:A:132:SER:H	1:A:136:ASP:HA	3	0.38
(1,1547)	1:A:130:GLN:HG2	1:A:131:ALA:H	5	0.38
(1,1547)	1:A:130:GLN:HG3	1:A:131:ALA:H	5	0.38
(1,1410)	1:A:116:ALA:HA	1:A:120:SER:H	1	0.38
(1,1239)	1:A:104:VAL:HG11	1:A:107:ARG:H	7	0.38
(1,1239)	1:A:104:VAL:HG12	1:A:107:ARG:H	7	0.38
(1,1239)	1:A:104:VAL:HG13	1:A:107:ARG:H	7	0.38

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,1239)	1:A:104:VAL:HG21	1:A:107:ARG:H	7	0.38
(1,1239)	1:A:104:VAL:HG22	1:A:107:ARG:H	7	0.38
(1,1239)	1:A:104:VAL:HG23	1:A:107:ARG:H	7	0.38
(1,1235)	1:A:104:VAL:HG21	1:A:108:MET:H	5	0.38
(1,1235)	1:A:104:VAL:HG22	1:A:108:MET:H	5	0.38
(1,1235)	1:A:104:VAL:HG23	1:A:108:MET:H	5	0.38
(1,118)	1:A:8:ASP:H	1:A:39:VAL:HG11	2	0.38
(1,118)	1:A:8:ASP:H	1:A:39:VAL:HG12	2	0.38
(1,118)	1:A:8:ASP:H	1:A:39:VAL:HG13	2	0.38
(1,118)	1:A:8:ASP:H	1:A:39:VAL:HG21	2	0.38
(1,118)	1:A:8:ASP:H	1:A:39:VAL:HG22	2	0.38
(1,118)	1:A:8:ASP:H	1:A:39:VAL:HG23	2	0.38
(1,1169)	1:A:97:TYR:HB3	1:A:131:ALA:HB1	2	0.38
(1,1169)	1:A:97:TYR:HB3	1:A:131:ALA:HB2	2	0.38
(1,1169)	1:A:97:TYR:HB3	1:A:131:ALA:HB3	2	0.38
(1,1169)	1:A:97:TYR:HB3	1:A:131:ALA:HB1	7	0.38
(1,1169)	1:A:97:TYR:HB3	1:A:131:ALA:HB2	7	0.38
(1,1169)	1:A:97:TYR:HB3	1:A:131:ALA:HB3	7	0.38
(1,1165)	1:A:97:TYR:HA	1:A:131:ALA:HA	2	0.38
(1,1117)	1:A:94:PHE:HA	1:A:128:GLN:HA	8	0.38
(1,1114)	1:A:94:PHE:H	1:A:129:VAL:H	1	0.38
(1,1099)	1:A:93:ILE:HD11	1:A:142:VAL:HA	10	0.38
(1,1099)	1:A:93:ILE:HD12	1:A:142:VAL:HA	10	0.38
(1,1099)	1:A:93:ILE:HD13	1:A:142:VAL:HA	10	0.38
(1,108)	1:A:7:VAL:HG11	1:A:38:ILE:HB	3	0.38
(1,108)	1:A:7:VAL:HG12	1:A:38:ILE:HB	3	0.38
(1,108)	1:A:7:VAL:HG13	1:A:38:ILE:HB	3	0.38
(1,108)	1:A:7:VAL:HG21	1:A:38:ILE:HB	3	0.38
(1,108)	1:A:7:VAL:HG22	1:A:38:ILE:HB	3	0.38
(1,108)	1:A:7:VAL:HG23	1:A:38:ILE:HB	3	0.38
(1,107)	1:A:7:VAL:HG11	1:A:38:ILE:H	5	0.38
(1,107)	1:A:7:VAL:HG12	1:A:38:ILE:H	5	0.38
(1,107)	1:A:7:VAL:HG13	1:A:38:ILE:H	5	0.38
(1,107)	1:A:7:VAL:HG21	1:A:38:ILE:H	5	0.38
(1,107)	1:A:7:VAL:HG22	1:A:38:ILE:H	5	0.38
(1,107)	1:A:7:VAL:HG23	1:A:38:ILE:H	5	0.38
(1,1067)	1:A:92:VAL:H	1:A:127:PHE:H	5	0.38
(1,106)	1:A:7:VAL:HG11	1:A:37:ALA:HB1	5	0.38
(1,106)	1:A:7:VAL:HG11	1:A:37:ALA:HB2	5	0.38
(1,106)	1:A:7:VAL:HG11	1:A:37:ALA:HB3	5	0.38
(1,106)	1:A:7:VAL:HG12	1:A:37:ALA:HB1	5	0.38
(1,106)	1:A:7:VAL:HG12	1:A:37:ALA:HB2	5	0.38

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,106)	1:A:7:VAL:HG12	1:A:37:ALA:HB3	5	0.38
(1,106)	1:A:7:VAL:HG13	1:A:37:ALA:HB1	5	0.38
(1,106)	1:A:7:VAL:HG13	1:A:37:ALA:HB2	5	0.38
(1,106)	1:A:7:VAL:HG13	1:A:37:ALA:HB3	5	0.38
(1,106)	1:A:7:VAL:HG21	1:A:37:ALA:HB1	5	0.38
(1,106)	1:A:7:VAL:HG21	1:A:37:ALA:HB2	5	0.38
(1,106)	1:A:7:VAL:HG21	1:A:37:ALA:HB3	5	0.38
(1,106)	1:A:7:VAL:HG22	1:A:37:ALA:HB1	5	0.38
(1,106)	1:A:7:VAL:HG22	1:A:37:ALA:HB2	5	0.38
(1,106)	1:A:7:VAL:HG22	1:A:37:ALA:HB3	5	0.38
(1,106)	1:A:7:VAL:HG23	1:A:37:ALA:HB1	5	0.38
(1,106)	1:A:7:VAL:HG23	1:A:37:ALA:HB2	5	0.38
(1,106)	1:A:7:VAL:HG23	1:A:37:ALA:HB3	5	0.38
(1,1030)	1:A:87:SER:H	1:A:88:THR:H	6	0.38
(1,1003)	1:A:82:GLY:H	1:A:83:ALA:H	2	0.38
(2,26)	1:A:77:THR:HB	1:A:78:VAL:HG11	8	0.37
(2,26)	1:A:77:THR:HB	1:A:78:VAL:HG12	8	0.37
(2,26)	1:A:77:THR:HB	1:A:78:VAL:HG13	8	0.37
(1,95)	1:A:7:VAL:HG21	1:A:38:ILE:HG21	10	0.37
(1,95)	1:A:7:VAL:HG21	1:A:38:ILE:HG22	10	0.37
(1,95)	1:A:7:VAL:HG21	1:A:38:ILE:HG23	10	0.37
(1,95)	1:A:7:VAL:HG22	1:A:38:ILE:HG21	10	0.37
(1,95)	1:A:7:VAL:HG22	1:A:38:ILE:HG22	10	0.37
(1,95)	1:A:7:VAL:HG22	1:A:38:ILE:HG23	10	0.37
(1,95)	1:A:7:VAL:HG23	1:A:38:ILE:HG21	10	0.37
(1,95)	1:A:7:VAL:HG23	1:A:38:ILE:HG22	10	0.37
(1,95)	1:A:7:VAL:HG23	1:A:38:ILE:HG23	10	0.37
(1,947)	1:A:78:VAL:H	1:A:87:SER:H	8	0.37
(1,93)	1:A:7:VAL:HG21	1:A:38:ILE:H	4	0.37
(1,93)	1:A:7:VAL:HG22	1:A:38:ILE:H	4	0.37
(1,93)	1:A:7:VAL:HG23	1:A:38:ILE:H	4	0.37
(1,912)	1:A:76:VAL:HA	1:A:88:THR:HG21	8	0.37
(1,912)	1:A:76:VAL:HA	1:A:88:THR:HG22	8	0.37
(1,912)	1:A:76:VAL:HA	1:A:88:THR:HG23	8	0.37
(1,910)	1:A:76:VAL:HA	1:A:147:MET:HG2	5	0.37
(1,910)	1:A:76:VAL:HA	1:A:147:MET:HG3	5	0.37
(1,909)	1:A:76:VAL:H	1:A:89:LEU:H	7	0.37
(1,888)	1:A:75:GLU:HG2	1:A:76:VAL:H	6	0.37
(1,879)	1:A:75:GLU:HB2	1:A:88:THR:HA	3	0.37
(1,77)	1:A:7:VAL:HB	1:A:38:ILE:HD11	8	0.37
(1,77)	1:A:7:VAL:HB	1:A:38:ILE:HD12	8	0.37
(1,77)	1:A:7:VAL:HB	1:A:38:ILE:HD13	8	0.37

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,733)	1:A:57:MET:HA	1:A:61:VAL:H	4	0.37
(1,669)	1:A:54:VAL:HA	1:A:56:GLU:H	9	0.37
(1,611)	1:A:49:PRO:HG2	1:A:52:GLU:H	1	0.37
(1,611)	1:A:49:PRO:HG3	1:A:52:GLU:H	1	0.37
(1,608)	1:A:49:PRO:HG2	1:A:50:TYR:H	9	0.37
(1,608)	1:A:49:PRO:HG3	1:A:50:TYR:H	9	0.37
(1,480)	1:A:30:LYS:HB2	1:A:41:GLU:HA	2	0.37
(1,480)	1:A:30:LYS:HB3	1:A:41:GLU:HA	2	0.37
(1,454)	1:A:28:ILE:HG12	1:A:41:GLU:HG2	5	0.37
(1,454)	1:A:28:ILE:HG12	1:A:41:GLU:HG3	5	0.37
(1,454)	1:A:28:ILE:HG13	1:A:41:GLU:HG2	5	0.37
(1,454)	1:A:28:ILE:HG13	1:A:41:GLU:HG3	5	0.37
(1,325)	1:A:18:LEU:HD21	1:A:72:VAL:H	7	0.37
(1,325)	1:A:18:LEU:HD22	1:A:72:VAL:H	7	0.37
(1,325)	1:A:18:LEU:HD23	1:A:72:VAL:H	7	0.37
(1,266)	1:A:15:TYR:HB2	1:A:123:LEU:HD11	5	0.37
(1,266)	1:A:15:TYR:HB2	1:A:123:LEU:HD12	5	0.37
(1,266)	1:A:15:TYR:HB2	1:A:123:LEU:HD13	5	0.37
(1,266)	1:A:15:TYR:HB2	1:A:123:LEU:HD21	5	0.37
(1,266)	1:A:15:TYR:HB2	1:A:123:LEU:HD22	5	0.37
(1,266)	1:A:15:TYR:HB2	1:A:123:LEU:HD23	5	0.37
(1,266)	1:A:15:TYR:HB3	1:A:123:LEU:HD11	5	0.37
(1,266)	1:A:15:TYR:HB3	1:A:123:LEU:HD12	5	0.37
(1,266)	1:A:15:TYR:HB3	1:A:123:LEU:HD13	5	0.37
(1,266)	1:A:15:TYR:HB3	1:A:123:LEU:HD21	5	0.37
(1,266)	1:A:15:TYR:HB3	1:A:123:LEU:HD22	5	0.37
(1,266)	1:A:15:TYR:HB3	1:A:123:LEU:HD23	5	0.37
(1,225)	1:A:13:ASN:HA	1:A:17:LEU:H	4	0.37
(1,214)	1:A:12:LYS:HG3	1:A:15:TYR:H	10	0.37
(1,1781)	1:A:149:ASN:HB2	1:A:152:ILE:HG21	8	0.37
(1,1781)	1:A:149:ASN:HB2	1:A:152:ILE:HG22	8	0.37
(1,1781)	1:A:149:ASN:HB2	1:A:152:ILE:HG23	8	0.37
(1,1781)	1:A:149:ASN:HB3	1:A:152:ILE:HG21	8	0.37
(1,1781)	1:A:149:ASN:HB3	1:A:152:ILE:HG22	8	0.37
(1,1781)	1:A:149:ASN:HB3	1:A:152:ILE:HG23	8	0.37
(1,178)	1:A:11:CYS:HB2	1:A:13:ASN:H	7	0.37
(1,1756)	1:A:147:MET:HA	1:A:149:ASN:H	1	0.37
(1,1669)	1:A:141:SER:HB3	1:A:143:LYS:H	6	0.37
(1,1658)	1:A:140:LYS:HB2	1:A:142:VAL:H	4	0.37
(1,1658)	1:A:140:LYS:HB3	1:A:142:VAL:H	4	0.37
(1,1658)	1:A:140:LYS:HB2	1:A:142:VAL:H	6	0.37
(1,1658)	1:A:140:LYS:HB3	1:A:142:VAL:H	6	0.37

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,1655)	1:A:140:LYS:HE3	1:A:142:VAL:H	8	0.37
(1,1580)	1:A:134:MET:HB2	1:A:136:ASP:H	4	0.37
(1,1580)	1:A:134:MET:HB3	1:A:136:ASP:H	4	0.37
(1,1550)	1:A:131:ALA:HA	1:A:136:ASP:HA	3	0.37
(1,1426)	1:A:117:LEU:HB2	1:A:119:ALA:H	10	0.37
(1,1358)	1:A:113:SER:H	1:A:115:ARG:H	4	0.37
(1,1306)	1:A:108:MET:HG2	1:A:112:SER:HB2	2	0.37
(1,1306)	1:A:108:MET:HG2	1:A:112:SER:HB3	2	0.37
(1,1306)	1:A:108:MET:HG3	1:A:112:SER:HB2	2	0.37
(1,1306)	1:A:108:MET:HG3	1:A:112:SER:HB3	2	0.37
(1,1298)	1:A:108:MET:HB2	1:A:110:TYR:H	9	0.37
(1,1245)	1:A:104:VAL:HG11	1:A:108:MET:HG2	5	0.37
(1,1245)	1:A:104:VAL:HG11	1:A:108:MET:HG3	5	0.37
(1,1245)	1:A:104:VAL:HG12	1:A:108:MET:HG2	5	0.37
(1,1245)	1:A:104:VAL:HG12	1:A:108:MET:HG3	5	0.37
(1,1245)	1:A:104:VAL:HG13	1:A:108:MET:HG2	5	0.37
(1,1245)	1:A:104:VAL:HG13	1:A:108:MET:HG3	5	0.37
(1,1245)	1:A:104:VAL:HG21	1:A:108:MET:HG2	5	0.37
(1,1245)	1:A:104:VAL:HG21	1:A:108:MET:HG3	5	0.37
(1,1245)	1:A:104:VAL:HG22	1:A:108:MET:HG2	5	0.37
(1,1245)	1:A:104:VAL:HG22	1:A:108:MET:HG3	5	0.37
(1,1245)	1:A:104:VAL:HG23	1:A:108:MET:HG2	5	0.37
(1,1245)	1:A:104:VAL:HG23	1:A:108:MET:HG3	5	0.37
(1,1218)	1:A:104:VAL:HA	1:A:106:ARG:H	9	0.37
(1,1207)	1:A:103:PRO:HA	1:A:106:ARG:H	6	0.37
(1,1178)	1:A:99:PRO:HB2	1:A:102:ALA:HA	4	0.37
(1,1171)	1:A:97:TYR:HB2	1:A:131:ALA:HB1	9	0.37
(1,1171)	1:A:97:TYR:HB2	1:A:131:ALA:HB2	9	0.37
(1,1171)	1:A:97:TYR:HB2	1:A:131:ALA:HB3	9	0.37
(1,1171)	1:A:97:TYR:HB3	1:A:131:ALA:HB1	9	0.37
(1,1171)	1:A:97:TYR:HB3	1:A:131:ALA:HB2	9	0.37
(1,1171)	1:A:97:TYR:HB3	1:A:131:ALA:HB3	9	0.37
(1,1092)	1:A:93:ILE:HG12	1:A:127:PHE:H	8	0.37
(1,1082)	1:A:93:ILE:HA	1:A:127:PHE:HA	1	0.37
(1,1027)	1:A:86:THR:HB	1:A:87:SER:H	3	0.37
(1,1016)	1:A:84:GLU:HA	1:A:85:GLY:H	3	0.37
(2,34)	1:A:114:VAL:HA	1:A:117:LEU:HA	2	0.36
(2,19)	1:A:53:PHE:HA	1:A:72:VAL:HG11	5	0.36
(2,19)	1:A:53:PHE:HA	1:A:72:VAL:HG12	5	0.36
(2,19)	1:A:53:PHE:HA	1:A:72:VAL:HG13	5	0.36
(2,19)	1:A:53:PHE:HA	1:A:72:VAL:HG21	5	0.36
(2,19)	1:A:53:PHE:HA	1:A:72:VAL:HG22	5	0.36

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(2,19)	1:A:53:PHE:HA	1:A:72:VAL:HG23	5	0.36
(1,988)	1:A:80:ARG:HA	1:A:81:GLN:H	9	0.36
(1,947)	1:A:78:VAL:H	1:A:87:SER:H	6	0.36
(1,935)	1:A:77:THR:HB	1:A:87:SER:H	4	0.36
(1,737)	1:A:57:MET:HG2	1:A:60:LEU:HG	9	0.36
(1,737)	1:A:57:MET:HG3	1:A:60:LEU:HG	9	0.36
(1,685)	1:A:54:VAL:HG11	1:A:138:ASP:HA	5	0.36
(1,685)	1:A:54:VAL:HG12	1:A:138:ASP:HA	5	0.36
(1,685)	1:A:54:VAL:HG13	1:A:138:ASP:HA	5	0.36
(1,685)	1:A:54:VAL:HG21	1:A:138:ASP:HA	5	0.36
(1,685)	1:A:54:VAL:HG22	1:A:138:ASP:HA	5	0.36
(1,685)	1:A:54:VAL:HG23	1:A:138:ASP:HA	5	0.36
(1,675)	1:A:54:VAL:HB	1:A:56:GLU:H	5	0.36
(1,654)	1:A:53:PHE:HA	1:A:55:GLU:H	8	0.36
(1,645)	1:A:52:GLU:HA	1:A:55:GLU:HG2	10	0.36
(1,645)	1:A:52:GLU:HA	1:A:55:GLU:HG3	10	0.36
(1,621)	1:A:50:TYR:HB2	1:A:143:LYS:HG2	4	0.36
(1,621)	1:A:50:TYR:HB2	1:A:143:LYS:HG3	4	0.36
(1,621)	1:A:50:TYR:HB3	1:A:143:LYS:HG2	4	0.36
(1,621)	1:A:50:TYR:HB3	1:A:143:LYS:HG3	4	0.36
(1,608)	1:A:49:PRO:HG2	1:A:50:TYR:H	1	0.36
(1,608)	1:A:49:PRO:HG3	1:A:50:TYR:H	1	0.36
(1,589)	1:A:45:GLU:HA	1:A:48:ALA:HB1	5	0.36
(1,589)	1:A:45:GLU:HA	1:A:48:ALA:HB2	5	0.36
(1,589)	1:A:45:GLU:HA	1:A:48:ALA:HB3	5	0.36
(1,400)	1:A:27:ILE:HA	1:A:71:ALA:HB1	10	0.36
(1,400)	1:A:27:ILE:HA	1:A:71:ALA:HB2	10	0.36
(1,400)	1:A:27:ILE:HA	1:A:71:ALA:HB3	10	0.36
(1,384)	1:A:26:TYR:HB2	1:A:71:ALA:H	6	0.36
(1,384)	1:A:26:TYR:HB3	1:A:71:ALA:H	6	0.36
(1,31)	1:A:5:VAL:HB	1:A:36:THR:HB	8	0.36
(1,226)	1:A:13:ASN:HB2	1:A:14:ALA:H	1	0.36
(1,1771)	1:A:149:ASN:HB2	1:A:152:ILE:HD11	7	0.36
(1,1771)	1:A:149:ASN:HB2	1:A:152:ILE:HD12	7	0.36
(1,1771)	1:A:149:ASN:HB2	1:A:152:ILE:HD13	7	0.36
(1,1756)	1:A:147:MET:HA	1:A:149:ASN:H	7	0.36
(1,1700)	1:A:143:LYS:H	1:A:145:ASP:H	6	0.36
(1,1665)	1:A:141:SER:HA	1:A:144:SER:H	6	0.36
(1,1652)	1:A:140:LYS:HE2	1:A:141:SER:H	4	0.36
(1,16)	1:A:3:SER:H	1:A:4:GLY:H	9	0.36
(1,1550)	1:A:131:ALA:HA	1:A:136:ASP:HA	6	0.36
(1,1429)	1:A:117:LEU:HB3	1:A:119:ALA:H	9	0.36

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,1429)	1:A:117:LEU:HB3	1:A:119:ALA:H	10	0.36
(1,1395)	1:A:115:ARG:HA	1:A:117:LEU:HD11	5	0.36
(1,1395)	1:A:115:ARG:HA	1:A:117:LEU:HD12	5	0.36
(1,1395)	1:A:115:ARG:HA	1:A:117:LEU:HD13	5	0.36
(1,1395)	1:A:115:ARG:HA	1:A:117:LEU:HD21	5	0.36
(1,1395)	1:A:115:ARG:HA	1:A:117:LEU:HD22	5	0.36
(1,1395)	1:A:115:ARG:HA	1:A:117:LEU:HD23	5	0.36
(1,1378)	1:A:114:VAL:HB	1:A:118:LYS:H	9	0.36
(1,1356)	1:A:112:SER:HB2	1:A:116:ALA:HB1	7	0.36
(1,1356)	1:A:112:SER:HB2	1:A:116:ALA:HB2	7	0.36
(1,1356)	1:A:112:SER:HB2	1:A:116:ALA:HB3	7	0.36
(1,1356)	1:A:112:SER:HB3	1:A:116:ALA:HB1	7	0.36
(1,1356)	1:A:112:SER:HB3	1:A:116:ALA:HB2	7	0.36
(1,1356)	1:A:112:SER:HB3	1:A:116:ALA:HB3	7	0.36
(1,1324)	1:A:109:LEU:HD11	1:A:112:SER:H	8	0.36
(1,1324)	1:A:109:LEU:HD12	1:A:112:SER:H	8	0.36
(1,1324)	1:A:109:LEU:HD13	1:A:112:SER:H	8	0.36
(1,1324)	1:A:109:LEU:HD21	1:A:112:SER:H	8	0.36
(1,1324)	1:A:109:LEU:HD22	1:A:112:SER:H	8	0.36
(1,1324)	1:A:109:LEU:HD23	1:A:112:SER:H	8	0.36
(1,1281)	1:A:107:ARG:HA	1:A:110:TYR:HA	2	0.36
(1,1245)	1:A:104:VAL:HG11	1:A:108:MET:HG2	9	0.36
(1,1245)	1:A:104:VAL:HG11	1:A:108:MET:HG3	9	0.36
(1,1245)	1:A:104:VAL:HG12	1:A:108:MET:HG2	9	0.36
(1,1245)	1:A:104:VAL:HG12	1:A:108:MET:HG3	9	0.36
(1,1245)	1:A:104:VAL:HG13	1:A:108:MET:HG2	9	0.36
(1,1245)	1:A:104:VAL:HG13	1:A:108:MET:HG3	9	0.36
(1,1245)	1:A:104:VAL:HG21	1:A:108:MET:HG2	9	0.36
(1,1245)	1:A:104:VAL:HG21	1:A:108:MET:HG3	9	0.36
(1,1245)	1:A:104:VAL:HG22	1:A:108:MET:HG2	9	0.36
(1,1245)	1:A:104:VAL:HG22	1:A:108:MET:HG3	9	0.36
(1,1245)	1:A:104:VAL:HG23	1:A:108:MET:HG2	9	0.36
(1,1245)	1:A:104:VAL:HG23	1:A:108:MET:HG3	9	0.36
(1,1208)	1:A:103:PRO:HA	1:A:107:ARG:H	9	0.36
(1,1189)	1:A:99:PRO:HG3	1:A:102:ALA:HA	4	0.36
(1,117)	1:A:8:ASP:H	1:A:39:VAL:HB	3	0.36
(1,1117)	1:A:94:PHE:HA	1:A:128:GLN:HA	6	0.36
(1,1086)	1:A:93:ILE:HB	1:A:127:PHE:H	7	0.36
(1,108)	1:A:7:VAL:HG11	1:A:38:ILE:HB	9	0.36
(1,108)	1:A:7:VAL:HG12	1:A:38:ILE:HB	9	0.36
(1,108)	1:A:7:VAL:HG13	1:A:38:ILE:HB	9	0.36
(1,108)	1:A:7:VAL:HG21	1:A:38:ILE:HB	9	0.36

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,108)	1:A:7:VAL:HG22	1:A:38:ILE:HB	9	0.36
(1,108)	1:A:7:VAL:HG23	1:A:38:ILE:HB	9	0.36
(3,9)	1:A:26:TYR:H	1:A:44:GLY:O	4	0.35
(3,10)	1:A:26:TYR:N	1:A:44:GLY:O	7	0.35
(2,6)	1:A:12:LYS:HG2	1:A:15:TYR:H	8	0.35
(2,26)	1:A:77:THR:HB	1:A:78:VAL:HG11	7	0.35
(2,26)	1:A:77:THR:HB	1:A:78:VAL:HG12	7	0.35
(2,26)	1:A:77:THR:HB	1:A:78:VAL:HG13	7	0.35
(1,950)	1:A:78:VAL:HA	1:A:88:THR:HG21	8	0.35
(1,950)	1:A:78:VAL:HA	1:A:88:THR:HG22	8	0.35
(1,950)	1:A:78:VAL:HA	1:A:88:THR:HG23	8	0.35
(1,94)	1:A:7:VAL:HG21	1:A:38:ILE:HB	10	0.35
(1,94)	1:A:7:VAL:HG22	1:A:38:ILE:HB	10	0.35
(1,94)	1:A:7:VAL:HG23	1:A:38:ILE:HB	10	0.35
(1,886)	1:A:75:GLU:HB3	1:A:88:THR:HG21	8	0.35
(1,886)	1:A:75:GLU:HB3	1:A:88:THR:HG22	8	0.35
(1,886)	1:A:75:GLU:HB3	1:A:88:THR:HG23	8	0.35
(1,883)	1:A:75:GLU:HB3	1:A:76:VAL:H	6	0.35
(1,756)	1:A:58:LYS:HD3	1:A:59:LYS:H	9	0.35
(1,751)	1:A:58:LYS:HB2	1:A:60:LEU:H	8	0.35
(1,64)	1:A:7:VAL:HA	1:A:117:LEU:HA	10	0.35
(1,605)	1:A:49:PRO:HB3	1:A:51:ALA:HB1	10	0.35
(1,605)	1:A:49:PRO:HB3	1:A:51:ALA:HB2	10	0.35
(1,605)	1:A:49:PRO:HB3	1:A:51:ALA:HB3	10	0.35
(1,594)	1:A:45:GLU:HG2	1:A:48:ALA:HB1	4	0.35
(1,594)	1:A:45:GLU:HG2	1:A:48:ALA:HB2	4	0.35
(1,594)	1:A:45:GLU:HG2	1:A:48:ALA:HB3	4	0.35
(1,594)	1:A:45:GLU:HG3	1:A:48:ALA:HB1	4	0.35
(1,594)	1:A:45:GLU:HG3	1:A:48:ALA:HB2	4	0.35
(1,594)	1:A:45:GLU:HG3	1:A:48:ALA:HB3	4	0.35
(1,594)	1:A:45:GLU:HG2	1:A:48:ALA:HB1	4	0.35
(1,594)	1:A:45:GLU:HG2	1:A:48:ALA:HB2	4	0.35
(1,594)	1:A:45:GLU:HG2	1:A:48:ALA:HB3	4	0.35
(1,594)	1:A:45:GLU:HG3	1:A:48:ALA:HB1	4	0.35
(1,594)	1:A:45:GLU:HG3	1:A:48:ALA:HB2	4	0.35
(1,594)	1:A:45:GLU:HG3	1:A:48:ALA:HB3	4	0.35
(1,509)	1:A:31:ILE:HG21	1:A:109:LEU:H	2	0.35
(1,509)	1:A:31:ILE:HG22	1:A:109:LEU:H	2	0.35
(1,509)	1:A:31:ILE:HG23	1:A:109:LEU:H	2	0.35
(1,335)	1:A:19:HIS:HA	1:A:21:LYS:H	4	0.35
(1,335)	1:A:19:HIS:HA	1:A:21:LYS:H	7	0.35
(1,277)	1:A:16:ASP:HB2	1:A:18:LEU:H	10	0.35

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,27)	1:A:5:VAL:HA	1:A:36:THR:HA	1	0.35
(1,206)	1:A:12:LYS:HD3	1:A:15:TYR:H	6	0.35
(1,1777)	1:A:149:ASN:HB2	1:A:151:ARG:H	3	0.35
(1,1777)	1:A:149:ASN:HB3	1:A:151:ARG:H	3	0.35
(1,1725)	1:A:144:SER:HB3	1:A:145:ASP:H	3	0.35
(1,1725)	1:A:144:SER:HB3	1:A:145:ASP:H	5	0.35
(1,1594)	1:A:135:SER:HB2	1:A:140:LYS:HG2	7	0.35
(1,1594)	1:A:135:SER:HB2	1:A:140:LYS:HG3	7	0.35
(1,1594)	1:A:135:SER:HB3	1:A:140:LYS:HG2	7	0.35
(1,1594)	1:A:135:SER:HB3	1:A:140:LYS:HG3	7	0.35
(1,1580)	1:A:134:MET:HB2	1:A:136:ASP:H	2	0.35
(1,1580)	1:A:134:MET:HB3	1:A:136:ASP:H	2	0.35
(1,158)	1:A:10:SER:HB3	1:A:12:LYS:H	1	0.35
(1,1547)	1:A:130:GLN:HG2	1:A:131:ALA:H	9	0.35
(1,1547)	1:A:130:GLN:HG3	1:A:131:ALA:H	9	0.35
(1,1410)	1:A:116:ALA:HA	1:A:120:SER:H	5	0.35
(1,1382)	1:A:114:VAL:HG21	1:A:116:ALA:H	7	0.35
(1,1382)	1:A:114:VAL:HG22	1:A:116:ALA:H	7	0.35
(1,1382)	1:A:114:VAL:HG23	1:A:116:ALA:H	7	0.35
(1,1378)	1:A:114:VAL:HB	1:A:118:LYS:H	2	0.35
(1,1187)	1:A:99:PRO:HG2	1:A:132:SER:HB3	3	0.35
(1,1186)	1:A:99:PRO:HG2	1:A:132:SER:HA	10	0.35
(1,1174)	1:A:99:PRO:HA	1:A:102:ALA:H	7	0.35
(1,1165)	1:A:97:TYR:HA	1:A:131:ALA:HA	5	0.35
(1,1159)	1:A:96:GLN:HB2	1:A:114:VAL:HG11	5	0.35
(1,1159)	1:A:96:GLN:HB2	1:A:114:VAL:HG12	5	0.35
(1,1159)	1:A:96:GLN:HB2	1:A:114:VAL:HG13	5	0.35
(1,1159)	1:A:96:GLN:HB2	1:A:114:VAL:HG21	5	0.35
(1,1159)	1:A:96:GLN:HB2	1:A:114:VAL:HG22	5	0.35
(1,1159)	1:A:96:GLN:HB2	1:A:114:VAL:HG23	5	0.35
(1,1159)	1:A:96:GLN:HB3	1:A:114:VAL:HG11	5	0.35
(1,1159)	1:A:96:GLN:HB3	1:A:114:VAL:HG12	5	0.35
(1,1159)	1:A:96:GLN:HB3	1:A:114:VAL:HG13	5	0.35
(1,1159)	1:A:96:GLN:HB3	1:A:114:VAL:HG21	5	0.35
(1,1159)	1:A:96:GLN:HB3	1:A:114:VAL:HG22	5	0.35
(1,1159)	1:A:96:GLN:HB3	1:A:114:VAL:HG23	5	0.35
(1,1118)	1:A:94:PHE:HA	1:A:128:GLN:HB2	10	0.35
(1,1117)	1:A:94:PHE:HA	1:A:128:GLN:HA	5	0.35
(1,1109)	1:A:94:PHE:H	1:A:127:PHE:H	10	0.35
(1,1092)	1:A:93:ILE:HG12	1:A:127:PHE:H	2	0.35
(1,1016)	1:A:84:GLU:HA	1:A:85:GLY:H	5	0.35
(1,950)	1:A:78:VAL:HA	1:A:88:THR:HG21	9	0.34

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,950)	1:A:78:VAL:HA	1:A:88:THR:HG22	9	0.34
(1,950)	1:A:78:VAL:HA	1:A:88:THR:HG23	9	0.34
(1,769)	1:A:60:LEU:H	1:A:60:LEU:HG	9	0.34
(1,643)	1:A:52:GLU:HA	1:A:54:VAL:H	4	0.34
(1,608)	1:A:49:PRO:HG2	1:A:50:TYR:H	8	0.34
(1,608)	1:A:49:PRO:HG3	1:A:50:TYR:H	8	0.34
(1,515)	1:A:31:ILE:HG21	1:A:37:ALA:H	7	0.34
(1,515)	1:A:31:ILE:HG22	1:A:37:ALA:H	7	0.34
(1,515)	1:A:31:ILE:HG23	1:A:37:ALA:H	7	0.34
(1,507)	1:A:31:ILE:HG12	1:A:109:LEU:HB2	6	0.34
(1,507)	1:A:31:ILE:HG12	1:A:109:LEU:HB3	6	0.34
(1,507)	1:A:31:ILE:HG13	1:A:109:LEU:HB2	6	0.34
(1,507)	1:A:31:ILE:HG13	1:A:109:LEU:HB3	6	0.34
(1,452)	1:A:28:ILE:HD11	1:A:71:ALA:H	8	0.34
(1,452)	1:A:28:ILE:HD12	1:A:71:ALA:H	8	0.34
(1,452)	1:A:28:ILE:HD13	1:A:71:ALA:H	8	0.34
(1,400)	1:A:27:ILE:HA	1:A:71:ALA:HB1	1	0.34
(1,400)	1:A:27:ILE:HA	1:A:71:ALA:HB2	1	0.34
(1,400)	1:A:27:ILE:HA	1:A:71:ALA:HB3	1	0.34
(1,400)	1:A:27:ILE:HA	1:A:71:ALA:HB1	6	0.34
(1,400)	1:A:27:ILE:HA	1:A:71:ALA:HB2	6	0.34
(1,400)	1:A:27:ILE:HA	1:A:71:ALA:HB3	6	0.34
(1,384)	1:A:26:TYR:HB2	1:A:71:ALA:H	2	0.34
(1,384)	1:A:26:TYR:HB3	1:A:71:ALA:H	2	0.34
(1,351)	1:A:21:LYS:HE2	1:A:22:HIS:H	5	0.34
(1,351)	1:A:21:LYS:HE3	1:A:22:HIS:H	5	0.34
(1,314)	1:A:18:LEU:HB2	1:A:71:ALA:HB1	6	0.34
(1,314)	1:A:18:LEU:HB2	1:A:71:ALA:HB2	6	0.34
(1,314)	1:A:18:LEU:HB2	1:A:71:ALA:HB3	6	0.34
(1,314)	1:A:18:LEU:HB3	1:A:71:ALA:HB1	6	0.34
(1,314)	1:A:18:LEU:HB3	1:A:71:ALA:HB2	6	0.34
(1,314)	1:A:18:LEU:HB3	1:A:71:ALA:HB3	6	0.34
(1,27)	1:A:5:VAL:HA	1:A:36:THR:HA	5	0.34
(1,265)	1:A:15:TYR:HB2	1:A:121:LEU:HD11	2	0.34
(1,265)	1:A:15:TYR:HB2	1:A:121:LEU:HD12	2	0.34
(1,265)	1:A:15:TYR:HB2	1:A:121:LEU:HD13	2	0.34
(1,265)	1:A:15:TYR:HB2	1:A:121:LEU:HD21	2	0.34
(1,265)	1:A:15:TYR:HB2	1:A:121:LEU:HD22	2	0.34
(1,265)	1:A:15:TYR:HB2	1:A:121:LEU:HD23	2	0.34
(1,265)	1:A:15:TYR:HB3	1:A:121:LEU:HD11	2	0.34
(1,265)	1:A:15:TYR:HB3	1:A:121:LEU:HD12	2	0.34
(1,265)	1:A:15:TYR:HB3	1:A:121:LEU:HD13	2	0.34

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,265)	1:A:15:TYR:HB3	1:A:121:LEU:HD21	2	0.34
(1,265)	1:A:15:TYR:HB3	1:A:121:LEU:HD22	2	0.34
(1,265)	1:A:15:TYR:HB3	1:A:121:LEU:HD23	2	0.34
(1,237)	1:A:14:ALA:HA	1:A:18:LEU:H	6	0.34
(1,227)	1:A:13:ASN:HB2	1:A:15:TYR:H	5	0.34
(1,224)	1:A:13:ASN:HA	1:A:16:ASP:H	10	0.34
(1,1778)	1:A:149:ASN:HB2	1:A:151:ARG:HA	6	0.34
(1,1778)	1:A:149:ASN:HB3	1:A:151:ARG:HA	6	0.34
(1,1757)	1:A:147:MET:HA	1:A:150:GLN:H	10	0.34
(1,1740)	1:A:146:LEU:H	1:A:148:SER:H	6	0.34
(1,1719)	1:A:144:SER:HA	1:A:146:LEU:H	7	0.34
(1,1718)	1:A:144:SER:H	1:A:146:LEU:H	3	0.34
(1,1703)	1:A:143:LYS:HA	1:A:146:LEU:HA	7	0.34
(1,1636)	1:A:139:GLU:HG2	1:A:142:VAL:HG11	8	0.34
(1,1636)	1:A:139:GLU:HG2	1:A:142:VAL:HG12	8	0.34
(1,1636)	1:A:139:GLU:HG2	1:A:142:VAL:HG13	8	0.34
(1,1636)	1:A:139:GLU:HG2	1:A:142:VAL:HG21	8	0.34
(1,1636)	1:A:139:GLU:HG2	1:A:142:VAL:HG22	8	0.34
(1,1636)	1:A:139:GLU:HG2	1:A:142:VAL:HG23	8	0.34
(1,1636)	1:A:139:GLU:HG3	1:A:142:VAL:HG11	8	0.34
(1,1636)	1:A:139:GLU:HG3	1:A:142:VAL:HG12	8	0.34
(1,1636)	1:A:139:GLU:HG3	1:A:142:VAL:HG13	8	0.34
(1,1636)	1:A:139:GLU:HG3	1:A:142:VAL:HG21	8	0.34
(1,1636)	1:A:139:GLU:HG3	1:A:142:VAL:HG22	8	0.34
(1,1636)	1:A:139:GLU:HG3	1:A:142:VAL:HG23	8	0.34
(1,16)	1:A:3:SER:H	1:A:4:GLY:H	8	0.34
(1,159)	1:A:10:SER:HB3	1:A:13:ASN:H	1	0.34
(1,156)	1:A:10:SER:HB2	1:A:13:ASN:H	8	0.34
(1,1366)	1:A:113:SER:HB3	1:A:116:ALA:H	1	0.34
(1,1364)	1:A:113:SER:HB2	1:A:116:ALA:H	3	0.34
(1,1325)	1:A:109:LEU:HD11	1:A:112:SER:HB2	6	0.34
(1,1325)	1:A:109:LEU:HD11	1:A:112:SER:HB3	6	0.34
(1,1325)	1:A:109:LEU:HD12	1:A:112:SER:HB2	6	0.34
(1,1325)	1:A:109:LEU:HD12	1:A:112:SER:HB3	6	0.34
(1,1325)	1:A:109:LEU:HD13	1:A:112:SER:HB2	6	0.34
(1,1325)	1:A:109:LEU:HD13	1:A:112:SER:HB3	6	0.34
(1,1325)	1:A:109:LEU:HD21	1:A:112:SER:HB2	6	0.34
(1,1325)	1:A:109:LEU:HD21	1:A:112:SER:HB3	6	0.34
(1,1325)	1:A:109:LEU:HD22	1:A:112:SER:HB2	6	0.34
(1,1325)	1:A:109:LEU:HD22	1:A:112:SER:HB3	6	0.34
(1,1325)	1:A:109:LEU:HD23	1:A:112:SER:HB2	6	0.34
(1,1325)	1:A:109:LEU:HD23	1:A:112:SER:HB3	6	0.34

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,1174)	1:A:99:PRO:HA	1:A:102:ALA:H	9	0.34
(1,1109)	1:A:94:PHE:H	1:A:127:PHE:H	7	0.34
(1,1086)	1:A:93:ILE:HB	1:A:127:PHE:H	2	0.34
(1,105)	1:A:7:VAL:HG11	1:A:37:ALA:HA	5	0.34
(1,105)	1:A:7:VAL:HG12	1:A:37:ALA:HA	5	0.34
(1,105)	1:A:7:VAL:HG13	1:A:37:ALA:HA	5	0.34
(1,105)	1:A:7:VAL:HG21	1:A:37:ALA:HA	5	0.34
(1,105)	1:A:7:VAL:HG22	1:A:37:ALA:HA	5	0.34
(1,105)	1:A:7:VAL:HG23	1:A:37:ALA:HA	5	0.34
(2,5)	1:A:12:LYS:HG2	1:A:121:LEU:HD21	4	0.33
(2,5)	1:A:12:LYS:HG2	1:A:121:LEU:HD22	4	0.33
(2,5)	1:A:12:LYS:HG2	1:A:121:LEU:HD23	4	0.33
(2,31)	1:A:97:TYR:HB2	1:A:131:ALA:HA	6	0.33
(2,31)	1:A:97:TYR:HB3	1:A:131:ALA:HA	6	0.33
(2,29)	1:A:86:THR:HG21	1:A:88:THR:HA	2	0.33
(2,29)	1:A:86:THR:HG22	1:A:88:THR:HA	2	0.33
(2,29)	1:A:86:THR:HG23	1:A:88:THR:HA	2	0.33
(1,985)	1:A:80:ARG:H	1:A:80:ARG:HG2	9	0.33
(1,985)	1:A:80:ARG:H	1:A:80:ARG:HG3	9	0.33
(1,91)	1:A:7:VAL:HG21	1:A:120:SER:HA	7	0.33
(1,91)	1:A:7:VAL:HG22	1:A:120:SER:HA	7	0.33
(1,91)	1:A:7:VAL:HG23	1:A:120:SER:HA	7	0.33
(1,892)	1:A:75:GLU:HG2	1:A:90:ASN:HA	7	0.33
(1,822)	1:A:70:ALA:H	1:A:94:PHE:HA	7	0.33
(1,736)	1:A:57:MET:HB2	1:A:60:LEU:HG	2	0.33
(1,736)	1:A:57:MET:HB3	1:A:60:LEU:HG	2	0.33
(1,706)	1:A:55:GLU:HA	1:A:59:LYS:HD2	8	0.33
(1,706)	1:A:55:GLU:HA	1:A:59:LYS:HD3	8	0.33
(1,704)	1:A:55:GLU:HA	1:A:59:LYS:H	1	0.33
(1,689)	1:A:54:VAL:HG11	1:A:57:MET:H	1	0.33
(1,689)	1:A:54:VAL:HG12	1:A:57:MET:H	1	0.33
(1,689)	1:A:54:VAL:HG13	1:A:57:MET:H	1	0.33
(1,689)	1:A:54:VAL:HG21	1:A:57:MET:H	1	0.33
(1,689)	1:A:54:VAL:HG22	1:A:57:MET:H	1	0.33
(1,689)	1:A:54:VAL:HG23	1:A:57:MET:H	1	0.33
(1,675)	1:A:54:VAL:HB	1:A:56:GLU:H	1	0.33
(1,671)	1:A:54:VAL:HA	1:A:57:MET:HA	7	0.33
(1,669)	1:A:54:VAL:HA	1:A:56:GLU:H	3	0.33
(1,527)	1:A:33:LYS:HG3	1:A:36:THR:HA	1	0.33
(1,500)	1:A:31:ILE:HG13	1:A:38:ILE:HD11	9	0.33
(1,500)	1:A:31:ILE:HG13	1:A:38:ILE:HD12	9	0.33
(1,500)	1:A:31:ILE:HG13	1:A:38:ILE:HD13	9	0.33

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,46)	1:A:6:LYS:H	1:A:38:ILE:H	6	0.33
(1,452)	1:A:28:ILE:HD11	1:A:71:ALA:H	2	0.33
(1,452)	1:A:28:ILE:HD12	1:A:71:ALA:H	2	0.33
(1,452)	1:A:28:ILE:HD13	1:A:71:ALA:H	2	0.33
(1,434)	1:A:28:ILE:HB	1:A:41:GLU:HA	5	0.33
(1,400)	1:A:27:ILE:HA	1:A:71:ALA:HB1	9	0.33
(1,400)	1:A:27:ILE:HA	1:A:71:ALA:HB2	9	0.33
(1,400)	1:A:27:ILE:HA	1:A:71:ALA:HB3	9	0.33
(1,386)	1:A:26:TYR:HB2	1:A:72:VAL:HG11	5	0.33
(1,386)	1:A:26:TYR:HB2	1:A:72:VAL:HG12	5	0.33
(1,386)	1:A:26:TYR:HB2	1:A:72:VAL:HG13	5	0.33
(1,386)	1:A:26:TYR:HB2	1:A:72:VAL:HG21	5	0.33
(1,386)	1:A:26:TYR:HB2	1:A:72:VAL:HG22	5	0.33
(1,386)	1:A:26:TYR:HB2	1:A:72:VAL:HG23	5	0.33
(1,386)	1:A:26:TYR:HB3	1:A:72:VAL:HG11	5	0.33
(1,386)	1:A:26:TYR:HB3	1:A:72:VAL:HG12	5	0.33
(1,386)	1:A:26:TYR:HB3	1:A:72:VAL:HG13	5	0.33
(1,386)	1:A:26:TYR:HB3	1:A:72:VAL:HG21	5	0.33
(1,386)	1:A:26:TYR:HB3	1:A:72:VAL:HG22	5	0.33
(1,386)	1:A:26:TYR:HB3	1:A:72:VAL:HG23	5	0.33
(1,34)	1:A:5:VAL:HB	1:A:7:VAL:HG11	6	0.33
(1,34)	1:A:5:VAL:HB	1:A:7:VAL:HG12	6	0.33
(1,34)	1:A:5:VAL:HB	1:A:7:VAL:HG13	6	0.33
(1,34)	1:A:5:VAL:HB	1:A:7:VAL:HG21	6	0.33
(1,34)	1:A:5:VAL:HB	1:A:7:VAL:HG22	6	0.33
(1,34)	1:A:5:VAL:HB	1:A:7:VAL:HG23	6	0.33
(1,33)	1:A:5:VAL:HB	1:A:7:VAL:HA	4	0.33
(1,329)	1:A:18:LEU:HD11	1:A:27:ILE:HA	8	0.33
(1,329)	1:A:18:LEU:HD12	1:A:27:ILE:HA	8	0.33
(1,329)	1:A:18:LEU:HD13	1:A:27:ILE:HA	8	0.33
(1,329)	1:A:18:LEU:HD21	1:A:27:ILE:HA	8	0.33
(1,329)	1:A:18:LEU:HD22	1:A:27:ILE:HA	8	0.33
(1,329)	1:A:18:LEU:HD23	1:A:27:ILE:HA	8	0.33
(1,31)	1:A:5:VAL:HB	1:A:36:THR:HB	4	0.33
(1,303)	1:A:17:LEU:HD11	1:A:21:LYS:HD2	2	0.33
(1,303)	1:A:17:LEU:HD11	1:A:21:LYS:HD3	2	0.33
(1,303)	1:A:17:LEU:HD12	1:A:21:LYS:HD2	2	0.33
(1,303)	1:A:17:LEU:HD12	1:A:21:LYS:HD3	2	0.33
(1,303)	1:A:17:LEU:HD13	1:A:21:LYS:HD2	2	0.33
(1,303)	1:A:17:LEU:HD13	1:A:21:LYS:HD3	2	0.33
(1,303)	1:A:17:LEU:HD21	1:A:21:LYS:HD2	2	0.33
(1,303)	1:A:17:LEU:HD21	1:A:21:LYS:HD3	2	0.33

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,303)	1:A:17:LEU:HD22	1:A:21:LYS:HD2	2	0.33
(1,303)	1:A:17:LEU:HD22	1:A:21:LYS:HD3	2	0.33
(1,303)	1:A:17:LEU:HD23	1:A:21:LYS:HD2	2	0.33
(1,303)	1:A:17:LEU:HD23	1:A:21:LYS:HD3	2	0.33
(1,302)	1:A:17:LEU:HD21	1:A:19:HIS:H	7	0.33
(1,302)	1:A:17:LEU:HD22	1:A:19:HIS:H	7	0.33
(1,302)	1:A:17:LEU:HD23	1:A:19:HIS:H	7	0.33
(1,281)	1:A:16:ASP:HB3	1:A:19:HIS:H	9	0.33
(1,216)	1:A:12:LYS:HB2	1:A:40:VAL:HG11	5	0.33
(1,216)	1:A:12:LYS:HB2	1:A:40:VAL:HG12	5	0.33
(1,216)	1:A:12:LYS:HB2	1:A:40:VAL:HG13	5	0.33
(1,216)	1:A:12:LYS:HB2	1:A:40:VAL:HG21	5	0.33
(1,216)	1:A:12:LYS:HB2	1:A:40:VAL:HG22	5	0.33
(1,216)	1:A:12:LYS:HB2	1:A:40:VAL:HG23	5	0.33
(1,216)	1:A:12:LYS:HB3	1:A:40:VAL:HG11	5	0.33
(1,216)	1:A:12:LYS:HB3	1:A:40:VAL:HG12	5	0.33
(1,216)	1:A:12:LYS:HB3	1:A:40:VAL:HG13	5	0.33
(1,216)	1:A:12:LYS:HB3	1:A:40:VAL:HG21	5	0.33
(1,216)	1:A:12:LYS:HB3	1:A:40:VAL:HG22	5	0.33
(1,216)	1:A:12:LYS:HB3	1:A:40:VAL:HG23	5	0.33
(1,214)	1:A:12:LYS:HG3	1:A:15:TYR:H	1	0.33
(1,1803)	1:A:151:ARG:HG2	1:A:152:ILE:H	4	0.33
(1,1803)	1:A:151:ARG:HG3	1:A:152:ILE:H	4	0.33
(1,1699)	1:A:143:LYS:H	1:A:144:SER:H	7	0.33
(1,1612)	1:A:137:LEU:HD11	1:A:139:GLU:HG2	1	0.33
(1,1612)	1:A:137:LEU:HD11	1:A:139:GLU:HG3	1	0.33
(1,1612)	1:A:137:LEU:HD12	1:A:139:GLU:HG2	1	0.33
(1,1612)	1:A:137:LEU:HD12	1:A:139:GLU:HG3	1	0.33
(1,1612)	1:A:137:LEU:HD13	1:A:139:GLU:HG2	1	0.33
(1,1612)	1:A:137:LEU:HD13	1:A:139:GLU:HG3	1	0.33
(1,1612)	1:A:137:LEU:HD21	1:A:139:GLU:HG2	1	0.33
(1,1612)	1:A:137:LEU:HD21	1:A:139:GLU:HG3	1	0.33
(1,1612)	1:A:137:LEU:HD22	1:A:139:GLU:HG2	1	0.33
(1,1612)	1:A:137:LEU:HD22	1:A:139:GLU:HG3	1	0.33
(1,1612)	1:A:137:LEU:HD23	1:A:139:GLU:HG2	1	0.33
(1,1612)	1:A:137:LEU:HD23	1:A:139:GLU:HG3	1	0.33
(1,1447)	1:A:118:LYS:HG3	1:A:128:GLN:HB2	9	0.33
(1,1447)	1:A:118:LYS:HG3	1:A:128:GLN:HB3	9	0.33
(1,1441)	1:A:118:LYS:HE2	1:A:119:ALA:H	8	0.33
(1,1397)	1:A:115:ARG:HA	1:A:118:LYS:HD2	1	0.33
(1,1397)	1:A:115:ARG:HA	1:A:118:LYS:HD3	1	0.33
(1,1382)	1:A:114:VAL:HG21	1:A:116:ALA:H	9	0.33

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,1382)	1:A:114:VAL:HG22	1:A:116:ALA:H	9	0.33
(1,1382)	1:A:114:VAL:HG23	1:A:116:ALA:H	9	0.33
(1,1316)	1:A:109:LEU:HA	1:A:113:SER:H	3	0.33
(1,1185)	1:A:99:PRO:HG2	1:A:102:ALA:HA	7	0.33
(1,1165)	1:A:97:TYR:HA	1:A:131:ALA:HA	6	0.33
(1,1052)	1:A:89:LEU:HD21	1:A:90:ASN:H	7	0.33
(1,1052)	1:A:89:LEU:HD22	1:A:90:ASN:H	7	0.33
(1,1052)	1:A:89:LEU:HD23	1:A:90:ASN:H	7	0.33
(3,59)	1:A:143:LYS:O	1:A:147:MET:H	2	0.32
(2,6)	1:A:12:LYS:HG2	1:A:15:TYR:H	3	0.32
(2,26)	1:A:77:THR:HB	1:A:78:VAL:HG11	5	0.32
(2,26)	1:A:77:THR:HB	1:A:78:VAL:HG12	5	0.32
(2,26)	1:A:77:THR:HB	1:A:78:VAL:HG13	5	0.32
(1,947)	1:A:78:VAL:H	1:A:87:SER:H	4	0.32
(1,944)	1:A:78:VAL:H	1:A:79:GLN:H	9	0.32
(1,94)	1:A:7:VAL:HG21	1:A:38:ILE:HB	4	0.32
(1,94)	1:A:7:VAL:HG22	1:A:38:ILE:HB	4	0.32
(1,94)	1:A:7:VAL:HG23	1:A:38:ILE:HB	4	0.32
(1,885)	1:A:75:GLU:HB3	1:A:88:THR:HB	1	0.32
(1,736)	1:A:57:MET:HB2	1:A:60:LEU:HG	5	0.32
(1,736)	1:A:57:MET:HB3	1:A:60:LEU:HG	5	0.32
(1,725)	1:A:56:GLU:HG3	1:A:57:MET:H	8	0.32
(1,724)	1:A:56:GLU:HG2	1:A:58:LYS:H	6	0.32
(1,723)	1:A:56:GLU:HG2	1:A:57:MET:H	2	0.32
(1,715)	1:A:55:GLU:HG2	1:A:58:LYS:HE2	8	0.32
(1,715)	1:A:55:GLU:HG2	1:A:58:LYS:HE3	8	0.32
(1,715)	1:A:55:GLU:HG3	1:A:58:LYS:HE2	8	0.32
(1,715)	1:A:55:GLU:HG3	1:A:58:LYS:HE3	8	0.32
(1,704)	1:A:55:GLU:HA	1:A:59:LYS:H	4	0.32
(1,704)	1:A:55:GLU:HA	1:A:59:LYS:H	10	0.32
(1,70)	1:A:7:VAL:HA	1:A:38:ILE:HG21	1	0.32
(1,70)	1:A:7:VAL:HA	1:A:38:ILE:HG22	1	0.32
(1,70)	1:A:7:VAL:HA	1:A:38:ILE:HG23	1	0.32
(1,654)	1:A:53:PHE:HA	1:A:55:GLU:H	2	0.32
(1,629)	1:A:51:ALA:HA	1:A:54:VAL:HA	1	0.32
(1,608)	1:A:49:PRO:HG2	1:A:50:TYR:H	7	0.32
(1,608)	1:A:49:PRO:HG3	1:A:50:TYR:H	7	0.32
(1,517)	1:A:32:ASP:HB2	1:A:37:ALA:HB1	6	0.32
(1,517)	1:A:32:ASP:HB2	1:A:37:ALA:HB2	6	0.32
(1,517)	1:A:32:ASP:HB2	1:A:37:ALA:HB3	6	0.32
(1,515)	1:A:31:ILE:HG21	1:A:37:ALA:H	6	0.32
(1,515)	1:A:31:ILE:HG22	1:A:37:ALA:H	6	0.32

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,515)	1:A:31:ILE:HG23	1:A:37:ALA:H	6	0.32
(1,498)	1:A:31:ILE:HG13	1:A:38:ILE:HA	1	0.32
(1,494)	1:A:31:ILE:HG12	1:A:38:ILE:HA	8	0.32
(1,489)	1:A:31:ILE:HA	1:A:38:ILE:HD11	9	0.32
(1,489)	1:A:31:ILE:HA	1:A:38:ILE:HD12	9	0.32
(1,489)	1:A:31:ILE:HA	1:A:38:ILE:HD13	9	0.32
(1,474)	1:A:30:LYS:HA	1:A:41:GLU:HG2	1	0.32
(1,474)	1:A:30:LYS:HA	1:A:41:GLU:HG3	1	0.32
(1,426)	1:A:28:ILE:H	1:A:42:LYS:HA	6	0.32
(1,379)	1:A:26:TYR:HB2	1:A:72:VAL:HA	10	0.32
(1,327)	1:A:18:LEU:HD21	1:A:73:ASP:HA	1	0.32
(1,327)	1:A:18:LEU:HD22	1:A:73:ASP:HA	1	0.32
(1,327)	1:A:18:LEU:HD23	1:A:73:ASP:HA	1	0.32
(1,327)	1:A:18:LEU:HD21	1:A:73:ASP:HA	8	0.32
(1,327)	1:A:18:LEU:HD22	1:A:73:ASP:HA	8	0.32
(1,327)	1:A:18:LEU:HD23	1:A:73:ASP:HA	8	0.32
(1,256)	1:A:15:TYR:HB2	1:A:121:LEU:HG	1	0.32
(1,237)	1:A:14:ALA:HA	1:A:18:LEU:H	4	0.32
(1,234)	1:A:14:ALA:H	1:A:43:VAL:HG11	5	0.32
(1,234)	1:A:14:ALA:H	1:A:43:VAL:HG12	5	0.32
(1,234)	1:A:14:ALA:H	1:A:43:VAL:HG13	5	0.32
(1,234)	1:A:14:ALA:H	1:A:43:VAL:HG21	5	0.32
(1,234)	1:A:14:ALA:H	1:A:43:VAL:HG22	5	0.32
(1,234)	1:A:14:ALA:H	1:A:43:VAL:HG23	5	0.32
(1,214)	1:A:12:LYS:HG3	1:A:15:TYR:H	2	0.32
(1,213)	1:A:12:LYS:HG3	1:A:14:ALA:H	6	0.32
(1,1769)	1:A:149:ASN:H	1:A:150:GLN:H	1	0.32
(1,1740)	1:A:146:LEU:H	1:A:148:SER:H	3	0.32
(1,1703)	1:A:143:LYS:HA	1:A:146:LEU:HA	4	0.32
(1,1669)	1:A:141:SER:HB3	1:A:143:LYS:H	8	0.32
(1,1658)	1:A:140:LYS:HB2	1:A:142:VAL:H	9	0.32
(1,1658)	1:A:140:LYS:HB3	1:A:142:VAL:H	9	0.32
(1,159)	1:A:10:SER:HB3	1:A:13:ASN:H	2	0.32
(1,1579)	1:A:134:MET:HB2	1:A:135:SER:H	8	0.32
(1,1579)	1:A:134:MET:HB3	1:A:135:SER:H	8	0.32
(1,1549)	1:A:131:ALA:H	1:A:136:ASP:HB2	6	0.32
(1,1549)	1:A:131:ALA:H	1:A:136:ASP:HB3	6	0.32
(1,153)	1:A:10:SER:HA	1:A:40:VAL:HG11	7	0.32
(1,153)	1:A:10:SER:HA	1:A:40:VAL:HG12	7	0.32
(1,153)	1:A:10:SER:HA	1:A:40:VAL:HG13	7	0.32
(1,153)	1:A:10:SER:HA	1:A:40:VAL:HG21	7	0.32
(1,153)	1:A:10:SER:HA	1:A:40:VAL:HG22	7	0.32

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,153)	1:A:10:SER:HA	1:A:40:VAL:HG23	7	0.32
(1,1440)	1:A:118:LYS:HD2	1:A:119:ALA:H	10	0.32
(1,1440)	1:A:118:LYS:HD3	1:A:119:ALA:H	10	0.32
(1,1387)	1:A:114:VAL:HG11	1:A:117:LEU:HB2	2	0.32
(1,1387)	1:A:114:VAL:HG11	1:A:117:LEU:HB3	2	0.32
(1,1387)	1:A:114:VAL:HG12	1:A:117:LEU:HB2	2	0.32
(1,1387)	1:A:114:VAL:HG12	1:A:117:LEU:HB3	2	0.32
(1,1387)	1:A:114:VAL:HG13	1:A:117:LEU:HB2	2	0.32
(1,1387)	1:A:114:VAL:HG13	1:A:117:LEU:HB3	2	0.32
(1,1387)	1:A:114:VAL:HG21	1:A:117:LEU:HB2	2	0.32
(1,1387)	1:A:114:VAL:HG21	1:A:117:LEU:HB3	2	0.32
(1,1387)	1:A:114:VAL:HG22	1:A:117:LEU:HB2	2	0.32
(1,1387)	1:A:114:VAL:HG22	1:A:117:LEU:HB3	2	0.32
(1,1387)	1:A:114:VAL:HG23	1:A:117:LEU:HB2	2	0.32
(1,1387)	1:A:114:VAL:HG23	1:A:117:LEU:HB3	2	0.32
(1,1382)	1:A:114:VAL:HG21	1:A:116:ALA:H	3	0.32
(1,1382)	1:A:114:VAL:HG22	1:A:116:ALA:H	3	0.32
(1,1382)	1:A:114:VAL:HG23	1:A:116:ALA:H	3	0.32
(1,1333)	1:A:110:TYR:HA	1:A:114:VAL:H	2	0.32
(1,1322)	1:A:109:LEU:HD21	1:A:113:SER:H	1	0.32
(1,1322)	1:A:109:LEU:HD22	1:A:113:SER:H	1	0.32
(1,1322)	1:A:109:LEU:HD23	1:A:113:SER:H	1	0.32
(1,1313)	1:A:109:LEU:HA	1:A:111:ALA:H	2	0.32
(1,1293)	1:A:108:MET:HA	1:A:110:TYR:H	9	0.32
(1,1218)	1:A:104:VAL:HA	1:A:106:ARG:H	10	0.32
(1,1190)	1:A:99:PRO:HG3	1:A:132:SER:HA	6	0.32
(1,1189)	1:A:99:PRO:HG3	1:A:102:ALA:HA	1	0.32
(1,1179)	1:A:99:PRO:HB2	1:A:132:SER:HA	7	0.32
(1,116)	1:A:8:ASP:H	1:A:39:VAL:HA	7	0.32
(1,1118)	1:A:94:PHE:HA	1:A:128:GLN:HB2	1	0.32
(1,1052)	1:A:89:LEU:HD21	1:A:90:ASN:H	2	0.32
(1,1052)	1:A:89:LEU:HD22	1:A:90:ASN:H	2	0.32
(1,1052)	1:A:89:LEU:HD23	1:A:90:ASN:H	2	0.32
(1,1033)	1:A:88:THR:H	1:A:88:THR:HB	6	0.32
(2,6)	1:A:12:LYS:HG2	1:A:15:TYR:H	10	0.31
(2,5)	1:A:12:LYS:HG2	1:A:121:LEU:HD21	2	0.31
(2,5)	1:A:12:LYS:HG2	1:A:121:LEU:HD22	2	0.31
(2,5)	1:A:12:LYS:HG2	1:A:121:LEU:HD23	2	0.31
(1,974)	1:A:79:GLN:HB2	1:A:86:THR:HG21	7	0.31
(1,974)	1:A:79:GLN:HB2	1:A:86:THR:HG22	7	0.31
(1,974)	1:A:79:GLN:HB2	1:A:86:THR:HG23	7	0.31
(1,960)	1:A:78:VAL:HG21	1:A:87:SER:HB2	7	0.31

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,960)	1:A:78:VAL:HG22	1:A:87:SER:HB2	7	0.31
(1,960)	1:A:78:VAL:HG23	1:A:87:SER:HB2	7	0.31
(1,960)	1:A:78:VAL:HG21	1:A:87:SER:HB3	7	0.31
(1,960)	1:A:78:VAL:HG22	1:A:87:SER:HB3	7	0.31
(1,960)	1:A:78:VAL:HG23	1:A:87:SER:HB3	7	0.31
(1,885)	1:A:75:GLU:HB3	1:A:88:THR:HB	5	0.31
(1,884)	1:A:75:GLU:HB3	1:A:88:THR:HA	9	0.31
(1,822)	1:A:70:ALA:H	1:A:94:PHE:HA	3	0.31
(1,700)	1:A:55:GLU:HA	1:A:58:LYS:HE2	6	0.31
(1,700)	1:A:55:GLU:HA	1:A:58:LYS:HE3	6	0.31
(1,659)	1:A:53:PHE:HB2	1:A:56:GLU:H	4	0.31
(1,580)	1:A:42:LYS:HG2	1:A:56:GLU:HG2	1	0.31
(1,580)	1:A:42:LYS:HG2	1:A:56:GLU:HG3	1	0.31
(1,580)	1:A:42:LYS:HG3	1:A:56:GLU:HG2	1	0.31
(1,580)	1:A:42:LYS:HG3	1:A:56:GLU:HG3	1	0.31
(1,515)	1:A:31:ILE:HG21	1:A:37:ALA:H	3	0.31
(1,515)	1:A:31:ILE:HG22	1:A:37:ALA:H	3	0.31
(1,515)	1:A:31:ILE:HG23	1:A:37:ALA:H	3	0.31
(1,511)	1:A:31:ILE:HG21	1:A:109:LEU:HG	10	0.31
(1,511)	1:A:31:ILE:HG22	1:A:109:LEU:HG	10	0.31
(1,511)	1:A:31:ILE:HG23	1:A:109:LEU:HG	10	0.31
(1,453)	1:A:28:ILE:HG12	1:A:41:GLU:HB2	10	0.31
(1,453)	1:A:28:ILE:HG12	1:A:41:GLU:HB3	10	0.31
(1,453)	1:A:28:ILE:HG13	1:A:41:GLU:HB2	10	0.31
(1,453)	1:A:28:ILE:HG13	1:A:41:GLU:HB3	10	0.31
(1,451)	1:A:28:ILE:HD11	1:A:70:ALA:HB1	6	0.31
(1,451)	1:A:28:ILE:HD11	1:A:70:ALA:HB2	6	0.31
(1,451)	1:A:28:ILE:HD11	1:A:70:ALA:HB3	6	0.31
(1,451)	1:A:28:ILE:HD12	1:A:70:ALA:HB1	6	0.31
(1,451)	1:A:28:ILE:HD12	1:A:70:ALA:HB2	6	0.31
(1,451)	1:A:28:ILE:HD12	1:A:70:ALA:HB3	6	0.31
(1,451)	1:A:28:ILE:HD13	1:A:70:ALA:HB1	6	0.31
(1,451)	1:A:28:ILE:HD13	1:A:70:ALA:HB2	6	0.31
(1,451)	1:A:28:ILE:HD13	1:A:70:ALA:HB3	6	0.31
(1,335)	1:A:19:HIS:HA	1:A:21:LYS:H	5	0.31
(1,319)	1:A:18:LEU:HD11	1:A:72:VAL:H	4	0.31
(1,319)	1:A:18:LEU:HD12	1:A:72:VAL:H	4	0.31
(1,319)	1:A:18:LEU:HD13	1:A:72:VAL:H	4	0.31
(1,280)	1:A:16:ASP:HB3	1:A:18:LEU:H	6	0.31
(1,237)	1:A:14:ALA:HA	1:A:18:LEU:H	8	0.31
(1,186)	1:A:12:LYS:H	1:A:121:LEU:HG	7	0.31
(1,181)	1:A:11:CYS:HB3	1:A:13:ASN:H	3	0.31

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,1772)	1:A:149:ASN:HB2	1:A:152:ILE:HG21	5	0.31
(1,1772)	1:A:149:ASN:HB2	1:A:152:ILE:HG22	5	0.31
(1,1772)	1:A:149:ASN:HB2	1:A:152:ILE:HG23	5	0.31
(1,1757)	1:A:147:MET:HA	1:A:150:GLN:H	2	0.31
(1,1729)	1:A:145:ASP:H	1:A:146:LEU:H	7	0.31
(1,1729)	1:A:145:ASP:H	1:A:146:LEU:H	8	0.31
(1,1725)	1:A:144:SER:HB3	1:A:145:ASP:H	8	0.31
(1,1699)	1:A:143:LYS:H	1:A:144:SER:H	4	0.31
(1,1659)	1:A:140:LYS:HB2	1:A:143:LYS:H	4	0.31
(1,1659)	1:A:140:LYS:HB3	1:A:143:LYS:H	4	0.31
(1,1587)	1:A:135:SER:HA	1:A:138:ASP:H	4	0.31
(1,1462)	1:A:120:SER:HA	1:A:122:GLY:H	6	0.31
(1,1333)	1:A:110:TYR:HA	1:A:114:VAL:H	8	0.31
(1,1301)	1:A:108:MET:HB3	1:A:110:TYR:H	7	0.31
(1,1234)	1:A:104:VAL:HG21	1:A:107:ARG:H	9	0.31
(1,1234)	1:A:104:VAL:HG22	1:A:107:ARG:H	9	0.31
(1,1234)	1:A:104:VAL:HG23	1:A:107:ARG:H	9	0.31
(1,1171)	1:A:97:TYR:HB2	1:A:131:ALA:HB1	10	0.31
(1,1171)	1:A:97:TYR:HB2	1:A:131:ALA:HB2	10	0.31
(1,1171)	1:A:97:TYR:HB2	1:A:131:ALA:HB3	10	0.31
(1,1171)	1:A:97:TYR:HB3	1:A:131:ALA:HB1	10	0.31
(1,1171)	1:A:97:TYR:HB3	1:A:131:ALA:HB2	10	0.31
(1,1171)	1:A:97:TYR:HB3	1:A:131:ALA:HB3	10	0.31
(1,1169)	1:A:97:TYR:HB3	1:A:131:ALA:HB1	3	0.31
(1,1169)	1:A:97:TYR:HB3	1:A:131:ALA:HB2	3	0.31
(1,1169)	1:A:97:TYR:HB3	1:A:131:ALA:HB3	3	0.31
(1,1162)	1:A:96:GLN:HG2	1:A:130:GLN:HA	9	0.31
(1,1162)	1:A:96:GLN:HG3	1:A:130:GLN:HA	9	0.31
(1,116)	1:A:8:ASP:H	1:A:39:VAL:HA	9	0.31
(1,102)	1:A:7:VAL:HG11	1:A:120:SER:HA	8	0.31
(1,102)	1:A:7:VAL:HG12	1:A:120:SER:HA	8	0.31
(1,102)	1:A:7:VAL:HG13	1:A:120:SER:HA	8	0.31
(1,102)	1:A:7:VAL:HG21	1:A:120:SER:HA	8	0.31
(1,102)	1:A:7:VAL:HG22	1:A:120:SER:HA	8	0.31
(1,102)	1:A:7:VAL:HG23	1:A:120:SER:HA	8	0.31
(1,1016)	1:A:84:GLU:HA	1:A:85:GLY:H	7	0.31
(3,60)	1:A:143:LYS:O	1:A:147:MET:N	9	0.3
(2,35)	1:A:118:LYS:HE3	1:A:128:GLN:HA	9	0.3
(2,2)	1:A:2:ALA:HB1	1:A:112:SER:H	3	0.3
(2,2)	1:A:2:ALA:HB2	1:A:112:SER:H	3	0.3
(2,2)	1:A:2:ALA:HB3	1:A:112:SER:H	3	0.3
(1,973)	1:A:79:GLN:HB2	1:A:85:GLY:H	6	0.3

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,882)	1:A:75:GLU:HB2	1:A:89:LEU:H	5	0.3
(1,869)	1:A:75:GLU:H	1:A:146:LEU:HD11	7	0.3
(1,869)	1:A:75:GLU:H	1:A:146:LEU:HD12	7	0.3
(1,869)	1:A:75:GLU:H	1:A:146:LEU:HD13	7	0.3
(1,869)	1:A:75:GLU:H	1:A:146:LEU:HD21	7	0.3
(1,869)	1:A:75:GLU:H	1:A:146:LEU:HD22	7	0.3
(1,869)	1:A:75:GLU:H	1:A:146:LEU:HD23	7	0.3
(1,74)	1:A:7:VAL:HB	1:A:120:SER:HB2	9	0.3
(1,74)	1:A:7:VAL:HB	1:A:120:SER:HB3	9	0.3
(1,74)	1:A:7:VAL:HB	1:A:120:SER:HB2	9	0.3
(1,74)	1:A:7:VAL:HB	1:A:120:SER:HB3	9	0.3
(1,682)	1:A:54:VAL:HG21	1:A:57:MET:H	1	0.3
(1,682)	1:A:54:VAL:HG22	1:A:57:MET:H	1	0.3
(1,682)	1:A:54:VAL:HG23	1:A:57:MET:H	1	0.3
(1,608)	1:A:49:PRO:HG2	1:A:50:TYR:H	5	0.3
(1,608)	1:A:49:PRO:HG3	1:A:50:TYR:H	5	0.3
(1,527)	1:A:33:LYS:HG3	1:A:36:THR:HA	5	0.3
(1,515)	1:A:31:ILE:HG21	1:A:37:ALA:H	10	0.3
(1,515)	1:A:31:ILE:HG22	1:A:37:ALA:H	10	0.3
(1,515)	1:A:31:ILE:HG23	1:A:37:ALA:H	10	0.3
(1,500)	1:A:31:ILE:HG13	1:A:38:ILE:HD11	6	0.3
(1,500)	1:A:31:ILE:HG13	1:A:38:ILE:HD12	6	0.3
(1,500)	1:A:31:ILE:HG13	1:A:38:ILE:HD13	6	0.3
(1,453)	1:A:28:ILE:HG12	1:A:41:GLU:HB2	6	0.3
(1,453)	1:A:28:ILE:HG12	1:A:41:GLU:HB3	6	0.3
(1,453)	1:A:28:ILE:HG13	1:A:41:GLU:HB2	6	0.3
(1,453)	1:A:28:ILE:HG13	1:A:41:GLU:HB3	6	0.3
(1,44)	1:A:6:LYS:H	1:A:37:ALA:HA	6	0.3
(1,429)	1:A:28:ILE:H	1:A:42:LYS:HG2	7	0.3
(1,429)	1:A:28:ILE:H	1:A:42:LYS:HG3	7	0.3
(1,280)	1:A:16:ASP:HB3	1:A:18:LEU:H	1	0.3
(1,277)	1:A:16:ASP:HB2	1:A:18:LEU:H	3	0.3
(1,214)	1:A:12:LYS:HG3	1:A:15:TYR:H	6	0.3
(1,181)	1:A:11:CYS:HB3	1:A:13:ASN:H	1	0.3
(1,1803)	1:A:151:ARG:HG2	1:A:152:ILE:H	7	0.3
(1,1803)	1:A:151:ARG:HG3	1:A:152:ILE:H	7	0.3
(1,1802)	1:A:151:ARG:HD2	1:A:152:ILE:H	10	0.3
(1,1802)	1:A:151:ARG:HD3	1:A:152:ILE:H	10	0.3
(1,1700)	1:A:143:LYS:H	1:A:145:ASP:H	9	0.3
(1,166)	1:A:11:CYS:H	1:A:121:LEU:HD11	9	0.3
(1,166)	1:A:11:CYS:H	1:A:121:LEU:HD12	9	0.3
(1,166)	1:A:11:CYS:H	1:A:121:LEU:HD13	9	0.3

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,166)	1:A:11:CYS:H	1:A:121:LEU:HD21	9	0.3
(1,166)	1:A:11:CYS:H	1:A:121:LEU:HD22	9	0.3
(1,166)	1:A:11:CYS:H	1:A:121:LEU:HD23	9	0.3
(1,1606)	1:A:137:LEU:HA	1:A:140:LYS:HE2	10	0.3
(1,1606)	1:A:137:LEU:HA	1:A:140:LYS:HE3	10	0.3
(1,159)	1:A:10:SER:HB3	1:A:13:ASN:H	9	0.3
(1,1555)	1:A:132:SER:H	1:A:136:ASP:HA	2	0.3
(1,1440)	1:A:118:LYS:HD2	1:A:119:ALA:H	6	0.3
(1,1440)	1:A:118:LYS:HD3	1:A:119:ALA:H	6	0.3
(1,1426)	1:A:117:LEU:HB2	1:A:119:ALA:H	3	0.3
(1,1398)	1:A:115:ARG:HA	1:A:119:ALA:H	1	0.3
(1,1397)	1:A:115:ARG:HA	1:A:118:LYS:HD2	4	0.3
(1,1397)	1:A:115:ARG:HA	1:A:118:LYS:HD3	4	0.3
(1,1378)	1:A:114:VAL:HB	1:A:118:LYS:H	3	0.3
(1,1364)	1:A:113:SER:HB2	1:A:116:ALA:H	9	0.3
(1,135)	1:A:8:ASP:HB2	1:A:39:VAL:HB	7	0.3
(1,135)	1:A:8:ASP:HB3	1:A:39:VAL:HB	7	0.3
(1,1254)	1:A:105:ARG:HA	1:A:108:MET:HG2	8	0.3
(1,1254)	1:A:105:ARG:HA	1:A:108:MET:HG3	8	0.3
(1,1254)	1:A:105:ARG:HA	1:A:108:MET:HG2	8	0.3
(1,1254)	1:A:105:ARG:HA	1:A:108:MET:HG3	8	0.3
(1,1254)	1:A:105:ARG:HA	1:A:108:MET:HG2	10	0.3
(1,1254)	1:A:105:ARG:HA	1:A:108:MET:HG3	10	0.3
(1,1254)	1:A:105:ARG:HA	1:A:108:MET:HG2	10	0.3
(1,1254)	1:A:105:ARG:HA	1:A:108:MET:HG3	10	0.3
(1,1245)	1:A:104:VAL:HG11	1:A:108:MET:HG2	2	0.3
(1,1245)	1:A:104:VAL:HG11	1:A:108:MET:HG3	2	0.3
(1,1245)	1:A:104:VAL:HG12	1:A:108:MET:HG2	2	0.3
(1,1245)	1:A:104:VAL:HG12	1:A:108:MET:HG3	2	0.3
(1,1245)	1:A:104:VAL:HG13	1:A:108:MET:HG2	2	0.3
(1,1245)	1:A:104:VAL:HG13	1:A:108:MET:HG3	2	0.3
(1,1245)	1:A:104:VAL:HG21	1:A:108:MET:HG2	2	0.3
(1,1245)	1:A:104:VAL:HG21	1:A:108:MET:HG3	2	0.3
(1,1245)	1:A:104:VAL:HG22	1:A:108:MET:HG2	2	0.3
(1,1245)	1:A:104:VAL:HG22	1:A:108:MET:HG3	2	0.3
(1,1245)	1:A:104:VAL:HG23	1:A:108:MET:HG2	2	0.3
(1,1245)	1:A:104:VAL:HG23	1:A:108:MET:HG3	2	0.3
(1,1174)	1:A:99:PRO:HA	1:A:102:ALA:H	5	0.3
(1,1172)	1:A:98:CYS:HB2	1:A:107:ARG:HA	2	0.3
(1,1172)	1:A:98:CYS:HB3	1:A:107:ARG:HA	2	0.3
(1,1122)	1:A:94:PHE:HB2	1:A:118:LYS:HE2	7	0.3
(1,1122)	1:A:94:PHE:HB2	1:A:118:LYS:HE3	7	0.3

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,1122)	1:A:94:PHE:HB3	1:A:118:LYS:HE2	7	0.3
(1,1122)	1:A:94:PHE:HB3	1:A:118:LYS:HE3	7	0.3
(1,112)	1:A:8:ASP:H	1:A:11:CYS:HB2	6	0.3
(1,112)	1:A:8:ASP:H	1:A:11:CYS:HB3	6	0.3
(1,1099)	1:A:93:ILE:HD11	1:A:142:VAL:HA	6	0.3
(1,1099)	1:A:93:ILE:HD12	1:A:142:VAL:HA	6	0.3
(1,1099)	1:A:93:ILE:HD13	1:A:142:VAL:HA	6	0.3
(1,1086)	1:A:93:ILE:HB	1:A:127:PHE:H	4	0.3
(1,1082)	1:A:93:ILE:HA	1:A:127:PHE:HA	10	0.3
(1,1048)	1:A:89:LEU:HG	1:A:90:ASN:H	9	0.3
(3,59)	1:A:143:LYS:O	1:A:147:MET:H	6	0.29
(2,6)	1:A:12:LYS:HG2	1:A:15:TYR:H	7	0.29
(1,947)	1:A:78:VAL:H	1:A:87:SER:H	2	0.29
(1,921)	1:A:76:VAL:HG11	1:A:143:LYS:HG2	9	0.29
(1,921)	1:A:76:VAL:HG11	1:A:143:LYS:HG3	9	0.29
(1,921)	1:A:76:VAL:HG12	1:A:143:LYS:HG2	9	0.29
(1,921)	1:A:76:VAL:HG12	1:A:143:LYS:HG3	9	0.29
(1,921)	1:A:76:VAL:HG13	1:A:143:LYS:HG2	9	0.29
(1,921)	1:A:76:VAL:HG13	1:A:143:LYS:HG3	9	0.29
(1,921)	1:A:76:VAL:HG21	1:A:143:LYS:HG2	9	0.29
(1,921)	1:A:76:VAL:HG21	1:A:143:LYS:HG3	9	0.29
(1,921)	1:A:76:VAL:HG22	1:A:143:LYS:HG2	9	0.29
(1,921)	1:A:76:VAL:HG22	1:A:143:LYS:HG3	9	0.29
(1,921)	1:A:76:VAL:HG23	1:A:143:LYS:HG2	9	0.29
(1,921)	1:A:76:VAL:HG23	1:A:143:LYS:HG3	9	0.29
(1,753)	1:A:58:LYS:HB3	1:A:60:LEU:H	4	0.29
(1,676)	1:A:54:VAL:HB	1:A:57:MET:H	3	0.29
(1,671)	1:A:54:VAL:HA	1:A:57:MET:HA	1	0.29
(1,661)	1:A:53:PHE:HB3	1:A:56:GLU:H	6	0.29
(1,659)	1:A:53:PHE:HB2	1:A:56:GLU:H	7	0.29
(1,636)	1:A:51:ALA:HB1	1:A:54:VAL:H	9	0.29
(1,636)	1:A:51:ALA:HB2	1:A:54:VAL:H	9	0.29
(1,636)	1:A:51:ALA:HB3	1:A:54:VAL:H	9	0.29
(1,597)	1:A:49:PRO:HA	1:A:51:ALA:H	10	0.29
(1,574)	1:A:42:LYS:HA	1:A:56:GLU:HB2	6	0.29
(1,574)	1:A:42:LYS:HA	1:A:56:GLU:HB3	6	0.29
(1,510)	1:A:31:ILE:HG21	1:A:109:LEU:HA	1	0.29
(1,510)	1:A:31:ILE:HG22	1:A:109:LEU:HA	1	0.29
(1,510)	1:A:31:ILE:HG23	1:A:109:LEU:HA	1	0.29
(1,51)	1:A:6:LYS:HA	1:A:37:ALA:HA	4	0.29
(1,450)	1:A:28:ILE:HD11	1:A:70:ALA:HA	8	0.29
(1,450)	1:A:28:ILE:HD12	1:A:70:ALA:HA	8	0.29

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,450)	1:A:28:ILE:HD13	1:A:70:ALA:HA	8	0.29
(1,385)	1:A:26:TYR:HB2	1:A:72:VAL:HA	10	0.29
(1,385)	1:A:26:TYR:HB3	1:A:72:VAL:HA	10	0.29
(1,315)	1:A:18:LEU:HB2	1:A:73:ASP:HB2	8	0.29
(1,315)	1:A:18:LEU:HB2	1:A:73:ASP:HB3	8	0.29
(1,315)	1:A:18:LEU:HB3	1:A:73:ASP:HB2	8	0.29
(1,315)	1:A:18:LEU:HB3	1:A:73:ASP:HB3	8	0.29
(1,31)	1:A:5:VAL:HB	1:A:36:THR:HB	7	0.29
(1,290)	1:A:17:LEU:HA	1:A:19:HIS:H	1	0.29
(1,280)	1:A:16:ASP:HB3	1:A:18:LEU:H	4	0.29
(1,266)	1:A:15:TYR:HB2	1:A:123:LEU:HD11	1	0.29
(1,266)	1:A:15:TYR:HB2	1:A:123:LEU:HD12	1	0.29
(1,266)	1:A:15:TYR:HB2	1:A:123:LEU:HD13	1	0.29
(1,266)	1:A:15:TYR:HB2	1:A:123:LEU:HD21	1	0.29
(1,266)	1:A:15:TYR:HB2	1:A:123:LEU:HD22	1	0.29
(1,266)	1:A:15:TYR:HB2	1:A:123:LEU:HD23	1	0.29
(1,266)	1:A:15:TYR:HB3	1:A:123:LEU:HD11	1	0.29
(1,266)	1:A:15:TYR:HB3	1:A:123:LEU:HD12	1	0.29
(1,266)	1:A:15:TYR:HB3	1:A:123:LEU:HD13	1	0.29
(1,266)	1:A:15:TYR:HB3	1:A:123:LEU:HD21	1	0.29
(1,266)	1:A:15:TYR:HB3	1:A:123:LEU:HD22	1	0.29
(1,266)	1:A:15:TYR:HB3	1:A:123:LEU:HD23	1	0.29
(1,256)	1:A:15:TYR:HB2	1:A:121:LEU:HG	5	0.29
(1,243)	1:A:14:ALA:HB1	1:A:27:ILE:HB	10	0.29
(1,243)	1:A:14:ALA:HB2	1:A:27:ILE:HB	10	0.29
(1,243)	1:A:14:ALA:HB3	1:A:27:ILE:HB	10	0.29
(1,227)	1:A:13:ASN:HB2	1:A:15:TYR:H	9	0.29
(1,178)	1:A:11:CYS:HB2	1:A:13:ASN:H	3	0.29
(1,1769)	1:A:149:ASN:H	1:A:150:GLN:H	6	0.29
(1,1719)	1:A:144:SER:HA	1:A:146:LEU:H	3	0.29
(1,1717)	1:A:144:SER:H	1:A:145:ASP:H	1	0.29
(1,1699)	1:A:143:LYS:H	1:A:144:SER:H	9	0.29
(1,1652)	1:A:140:LYS:HE2	1:A:141:SER:H	2	0.29
(1,161)	1:A:10:SER:HB2	1:A:12:LYS:H	5	0.29
(1,161)	1:A:10:SER:HB3	1:A:12:LYS:H	5	0.29
(1,1589)	1:A:135:SER:HA	1:A:140:LYS:HE2	5	0.29
(1,1421)	1:A:117:LEU:HA	1:A:120:SER:H	9	0.29
(1,1398)	1:A:115:ARG:HA	1:A:119:ALA:H	10	0.29
(1,1382)	1:A:114:VAL:HG21	1:A:116:ALA:H	6	0.29
(1,1382)	1:A:114:VAL:HG22	1:A:116:ALA:H	6	0.29
(1,1382)	1:A:114:VAL:HG23	1:A:116:ALA:H	6	0.29
(1,1204)	1:A:102:ALA:HB1	1:A:103:PRO:HG2	3	0.29

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,1204)	1:A:102:ALA:HB1	1:A:103:PRO:HG3	3	0.29
(1,1204)	1:A:102:ALA:HB2	1:A:103:PRO:HG2	3	0.29
(1,1204)	1:A:102:ALA:HB2	1:A:103:PRO:HG3	3	0.29
(1,1204)	1:A:102:ALA:HB3	1:A:103:PRO:HG2	3	0.29
(1,1204)	1:A:102:ALA:HB3	1:A:103:PRO:HG3	3	0.29
(1,1118)	1:A:94:PHE:HA	1:A:128:GLN:HB2	6	0.29
(1,1114)	1:A:94:PHE:H	1:A:129:VAL:H	9	0.29
(1,1092)	1:A:93:ILE:HG12	1:A:127:PHE:H	1	0.29
(1,1030)	1:A:87:SER:H	1:A:88:THR:H	7	0.29
(1,1016)	1:A:84:GLU:HA	1:A:85:GLY:H	4	0.29
(1,1016)	1:A:84:GLU:HA	1:A:85:GLY:H	6	0.29
(3,4)	1:A:8:ASP:N	1:A:38:ILE:O	3	0.28
(3,3)	1:A:8:ASP:H	1:A:38:ILE:O	2	0.28
(3,25)	1:A:68:ARG:H	1:A:97:TYR:O	7	0.28
(3,20)	1:A:29:PHE:O	1:A:69:TYR:N	4	0.28
(2,7)	1:A:15:TYR:H	1:A:43:VAL:HG11	8	0.28
(2,7)	1:A:15:TYR:H	1:A:43:VAL:HG12	8	0.28
(2,7)	1:A:15:TYR:H	1:A:43:VAL:HG13	8	0.28
(2,7)	1:A:15:TYR:H	1:A:43:VAL:HG21	8	0.28
(2,7)	1:A:15:TYR:H	1:A:43:VAL:HG22	8	0.28
(2,7)	1:A:15:TYR:H	1:A:43:VAL:HG23	8	0.28
(2,27)	1:A:78:VAL:HB	1:A:87:SER:HA	3	0.28
(1,947)	1:A:78:VAL:H	1:A:87:SER:H	10	0.28
(1,944)	1:A:78:VAL:H	1:A:79:GLN:H	5	0.28
(1,882)	1:A:75:GLU:HB2	1:A:89:LEU:H	10	0.28
(1,74)	1:A:7:VAL:HB	1:A:120:SER:HB2	7	0.28
(1,74)	1:A:7:VAL:HB	1:A:120:SER:HB3	7	0.28
(1,74)	1:A:7:VAL:HB	1:A:120:SER:HB2	7	0.28
(1,74)	1:A:7:VAL:HB	1:A:120:SER:HB3	7	0.28
(1,723)	1:A:56:GLU:HG2	1:A:57:MET:H	3	0.28
(1,723)	1:A:56:GLU:HG2	1:A:57:MET:H	8	0.28
(1,682)	1:A:54:VAL:HG21	1:A:57:MET:H	3	0.28
(1,682)	1:A:54:VAL:HG22	1:A:57:MET:H	3	0.28
(1,682)	1:A:54:VAL:HG23	1:A:57:MET:H	3	0.28
(1,677)	1:A:54:VAL:HB	1:A:58:LYS:H	5	0.28
(1,669)	1:A:54:VAL:HA	1:A:56:GLU:H	7	0.28
(1,669)	1:A:54:VAL:HA	1:A:56:GLU:H	10	0.28
(1,600)	1:A:49:PRO:HA	1:A:53:PHE:H	6	0.28
(1,593)	1:A:45:GLU:HB3	1:A:48:ALA:HB1	9	0.28
(1,593)	1:A:45:GLU:HB3	1:A:48:ALA:HB2	9	0.28
(1,593)	1:A:45:GLU:HB3	1:A:48:ALA:HB3	9	0.28
(1,579)	1:A:42:LYS:HG2	1:A:56:GLU:HB2	3	0.28

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,579)	1:A:42:LYS:HG2	1:A:56:GLU:HB3	3	0.28
(1,579)	1:A:42:LYS:HG3	1:A:56:GLU:HB2	3	0.28
(1,579)	1:A:42:LYS:HG3	1:A:56:GLU:HB3	3	0.28
(1,51)	1:A:6:LYS:HA	1:A:37:ALA:HA	6	0.28
(1,334)	1:A:19:HIS:H	1:A:21:LYS:H	2	0.28
(1,327)	1:A:18:LEU:HD21	1:A:73:ASP:HA	10	0.28
(1,327)	1:A:18:LEU:HD22	1:A:73:ASP:HA	10	0.28
(1,327)	1:A:18:LEU:HD23	1:A:73:ASP:HA	10	0.28
(1,321)	1:A:18:LEU:HD11	1:A:73:ASP:HA	7	0.28
(1,321)	1:A:18:LEU:HD12	1:A:73:ASP:HA	7	0.28
(1,321)	1:A:18:LEU:HD13	1:A:73:ASP:HA	7	0.28
(1,234)	1:A:14:ALA:H	1:A:43:VAL:HG11	7	0.28
(1,234)	1:A:14:ALA:H	1:A:43:VAL:HG12	7	0.28
(1,234)	1:A:14:ALA:H	1:A:43:VAL:HG13	7	0.28
(1,234)	1:A:14:ALA:H	1:A:43:VAL:HG21	7	0.28
(1,234)	1:A:14:ALA:H	1:A:43:VAL:HG22	7	0.28
(1,234)	1:A:14:ALA:H	1:A:43:VAL:HG23	7	0.28
(1,226)	1:A:13:ASN:HB2	1:A:14:ALA:H	6	0.28
(1,213)	1:A:12:LYS:HG3	1:A:14:ALA:H	2	0.28
(1,1803)	1:A:151:ARG:HG2	1:A:152:ILE:H	6	0.28
(1,1803)	1:A:151:ARG:HG3	1:A:152:ILE:H	6	0.28
(1,1790)	1:A:150:GLN:HB3	1:A:152:ILE:H	10	0.28
(1,1778)	1:A:149:ASN:HB2	1:A:151:ARG:HA	7	0.28
(1,1778)	1:A:149:ASN:HB3	1:A:151:ARG:HA	7	0.28
(1,1774)	1:A:149:ASN:HB3	1:A:152:ILE:HD11	8	0.28
(1,1774)	1:A:149:ASN:HB3	1:A:152:ILE:HD12	8	0.28
(1,1774)	1:A:149:ASN:HB3	1:A:152:ILE:HD13	8	0.28
(1,1757)	1:A:147:MET:HA	1:A:150:GLN:H	1	0.28
(1,1729)	1:A:145:ASP:H	1:A:146:LEU:H	4	0.28
(1,166)	1:A:11:CYS:H	1:A:121:LEU:HD11	1	0.28
(1,166)	1:A:11:CYS:H	1:A:121:LEU:HD12	1	0.28
(1,166)	1:A:11:CYS:H	1:A:121:LEU:HD13	1	0.28
(1,166)	1:A:11:CYS:H	1:A:121:LEU:HD21	1	0.28
(1,166)	1:A:11:CYS:H	1:A:121:LEU:HD22	1	0.28
(1,166)	1:A:11:CYS:H	1:A:121:LEU:HD23	1	0.28
(1,1630)	1:A:139:GLU:HB2	1:A:142:VAL:H	5	0.28
(1,1612)	1:A:137:LEU:HD11	1:A:139:GLU:HG2	2	0.28
(1,1612)	1:A:137:LEU:HD11	1:A:139:GLU:HG3	2	0.28
(1,1612)	1:A:137:LEU:HD12	1:A:139:GLU:HG2	2	0.28
(1,1612)	1:A:137:LEU:HD12	1:A:139:GLU:HG3	2	0.28
(1,1612)	1:A:137:LEU:HD13	1:A:139:GLU:HG2	2	0.28
(1,1612)	1:A:137:LEU:HD13	1:A:139:GLU:HG3	2	0.28

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,1612)	1:A:137:LEU:HD21	1:A:139:GLU:HG2	2	0.28
(1,1612)	1:A:137:LEU:HD21	1:A:139:GLU:HG3	2	0.28
(1,1612)	1:A:137:LEU:HD22	1:A:139:GLU:HG2	2	0.28
(1,1612)	1:A:137:LEU:HD22	1:A:139:GLU:HG3	2	0.28
(1,1612)	1:A:137:LEU:HD23	1:A:139:GLU:HG2	2	0.28
(1,1612)	1:A:137:LEU:HD23	1:A:139:GLU:HG3	2	0.28
(1,1550)	1:A:131:ALA:HA	1:A:136:ASP:HA	10	0.28
(1,1426)	1:A:117:LEU:HB2	1:A:119:ALA:H	6	0.28
(1,1293)	1:A:108:MET:HA	1:A:110:TYR:H	2	0.28
(1,1225)	1:A:104:VAL:HB	1:A:107:ARG:H	4	0.28
(1,1107)	1:A:93:ILE:HG21	1:A:146:LEU:HA	6	0.28
(1,1107)	1:A:93:ILE:HG22	1:A:146:LEU:HA	6	0.28
(1,1107)	1:A:93:ILE:HG23	1:A:146:LEU:HA	6	0.28
(1,1065)	1:A:91:LYS:HE3	1:A:150:GLN:H	5	0.28
(1,1030)	1:A:87:SER:H	1:A:88:THR:H	8	0.28
(2,6)	1:A:12:LYS:HG2	1:A:15:TYR:H	4	0.27
(2,39)	1:A:135:SER:HA	1:A:140:LYS:HE3	5	0.27
(2,34)	1:A:114:VAL:HA	1:A:117:LEU:HA	3	0.27
(1,953)	1:A:78:VAL:HB	1:A:87:SER:HB2	7	0.27
(1,953)	1:A:78:VAL:HB	1:A:87:SER:HB3	7	0.27
(1,944)	1:A:78:VAL:H	1:A:79:GLN:H	1	0.27
(1,938)	1:A:77:THR:HB	1:A:88:THR:HG21	9	0.27
(1,938)	1:A:77:THR:HB	1:A:88:THR:HG22	9	0.27
(1,938)	1:A:77:THR:HB	1:A:88:THR:HG23	9	0.27
(1,887)	1:A:75:GLU:HB3	1:A:89:LEU:H	8	0.27
(1,885)	1:A:75:GLU:HB3	1:A:88:THR:HB	4	0.27
(1,883)	1:A:75:GLU:HB3	1:A:76:VAL:H	5	0.27
(1,882)	1:A:75:GLU:HB2	1:A:89:LEU:H	4	0.27
(1,880)	1:A:75:GLU:HB2	1:A:88:THR:HB	10	0.27
(1,703)	1:A:55:GLU:HA	1:A:58:LYS:HG2	1	0.27
(1,703)	1:A:55:GLU:HA	1:A:58:LYS:HG3	1	0.27
(1,70)	1:A:7:VAL:HA	1:A:38:ILE:HG21	2	0.27
(1,70)	1:A:7:VAL:HA	1:A:38:ILE:HG22	2	0.27
(1,70)	1:A:7:VAL:HA	1:A:38:ILE:HG23	2	0.27
(1,70)	1:A:7:VAL:HA	1:A:38:ILE:HG21	3	0.27
(1,70)	1:A:7:VAL:HA	1:A:38:ILE:HG22	3	0.27
(1,70)	1:A:7:VAL:HA	1:A:38:ILE:HG23	3	0.27
(1,70)	1:A:7:VAL:HA	1:A:38:ILE:HG21	6	0.27
(1,70)	1:A:7:VAL:HA	1:A:38:ILE:HG22	6	0.27
(1,70)	1:A:7:VAL:HA	1:A:38:ILE:HG23	6	0.27
(1,689)	1:A:54:VAL:HG11	1:A:57:MET:H	3	0.27
(1,689)	1:A:54:VAL:HG12	1:A:57:MET:H	3	0.27

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,689)	1:A:54:VAL:HG13	1:A:57:MET:H	3	0.27
(1,689)	1:A:54:VAL:HG21	1:A:57:MET:H	3	0.27
(1,689)	1:A:54:VAL:HG22	1:A:57:MET:H	3	0.27
(1,689)	1:A:54:VAL:HG23	1:A:57:MET:H	3	0.27
(1,682)	1:A:54:VAL:HG21	1:A:57:MET:H	6	0.27
(1,682)	1:A:54:VAL:HG22	1:A:57:MET:H	6	0.27
(1,682)	1:A:54:VAL:HG23	1:A:57:MET:H	6	0.27
(1,676)	1:A:54:VAL:HB	1:A:57:MET:H	1	0.27
(1,657)	1:A:53:PHE:HA	1:A:57:MET:H	6	0.27
(1,654)	1:A:53:PHE:HA	1:A:55:GLU:H	10	0.27
(1,65)	1:A:7:VAL:HA	1:A:37:ALA:HA	3	0.27
(1,598)	1:A:49:PRO:HA	1:A:51:ALA:HB1	5	0.27
(1,598)	1:A:49:PRO:HA	1:A:51:ALA:HB2	5	0.27
(1,598)	1:A:49:PRO:HA	1:A:51:ALA:HB3	5	0.27
(1,453)	1:A:28:ILE:HG12	1:A:41:GLU:HB2	4	0.27
(1,453)	1:A:28:ILE:HG12	1:A:41:GLU:HB3	4	0.27
(1,453)	1:A:28:ILE:HG13	1:A:41:GLU:HB2	4	0.27
(1,453)	1:A:28:ILE:HG13	1:A:41:GLU:HB3	4	0.27
(1,429)	1:A:28:ILE:H	1:A:42:LYS:HG2	8	0.27
(1,429)	1:A:28:ILE:H	1:A:42:LYS:HG3	8	0.27
(1,366)	1:A:25:SER:H	1:A:73:ASP:H	1	0.27
(1,366)	1:A:25:SER:H	1:A:73:ASP:H	7	0.27
(1,34)	1:A:5:VAL:HB	1:A:7:VAL:HG11	4	0.27
(1,34)	1:A:5:VAL:HB	1:A:7:VAL:HG12	4	0.27
(1,34)	1:A:5:VAL:HB	1:A:7:VAL:HG13	4	0.27
(1,34)	1:A:5:VAL:HB	1:A:7:VAL:HG21	4	0.27
(1,34)	1:A:5:VAL:HB	1:A:7:VAL:HG22	4	0.27
(1,34)	1:A:5:VAL:HB	1:A:7:VAL:HG23	4	0.27
(1,302)	1:A:17:LEU:HD21	1:A:19:HIS:H	4	0.27
(1,302)	1:A:17:LEU:HD22	1:A:19:HIS:H	4	0.27
(1,302)	1:A:17:LEU:HD23	1:A:19:HIS:H	4	0.27
(1,283)	1:A:16:ASP:HB2	1:A:18:LEU:H	2	0.27
(1,283)	1:A:16:ASP:HB3	1:A:18:LEU:H	2	0.27
(1,283)	1:A:16:ASP:HB2	1:A:18:LEU:H	5	0.27
(1,283)	1:A:16:ASP:HB3	1:A:18:LEU:H	5	0.27
(1,255)	1:A:15:TYR:HA	1:A:19:HIS:H	10	0.27
(1,227)	1:A:13:ASN:HB2	1:A:15:TYR:H	1	0.27
(1,226)	1:A:13:ASN:HB2	1:A:14:ALA:H	9	0.27
(1,1780)	1:A:149:ASN:HB2	1:A:152:ILE:HD11	7	0.27
(1,1780)	1:A:149:ASN:HB2	1:A:152:ILE:HD12	7	0.27
(1,1780)	1:A:149:ASN:HB2	1:A:152:ILE:HD13	7	0.27
(1,1780)	1:A:149:ASN:HB3	1:A:152:ILE:HD11	7	0.27

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,1780)	1:A:149:ASN:HB3	1:A:152:ILE:HD12	7	0.27
(1,1780)	1:A:149:ASN:HB3	1:A:152:ILE:HD13	7	0.27
(1,1769)	1:A:149:ASN:H	1:A:150:GLN:H	10	0.27
(1,1747)	1:A:146:LEU:HB2	1:A:147:MET:H	3	0.27
(1,1747)	1:A:146:LEU:HB3	1:A:147:MET:H	3	0.27
(1,1702)	1:A:143:LYS:HA	1:A:146:LEU:H	6	0.27
(1,1700)	1:A:143:LYS:H	1:A:145:ASP:H	3	0.27
(1,166)	1:A:11:CYS:H	1:A:121:LEU:HD11	7	0.27
(1,166)	1:A:11:CYS:H	1:A:121:LEU:HD12	7	0.27
(1,166)	1:A:11:CYS:H	1:A:121:LEU:HD13	7	0.27
(1,166)	1:A:11:CYS:H	1:A:121:LEU:HD21	7	0.27
(1,166)	1:A:11:CYS:H	1:A:121:LEU:HD22	7	0.27
(1,166)	1:A:11:CYS:H	1:A:121:LEU:HD23	7	0.27
(1,1652)	1:A:140:LYS:HE2	1:A:141:SER:H	10	0.27
(1,1612)	1:A:137:LEU:HD11	1:A:139:GLU:HG2	6	0.27
(1,1612)	1:A:137:LEU:HD11	1:A:139:GLU:HG3	6	0.27
(1,1612)	1:A:137:LEU:HD12	1:A:139:GLU:HG2	6	0.27
(1,1612)	1:A:137:LEU:HD12	1:A:139:GLU:HG3	6	0.27
(1,1612)	1:A:137:LEU:HD13	1:A:139:GLU:HG2	6	0.27
(1,1612)	1:A:137:LEU:HD13	1:A:139:GLU:HG3	6	0.27
(1,1612)	1:A:137:LEU:HD21	1:A:139:GLU:HG2	6	0.27
(1,1612)	1:A:137:LEU:HD21	1:A:139:GLU:HG3	6	0.27
(1,1612)	1:A:137:LEU:HD22	1:A:139:GLU:HG2	6	0.27
(1,1612)	1:A:137:LEU:HD22	1:A:139:GLU:HG3	6	0.27
(1,1612)	1:A:137:LEU:HD23	1:A:139:GLU:HG2	6	0.27
(1,1612)	1:A:137:LEU:HD23	1:A:139:GLU:HG3	6	0.27
(1,1597)	1:A:136:ASP:H	1:A:138:ASP:H	3	0.27
(1,1597)	1:A:136:ASP:H	1:A:138:ASP:H	10	0.27
(1,156)	1:A:10:SER:HB2	1:A:13:ASN:H	7	0.27
(1,1449)	1:A:118:LYS:HG2	1:A:128:GLN:HB2	2	0.27
(1,1449)	1:A:118:LYS:HG2	1:A:128:GLN:HB3	2	0.27
(1,1449)	1:A:118:LYS:HG3	1:A:128:GLN:HB2	2	0.27
(1,1449)	1:A:118:LYS:HG3	1:A:128:GLN:HB3	2	0.27
(1,1445)	1:A:118:LYS:HG2	1:A:128:GLN:HB2	7	0.27
(1,1445)	1:A:118:LYS:HG2	1:A:128:GLN:HB3	7	0.27
(1,1429)	1:A:117:LEU:HB3	1:A:119:ALA:H	6	0.27
(1,1366)	1:A:113:SER:HB3	1:A:116:ALA:H	7	0.27
(1,1364)	1:A:113:SER:HB2	1:A:116:ALA:H	6	0.27
(1,1316)	1:A:109:LEU:HA	1:A:113:SER:H	10	0.27
(1,129)	1:A:8:ASP:HB3	1:A:39:VAL:HB	4	0.27
(1,1236)	1:A:104:VAL:HG21	1:A:108:MET:HB2	1	0.27
(1,1236)	1:A:104:VAL:HG22	1:A:108:MET:HB2	1	0.27

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,1236)	1:A:104:VAL:HG23	1:A:108:MET:HB2	1	0.27
(1,1236)	1:A:104:VAL:HG21	1:A:108:MET:HB3	1	0.27
(1,1236)	1:A:104:VAL:HG22	1:A:108:MET:HB3	1	0.27
(1,1236)	1:A:104:VAL:HG23	1:A:108:MET:HB3	1	0.27
(1,1218)	1:A:104:VAL:HA	1:A:106:ARG:H	8	0.27
(1,1186)	1:A:99:PRO:HG2	1:A:132:SER:HA	7	0.27
(1,116)	1:A:8:ASP:H	1:A:39:VAL:HA	4	0.27
(1,1099)	1:A:93:ILE:HD11	1:A:142:VAL:HA	3	0.27
(1,1099)	1:A:93:ILE:HD12	1:A:142:VAL:HA	3	0.27
(1,1099)	1:A:93:ILE:HD13	1:A:142:VAL:HA	3	0.27
(3,8)	1:A:13:ASN:O	1:A:17:LEU:N	2	0.26
(3,10)	1:A:26:TYR:N	1:A:44:GLY:O	9	0.26
(2,27)	1:A:78:VAL:HB	1:A:87:SER:HA	1	0.26
(2,26)	1:A:77:THR:HB	1:A:78:VAL:HG11	6	0.26
(2,26)	1:A:77:THR:HB	1:A:78:VAL:HG12	6	0.26
(2,26)	1:A:77:THR:HB	1:A:78:VAL:HG13	6	0.26
(2,19)	1:A:53:PHE:HA	1:A:72:VAL:HG11	1	0.26
(2,19)	1:A:53:PHE:HA	1:A:72:VAL:HG12	1	0.26
(2,19)	1:A:53:PHE:HA	1:A:72:VAL:HG13	1	0.26
(2,19)	1:A:53:PHE:HA	1:A:72:VAL:HG21	1	0.26
(2,19)	1:A:53:PHE:HA	1:A:72:VAL:HG22	1	0.26
(2,19)	1:A:53:PHE:HA	1:A:72:VAL:HG23	1	0.26
(1,944)	1:A:78:VAL:H	1:A:79:GLN:H	4	0.26
(1,869)	1:A:75:GLU:H	1:A:146:LEU:HD11	1	0.26
(1,869)	1:A:75:GLU:H	1:A:146:LEU:HD12	1	0.26
(1,869)	1:A:75:GLU:H	1:A:146:LEU:HD13	1	0.26
(1,869)	1:A:75:GLU:H	1:A:146:LEU:HD21	1	0.26
(1,869)	1:A:75:GLU:H	1:A:146:LEU:HD22	1	0.26
(1,869)	1:A:75:GLU:H	1:A:146:LEU:HD23	1	0.26
(1,858)	1:A:74:VAL:H	1:A:74:VAL:HB	9	0.26
(1,769)	1:A:60:LEU:H	1:A:60:LEU:HG	8	0.26
(1,742)	1:A:58:LYS:H	1:A:58:LYS:HE2	5	0.26
(1,742)	1:A:58:LYS:H	1:A:58:LYS:HE3	5	0.26
(1,74)	1:A:7:VAL:HB	1:A:120:SER:HB2	5	0.26
(1,74)	1:A:7:VAL:HB	1:A:120:SER:HB3	5	0.26
(1,74)	1:A:7:VAL:HB	1:A:120:SER:HB2	5	0.26
(1,74)	1:A:7:VAL:HB	1:A:120:SER:HB3	5	0.26
(1,725)	1:A:56:GLU:HG3	1:A:57:MET:H	6	0.26
(1,692)	1:A:54:VAL:HG11	1:A:58:LYS:HE2	1	0.26
(1,692)	1:A:54:VAL:HG11	1:A:58:LYS:HE3	1	0.26
(1,692)	1:A:54:VAL:HG12	1:A:58:LYS:HE2	1	0.26
(1,692)	1:A:54:VAL:HG12	1:A:58:LYS:HE3	1	0.26

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,692)	1:A:54:VAL:HG13	1:A:58:LYS:HE2	1	0.26
(1,692)	1:A:54:VAL:HG13	1:A:58:LYS:HE3	1	0.26
(1,692)	1:A:54:VAL:HG21	1:A:58:LYS:HE2	1	0.26
(1,692)	1:A:54:VAL:HG21	1:A:58:LYS:HE3	1	0.26
(1,692)	1:A:54:VAL:HG22	1:A:58:LYS:HE2	1	0.26
(1,692)	1:A:54:VAL:HG22	1:A:58:LYS:HE3	1	0.26
(1,692)	1:A:54:VAL:HG23	1:A:58:LYS:HE2	1	0.26
(1,692)	1:A:54:VAL:HG23	1:A:58:LYS:HE3	1	0.26
(1,683)	1:A:54:VAL:HG21	1:A:58:LYS:H	5	0.26
(1,683)	1:A:54:VAL:HG22	1:A:58:LYS:H	5	0.26
(1,683)	1:A:54:VAL:HG23	1:A:58:LYS:H	5	0.26
(1,664)	1:A:53:PHE:HB2	1:A:57:MET:H	7	0.26
(1,664)	1:A:53:PHE:HB3	1:A:57:MET:H	7	0.26
(1,610)	1:A:49:PRO:HG2	1:A:51:ALA:HB1	3	0.26
(1,610)	1:A:49:PRO:HG2	1:A:51:ALA:HB2	3	0.26
(1,610)	1:A:49:PRO:HG2	1:A:51:ALA:HB3	3	0.26
(1,610)	1:A:49:PRO:HG3	1:A:51:ALA:HB1	3	0.26
(1,610)	1:A:49:PRO:HG3	1:A:51:ALA:HB2	3	0.26
(1,610)	1:A:49:PRO:HG3	1:A:51:ALA:HB3	3	0.26
(1,597)	1:A:49:PRO:HA	1:A:51:ALA:H	5	0.26
(1,589)	1:A:45:GLU:HA	1:A:48:ALA:HB1	4	0.26
(1,589)	1:A:45:GLU:HA	1:A:48:ALA:HB2	4	0.26
(1,589)	1:A:45:GLU:HA	1:A:48:ALA:HB3	4	0.26
(1,496)	1:A:31:ILE:HG13	1:A:109:LEU:HD11	2	0.26
(1,496)	1:A:31:ILE:HG13	1:A:109:LEU:HD12	2	0.26
(1,496)	1:A:31:ILE:HG13	1:A:109:LEU:HD13	2	0.26
(1,496)	1:A:31:ILE:HG13	1:A:109:LEU:HD21	2	0.26
(1,496)	1:A:31:ILE:HG13	1:A:109:LEU:HD22	2	0.26
(1,496)	1:A:31:ILE:HG13	1:A:109:LEU:HD23	2	0.26
(1,450)	1:A:28:ILE:HD11	1:A:70:ALA:HA	4	0.26
(1,450)	1:A:28:ILE:HD12	1:A:70:ALA:HA	4	0.26
(1,450)	1:A:28:ILE:HD13	1:A:70:ALA:HA	4	0.26
(1,400)	1:A:27:ILE:HA	1:A:71:ALA:HB1	8	0.26
(1,400)	1:A:27:ILE:HA	1:A:71:ALA:HB2	8	0.26
(1,400)	1:A:27:ILE:HA	1:A:71:ALA:HB3	8	0.26
(1,296)	1:A:17:LEU:HA	1:A:23:GLN:HB2	9	0.26
(1,296)	1:A:17:LEU:HA	1:A:23:GLN:HB3	9	0.26
(1,281)	1:A:16:ASP:HB3	1:A:19:HIS:H	1	0.26
(1,272)	1:A:16:ASP:HA	1:A:18:LEU:H	6	0.26
(1,264)	1:A:15:TYR:HB3	1:A:27:ILE:HD11	8	0.26
(1,264)	1:A:15:TYR:HB3	1:A:27:ILE:HD12	8	0.26
(1,264)	1:A:15:TYR:HB3	1:A:27:ILE:HD13	8	0.26

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,243)	1:A:14:ALA:HB1	1:A:27:ILE:HB	2	0.26
(1,243)	1:A:14:ALA:HB2	1:A:27:ILE:HB	2	0.26
(1,243)	1:A:14:ALA:HB3	1:A:27:ILE:HB	2	0.26
(1,216)	1:A:12:LYS:HB2	1:A:40:VAL:HG11	3	0.26
(1,216)	1:A:12:LYS:HB2	1:A:40:VAL:HG12	3	0.26
(1,216)	1:A:12:LYS:HB2	1:A:40:VAL:HG13	3	0.26
(1,216)	1:A:12:LYS:HB2	1:A:40:VAL:HG21	3	0.26
(1,216)	1:A:12:LYS:HB2	1:A:40:VAL:HG22	3	0.26
(1,216)	1:A:12:LYS:HB2	1:A:40:VAL:HG23	3	0.26
(1,216)	1:A:12:LYS:HB3	1:A:40:VAL:HG11	3	0.26
(1,216)	1:A:12:LYS:HB3	1:A:40:VAL:HG12	3	0.26
(1,216)	1:A:12:LYS:HB3	1:A:40:VAL:HG13	3	0.26
(1,216)	1:A:12:LYS:HB3	1:A:40:VAL:HG21	3	0.26
(1,216)	1:A:12:LYS:HB3	1:A:40:VAL:HG22	3	0.26
(1,216)	1:A:12:LYS:HB3	1:A:40:VAL:HG23	3	0.26
(1,178)	1:A:11:CYS:HB2	1:A:13:ASN:H	9	0.26
(1,1717)	1:A:144:SER:H	1:A:145:ASP:H	10	0.26
(1,1700)	1:A:143:LYS:H	1:A:145:ASP:H	7	0.26
(1,1699)	1:A:143:LYS:H	1:A:144:SER:H	8	0.26
(1,1597)	1:A:136:ASP:H	1:A:138:ASP:H	1	0.26
(1,1597)	1:A:136:ASP:H	1:A:138:ASP:H	6	0.26
(1,155)	1:A:10:SER:HB2	1:A:12:LYS:H	10	0.26
(1,1449)	1:A:118:LYS:HG2	1:A:128:GLN:HB2	8	0.26
(1,1449)	1:A:118:LYS:HG2	1:A:128:GLN:HB3	8	0.26
(1,1449)	1:A:118:LYS:HG3	1:A:128:GLN:HB2	8	0.26
(1,1449)	1:A:118:LYS:HG3	1:A:128:GLN:HB3	8	0.26
(1,1414)	1:A:116:ALA:HB1	1:A:120:SER:H	5	0.26
(1,1414)	1:A:116:ALA:HB2	1:A:120:SER:H	5	0.26
(1,1414)	1:A:116:ALA:HB3	1:A:120:SER:H	5	0.26
(1,1402)	1:A:115:ARG:HB2	1:A:118:LYS:H	5	0.26
(1,1402)	1:A:115:ARG:HB3	1:A:118:LYS:H	5	0.26
(1,1382)	1:A:114:VAL:HG21	1:A:116:ALA:H	1	0.26
(1,1382)	1:A:114:VAL:HG22	1:A:116:ALA:H	1	0.26
(1,1382)	1:A:114:VAL:HG23	1:A:116:ALA:H	1	0.26
(1,1382)	1:A:114:VAL:HG21	1:A:116:ALA:H	2	0.26
(1,1382)	1:A:114:VAL:HG22	1:A:116:ALA:H	2	0.26
(1,1382)	1:A:114:VAL:HG23	1:A:116:ALA:H	2	0.26
(1,1364)	1:A:113:SER:HB2	1:A:116:ALA:H	2	0.26
(1,1316)	1:A:109:LEU:HA	1:A:113:SER:H	2	0.26
(1,1313)	1:A:109:LEU:HA	1:A:111:ALA:H	8	0.26
(1,1234)	1:A:104:VAL:HG21	1:A:107:ARG:H	5	0.26
(1,1234)	1:A:104:VAL:HG22	1:A:107:ARG:H	5	0.26

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,1234)	1:A:104:VAL:HG23	1:A:107:ARG:H	5	0.26
(1,116)	1:A:8:ASP:H	1:A:39:VAL:HA	2	0.26
(1,1086)	1:A:93:ILE:HB	1:A:127:PHE:H	6	0.26
(1,1083)	1:A:93:ILE:HA	1:A:127:PHE:HB2	10	0.26
(1,1083)	1:A:93:ILE:HA	1:A:127:PHE:HB3	10	0.26
(1,1083)	1:A:93:ILE:HA	1:A:127:PHE:HB2	10	0.26
(1,1083)	1:A:93:ILE:HA	1:A:127:PHE:HB3	10	0.26
(1,108)	1:A:7:VAL:HG11	1:A:38:ILE:HB	2	0.26
(1,108)	1:A:7:VAL:HG12	1:A:38:ILE:HB	2	0.26
(1,108)	1:A:7:VAL:HG13	1:A:38:ILE:HB	2	0.26
(1,108)	1:A:7:VAL:HG21	1:A:38:ILE:HB	2	0.26
(1,108)	1:A:7:VAL:HG22	1:A:38:ILE:HB	2	0.26
(1,108)	1:A:7:VAL:HG23	1:A:38:ILE:HB	2	0.26
(1,107)	1:A:7:VAL:HG11	1:A:38:ILE:H	9	0.26
(1,107)	1:A:7:VAL:HG12	1:A:38:ILE:H	9	0.26
(1,107)	1:A:7:VAL:HG13	1:A:38:ILE:H	9	0.26
(1,107)	1:A:7:VAL:HG21	1:A:38:ILE:H	9	0.26
(1,107)	1:A:7:VAL:HG22	1:A:38:ILE:H	9	0.26
(1,107)	1:A:7:VAL:HG23	1:A:38:ILE:H	9	0.26
(3,7)	1:A:13:ASN:O	1:A:17:LEU:H	9	0.25
(3,60)	1:A:143:LYS:O	1:A:147:MET:N	3	0.25
(2,6)	1:A:12:LYS:HG2	1:A:15:TYR:H	2	0.25
(2,27)	1:A:78:VAL:HB	1:A:87:SER:HA	10	0.25
(1,962)	1:A:78:VAL:HG11	1:A:87:SER:HB2	6	0.25
(1,962)	1:A:78:VAL:HG11	1:A:87:SER:HB3	6	0.25
(1,962)	1:A:78:VAL:HG12	1:A:87:SER:HB2	6	0.25
(1,962)	1:A:78:VAL:HG12	1:A:87:SER:HB3	6	0.25
(1,962)	1:A:78:VAL:HG13	1:A:87:SER:HB2	6	0.25
(1,962)	1:A:78:VAL:HG13	1:A:87:SER:HB3	6	0.25
(1,962)	1:A:78:VAL:HG21	1:A:87:SER:HB2	6	0.25
(1,962)	1:A:78:VAL:HG21	1:A:87:SER:HB3	6	0.25
(1,962)	1:A:78:VAL:HG22	1:A:87:SER:HB2	6	0.25
(1,962)	1:A:78:VAL:HG22	1:A:87:SER:HB3	6	0.25
(1,962)	1:A:78:VAL:HG23	1:A:87:SER:HB2	6	0.25
(1,962)	1:A:78:VAL:HG23	1:A:87:SER:HB3	6	0.25
(1,960)	1:A:78:VAL:HG21	1:A:87:SER:HB2	8	0.25
(1,960)	1:A:78:VAL:HG22	1:A:87:SER:HB2	8	0.25
(1,960)	1:A:78:VAL:HG23	1:A:87:SER:HB2	8	0.25
(1,960)	1:A:78:VAL:HG21	1:A:87:SER:HB3	8	0.25
(1,960)	1:A:78:VAL:HG22	1:A:87:SER:HB3	8	0.25
(1,960)	1:A:78:VAL:HG23	1:A:87:SER:HB3	8	0.25
(1,948)	1:A:78:VAL:HA	1:A:79:GLN:H	1	0.25

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,948)	1:A:78:VAL:HA	1:A:79:GLN:H	10	0.25
(1,944)	1:A:78:VAL:H	1:A:79:GLN:H	3	0.25
(1,944)	1:A:78:VAL:H	1:A:79:GLN:H	7	0.25
(1,944)	1:A:78:VAL:H	1:A:79:GLN:H	10	0.25
(1,930)	1:A:77:THR:HA	1:A:78:VAL:HB	1	0.25
(1,851)	1:A:73:ASP:HA	1:A:91:LYS:H	1	0.25
(1,73)	1:A:7:VAL:HB	1:A:120:SER:HA	4	0.25
(1,682)	1:A:54:VAL:HG21	1:A:57:MET:H	7	0.25
(1,682)	1:A:54:VAL:HG22	1:A:57:MET:H	7	0.25
(1,682)	1:A:54:VAL:HG23	1:A:57:MET:H	7	0.25
(1,675)	1:A:54:VAL:HB	1:A:56:GLU:H	4	0.25
(1,629)	1:A:51:ALA:HA	1:A:54:VAL:HA	8	0.25
(1,5)	1:A:1:MET:HA	1:A:114:VAL:HG11	5	0.25
(1,5)	1:A:1:MET:HA	1:A:114:VAL:HG12	5	0.25
(1,5)	1:A:1:MET:HA	1:A:114:VAL:HG13	5	0.25
(1,5)	1:A:1:MET:HA	1:A:114:VAL:HG21	5	0.25
(1,5)	1:A:1:MET:HA	1:A:114:VAL:HG22	5	0.25
(1,5)	1:A:1:MET:HA	1:A:114:VAL:HG23	5	0.25
(1,426)	1:A:28:ILE:H	1:A:42:LYS:HA	4	0.25
(1,404)	1:A:27:ILE:HB	1:A:71:ALA:HB1	1	0.25
(1,404)	1:A:27:ILE:HB	1:A:71:ALA:HB2	1	0.25
(1,404)	1:A:27:ILE:HB	1:A:71:ALA:HB3	1	0.25
(1,4)	1:A:1:MET:HA	1:A:114:VAL:HB	4	0.25
(1,351)	1:A:21:LYS:HE2	1:A:22:HIS:H	2	0.25
(1,351)	1:A:21:LYS:HE3	1:A:22:HIS:H	2	0.25
(1,331)	1:A:18:LEU:HD11	1:A:92:VAL:HA	1	0.25
(1,331)	1:A:18:LEU:HD12	1:A:92:VAL:HA	1	0.25
(1,331)	1:A:18:LEU:HD13	1:A:92:VAL:HA	1	0.25
(1,331)	1:A:18:LEU:HD21	1:A:92:VAL:HA	1	0.25
(1,331)	1:A:18:LEU:HD22	1:A:92:VAL:HA	1	0.25
(1,331)	1:A:18:LEU:HD23	1:A:92:VAL:HA	1	0.25
(1,292)	1:A:17:LEU:HA	1:A:21:LYS:H	2	0.25
(1,1769)	1:A:149:ASN:H	1:A:150:GLN:H	2	0.25
(1,1730)	1:A:145:ASP:H	1:A:147:MET:H	8	0.25
(1,1729)	1:A:145:ASP:H	1:A:146:LEU:H	1	0.25
(1,1723)	1:A:144:SER:HB2	1:A:146:LEU:H	6	0.25
(1,1717)	1:A:144:SER:H	1:A:145:ASP:H	5	0.25
(1,1717)	1:A:144:SER:H	1:A:145:ASP:H	6	0.25
(1,1699)	1:A:143:LYS:H	1:A:144:SER:H	6	0.25
(1,1659)	1:A:140:LYS:HB2	1:A:143:LYS:H	3	0.25
(1,1659)	1:A:140:LYS:HB3	1:A:143:LYS:H	3	0.25
(1,1659)	1:A:140:LYS:HB2	1:A:143:LYS:H	6	0.25

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,1659)	1:A:140:LYS:HB3	1:A:143:LYS:H	6	0.25
(1,162)	1:A:10:SER:HB2	1:A:13:ASN:H	1	0.25
(1,162)	1:A:10:SER:HB3	1:A:13:ASN:H	1	0.25
(1,162)	1:A:10:SER:HB2	1:A:13:ASN:H	9	0.25
(1,162)	1:A:10:SER:HB3	1:A:13:ASN:H	9	0.25
(1,161)	1:A:10:SER:HB2	1:A:12:LYS:H	6	0.25
(1,161)	1:A:10:SER:HB3	1:A:12:LYS:H	6	0.25
(1,159)	1:A:10:SER:HB3	1:A:13:ASN:H	5	0.25
(1,1552)	1:A:131:ALA:HB1	1:A:136:ASP:HA	6	0.25
(1,1552)	1:A:131:ALA:HB2	1:A:136:ASP:HA	6	0.25
(1,1552)	1:A:131:ALA:HB3	1:A:136:ASP:HA	6	0.25
(1,1549)	1:A:131:ALA:H	1:A:136:ASP:HB2	1	0.25
(1,1549)	1:A:131:ALA:H	1:A:136:ASP:HB3	1	0.25
(1,153)	1:A:10:SER:HA	1:A:40:VAL:HG11	8	0.25
(1,153)	1:A:10:SER:HA	1:A:40:VAL:HG12	8	0.25
(1,153)	1:A:10:SER:HA	1:A:40:VAL:HG13	8	0.25
(1,153)	1:A:10:SER:HA	1:A:40:VAL:HG21	8	0.25
(1,153)	1:A:10:SER:HA	1:A:40:VAL:HG22	8	0.25
(1,153)	1:A:10:SER:HA	1:A:40:VAL:HG23	8	0.25
(1,1441)	1:A:118:LYS:HE2	1:A:119:ALA:H	10	0.25
(1,1426)	1:A:117:LEU:HB2	1:A:119:ALA:H	8	0.25
(1,1288)	1:A:107:ARG:HG2	1:A:109:LEU:H	1	0.25
(1,1288)	1:A:107:ARG:HG3	1:A:109:LEU:H	1	0.25
(1,1285)	1:A:107:ARG:HD2	1:A:108:MET:H	2	0.25
(1,1285)	1:A:107:ARG:HD3	1:A:108:MET:H	2	0.25
(1,1285)	1:A:107:ARG:HD2	1:A:108:MET:H	2	0.25
(1,1285)	1:A:107:ARG:HD3	1:A:108:MET:H	2	0.25
(1,1241)	1:A:104:VAL:HG11	1:A:107:ARG:HB2	3	0.25
(1,1241)	1:A:104:VAL:HG11	1:A:107:ARG:HB3	3	0.25
(1,1241)	1:A:104:VAL:HG12	1:A:107:ARG:HB2	3	0.25
(1,1241)	1:A:104:VAL:HG12	1:A:107:ARG:HB3	3	0.25
(1,1241)	1:A:104:VAL:HG13	1:A:107:ARG:HB2	3	0.25
(1,1241)	1:A:104:VAL:HG13	1:A:107:ARG:HB3	3	0.25
(1,1241)	1:A:104:VAL:HG21	1:A:107:ARG:HB2	3	0.25
(1,1241)	1:A:104:VAL:HG21	1:A:107:ARG:HB3	3	0.25
(1,1241)	1:A:104:VAL:HG22	1:A:107:ARG:HB2	3	0.25
(1,1241)	1:A:104:VAL:HG22	1:A:107:ARG:HB3	3	0.25
(1,1241)	1:A:104:VAL:HG23	1:A:107:ARG:HB2	3	0.25
(1,1241)	1:A:104:VAL:HG23	1:A:107:ARG:HB3	3	0.25
(1,1205)	1:A:102:ALA:HB1	1:A:106:ARG:HD2	7	0.25
(1,1205)	1:A:102:ALA:HB1	1:A:106:ARG:HD3	7	0.25
(1,1205)	1:A:102:ALA:HB2	1:A:106:ARG:HD2	7	0.25

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,1205)	1:A:102:ALA:HB2	1:A:106:ARG:HD3	7	0.25
(1,1205)	1:A:102:ALA:HB3	1:A:106:ARG:HD2	7	0.25
(1,1205)	1:A:102:ALA:HB3	1:A:106:ARG:HD3	7	0.25
(1,1189)	1:A:99:PRO:HG3	1:A:102:ALA:HA	10	0.25
(1,1186)	1:A:99:PRO:HG2	1:A:132:SER:HA	2	0.25
(1,1027)	1:A:86:THR:HB	1:A:87:SER:H	10	0.25
(1,1015)	1:A:84:GLU:H	1:A:85:GLY:H	2	0.25
(3,4)	1:A:8:ASP:N	1:A:38:ILE:O	4	0.24
(2,3)	1:A:5:VAL:HB	1:A:117:LEU:HG	8	0.24
(2,19)	1:A:53:PHE:HA	1:A:72:VAL:HG11	6	0.24
(2,19)	1:A:53:PHE:HA	1:A:72:VAL:HG12	6	0.24
(2,19)	1:A:53:PHE:HA	1:A:72:VAL:HG13	6	0.24
(2,19)	1:A:53:PHE:HA	1:A:72:VAL:HG21	6	0.24
(2,19)	1:A:53:PHE:HA	1:A:72:VAL:HG22	6	0.24
(2,19)	1:A:53:PHE:HA	1:A:72:VAL:HG23	6	0.24
(1,994)	1:A:80:ARG:HG2	1:A:86:THR:HA	8	0.24
(1,994)	1:A:80:ARG:HG3	1:A:86:THR:HA	8	0.24
(1,948)	1:A:78:VAL:HA	1:A:79:GLN:H	6	0.24
(1,882)	1:A:75:GLU:HB2	1:A:89:LEU:H	3	0.24
(1,83)	1:A:7:VAL:HG11	1:A:120:SER:HA	10	0.24
(1,83)	1:A:7:VAL:HG12	1:A:120:SER:HA	10	0.24
(1,83)	1:A:7:VAL:HG13	1:A:120:SER:HA	10	0.24
(1,749)	1:A:58:LYS:HA	1:A:62:GLU:H	7	0.24
(1,74)	1:A:7:VAL:HB	1:A:120:SER:HB2	2	0.24
(1,74)	1:A:7:VAL:HB	1:A:120:SER:HB3	2	0.24
(1,74)	1:A:7:VAL:HB	1:A:120:SER:HB2	2	0.24
(1,74)	1:A:7:VAL:HB	1:A:120:SER:HB3	2	0.24
(1,725)	1:A:56:GLU:HG3	1:A:57:MET:H	9	0.24
(1,724)	1:A:56:GLU:HG2	1:A:58:LYS:H	9	0.24
(1,708)	1:A:55:GLU:HB2	1:A:57:MET:H	2	0.24
(1,699)	1:A:55:GLU:HA	1:A:58:LYS:HD2	1	0.24
(1,699)	1:A:55:GLU:HA	1:A:58:LYS:HD3	1	0.24
(1,684)	1:A:54:VAL:HG11	1:A:138:ASP:H	7	0.24
(1,684)	1:A:54:VAL:HG12	1:A:138:ASP:H	7	0.24
(1,684)	1:A:54:VAL:HG13	1:A:138:ASP:H	7	0.24
(1,684)	1:A:54:VAL:HG21	1:A:138:ASP:H	7	0.24
(1,684)	1:A:54:VAL:HG22	1:A:138:ASP:H	7	0.24
(1,684)	1:A:54:VAL:HG23	1:A:138:ASP:H	7	0.24
(1,675)	1:A:54:VAL:HB	1:A:56:GLU:H	6	0.24
(1,655)	1:A:53:PHE:HA	1:A:56:GLU:H	1	0.24
(1,654)	1:A:53:PHE:HA	1:A:55:GLU:H	9	0.24
(1,644)	1:A:52:GLU:HA	1:A:55:GLU:H	4	0.24

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,629)	1:A:51:ALA:HA	1:A:54:VAL:HA	10	0.24
(1,616)	1:A:50:TYR:HA	1:A:52:GLU:H	7	0.24
(1,607)	1:A:49:PRO:HG2	1:A:51:ALA:HB1	9	0.24
(1,607)	1:A:49:PRO:HG2	1:A:51:ALA:HB2	9	0.24
(1,607)	1:A:49:PRO:HG2	1:A:51:ALA:HB3	9	0.24
(1,607)	1:A:49:PRO:HG3	1:A:51:ALA:HB1	9	0.24
(1,607)	1:A:49:PRO:HG3	1:A:51:ALA:HB2	9	0.24
(1,607)	1:A:49:PRO:HG3	1:A:51:ALA:HB3	9	0.24
(1,533)	1:A:35:ASP:H	1:A:37:ALA:HB1	4	0.24
(1,533)	1:A:35:ASP:H	1:A:37:ALA:HB2	4	0.24
(1,533)	1:A:35:ASP:H	1:A:37:ALA:HB3	4	0.24
(1,531)	1:A:34:ASN:H	1:A:36:THR:HG21	10	0.24
(1,531)	1:A:34:ASN:H	1:A:36:THR:HG22	10	0.24
(1,531)	1:A:34:ASN:H	1:A:36:THR:HG23	10	0.24
(1,480)	1:A:30:LYS:HB2	1:A:41:GLU:HA	3	0.24
(1,480)	1:A:30:LYS:HB3	1:A:41:GLU:HA	3	0.24
(1,452)	1:A:28:ILE:HD11	1:A:71:ALA:H	3	0.24
(1,452)	1:A:28:ILE:HD12	1:A:71:ALA:H	3	0.24
(1,452)	1:A:28:ILE:HD13	1:A:71:ALA:H	3	0.24
(1,4)	1:A:1:MET:HA	1:A:114:VAL:HB	8	0.24
(1,366)	1:A:25:SER:H	1:A:73:ASP:H	9	0.24
(1,302)	1:A:17:LEU:HD21	1:A:19:HIS:H	10	0.24
(1,302)	1:A:17:LEU:HD22	1:A:19:HIS:H	10	0.24
(1,302)	1:A:17:LEU:HD23	1:A:19:HIS:H	10	0.24
(1,291)	1:A:17:LEU:HA	1:A:20:ASN:H	10	0.24
(1,280)	1:A:16:ASP:HB3	1:A:18:LEU:H	3	0.24
(1,265)	1:A:15:TYR:HB2	1:A:121:LEU:HD11	4	0.24
(1,265)	1:A:15:TYR:HB2	1:A:121:LEU:HD12	4	0.24
(1,265)	1:A:15:TYR:HB2	1:A:121:LEU:HD13	4	0.24
(1,265)	1:A:15:TYR:HB2	1:A:121:LEU:HD21	4	0.24
(1,265)	1:A:15:TYR:HB2	1:A:121:LEU:HD22	4	0.24
(1,265)	1:A:15:TYR:HB2	1:A:121:LEU:HD23	4	0.24
(1,265)	1:A:15:TYR:HB3	1:A:121:LEU:HD11	4	0.24
(1,265)	1:A:15:TYR:HB3	1:A:121:LEU:HD12	4	0.24
(1,265)	1:A:15:TYR:HB3	1:A:121:LEU:HD13	4	0.24
(1,265)	1:A:15:TYR:HB3	1:A:121:LEU:HD21	4	0.24
(1,265)	1:A:15:TYR:HB3	1:A:121:LEU:HD22	4	0.24
(1,265)	1:A:15:TYR:HB3	1:A:121:LEU:HD23	4	0.24
(1,227)	1:A:13:ASN:HB2	1:A:15:TYR:H	3	0.24
(1,1747)	1:A:146:LEU:HB2	1:A:147:MET:H	5	0.24
(1,1747)	1:A:146:LEU:HB3	1:A:147:MET:H	5	0.24
(1,1725)	1:A:144:SER:HB3	1:A:145:ASP:H	1	0.24

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,1712)	1:A:143:LYS:HB3	1:A:147:MET:H	10	0.24
(1,1699)	1:A:143:LYS:H	1:A:144:SER:H	1	0.24
(1,1699)	1:A:143:LYS:H	1:A:144:SER:H	10	0.24
(1,1669)	1:A:141:SER:HB3	1:A:143:LYS:H	7	0.24
(1,1660)	1:A:140:LYS:HG2	1:A:142:VAL:H	7	0.24
(1,1660)	1:A:140:LYS:HG3	1:A:142:VAL:H	7	0.24
(1,1658)	1:A:140:LYS:HB2	1:A:142:VAL:H	10	0.24
(1,1658)	1:A:140:LYS:HB3	1:A:142:VAL:H	10	0.24
(1,1636)	1:A:139:GLU:HG2	1:A:142:VAL:HG11	10	0.24
(1,1636)	1:A:139:GLU:HG2	1:A:142:VAL:HG12	10	0.24
(1,1636)	1:A:139:GLU:HG2	1:A:142:VAL:HG13	10	0.24
(1,1636)	1:A:139:GLU:HG2	1:A:142:VAL:HG21	10	0.24
(1,1636)	1:A:139:GLU:HG2	1:A:142:VAL:HG22	10	0.24
(1,1636)	1:A:139:GLU:HG2	1:A:142:VAL:HG23	10	0.24
(1,1636)	1:A:139:GLU:HG3	1:A:142:VAL:HG11	10	0.24
(1,1636)	1:A:139:GLU:HG3	1:A:142:VAL:HG12	10	0.24
(1,1636)	1:A:139:GLU:HG3	1:A:142:VAL:HG13	10	0.24
(1,1636)	1:A:139:GLU:HG3	1:A:142:VAL:HG21	10	0.24
(1,1636)	1:A:139:GLU:HG3	1:A:142:VAL:HG22	10	0.24
(1,1636)	1:A:139:GLU:HG3	1:A:142:VAL:HG23	10	0.24
(1,162)	1:A:10:SER:HB2	1:A:13:ASN:H	2	0.24
(1,162)	1:A:10:SER:HB3	1:A:13:ASN:H	2	0.24
(1,1594)	1:A:135:SER:HB2	1:A:140:LYS:HG2	1	0.24
(1,1594)	1:A:135:SER:HB2	1:A:140:LYS:HG3	1	0.24
(1,1594)	1:A:135:SER:HB3	1:A:140:LYS:HG2	1	0.24
(1,1594)	1:A:135:SER:HB3	1:A:140:LYS:HG3	1	0.24
(1,153)	1:A:10:SER:HA	1:A:40:VAL:HG11	4	0.24
(1,153)	1:A:10:SER:HA	1:A:40:VAL:HG12	4	0.24
(1,153)	1:A:10:SER:HA	1:A:40:VAL:HG13	4	0.24
(1,153)	1:A:10:SER:HA	1:A:40:VAL:HG21	4	0.24
(1,153)	1:A:10:SER:HA	1:A:40:VAL:HG22	4	0.24
(1,153)	1:A:10:SER:HA	1:A:40:VAL:HG23	4	0.24
(1,1414)	1:A:116:ALA:HB1	1:A:120:SER:H	1	0.24
(1,1414)	1:A:116:ALA:HB2	1:A:120:SER:H	1	0.24
(1,1414)	1:A:116:ALA:HB3	1:A:120:SER:H	1	0.24
(1,1405)	1:A:116:ALA:H	1:A:117:LEU:H	1	0.24
(1,1396)	1:A:115:ARG:HA	1:A:118:LYS:H	9	0.24
(1,1366)	1:A:113:SER:HB3	1:A:116:ALA:H	10	0.24
(1,133)	1:A:8:ASP:HB2	1:A:11:CYS:HB2	3	0.24
(1,133)	1:A:8:ASP:HB2	1:A:11:CYS:HB3	3	0.24
(1,133)	1:A:8:ASP:HB3	1:A:11:CYS:HB2	3	0.24
(1,133)	1:A:8:ASP:HB3	1:A:11:CYS:HB3	3	0.24

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,1325)	1:A:109:LEU:HD11	1:A:112:SER:HB2	3	0.24
(1,1325)	1:A:109:LEU:HD11	1:A:112:SER:HB3	3	0.24
(1,1325)	1:A:109:LEU:HD12	1:A:112:SER:HB2	3	0.24
(1,1325)	1:A:109:LEU:HD12	1:A:112:SER:HB3	3	0.24
(1,1325)	1:A:109:LEU:HD13	1:A:112:SER:HB2	3	0.24
(1,1325)	1:A:109:LEU:HD13	1:A:112:SER:HB3	3	0.24
(1,1325)	1:A:109:LEU:HD21	1:A:112:SER:HB2	3	0.24
(1,1325)	1:A:109:LEU:HD21	1:A:112:SER:HB3	3	0.24
(1,1325)	1:A:109:LEU:HD22	1:A:112:SER:HB2	3	0.24
(1,1325)	1:A:109:LEU:HD22	1:A:112:SER:HB3	3	0.24
(1,1325)	1:A:109:LEU:HD23	1:A:112:SER:HB2	3	0.24
(1,1325)	1:A:109:LEU:HD23	1:A:112:SER:HB3	3	0.24
(1,1242)	1:A:104:VAL:HG11	1:A:107:ARG:HD2	8	0.24
(1,1242)	1:A:104:VAL:HG11	1:A:107:ARG:HD3	8	0.24
(1,1242)	1:A:104:VAL:HG12	1:A:107:ARG:HD2	8	0.24
(1,1242)	1:A:104:VAL:HG12	1:A:107:ARG:HD3	8	0.24
(1,1242)	1:A:104:VAL:HG13	1:A:107:ARG:HD2	8	0.24
(1,1242)	1:A:104:VAL:HG13	1:A:107:ARG:HD3	8	0.24
(1,1242)	1:A:104:VAL:HG21	1:A:107:ARG:HD2	8	0.24
(1,1242)	1:A:104:VAL:HG21	1:A:107:ARG:HD3	8	0.24
(1,1242)	1:A:104:VAL:HG22	1:A:107:ARG:HD2	8	0.24
(1,1242)	1:A:104:VAL:HG22	1:A:107:ARG:HD3	8	0.24
(1,1242)	1:A:104:VAL:HG23	1:A:107:ARG:HD2	8	0.24
(1,1242)	1:A:104:VAL:HG23	1:A:107:ARG:HD3	8	0.24
(1,1190)	1:A:99:PRO:HG3	1:A:132:SER:HA	4	0.24
(1,1174)	1:A:99:PRO:HA	1:A:102:ALA:H	2	0.24
(1,1172)	1:A:98:CYS:HB2	1:A:107:ARG:HA	4	0.24
(1,1172)	1:A:98:CYS:HB3	1:A:107:ARG:HA	4	0.24
(1,117)	1:A:8:ASP:H	1:A:39:VAL:HB	8	0.24
(1,1165)	1:A:97:TYR:HA	1:A:131:ALA:HA	3	0.24
(1,1107)	1:A:93:ILE:HG21	1:A:146:LEU:HA	1	0.24
(1,1107)	1:A:93:ILE:HG22	1:A:146:LEU:HA	1	0.24
(1,1107)	1:A:93:ILE:HG23	1:A:146:LEU:HA	1	0.24
(1,1086)	1:A:93:ILE:HB	1:A:127:PHE:H	8	0.24
(1,1052)	1:A:89:LEU:HD21	1:A:90:ASN:H	4	0.24
(1,1052)	1:A:89:LEU:HD22	1:A:90:ASN:H	4	0.24
(1,1052)	1:A:89:LEU:HD23	1:A:90:ASN:H	4	0.24
(1,1050)	1:A:89:LEU:HD11	1:A:90:ASN:H	6	0.24
(1,1050)	1:A:89:LEU:HD12	1:A:90:ASN:H	6	0.24
(1,1050)	1:A:89:LEU:HD13	1:A:90:ASN:H	6	0.24
(1,1050)	1:A:89:LEU:HD11	1:A:90:ASN:H	9	0.24
(1,1050)	1:A:89:LEU:HD12	1:A:90:ASN:H	9	0.24

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,1050)	1:A:89:LEU:HD13	1:A:90:ASN:H	9	0.24
(1,1014)	1:A:84:GLU:H	1:A:84:GLU:HB2	2	0.24
(1,1014)	1:A:84:GLU:H	1:A:84:GLU:HB3	2	0.24
(2,6)	1:A:12:LYS:HG2	1:A:15:TYR:H	1	0.23
(2,2)	1:A:2:ALA:HB1	1:A:112:SER:H	8	0.23
(2,2)	1:A:2:ALA:HB2	1:A:112:SER:H	8	0.23
(2,2)	1:A:2:ALA:HB3	1:A:112:SER:H	8	0.23
(1,97)	1:A:7:VAL:HG11	1:A:116:ALA:H	6	0.23
(1,97)	1:A:7:VAL:HG12	1:A:116:ALA:H	6	0.23
(1,97)	1:A:7:VAL:HG13	1:A:116:ALA:H	6	0.23
(1,97)	1:A:7:VAL:HG21	1:A:116:ALA:H	6	0.23
(1,97)	1:A:7:VAL:HG22	1:A:116:ALA:H	6	0.23
(1,97)	1:A:7:VAL:HG23	1:A:116:ALA:H	6	0.23
(1,948)	1:A:78:VAL:HA	1:A:79:GLN:H	3	0.23
(1,907)	1:A:76:VAL:H	1:A:88:THR:HB	9	0.23
(1,895)	1:A:75:GLU:HG3	1:A:88:THR:HB	6	0.23
(1,869)	1:A:75:GLU:H	1:A:146:LEU:HD11	4	0.23
(1,869)	1:A:75:GLU:H	1:A:146:LEU:HD12	4	0.23
(1,869)	1:A:75:GLU:H	1:A:146:LEU:HD13	4	0.23
(1,869)	1:A:75:GLU:H	1:A:146:LEU:HD21	4	0.23
(1,869)	1:A:75:GLU:H	1:A:146:LEU:HD22	4	0.23
(1,869)	1:A:75:GLU:H	1:A:146:LEU:HD23	4	0.23
(1,784)	1:A:61:VAL:HG11	1:A:66:GLU:HG2	6	0.23
(1,784)	1:A:61:VAL:HG12	1:A:66:GLU:HG2	6	0.23
(1,784)	1:A:61:VAL:HG13	1:A:66:GLU:HG2	6	0.23
(1,784)	1:A:61:VAL:HG11	1:A:66:GLU:HG3	6	0.23
(1,784)	1:A:61:VAL:HG12	1:A:66:GLU:HG3	6	0.23
(1,784)	1:A:61:VAL:HG13	1:A:66:GLU:HG3	6	0.23
(1,74)	1:A:7:VAL:HB	1:A:120:SER:HB2	10	0.23
(1,74)	1:A:7:VAL:HB	1:A:120:SER:HB3	10	0.23
(1,74)	1:A:7:VAL:HB	1:A:120:SER:HB2	10	0.23
(1,74)	1:A:7:VAL:HB	1:A:120:SER:HB3	10	0.23
(1,70)	1:A:7:VAL:HA	1:A:38:ILE:HG21	10	0.23
(1,70)	1:A:7:VAL:HA	1:A:38:ILE:HG22	10	0.23
(1,70)	1:A:7:VAL:HA	1:A:38:ILE:HG23	10	0.23
(1,689)	1:A:54:VAL:HG11	1:A:57:MET:H	5	0.23
(1,689)	1:A:54:VAL:HG12	1:A:57:MET:H	5	0.23
(1,689)	1:A:54:VAL:HG13	1:A:57:MET:H	5	0.23
(1,689)	1:A:54:VAL:HG21	1:A:57:MET:H	5	0.23
(1,689)	1:A:54:VAL:HG22	1:A:57:MET:H	5	0.23
(1,689)	1:A:54:VAL:HG23	1:A:57:MET:H	5	0.23
(1,683)	1:A:54:VAL:HG21	1:A:58:LYS:H	2	0.23

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,683)	1:A:54:VAL:HG22	1:A:58:LYS:H	2	0.23
(1,683)	1:A:54:VAL:HG23	1:A:58:LYS:H	2	0.23
(1,671)	1:A:54:VAL:HA	1:A:57:MET:HA	6	0.23
(1,610)	1:A:49:PRO:HG2	1:A:51:ALA:HB1	6	0.23
(1,610)	1:A:49:PRO:HG2	1:A:51:ALA:HB2	6	0.23
(1,610)	1:A:49:PRO:HG2	1:A:51:ALA:HB3	6	0.23
(1,610)	1:A:49:PRO:HG3	1:A:51:ALA:HB1	6	0.23
(1,610)	1:A:49:PRO:HG3	1:A:51:ALA:HB2	6	0.23
(1,610)	1:A:49:PRO:HG3	1:A:51:ALA:HB3	6	0.23
(1,590)	1:A:45:GLU:HB2	1:A:48:ALA:HA	1	0.23
(1,519)	1:A:32:ASP:HB3	1:A:37:ALA:HB1	4	0.23
(1,519)	1:A:32:ASP:HB3	1:A:37:ALA:HB2	4	0.23
(1,519)	1:A:32:ASP:HB3	1:A:37:ALA:HB3	4	0.23
(1,519)	1:A:32:ASP:HB2	1:A:37:ALA:HB1	4	0.23
(1,519)	1:A:32:ASP:HB2	1:A:37:ALA:HB2	4	0.23
(1,519)	1:A:32:ASP:HB2	1:A:37:ALA:HB3	4	0.23
(1,519)	1:A:32:ASP:HB3	1:A:37:ALA:HB1	4	0.23
(1,519)	1:A:32:ASP:HB3	1:A:37:ALA:HB2	4	0.23
(1,519)	1:A:32:ASP:HB3	1:A:37:ALA:HB3	4	0.23
(1,516)	1:A:32:ASP:HB2	1:A:37:ALA:H	3	0.23
(1,494)	1:A:31:ILE:HG12	1:A:38:ILE:HA	3	0.23
(1,466)	1:A:29:PHE:HB3	1:A:41:GLU:H	2	0.23
(1,464)	1:A:29:PHE:HB2	1:A:41:GLU:H	2	0.23
(1,458)	1:A:29:PHE:H	1:A:70:ALA:HB1	2	0.23
(1,458)	1:A:29:PHE:H	1:A:70:ALA:HB2	2	0.23
(1,458)	1:A:29:PHE:H	1:A:70:ALA:HB3	2	0.23
(1,426)	1:A:28:ILE:H	1:A:42:LYS:HA	7	0.23
(1,314)	1:A:18:LEU:HB2	1:A:71:ALA:HB1	4	0.23
(1,314)	1:A:18:LEU:HB2	1:A:71:ALA:HB2	4	0.23
(1,314)	1:A:18:LEU:HB2	1:A:71:ALA:HB3	4	0.23
(1,314)	1:A:18:LEU:HB3	1:A:71:ALA:HB1	4	0.23
(1,314)	1:A:18:LEU:HB3	1:A:71:ALA:HB2	4	0.23
(1,314)	1:A:18:LEU:HB3	1:A:71:ALA:HB3	4	0.23
(1,293)	1:A:17:LEU:HA	1:A:21:LYS:HB2	7	0.23
(1,293)	1:A:17:LEU:HA	1:A:21:LYS:HB3	7	0.23
(1,227)	1:A:13:ASN:HB2	1:A:15:TYR:H	10	0.23
(1,195)	1:A:12:LYS:HA	1:A:16:ASP:H	1	0.23
(1,1808)	1:A:152:ILE:H	1:A:152:ILE:HG12	6	0.23
(1,1808)	1:A:152:ILE:H	1:A:152:ILE:HG13	6	0.23
(1,1790)	1:A:150:GLN:HB3	1:A:152:ILE:H	1	0.23
(1,1777)	1:A:149:ASN:HB2	1:A:151:ARG:H	2	0.23
(1,1777)	1:A:149:ASN:HB3	1:A:151:ARG:H	2	0.23

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,1756)	1:A:147:MET:HA	1:A:149:ASN:H	6	0.23
(1,1756)	1:A:147:MET:HA	1:A:149:ASN:H	10	0.23
(1,1747)	1:A:146:LEU:HB2	1:A:147:MET:H	6	0.23
(1,1747)	1:A:146:LEU:HB3	1:A:147:MET:H	6	0.23
(1,1720)	1:A:144:SER:HA	1:A:147:MET:H	10	0.23
(1,1669)	1:A:141:SER:HB3	1:A:143:LYS:H	1	0.23
(1,1651)	1:A:140:LYS:HD3	1:A:142:VAL:H	10	0.23
(1,1612)	1:A:137:LEU:HD11	1:A:139:GLU:HG2	8	0.23
(1,1612)	1:A:137:LEU:HD11	1:A:139:GLU:HG3	8	0.23
(1,1612)	1:A:137:LEU:HD12	1:A:139:GLU:HG2	8	0.23
(1,1612)	1:A:137:LEU:HD12	1:A:139:GLU:HG3	8	0.23
(1,1612)	1:A:137:LEU:HD13	1:A:139:GLU:HG2	8	0.23
(1,1612)	1:A:137:LEU:HD13	1:A:139:GLU:HG3	8	0.23
(1,1612)	1:A:137:LEU:HD21	1:A:139:GLU:HG2	8	0.23
(1,1612)	1:A:137:LEU:HD21	1:A:139:GLU:HG3	8	0.23
(1,1612)	1:A:137:LEU:HD22	1:A:139:GLU:HG2	8	0.23
(1,1612)	1:A:137:LEU:HD22	1:A:139:GLU:HG3	8	0.23
(1,1612)	1:A:137:LEU:HD23	1:A:139:GLU:HG2	8	0.23
(1,1612)	1:A:137:LEU:HD23	1:A:139:GLU:HG3	8	0.23
(1,1426)	1:A:117:LEU:HB2	1:A:119:ALA:H	2	0.23
(1,1375)	1:A:114:VAL:HA	1:A:118:LYS:H	6	0.23
(1,1358)	1:A:113:SER:H	1:A:115:ARG:H	8	0.23
(1,1314)	1:A:109:LEU:HA	1:A:112:SER:H	2	0.23
(1,1313)	1:A:109:LEU:HA	1:A:111:ALA:H	3	0.23
(1,1244)	1:A:104:VAL:HG11	1:A:108:MET:HB2	1	0.23
(1,1244)	1:A:104:VAL:HG11	1:A:108:MET:HB3	1	0.23
(1,1244)	1:A:104:VAL:HG12	1:A:108:MET:HB2	1	0.23
(1,1244)	1:A:104:VAL:HG12	1:A:108:MET:HB3	1	0.23
(1,1244)	1:A:104:VAL:HG13	1:A:108:MET:HB2	1	0.23
(1,1244)	1:A:104:VAL:HG13	1:A:108:MET:HB3	1	0.23
(1,1244)	1:A:104:VAL:HG21	1:A:108:MET:HB2	1	0.23
(1,1244)	1:A:104:VAL:HG21	1:A:108:MET:HB3	1	0.23
(1,1244)	1:A:104:VAL:HG22	1:A:108:MET:HB2	1	0.23
(1,1244)	1:A:104:VAL:HG22	1:A:108:MET:HB3	1	0.23
(1,1244)	1:A:104:VAL:HG23	1:A:108:MET:HB2	1	0.23
(1,1244)	1:A:104:VAL:HG23	1:A:108:MET:HB3	1	0.23
(1,123)	1:A:8:ASP:HB2	1:A:39:VAL:HA	2	0.23
(1,1225)	1:A:104:VAL:HB	1:A:107:ARG:H	7	0.23
(1,1094)	1:A:93:ILE:HG13	1:A:127:PHE:H	9	0.23
(1,1052)	1:A:89:LEU:HD21	1:A:90:ASN:H	5	0.23
(1,1052)	1:A:89:LEU:HD22	1:A:90:ASN:H	5	0.23
(1,1052)	1:A:89:LEU:HD23	1:A:90:ASN:H	5	0.23

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,1050)	1:A:89:LEU:HD11	1:A:90:ASN:H	8	0.23
(1,1050)	1:A:89:LEU:HD12	1:A:90:ASN:H	8	0.23
(1,1050)	1:A:89:LEU:HD13	1:A:90:ASN:H	8	0.23
(1,1033)	1:A:88:THR:H	1:A:88:THR:HB	7	0.23
(1,1027)	1:A:86:THR:HB	1:A:87:SER:H	4	0.23
(2,29)	1:A:86:THR:HG21	1:A:88:THR:HA	5	0.22
(2,29)	1:A:86:THR:HG22	1:A:88:THR:HA	5	0.22
(2,29)	1:A:86:THR:HG23	1:A:88:THR:HA	5	0.22
(2,1)	1:A:1:MET:HA	1:A:114:VAL:HA	2	0.22
(1,985)	1:A:80:ARG:H	1:A:80:ARG:HG2	6	0.22
(1,985)	1:A:80:ARG:H	1:A:80:ARG:HG3	6	0.22
(1,976)	1:A:79:GLN:HB3	1:A:86:THR:HG21	9	0.22
(1,976)	1:A:79:GLN:HB3	1:A:86:THR:HG22	9	0.22
(1,976)	1:A:79:GLN:HB3	1:A:86:THR:HG23	9	0.22
(1,910)	1:A:76:VAL:HA	1:A:147:MET:HG2	2	0.22
(1,910)	1:A:76:VAL:HA	1:A:147:MET:HG3	2	0.22
(1,905)	1:A:76:VAL:H	1:A:77:THR:H	1	0.22
(1,896)	1:A:75:GLU:HG3	1:A:88:THR:HG21	9	0.22
(1,896)	1:A:75:GLU:HG3	1:A:88:THR:HG22	9	0.22
(1,896)	1:A:75:GLU:HG3	1:A:88:THR:HG23	9	0.22
(1,887)	1:A:75:GLU:HB3	1:A:89:LEU:H	6	0.22
(1,884)	1:A:75:GLU:HB3	1:A:88:THR:HA	8	0.22
(1,790)	1:A:61:VAL:HG11	1:A:66:GLU:HG2	2	0.22
(1,790)	1:A:61:VAL:HG11	1:A:66:GLU:HG3	2	0.22
(1,790)	1:A:61:VAL:HG12	1:A:66:GLU:HG2	2	0.22
(1,790)	1:A:61:VAL:HG12	1:A:66:GLU:HG3	2	0.22
(1,790)	1:A:61:VAL:HG13	1:A:66:GLU:HG2	2	0.22
(1,790)	1:A:61:VAL:HG13	1:A:66:GLU:HG3	2	0.22
(1,790)	1:A:61:VAL:HG21	1:A:66:GLU:HG2	2	0.22
(1,790)	1:A:61:VAL:HG21	1:A:66:GLU:HG3	2	0.22
(1,790)	1:A:61:VAL:HG22	1:A:66:GLU:HG2	2	0.22
(1,790)	1:A:61:VAL:HG22	1:A:66:GLU:HG3	2	0.22
(1,790)	1:A:61:VAL:HG23	1:A:66:GLU:HG2	2	0.22
(1,790)	1:A:61:VAL:HG23	1:A:66:GLU:HG3	2	0.22
(1,756)	1:A:58:LYS:HD3	1:A:59:LYS:H	1	0.22
(1,730)	1:A:57:MET:HA	1:A:60:LEU:H	6	0.22
(1,725)	1:A:56:GLU:HG3	1:A:57:MET:H	4	0.22
(1,677)	1:A:54:VAL:HB	1:A:58:LYS:H	9	0.22
(1,675)	1:A:54:VAL:HB	1:A:56:GLU:H	10	0.22
(1,650)	1:A:52:GLU:HB2	1:A:55:GLU:H	6	0.22
(1,650)	1:A:52:GLU:HB3	1:A:55:GLU:H	6	0.22
(1,616)	1:A:50:TYR:HA	1:A:52:GLU:H	1	0.22

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,533)	1:A:35:ASP:H	1:A:37:ALA:HB1	3	0.22
(1,533)	1:A:35:ASP:H	1:A:37:ALA:HB2	3	0.22
(1,533)	1:A:35:ASP:H	1:A:37:ALA:HB3	3	0.22
(1,518)	1:A:32:ASP:HB3	1:A:37:ALA:H	8	0.22
(1,496)	1:A:31:ILE:HG13	1:A:109:LEU:HD11	4	0.22
(1,496)	1:A:31:ILE:HG13	1:A:109:LEU:HD12	4	0.22
(1,496)	1:A:31:ILE:HG13	1:A:109:LEU:HD13	4	0.22
(1,496)	1:A:31:ILE:HG13	1:A:109:LEU:HD21	4	0.22
(1,496)	1:A:31:ILE:HG13	1:A:109:LEU:HD22	4	0.22
(1,496)	1:A:31:ILE:HG13	1:A:109:LEU:HD23	4	0.22
(1,460)	1:A:29:PHE:HA	1:A:40:VAL:HB	4	0.22
(1,4)	1:A:1:MET:HA	1:A:114:VAL:HB	3	0.22
(1,31)	1:A:5:VAL:HB	1:A:36:THR:HB	3	0.22
(1,294)	1:A:17:LEU:HA	1:A:21:LYS:HD2	4	0.22
(1,294)	1:A:17:LEU:HA	1:A:21:LYS:HD3	4	0.22
(1,280)	1:A:16:ASP:HB3	1:A:18:LEU:H	10	0.22
(1,226)	1:A:13:ASN:HB2	1:A:14:ALA:H	4	0.22
(1,18)	1:A:3:SER:HB2	1:A:4:GLY:H	7	0.22
(1,18)	1:A:3:SER:HB3	1:A:4:GLY:H	7	0.22
(1,1799)	1:A:151:ARG:H	1:A:152:ILE:H	2	0.22
(1,1787)	1:A:150:GLN:HB2	1:A:151:ARG:H	3	0.22
(1,1780)	1:A:149:ASN:HB2	1:A:152:ILE:HD11	8	0.22
(1,1780)	1:A:149:ASN:HB2	1:A:152:ILE:HD12	8	0.22
(1,1780)	1:A:149:ASN:HB2	1:A:152:ILE:HD13	8	0.22
(1,1780)	1:A:149:ASN:HB3	1:A:152:ILE:HD11	8	0.22
(1,1780)	1:A:149:ASN:HB3	1:A:152:ILE:HD12	8	0.22
(1,1780)	1:A:149:ASN:HB3	1:A:152:ILE:HD13	8	0.22
(1,1740)	1:A:146:LEU:H	1:A:148:SER:H	2	0.22
(1,1740)	1:A:146:LEU:H	1:A:148:SER:H	10	0.22
(1,1717)	1:A:144:SER:H	1:A:145:ASP:H	4	0.22
(1,1699)	1:A:143:LYS:H	1:A:144:SER:H	3	0.22
(1,1699)	1:A:143:LYS:H	1:A:144:SER:H	5	0.22
(1,1627)	1:A:139:GLU:HA	1:A:143:LYS:HE2	6	0.22
(1,1627)	1:A:139:GLU:HA	1:A:143:LYS:HE3	6	0.22
(1,161)	1:A:10:SER:HB2	1:A:12:LYS:H	3	0.22
(1,161)	1:A:10:SER:HB3	1:A:12:LYS:H	3	0.22
(1,159)	1:A:10:SER:HB3	1:A:13:ASN:H	6	0.22
(1,1441)	1:A:118:LYS:HE2	1:A:119:ALA:H	3	0.22
(1,1441)	1:A:118:LYS:HE2	1:A:119:ALA:H	5	0.22
(1,1433)	1:A:117:LEU:HD11	1:A:120:SER:H	3	0.22
(1,1433)	1:A:117:LEU:HD12	1:A:120:SER:H	3	0.22
(1,1433)	1:A:117:LEU:HD13	1:A:120:SER:H	3	0.22

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,1433)	1:A:117:LEU:HD21	1:A:120:SER:H	3	0.22
(1,1433)	1:A:117:LEU:HD22	1:A:120:SER:H	3	0.22
(1,1433)	1:A:117:LEU:HD23	1:A:120:SER:H	3	0.22
(1,1387)	1:A:114:VAL:HG11	1:A:117:LEU:HB2	3	0.22
(1,1387)	1:A:114:VAL:HG11	1:A:117:LEU:HB3	3	0.22
(1,1387)	1:A:114:VAL:HG12	1:A:117:LEU:HB2	3	0.22
(1,1387)	1:A:114:VAL:HG12	1:A:117:LEU:HB3	3	0.22
(1,1387)	1:A:114:VAL:HG13	1:A:117:LEU:HB2	3	0.22
(1,1387)	1:A:114:VAL:HG13	1:A:117:LEU:HB3	3	0.22
(1,1387)	1:A:114:VAL:HG21	1:A:117:LEU:HB2	3	0.22
(1,1387)	1:A:114:VAL:HG21	1:A:117:LEU:HB3	3	0.22
(1,1387)	1:A:114:VAL:HG22	1:A:117:LEU:HB2	3	0.22
(1,1387)	1:A:114:VAL:HG22	1:A:117:LEU:HB3	3	0.22
(1,1387)	1:A:114:VAL:HG23	1:A:117:LEU:HB2	3	0.22
(1,1387)	1:A:114:VAL:HG23	1:A:117:LEU:HB3	3	0.22
(1,1322)	1:A:109:LEU:HD21	1:A:113:SER:H	4	0.22
(1,1322)	1:A:109:LEU:HD22	1:A:113:SER:H	4	0.22
(1,1322)	1:A:109:LEU:HD23	1:A:113:SER:H	4	0.22
(1,1288)	1:A:107:ARG:HG2	1:A:109:LEU:H	2	0.22
(1,1288)	1:A:107:ARG:HG3	1:A:109:LEU:H	2	0.22
(1,1288)	1:A:107:ARG:HG2	1:A:109:LEU:H	10	0.22
(1,1288)	1:A:107:ARG:HG3	1:A:109:LEU:H	10	0.22
(1,1105)	1:A:93:ILE:HG12	1:A:142:VAL:HG11	6	0.22
(1,1105)	1:A:93:ILE:HG12	1:A:142:VAL:HG12	6	0.22
(1,1105)	1:A:93:ILE:HG12	1:A:142:VAL:HG13	6	0.22
(1,1105)	1:A:93:ILE:HG12	1:A:142:VAL:HG21	6	0.22
(1,1105)	1:A:93:ILE:HG12	1:A:142:VAL:HG22	6	0.22
(1,1105)	1:A:93:ILE:HG12	1:A:142:VAL:HG23	6	0.22
(1,1105)	1:A:93:ILE:HG13	1:A:142:VAL:HG11	6	0.22
(1,1105)	1:A:93:ILE:HG13	1:A:142:VAL:HG12	6	0.22
(1,1105)	1:A:93:ILE:HG13	1:A:142:VAL:HG13	6	0.22
(1,1105)	1:A:93:ILE:HG13	1:A:142:VAL:HG21	6	0.22
(1,1105)	1:A:93:ILE:HG13	1:A:142:VAL:HG22	6	0.22
(1,1105)	1:A:93:ILE:HG13	1:A:142:VAL:HG23	6	0.22
(1,1065)	1:A:91:LYS:HE3	1:A:150:GLN:H	8	0.22
(1,1048)	1:A:89:LEU:HG	1:A:90:ASN:H	8	0.22
(3,9)	1:A:26:TYR:H	1:A:44:GLY:O	7	0.21
(3,60)	1:A:143:LYS:O	1:A:147:MET:N	2	0.21
(3,4)	1:A:8:ASP:N	1:A:38:ILE:O	8	0.21
(3,37)	1:A:74:VAL:H	1:A:91:LYS:O	9	0.21
(2,35)	1:A:118:LYS:HE3	1:A:128:GLN:HA	7	0.21
(2,27)	1:A:78:VAL:HB	1:A:87:SER:HA	7	0.21

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,960)	1:A:78:VAL:HG21	1:A:87:SER:HB2	2	0.21
(1,960)	1:A:78:VAL:HG22	1:A:87:SER:HB2	2	0.21
(1,960)	1:A:78:VAL:HG23	1:A:87:SER:HB2	2	0.21
(1,960)	1:A:78:VAL:HG21	1:A:87:SER:HB3	2	0.21
(1,960)	1:A:78:VAL:HG22	1:A:87:SER:HB3	2	0.21
(1,960)	1:A:78:VAL:HG23	1:A:87:SER:HB3	2	0.21
(1,950)	1:A:78:VAL:HA	1:A:88:THR:HG21	7	0.21
(1,950)	1:A:78:VAL:HA	1:A:88:THR:HG22	7	0.21
(1,950)	1:A:78:VAL:HA	1:A:88:THR:HG23	7	0.21
(1,944)	1:A:78:VAL:H	1:A:79:GLN:H	6	0.21
(1,751)	1:A:58:LYS:HB2	1:A:60:LEU:H	3	0.21
(1,749)	1:A:58:LYS:HA	1:A:62:GLU:H	4	0.21
(1,723)	1:A:56:GLU:HG2	1:A:57:MET:H	6	0.21
(1,706)	1:A:55:GLU:HA	1:A:59:LYS:HD2	4	0.21
(1,706)	1:A:55:GLU:HA	1:A:59:LYS:HD3	4	0.21
(1,677)	1:A:54:VAL:HB	1:A:58:LYS:H	1	0.21
(1,677)	1:A:54:VAL:HB	1:A:58:LYS:H	3	0.21
(1,677)	1:A:54:VAL:HB	1:A:58:LYS:H	4	0.21
(1,677)	1:A:54:VAL:HB	1:A:58:LYS:H	6	0.21
(1,590)	1:A:45:GLU:HB2	1:A:48:ALA:HA	5	0.21
(1,501)	1:A:31:ILE:HD11	1:A:109:LEU:H	2	0.21
(1,501)	1:A:31:ILE:HD12	1:A:109:LEU:H	2	0.21
(1,501)	1:A:31:ILE:HD13	1:A:109:LEU:H	2	0.21
(1,5)	1:A:1:MET:HA	1:A:114:VAL:HG11	4	0.21
(1,5)	1:A:1:MET:HA	1:A:114:VAL:HG12	4	0.21
(1,5)	1:A:1:MET:HA	1:A:114:VAL:HG13	4	0.21
(1,5)	1:A:1:MET:HA	1:A:114:VAL:HG21	4	0.21
(1,5)	1:A:1:MET:HA	1:A:114:VAL:HG22	4	0.21
(1,5)	1:A:1:MET:HA	1:A:114:VAL:HG23	4	0.21
(1,494)	1:A:31:ILE:HG12	1:A:38:ILE:HA	7	0.21
(1,45)	1:A:6:LYS:H	1:A:37:ALA:HB1	6	0.21
(1,45)	1:A:6:LYS:H	1:A:37:ALA:HB2	6	0.21
(1,45)	1:A:6:LYS:H	1:A:37:ALA:HB3	6	0.21
(1,426)	1:A:28:ILE:H	1:A:42:LYS:HA	8	0.21
(1,402)	1:A:27:ILE:HB	1:A:43:VAL:HA	4	0.21
(1,370)	1:A:25:SER:HB2	1:A:73:ASP:HB2	8	0.21
(1,370)	1:A:25:SER:HB2	1:A:73:ASP:HB3	8	0.21
(1,370)	1:A:25:SER:HB3	1:A:73:ASP:HB2	8	0.21
(1,370)	1:A:25:SER:HB3	1:A:73:ASP:HB3	8	0.21
(1,351)	1:A:21:LYS:HE2	1:A:22:HIS:H	8	0.21
(1,351)	1:A:21:LYS:HE3	1:A:22:HIS:H	8	0.21
(1,310)	1:A:18:LEU:HA	1:A:20:ASN:H	9	0.21

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,283)	1:A:16:ASP:HB2	1:A:18:LEU:H	10	0.21
(1,283)	1:A:16:ASP:HB3	1:A:18:LEU:H	10	0.21
(1,280)	1:A:16:ASP:HB3	1:A:18:LEU:H	7	0.21
(1,266)	1:A:15:TYR:HB2	1:A:123:LEU:HD11	6	0.21
(1,266)	1:A:15:TYR:HB2	1:A:123:LEU:HD12	6	0.21
(1,266)	1:A:15:TYR:HB2	1:A:123:LEU:HD13	6	0.21
(1,266)	1:A:15:TYR:HB2	1:A:123:LEU:HD21	6	0.21
(1,266)	1:A:15:TYR:HB2	1:A:123:LEU:HD22	6	0.21
(1,266)	1:A:15:TYR:HB2	1:A:123:LEU:HD23	6	0.21
(1,266)	1:A:15:TYR:HB3	1:A:123:LEU:HD11	6	0.21
(1,266)	1:A:15:TYR:HB3	1:A:123:LEU:HD12	6	0.21
(1,266)	1:A:15:TYR:HB3	1:A:123:LEU:HD13	6	0.21
(1,266)	1:A:15:TYR:HB3	1:A:123:LEU:HD21	6	0.21
(1,266)	1:A:15:TYR:HB3	1:A:123:LEU:HD22	6	0.21
(1,266)	1:A:15:TYR:HB3	1:A:123:LEU:HD23	6	0.21
(1,218)	1:A:12:LYS:HG2	1:A:121:LEU:HA	2	0.21
(1,218)	1:A:12:LYS:HG3	1:A:121:LEU:HA	2	0.21
(1,213)	1:A:12:LYS:HG3	1:A:14:ALA:H	8	0.21
(1,1769)	1:A:149:ASN:H	1:A:150:GLN:H	3	0.21
(1,1727)	1:A:144:SER:HB3	1:A:147:MET:H	10	0.21
(1,1717)	1:A:144:SER:H	1:A:145:ASP:H	8	0.21
(1,1700)	1:A:143:LYS:H	1:A:145:ASP:H	2	0.21
(1,1627)	1:A:139:GLU:HA	1:A:143:LYS:HE2	8	0.21
(1,1627)	1:A:139:GLU:HA	1:A:143:LYS:HE3	8	0.21
(1,161)	1:A:10:SER:HB2	1:A:12:LYS:H	9	0.21
(1,161)	1:A:10:SER:HB3	1:A:12:LYS:H	9	0.21
(1,1606)	1:A:137:LEU:HA	1:A:140:LYS:HE2	3	0.21
(1,1606)	1:A:137:LEU:HA	1:A:140:LYS:HE3	3	0.21
(1,1587)	1:A:135:SER:HA	1:A:138:ASP:H	2	0.21
(1,156)	1:A:10:SER:HB2	1:A:13:ASN:H	9	0.21
(1,1426)	1:A:117:LEU:HB2	1:A:119:ALA:H	7	0.21
(1,1396)	1:A:115:ARG:HA	1:A:118:LYS:H	5	0.21
(1,136)	1:A:8:ASP:HB2	1:A:39:VAL:HG11	5	0.21
(1,136)	1:A:8:ASP:HB2	1:A:39:VAL:HG12	5	0.21
(1,136)	1:A:8:ASP:HB2	1:A:39:VAL:HG13	5	0.21
(1,136)	1:A:8:ASP:HB2	1:A:39:VAL:HG21	5	0.21
(1,136)	1:A:8:ASP:HB2	1:A:39:VAL:HG22	5	0.21
(1,136)	1:A:8:ASP:HB2	1:A:39:VAL:HG23	5	0.21
(1,136)	1:A:8:ASP:HB3	1:A:39:VAL:HG11	5	0.21
(1,136)	1:A:8:ASP:HB3	1:A:39:VAL:HG12	5	0.21
(1,136)	1:A:8:ASP:HB3	1:A:39:VAL:HG13	5	0.21
(1,136)	1:A:8:ASP:HB3	1:A:39:VAL:HG21	5	0.21

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,136)	1:A:8:ASP:HB3	1:A:39:VAL:HG22	5	0.21
(1,136)	1:A:8:ASP:HB3	1:A:39:VAL:HG23	5	0.21
(1,1316)	1:A:109:LEU:HA	1:A:113:SER:H	5	0.21
(1,1313)	1:A:109:LEU:HA	1:A:111:ALA:H	9	0.21
(1,1135)	1:A:95:VAL:HG11	1:A:131:ALA:HA	5	0.21
(1,1135)	1:A:95:VAL:HG12	1:A:131:ALA:HA	5	0.21
(1,1135)	1:A:95:VAL:HG13	1:A:131:ALA:HA	5	0.21
(1,1092)	1:A:93:ILE:HG12	1:A:127:PHE:H	4	0.21
(1,1082)	1:A:93:ILE:HA	1:A:127:PHE:HA	9	0.21
(3,59)	1:A:143:LYS:O	1:A:147:MET:H	4	0.2
(2,27)	1:A:78:VAL:HB	1:A:87:SER:HA	5	0.2
(1,980)	1:A:79:GLN:HG3	1:A:85:GLY:H	4	0.2
(1,905)	1:A:76:VAL:H	1:A:77:THR:H	9	0.2
(1,820)	1:A:69:TYR:HA	1:A:96:GLN:HG2	6	0.2
(1,820)	1:A:69:TYR:HA	1:A:96:GLN:HG3	6	0.2
(1,730)	1:A:57:MET:HA	1:A:60:LEU:H	4	0.2
(1,723)	1:A:56:GLU:HG2	1:A:57:MET:H	7	0.2
(1,689)	1:A:54:VAL:HG11	1:A:57:MET:H	7	0.2
(1,689)	1:A:54:VAL:HG12	1:A:57:MET:H	7	0.2
(1,689)	1:A:54:VAL:HG13	1:A:57:MET:H	7	0.2
(1,689)	1:A:54:VAL:HG21	1:A:57:MET:H	7	0.2
(1,689)	1:A:54:VAL:HG22	1:A:57:MET:H	7	0.2
(1,689)	1:A:54:VAL:HG23	1:A:57:MET:H	7	0.2
(1,677)	1:A:54:VAL:HB	1:A:58:LYS:H	7	0.2
(1,676)	1:A:54:VAL:HB	1:A:57:MET:H	7	0.2
(1,615)	1:A:50:TYR:HA	1:A:51:ALA:H	5	0.2
(1,607)	1:A:49:PRO:HG2	1:A:51:ALA:HB1	1	0.2
(1,607)	1:A:49:PRO:HG2	1:A:51:ALA:HB2	1	0.2
(1,607)	1:A:49:PRO:HG2	1:A:51:ALA:HB3	1	0.2
(1,607)	1:A:49:PRO:HG3	1:A:51:ALA:HB1	1	0.2
(1,607)	1:A:49:PRO:HG3	1:A:51:ALA:HB2	1	0.2
(1,607)	1:A:49:PRO:HG3	1:A:51:ALA:HB3	1	0.2
(1,599)	1:A:49:PRO:HA	1:A:52:GLU:H	6	0.2
(1,599)	1:A:49:PRO:HA	1:A:52:GLU:H	7	0.2
(1,598)	1:A:49:PRO:HA	1:A:51:ALA:HB1	10	0.2
(1,598)	1:A:49:PRO:HA	1:A:51:ALA:HB2	10	0.2
(1,598)	1:A:49:PRO:HA	1:A:51:ALA:HB3	10	0.2
(1,59)	1:A:6:LYS:HB2	1:A:38:ILE:HD11	8	0.2
(1,59)	1:A:6:LYS:HB2	1:A:38:ILE:HD12	8	0.2
(1,59)	1:A:6:LYS:HB2	1:A:38:ILE:HD13	8	0.2
(1,59)	1:A:6:LYS:HB3	1:A:38:ILE:HD11	8	0.2
(1,59)	1:A:6:LYS:HB3	1:A:38:ILE:HD12	8	0.2

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,59)	1:A:6:LYS:HB3	1:A:38:ILE:HD13	8	0.2
(1,580)	1:A:42:LYS:HG2	1:A:56:GLU:HG2	9	0.2
(1,580)	1:A:42:LYS:HG2	1:A:56:GLU:HG3	9	0.2
(1,580)	1:A:42:LYS:HG3	1:A:56:GLU:HG2	9	0.2
(1,580)	1:A:42:LYS:HG3	1:A:56:GLU:HG3	9	0.2
(1,515)	1:A:31:ILE:HG21	1:A:37:ALA:H	8	0.2
(1,515)	1:A:31:ILE:HG22	1:A:37:ALA:H	8	0.2
(1,515)	1:A:31:ILE:HG23	1:A:37:ALA:H	8	0.2
(1,5)	1:A:1:MET:HA	1:A:114:VAL:HG11	1	0.2
(1,5)	1:A:1:MET:HA	1:A:114:VAL:HG12	1	0.2
(1,5)	1:A:1:MET:HA	1:A:114:VAL:HG13	1	0.2
(1,5)	1:A:1:MET:HA	1:A:114:VAL:HG21	1	0.2
(1,5)	1:A:1:MET:HA	1:A:114:VAL:HG22	1	0.2
(1,5)	1:A:1:MET:HA	1:A:114:VAL:HG23	1	0.2
(1,466)	1:A:29:PHE:HB3	1:A:41:GLU:H	5	0.2
(1,437)	1:A:28:ILE:HB	1:A:42:LYS:HA	7	0.2
(1,437)	1:A:28:ILE:HB	1:A:42:LYS:HA	8	0.2
(1,4)	1:A:1:MET:HA	1:A:114:VAL:HB	7	0.2
(1,314)	1:A:18:LEU:HB2	1:A:71:ALA:HB1	8	0.2
(1,314)	1:A:18:LEU:HB2	1:A:71:ALA:HB2	8	0.2
(1,314)	1:A:18:LEU:HB2	1:A:71:ALA:HB3	8	0.2
(1,314)	1:A:18:LEU:HB3	1:A:71:ALA:HB1	8	0.2
(1,314)	1:A:18:LEU:HB3	1:A:71:ALA:HB2	8	0.2
(1,314)	1:A:18:LEU:HB3	1:A:71:ALA:HB3	8	0.2
(1,264)	1:A:15:TYR:HB3	1:A:27:ILE:HD11	1	0.2
(1,264)	1:A:15:TYR:HB3	1:A:27:ILE:HD12	1	0.2
(1,264)	1:A:15:TYR:HB3	1:A:27:ILE:HD13	1	0.2
(1,216)	1:A:12:LYS:HB2	1:A:40:VAL:HG11	7	0.2
(1,216)	1:A:12:LYS:HB2	1:A:40:VAL:HG12	7	0.2
(1,216)	1:A:12:LYS:HB2	1:A:40:VAL:HG13	7	0.2
(1,216)	1:A:12:LYS:HB2	1:A:40:VAL:HG21	7	0.2
(1,216)	1:A:12:LYS:HB2	1:A:40:VAL:HG22	7	0.2
(1,216)	1:A:12:LYS:HB2	1:A:40:VAL:HG23	7	0.2
(1,216)	1:A:12:LYS:HB3	1:A:40:VAL:HG11	7	0.2
(1,216)	1:A:12:LYS:HB3	1:A:40:VAL:HG12	7	0.2
(1,216)	1:A:12:LYS:HB3	1:A:40:VAL:HG13	7	0.2
(1,216)	1:A:12:LYS:HB3	1:A:40:VAL:HG21	7	0.2
(1,216)	1:A:12:LYS:HB3	1:A:40:VAL:HG22	7	0.2
(1,216)	1:A:12:LYS:HB3	1:A:40:VAL:HG23	7	0.2
(1,213)	1:A:12:LYS:HG3	1:A:14:ALA:H	7	0.2
(1,213)	1:A:12:LYS:HG3	1:A:14:ALA:H	9	0.2
(1,184)	1:A:11:CYS:HB2	1:A:13:ASN:H	7	0.2

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,184)	1:A:11:CYS:HB3	1:A:13:ASN:H	7	0.2
(1,1803)	1:A:151:ARG:HG2	1:A:152:ILE:H	9	0.2
(1,1803)	1:A:151:ARG:HG3	1:A:152:ILE:H	9	0.2
(1,1775)	1:A:149:ASN:HB3	1:A:152:ILE:HG21	6	0.2
(1,1775)	1:A:149:ASN:HB3	1:A:152:ILE:HG22	6	0.2
(1,1775)	1:A:149:ASN:HB3	1:A:152:ILE:HG23	6	0.2
(1,1770)	1:A:149:ASN:HA	1:A:150:GLN:H	4	0.2
(1,1769)	1:A:149:ASN:H	1:A:150:GLN:H	9	0.2
(1,1747)	1:A:146:LEU:HB2	1:A:147:MET:H	7	0.2
(1,1747)	1:A:146:LEU:HB3	1:A:147:MET:H	7	0.2
(1,1712)	1:A:143:LYS:HB3	1:A:147:MET:H	9	0.2
(1,1709)	1:A:143:LYS:HB2	1:A:147:MET:H	8	0.2
(1,1665)	1:A:141:SER:HA	1:A:144:SER:H	7	0.2
(1,1659)	1:A:140:LYS:HB2	1:A:143:LYS:H	5	0.2
(1,1659)	1:A:140:LYS:HB3	1:A:143:LYS:H	5	0.2
(1,1652)	1:A:140:LYS:HE2	1:A:141:SER:H	1	0.2
(1,1627)	1:A:139:GLU:HA	1:A:143:LYS:HE2	1	0.2
(1,1627)	1:A:139:GLU:HA	1:A:143:LYS:HE3	1	0.2
(1,1588)	1:A:135:SER:HA	1:A:138:ASP:HB2	1	0.2
(1,1588)	1:A:135:SER:HA	1:A:138:ASP:HB3	1	0.2
(1,1574)	1:A:134:MET:HA	1:A:136:ASP:H	10	0.2
(1,1498)	1:A:123:LEU:H	1:A:125:SER:H	1	0.2
(1,1488)	1:A:121:LEU:HD21	1:A:122:GLY:H	2	0.2
(1,1488)	1:A:121:LEU:HD22	1:A:122:GLY:H	2	0.2
(1,1488)	1:A:121:LEU:HD23	1:A:122:GLY:H	2	0.2
(1,1429)	1:A:117:LEU:HB3	1:A:119:ALA:H	3	0.2
(1,1405)	1:A:116:ALA:H	1:A:117:LEU:H	2	0.2
(1,1358)	1:A:113:SER:H	1:A:115:ARG:H	2	0.2
(1,1292)	1:A:108:MET:HA	1:A:109:LEU:HD11	8	0.2
(1,1292)	1:A:108:MET:HA	1:A:109:LEU:HD12	8	0.2
(1,1292)	1:A:108:MET:HA	1:A:109:LEU:HD13	8	0.2
(1,1292)	1:A:108:MET:HA	1:A:109:LEU:HD21	8	0.2
(1,1292)	1:A:108:MET:HA	1:A:109:LEU:HD22	8	0.2
(1,1292)	1:A:108:MET:HA	1:A:109:LEU:HD23	8	0.2
(1,124)	1:A:8:ASP:HB2	1:A:39:VAL:HB	6	0.2
(1,124)	1:A:8:ASP:HB2	1:A:39:VAL:HB	8	0.2
(1,1236)	1:A:104:VAL:HG21	1:A:108:MET:HB2	10	0.2
(1,1236)	1:A:104:VAL:HG22	1:A:108:MET:HB2	10	0.2
(1,1236)	1:A:104:VAL:HG23	1:A:108:MET:HB2	10	0.2
(1,1236)	1:A:104:VAL:HG21	1:A:108:MET:HB3	10	0.2
(1,1236)	1:A:104:VAL:HG22	1:A:108:MET:HB3	10	0.2
(1,1236)	1:A:104:VAL:HG23	1:A:108:MET:HB3	10	0.2

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,1233)	1:A:104:VAL:HG21	1:A:106:ARG:H	8	0.2
(1,1233)	1:A:104:VAL:HG22	1:A:106:ARG:H	8	0.2
(1,1233)	1:A:104:VAL:HG23	1:A:106:ARG:H	8	0.2
(1,1233)	1:A:104:VAL:HG21	1:A:106:ARG:H	10	0.2
(1,1233)	1:A:104:VAL:HG22	1:A:106:ARG:H	10	0.2
(1,1233)	1:A:104:VAL:HG23	1:A:106:ARG:H	10	0.2
(1,1203)	1:A:102:ALA:HB1	1:A:103:PRO:HA	3	0.2
(1,1203)	1:A:102:ALA:HB2	1:A:103:PRO:HA	3	0.2
(1,1203)	1:A:102:ALA:HB3	1:A:103:PRO:HA	3	0.2
(1,1171)	1:A:97:TYR:HB2	1:A:131:ALA:HB1	1	0.2
(1,1171)	1:A:97:TYR:HB2	1:A:131:ALA:HB2	1	0.2
(1,1171)	1:A:97:TYR:HB2	1:A:131:ALA:HB3	1	0.2
(1,1171)	1:A:97:TYR:HB3	1:A:131:ALA:HB1	1	0.2
(1,1171)	1:A:97:TYR:HB3	1:A:131:ALA:HB2	1	0.2
(1,1171)	1:A:97:TYR:HB3	1:A:131:ALA:HB3	1	0.2
(1,1030)	1:A:87:SER:H	1:A:88:THR:H	2	0.2
(1,1027)	1:A:86:THR:HB	1:A:87:SER:H	7	0.2
(1,1024)	1:A:86:THR:H	1:A:86:THR:HB	2	0.2
(1,1016)	1:A:84:GLU:HA	1:A:85:GLY:H	8	0.2
(2,6)	1:A:12:LYS:HG2	1:A:15:TYR:H	6	0.19
(2,5)	1:A:12:LYS:HG2	1:A:121:LEU:HD21	1	0.19
(2,5)	1:A:12:LYS:HG2	1:A:121:LEU:HD22	1	0.19
(2,5)	1:A:12:LYS:HG2	1:A:121:LEU:HD23	1	0.19
(1,953)	1:A:78:VAL:HB	1:A:87:SER:HB2	4	0.19
(1,953)	1:A:78:VAL:HB	1:A:87:SER:HB3	4	0.19
(1,948)	1:A:78:VAL:HA	1:A:79:GLN:H	9	0.19
(1,944)	1:A:78:VAL:H	1:A:79:GLN:H	8	0.19
(1,932)	1:A:77:THR:HA	1:A:88:THR:HA	9	0.19
(1,921)	1:A:76:VAL:HG11	1:A:143:LYS:HG2	2	0.19
(1,921)	1:A:76:VAL:HG11	1:A:143:LYS:HG3	2	0.19
(1,921)	1:A:76:VAL:HG12	1:A:143:LYS:HG2	2	0.19
(1,921)	1:A:76:VAL:HG12	1:A:143:LYS:HG3	2	0.19
(1,921)	1:A:76:VAL:HG13	1:A:143:LYS:HG2	2	0.19
(1,921)	1:A:76:VAL:HG13	1:A:143:LYS:HG3	2	0.19
(1,921)	1:A:76:VAL:HG21	1:A:143:LYS:HG2	2	0.19
(1,921)	1:A:76:VAL:HG21	1:A:143:LYS:HG3	2	0.19
(1,921)	1:A:76:VAL:HG22	1:A:143:LYS:HG2	2	0.19
(1,921)	1:A:76:VAL:HG22	1:A:143:LYS:HG3	2	0.19
(1,921)	1:A:76:VAL:HG23	1:A:143:LYS:HG2	2	0.19
(1,921)	1:A:76:VAL:HG23	1:A:143:LYS:HG3	2	0.19
(1,888)	1:A:75:GLU:HG2	1:A:76:VAL:H	3	0.19
(1,875)	1:A:75:GLU:HA	1:A:89:LEU:H	5	0.19

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,857)	1:A:74:VAL:H	1:A:146:LEU:HD11	10	0.19
(1,857)	1:A:74:VAL:H	1:A:146:LEU:HD12	10	0.19
(1,857)	1:A:74:VAL:H	1:A:146:LEU:HD13	10	0.19
(1,857)	1:A:74:VAL:H	1:A:146:LEU:HD21	10	0.19
(1,857)	1:A:74:VAL:H	1:A:146:LEU:HD22	10	0.19
(1,857)	1:A:74:VAL:H	1:A:146:LEU:HD23	10	0.19
(1,706)	1:A:55:GLU:HA	1:A:59:LYS:HD2	6	0.19
(1,706)	1:A:55:GLU:HA	1:A:59:LYS:HD3	6	0.19
(1,706)	1:A:55:GLU:HA	1:A:59:LYS:HD2	10	0.19
(1,706)	1:A:55:GLU:HA	1:A:59:LYS:HD3	10	0.19
(1,677)	1:A:54:VAL:HB	1:A:58:LYS:H	2	0.19
(1,659)	1:A:53:PHE:HB2	1:A:56:GLU:H	3	0.19
(1,5)	1:A:1:MET:HA	1:A:114:VAL:HG11	10	0.19
(1,5)	1:A:1:MET:HA	1:A:114:VAL:HG12	10	0.19
(1,5)	1:A:1:MET:HA	1:A:114:VAL:HG13	10	0.19
(1,5)	1:A:1:MET:HA	1:A:114:VAL:HG21	10	0.19
(1,5)	1:A:1:MET:HA	1:A:114:VAL:HG22	10	0.19
(1,5)	1:A:1:MET:HA	1:A:114:VAL:HG23	10	0.19
(1,494)	1:A:31:ILE:HG12	1:A:38:ILE:HA	1	0.19
(1,480)	1:A:30:LYS:HB2	1:A:41:GLU:HA	1	0.19
(1,480)	1:A:30:LYS:HB3	1:A:41:GLU:HA	1	0.19
(1,48)	1:A:6:LYS:H	1:A:6:LYS:HE2	6	0.19
(1,48)	1:A:6:LYS:H	1:A:6:LYS:HE3	6	0.19
(1,464)	1:A:29:PHE:HB2	1:A:41:GLU:H	5	0.19
(1,453)	1:A:28:ILE:HG12	1:A:41:GLU:HB2	7	0.19
(1,453)	1:A:28:ILE:HG12	1:A:41:GLU:HB3	7	0.19
(1,453)	1:A:28:ILE:HG13	1:A:41:GLU:HB2	7	0.19
(1,453)	1:A:28:ILE:HG13	1:A:41:GLU:HB3	7	0.19
(1,426)	1:A:28:ILE:H	1:A:42:LYS:HA	10	0.19
(1,33)	1:A:5:VAL:HB	1:A:7:VAL:HA	1	0.19
(1,283)	1:A:16:ASP:HB2	1:A:18:LEU:H	3	0.19
(1,283)	1:A:16:ASP:HB3	1:A:18:LEU:H	3	0.19
(1,266)	1:A:15:TYR:HB2	1:A:123:LEU:HD11	8	0.19
(1,266)	1:A:15:TYR:HB2	1:A:123:LEU:HD12	8	0.19
(1,266)	1:A:15:TYR:HB2	1:A:123:LEU:HD13	8	0.19
(1,266)	1:A:15:TYR:HB2	1:A:123:LEU:HD21	8	0.19
(1,266)	1:A:15:TYR:HB2	1:A:123:LEU:HD22	8	0.19
(1,266)	1:A:15:TYR:HB2	1:A:123:LEU:HD23	8	0.19
(1,266)	1:A:15:TYR:HB3	1:A:123:LEU:HD11	8	0.19
(1,266)	1:A:15:TYR:HB3	1:A:123:LEU:HD12	8	0.19
(1,266)	1:A:15:TYR:HB3	1:A:123:LEU:HD13	8	0.19
(1,266)	1:A:15:TYR:HB3	1:A:123:LEU:HD21	8	0.19

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,266)	1:A:15:TYR:HB3	1:A:123:LEU:HD22	8	0.19
(1,266)	1:A:15:TYR:HB3	1:A:123:LEU:HD23	8	0.19
(1,213)	1:A:12:LYS:HG3	1:A:14:ALA:H	3	0.19
(1,181)	1:A:11:CYS:HB3	1:A:13:ASN:H	10	0.19
(1,1794)	1:A:151:ARG:H	1:A:151:ARG:HA	1	0.19
(1,178)	1:A:11:CYS:HB2	1:A:13:ASN:H	1	0.19
(1,1730)	1:A:145:ASP:H	1:A:147:MET:H	1	0.19
(1,1703)	1:A:143:LYS:HA	1:A:146:LEU:HA	5	0.19
(1,1627)	1:A:139:GLU:HA	1:A:143:LYS:HE2	7	0.19
(1,1627)	1:A:139:GLU:HA	1:A:143:LYS:HE3	7	0.19
(1,162)	1:A:10:SER:HB2	1:A:13:ASN:H	5	0.19
(1,162)	1:A:10:SER:HB3	1:A:13:ASN:H	5	0.19
(1,1612)	1:A:137:LEU:HD11	1:A:139:GLU:HG2	4	0.19
(1,1612)	1:A:137:LEU:HD11	1:A:139:GLU:HG3	4	0.19
(1,1612)	1:A:137:LEU:HD12	1:A:139:GLU:HG2	4	0.19
(1,1612)	1:A:137:LEU:HD12	1:A:139:GLU:HG3	4	0.19
(1,1612)	1:A:137:LEU:HD13	1:A:139:GLU:HG2	4	0.19
(1,1612)	1:A:137:LEU:HD13	1:A:139:GLU:HG3	4	0.19
(1,1612)	1:A:137:LEU:HD21	1:A:139:GLU:HG2	4	0.19
(1,1612)	1:A:137:LEU:HD21	1:A:139:GLU:HG3	4	0.19
(1,1612)	1:A:137:LEU:HD22	1:A:139:GLU:HG2	4	0.19
(1,1612)	1:A:137:LEU:HD22	1:A:139:GLU:HG3	4	0.19
(1,1612)	1:A:137:LEU:HD23	1:A:139:GLU:HG2	4	0.19
(1,1612)	1:A:137:LEU:HD23	1:A:139:GLU:HG3	4	0.19
(1,1514)	1:A:124:GLU:HB2	1:A:126:LEU:H	6	0.19
(1,1514)	1:A:124:GLU:HB3	1:A:126:LEU:H	6	0.19
(1,147)	1:A:10:SER:H	1:A:13:ASN:H	10	0.19
(1,1429)	1:A:117:LEU:HB3	1:A:119:ALA:H	2	0.19
(1,1415)	1:A:116:ALA:HB1	1:A:120:SER:HB2	2	0.19
(1,1415)	1:A:116:ALA:HB2	1:A:120:SER:HB2	2	0.19
(1,1415)	1:A:116:ALA:HB3	1:A:120:SER:HB2	2	0.19
(1,1415)	1:A:116:ALA:HB1	1:A:120:SER:HB3	2	0.19
(1,1415)	1:A:116:ALA:HB2	1:A:120:SER:HB3	2	0.19
(1,1415)	1:A:116:ALA:HB3	1:A:120:SER:HB3	2	0.19
(1,1415)	1:A:116:ALA:HB1	1:A:120:SER:HB2	2	0.19
(1,1415)	1:A:116:ALA:HB1	1:A:120:SER:HB3	2	0.19
(1,1415)	1:A:116:ALA:HB2	1:A:120:SER:HB2	2	0.19
(1,1415)	1:A:116:ALA:HB2	1:A:120:SER:HB3	2	0.19
(1,1415)	1:A:116:ALA:HB3	1:A:120:SER:HB2	2	0.19
(1,1415)	1:A:116:ALA:HB3	1:A:120:SER:HB3	2	0.19
(1,1324)	1:A:109:LEU:HD11	1:A:112:SER:H	2	0.19
(1,1324)	1:A:109:LEU:HD12	1:A:112:SER:H	2	0.19

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,1324)	1:A:109:LEU:HD13	1:A:112:SER:H	2	0.19
(1,1324)	1:A:109:LEU:HD21	1:A:112:SER:H	2	0.19
(1,1324)	1:A:109:LEU:HD22	1:A:112:SER:H	2	0.19
(1,1324)	1:A:109:LEU:HD23	1:A:112:SER:H	2	0.19
(1,131)	1:A:8:ASP:HB2	1:A:10:SER:H	1	0.19
(1,131)	1:A:8:ASP:HB3	1:A:10:SER:H	1	0.19
(1,1207)	1:A:103:PRO:HA	1:A:106:ARG:H	9	0.19
(1,1186)	1:A:99:PRO:HG2	1:A:132:SER:HA	5	0.19
(1,1114)	1:A:94:PHE:H	1:A:129:VAL:H	7	0.19
(1,1097)	1:A:93:ILE:HD11	1:A:129:VAL:HA	1	0.19
(1,1097)	1:A:93:ILE:HD12	1:A:129:VAL:HA	1	0.19
(1,1097)	1:A:93:ILE:HD13	1:A:129:VAL:HA	1	0.19
(1,1048)	1:A:89:LEU:HG	1:A:90:ASN:H	6	0.19
(1,1033)	1:A:88:THR:H	1:A:88:THR:HB	9	0.19
(2,31)	1:A:97:TYR:HB2	1:A:131:ALA:HA	1	0.18
(2,31)	1:A:97:TYR:HB3	1:A:131:ALA:HA	1	0.18
(2,27)	1:A:78:VAL:HB	1:A:87:SER:HA	4	0.18
(2,11)	1:A:18:LEU:HD11	1:A:71:ALA:HA	4	0.18
(2,11)	1:A:18:LEU:HD12	1:A:71:ALA:HA	4	0.18
(2,11)	1:A:18:LEU:HD13	1:A:71:ALA:HA	4	0.18
(1,963)	1:A:79:GLN:H	1:A:79:GLN:HA	1	0.18
(1,963)	1:A:79:GLN:H	1:A:79:GLN:HA	3	0.18
(1,963)	1:A:79:GLN:H	1:A:79:GLN:HA	10	0.18
(1,892)	1:A:75:GLU:HG2	1:A:90:ASN:HA	6	0.18
(1,874)	1:A:75:GLU:HA	1:A:88:THR:HG21	8	0.18
(1,874)	1:A:75:GLU:HA	1:A:88:THR:HG22	8	0.18
(1,874)	1:A:75:GLU:HA	1:A:88:THR:HG23	8	0.18
(1,822)	1:A:70:ALA:H	1:A:94:PHE:HA	8	0.18
(1,800)	1:A:64:GLY:H	1:A:65:LYS:H	6	0.18
(1,761)	1:A:59:LYS:H	1:A:59:LYS:HE2	5	0.18
(1,761)	1:A:59:LYS:H	1:A:59:LYS:HE3	5	0.18
(1,750)	1:A:58:LYS:HB2	1:A:59:LYS:H	8	0.18
(1,725)	1:A:56:GLU:HG3	1:A:57:MET:H	2	0.18
(1,723)	1:A:56:GLU:HG2	1:A:57:MET:H	1	0.18
(1,682)	1:A:54:VAL:HG21	1:A:57:MET:H	2	0.18
(1,682)	1:A:54:VAL:HG22	1:A:57:MET:H	2	0.18
(1,682)	1:A:54:VAL:HG23	1:A:57:MET:H	2	0.18
(1,664)	1:A:53:PHE:HB2	1:A:57:MET:H	1	0.18
(1,664)	1:A:53:PHE:HB3	1:A:57:MET:H	1	0.18
(1,664)	1:A:53:PHE:HB2	1:A:57:MET:H	3	0.18
(1,664)	1:A:53:PHE:HB3	1:A:57:MET:H	3	0.18
(1,65)	1:A:7:VAL:HA	1:A:37:ALA:HA	1	0.18

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,615)	1:A:50:TYR:HA	1:A:51:ALA:H	4	0.18
(1,606)	1:A:49:PRO:HB3	1:A:52:GLU:H	4	0.18
(1,590)	1:A:45:GLU:HB2	1:A:48:ALA:HA	3	0.18
(1,574)	1:A:42:LYS:HA	1:A:56:GLU:HB2	9	0.18
(1,574)	1:A:42:LYS:HA	1:A:56:GLU:HB3	9	0.18
(1,518)	1:A:32:ASP:HB3	1:A:37:ALA:H	4	0.18
(1,499)	1:A:31:ILE:HG13	1:A:38:ILE:HB	1	0.18
(1,437)	1:A:28:ILE:HB	1:A:42:LYS:HA	3	0.18
(1,437)	1:A:28:ILE:HB	1:A:42:LYS:HA	4	0.18
(1,40)	1:A:5:VAL:HG11	1:A:37:ALA:HA	5	0.18
(1,40)	1:A:5:VAL:HG12	1:A:37:ALA:HA	5	0.18
(1,40)	1:A:5:VAL:HG13	1:A:37:ALA:HA	5	0.18
(1,40)	1:A:5:VAL:HG21	1:A:37:ALA:HA	5	0.18
(1,40)	1:A:5:VAL:HG22	1:A:37:ALA:HA	5	0.18
(1,40)	1:A:5:VAL:HG23	1:A:37:ALA:HA	5	0.18
(1,386)	1:A:26:TYR:HB2	1:A:72:VAL:HG11	6	0.18
(1,386)	1:A:26:TYR:HB2	1:A:72:VAL:HG12	6	0.18
(1,386)	1:A:26:TYR:HB2	1:A:72:VAL:HG13	6	0.18
(1,386)	1:A:26:TYR:HB2	1:A:72:VAL:HG21	6	0.18
(1,386)	1:A:26:TYR:HB2	1:A:72:VAL:HG22	6	0.18
(1,386)	1:A:26:TYR:HB2	1:A:72:VAL:HG23	6	0.18
(1,386)	1:A:26:TYR:HB3	1:A:72:VAL:HG11	6	0.18
(1,386)	1:A:26:TYR:HB3	1:A:72:VAL:HG12	6	0.18
(1,386)	1:A:26:TYR:HB3	1:A:72:VAL:HG13	6	0.18
(1,386)	1:A:26:TYR:HB3	1:A:72:VAL:HG21	6	0.18
(1,386)	1:A:26:TYR:HB3	1:A:72:VAL:HG22	6	0.18
(1,386)	1:A:26:TYR:HB3	1:A:72:VAL:HG23	6	0.18
(1,302)	1:A:17:LEU:HD21	1:A:19:HIS:H	6	0.18
(1,302)	1:A:17:LEU:HD22	1:A:19:HIS:H	6	0.18
(1,302)	1:A:17:LEU:HD23	1:A:19:HIS:H	6	0.18
(1,294)	1:A:17:LEU:HA	1:A:21:LYS:HD2	8	0.18
(1,294)	1:A:17:LEU:HA	1:A:21:LYS:HD3	8	0.18
(1,277)	1:A:16:ASP:HB2	1:A:18:LEU:H	1	0.18
(1,243)	1:A:14:ALA:HB1	1:A:27:ILE:HB	6	0.18
(1,243)	1:A:14:ALA:HB2	1:A:27:ILE:HB	6	0.18
(1,243)	1:A:14:ALA:HB3	1:A:27:ILE:HB	6	0.18
(1,227)	1:A:13:ASN:HB2	1:A:15:TYR:H	4	0.18
(1,215)	1:A:12:LYS:HB2	1:A:121:LEU:HD11	4	0.18
(1,215)	1:A:12:LYS:HB2	1:A:121:LEU:HD12	4	0.18
(1,215)	1:A:12:LYS:HB2	1:A:121:LEU:HD13	4	0.18
(1,215)	1:A:12:LYS:HB2	1:A:121:LEU:HD21	4	0.18
(1,215)	1:A:12:LYS:HB2	1:A:121:LEU:HD22	4	0.18

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,215)	1:A:12:LYS:HB2	1:A:121:LEU:HD23	4	0.18
(1,215)	1:A:12:LYS:HB3	1:A:121:LEU:HD11	4	0.18
(1,215)	1:A:12:LYS:HB3	1:A:121:LEU:HD12	4	0.18
(1,215)	1:A:12:LYS:HB3	1:A:121:LEU:HD13	4	0.18
(1,215)	1:A:12:LYS:HB3	1:A:121:LEU:HD21	4	0.18
(1,215)	1:A:12:LYS:HB3	1:A:121:LEU:HD22	4	0.18
(1,215)	1:A:12:LYS:HB3	1:A:121:LEU:HD23	4	0.18
(1,181)	1:A:11:CYS:HB3	1:A:13:ASN:H	8	0.18
(1,1808)	1:A:152:ILE:H	1:A:152:ILE:HG12	2	0.18
(1,1808)	1:A:152:ILE:H	1:A:152:ILE:HG13	2	0.18
(1,1794)	1:A:151:ARG:H	1:A:151:ARG:HA	8	0.18
(1,1769)	1:A:149:ASN:H	1:A:150:GLN:H	5	0.18
(1,1757)	1:A:147:MET:HA	1:A:150:GLN:H	5	0.18
(1,1717)	1:A:144:SER:H	1:A:145:ASP:H	2	0.18
(1,1703)	1:A:143:LYS:HA	1:A:146:LEU:HA	2	0.18
(1,1652)	1:A:140:LYS:HE2	1:A:141:SER:H	6	0.18
(1,1652)	1:A:140:LYS:HE2	1:A:141:SER:H	7	0.18
(1,1636)	1:A:139:GLU:HG2	1:A:142:VAL:HG11	9	0.18
(1,1636)	1:A:139:GLU:HG2	1:A:142:VAL:HG12	9	0.18
(1,1636)	1:A:139:GLU:HG2	1:A:142:VAL:HG13	9	0.18
(1,1636)	1:A:139:GLU:HG2	1:A:142:VAL:HG21	9	0.18
(1,1636)	1:A:139:GLU:HG2	1:A:142:VAL:HG22	9	0.18
(1,1636)	1:A:139:GLU:HG2	1:A:142:VAL:HG23	9	0.18
(1,1636)	1:A:139:GLU:HG3	1:A:142:VAL:HG11	9	0.18
(1,1636)	1:A:139:GLU:HG3	1:A:142:VAL:HG12	9	0.18
(1,1636)	1:A:139:GLU:HG3	1:A:142:VAL:HG13	9	0.18
(1,1636)	1:A:139:GLU:HG3	1:A:142:VAL:HG21	9	0.18
(1,1636)	1:A:139:GLU:HG3	1:A:142:VAL:HG22	9	0.18
(1,1636)	1:A:139:GLU:HG3	1:A:142:VAL:HG23	9	0.18
(1,1555)	1:A:132:SER:H	1:A:136:ASP:HA	4	0.18
(1,1466)	1:A:120:SER:HB3	1:A:122:GLY:H	4	0.18
(1,1453)	1:A:119:ALA:HA	1:A:122:GLY:H	1	0.18
(1,1441)	1:A:118:LYS:HE2	1:A:119:ALA:H	6	0.18
(1,1426)	1:A:117:LEU:HB2	1:A:119:ALA:H	5	0.18
(1,135)	1:A:8:ASP:HB2	1:A:39:VAL:HB	8	0.18
(1,135)	1:A:8:ASP:HB3	1:A:39:VAL:HB	8	0.18
(1,1325)	1:A:109:LEU:HD11	1:A:112:SER:HB2	1	0.18
(1,1325)	1:A:109:LEU:HD11	1:A:112:SER:HB3	1	0.18
(1,1325)	1:A:109:LEU:HD12	1:A:112:SER:HB2	1	0.18
(1,1325)	1:A:109:LEU:HD12	1:A:112:SER:HB3	1	0.18
(1,1325)	1:A:109:LEU:HD13	1:A:112:SER:HB2	1	0.18
(1,1325)	1:A:109:LEU:HD13	1:A:112:SER:HB3	1	0.18

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,1325)	1:A:109:LEU:HD21	1:A:112:SER:HB2	1	0.18
(1,1325)	1:A:109:LEU:HD21	1:A:112:SER:HB3	1	0.18
(1,1325)	1:A:109:LEU:HD22	1:A:112:SER:HB2	1	0.18
(1,1325)	1:A:109:LEU:HD22	1:A:112:SER:HB3	1	0.18
(1,1325)	1:A:109:LEU:HD23	1:A:112:SER:HB2	1	0.18
(1,1325)	1:A:109:LEU:HD23	1:A:112:SER:HB3	1	0.18
(1,1324)	1:A:109:LEU:HD11	1:A:112:SER:H	9	0.18
(1,1324)	1:A:109:LEU:HD12	1:A:112:SER:H	9	0.18
(1,1324)	1:A:109:LEU:HD13	1:A:112:SER:H	9	0.18
(1,1324)	1:A:109:LEU:HD21	1:A:112:SER:H	9	0.18
(1,1324)	1:A:109:LEU:HD22	1:A:112:SER:H	9	0.18
(1,1324)	1:A:109:LEU:HD23	1:A:112:SER:H	9	0.18
(1,1314)	1:A:109:LEU:HA	1:A:112:SER:H	9	0.18
(1,1313)	1:A:109:LEU:HA	1:A:111:ALA:H	1	0.18
(1,1313)	1:A:109:LEU:HA	1:A:111:ALA:H	6	0.18
(1,131)	1:A:8:ASP:HB2	1:A:10:SER:H	5	0.18
(1,131)	1:A:8:ASP:HB3	1:A:10:SER:H	5	0.18
(1,1218)	1:A:104:VAL:HA	1:A:106:ARG:H	4	0.18
(1,1204)	1:A:102:ALA:HB1	1:A:103:PRO:HG2	8	0.18
(1,1204)	1:A:102:ALA:HB1	1:A:103:PRO:HG3	8	0.18
(1,1204)	1:A:102:ALA:HB2	1:A:103:PRO:HG2	8	0.18
(1,1204)	1:A:102:ALA:HB2	1:A:103:PRO:HG3	8	0.18
(1,1204)	1:A:102:ALA:HB3	1:A:103:PRO:HG2	8	0.18
(1,1204)	1:A:102:ALA:HB3	1:A:103:PRO:HG3	8	0.18
(1,1190)	1:A:99:PRO:HG3	1:A:132:SER:HA	10	0.18
(1,1173)	1:A:98:CYS:HB2	1:A:107:ARG:HD2	7	0.18
(1,1173)	1:A:98:CYS:HB2	1:A:107:ARG:HD3	7	0.18
(1,1173)	1:A:98:CYS:HB3	1:A:107:ARG:HD2	7	0.18
(1,1173)	1:A:98:CYS:HB3	1:A:107:ARG:HD3	7	0.18
(1,1114)	1:A:94:PHE:H	1:A:129:VAL:H	3	0.18
(1,1109)	1:A:94:PHE:H	1:A:127:PHE:H	6	0.18
(1,1030)	1:A:87:SER:H	1:A:88:THR:H	3	0.18
(1,1030)	1:A:87:SER:H	1:A:88:THR:H	5	0.18
(1,1027)	1:A:86:THR:HB	1:A:87:SER:H	1	0.18
(3,60)	1:A:143:LYS:O	1:A:147:MET:N	7	0.17
(2,31)	1:A:97:TYR:HB2	1:A:131:ALA:HA	10	0.17
(2,31)	1:A:97:TYR:HB3	1:A:131:ALA:HA	10	0.17
(2,29)	1:A:86:THR:HG21	1:A:88:THR:HA	10	0.17
(2,29)	1:A:86:THR:HG22	1:A:88:THR:HA	10	0.17
(2,29)	1:A:86:THR:HG23	1:A:88:THR:HA	10	0.17
(2,27)	1:A:78:VAL:HB	1:A:87:SER:HA	8	0.17
(2,19)	1:A:53:PHE:HA	1:A:72:VAL:HG11	7	0.17

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(2,19)	1:A:53:PHE:HA	1:A:72:VAL:HG12	7	0.17
(2,19)	1:A:53:PHE:HA	1:A:72:VAL:HG13	7	0.17
(2,19)	1:A:53:PHE:HA	1:A:72:VAL:HG21	7	0.17
(2,19)	1:A:53:PHE:HA	1:A:72:VAL:HG22	7	0.17
(2,19)	1:A:53:PHE:HA	1:A:72:VAL:HG23	7	0.17
(2,16)	1:A:27:ILE:HG21	1:A:43:VAL:H	4	0.17
(2,16)	1:A:27:ILE:HG22	1:A:43:VAL:H	4	0.17
(2,16)	1:A:27:ILE:HG23	1:A:43:VAL:H	4	0.17
(2,16)	1:A:27:ILE:HG21	1:A:43:VAL:H	6	0.17
(2,16)	1:A:27:ILE:HG22	1:A:43:VAL:H	6	0.17
(2,16)	1:A:27:ILE:HG23	1:A:43:VAL:H	6	0.17
(2,16)	1:A:27:ILE:HG21	1:A:43:VAL:H	9	0.17
(2,16)	1:A:27:ILE:HG22	1:A:43:VAL:H	9	0.17
(2,16)	1:A:27:ILE:HG23	1:A:43:VAL:H	9	0.17
(1,963)	1:A:79:GLN:H	1:A:79:GLN:HA	6	0.17
(1,930)	1:A:77:THR:HA	1:A:78:VAL:HB	3	0.17
(1,898)	1:A:75:GLU:HG3	1:A:90:ASN:HA	6	0.17
(1,862)	1:A:74:VAL:H	1:A:90:ASN:HB2	7	0.17
(1,862)	1:A:74:VAL:H	1:A:90:ASN:HB3	7	0.17
(1,74)	1:A:7:VAL:HB	1:A:120:SER:HB2	8	0.17
(1,74)	1:A:7:VAL:HB	1:A:120:SER:HB3	8	0.17
(1,74)	1:A:7:VAL:HB	1:A:120:SER:HB2	8	0.17
(1,74)	1:A:7:VAL:HB	1:A:120:SER:HB3	8	0.17
(1,705)	1:A:55:GLU:HA	1:A:59:LYS:HB3	7	0.17
(1,689)	1:A:54:VAL:HG11	1:A:57:MET:H	6	0.17
(1,689)	1:A:54:VAL:HG12	1:A:57:MET:H	6	0.17
(1,689)	1:A:54:VAL:HG13	1:A:57:MET:H	6	0.17
(1,689)	1:A:54:VAL:HG21	1:A:57:MET:H	6	0.17
(1,689)	1:A:54:VAL:HG22	1:A:57:MET:H	6	0.17
(1,689)	1:A:54:VAL:HG23	1:A:57:MET:H	6	0.17
(1,683)	1:A:54:VAL:HG21	1:A:58:LYS:H	9	0.17
(1,683)	1:A:54:VAL:HG22	1:A:58:LYS:H	9	0.17
(1,683)	1:A:54:VAL:HG23	1:A:58:LYS:H	9	0.17
(1,682)	1:A:54:VAL:HG21	1:A:57:MET:H	5	0.17
(1,682)	1:A:54:VAL:HG22	1:A:57:MET:H	5	0.17
(1,682)	1:A:54:VAL:HG23	1:A:57:MET:H	5	0.17
(1,675)	1:A:54:VAL:HB	1:A:56:GLU:H	3	0.17
(1,656)	1:A:53:PHE:HA	1:A:56:GLU:HB2	5	0.17
(1,656)	1:A:53:PHE:HA	1:A:56:GLU:HB3	5	0.17
(1,627)	1:A:51:ALA:HA	1:A:53:PHE:H	7	0.17
(1,616)	1:A:50:TYR:HA	1:A:52:GLU:H	4	0.17
(1,577)	1:A:42:LYS:HB2	1:A:53:PHE:HA	2	0.17

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,577)	1:A:42:LYS:HB3	1:A:53:PHE:HA	2	0.17
(1,525)	1:A:33:LYS:HG2	1:A:36:THR:HG21	2	0.17
(1,525)	1:A:33:LYS:HG2	1:A:36:THR:HG22	2	0.17
(1,525)	1:A:33:LYS:HG2	1:A:36:THR:HG23	2	0.17
(1,521)	1:A:33:LYS:HE2	1:A:35:ASP:H	5	0.17
(1,521)	1:A:33:LYS:HE3	1:A:35:ASP:H	5	0.17
(1,401)	1:A:27:ILE:HB	1:A:40:VAL:HG11	5	0.17
(1,401)	1:A:27:ILE:HB	1:A:40:VAL:HG12	5	0.17
(1,401)	1:A:27:ILE:HB	1:A:40:VAL:HG13	5	0.17
(1,401)	1:A:27:ILE:HB	1:A:40:VAL:HG21	5	0.17
(1,401)	1:A:27:ILE:HB	1:A:40:VAL:HG22	5	0.17
(1,401)	1:A:27:ILE:HB	1:A:40:VAL:HG23	5	0.17
(1,401)	1:A:27:ILE:HB	1:A:40:VAL:HG11	5	0.17
(1,401)	1:A:27:ILE:HB	1:A:40:VAL:HG12	5	0.17
(1,401)	1:A:27:ILE:HB	1:A:40:VAL:HG13	5	0.17
(1,401)	1:A:27:ILE:HB	1:A:40:VAL:HG21	5	0.17
(1,401)	1:A:27:ILE:HB	1:A:40:VAL:HG22	5	0.17
(1,401)	1:A:27:ILE:HB	1:A:40:VAL:HG23	5	0.17
(1,331)	1:A:18:LEU:HD11	1:A:92:VAL:HA	2	0.17
(1,331)	1:A:18:LEU:HD12	1:A:92:VAL:HA	2	0.17
(1,331)	1:A:18:LEU:HD13	1:A:92:VAL:HA	2	0.17
(1,331)	1:A:18:LEU:HD21	1:A:92:VAL:HA	2	0.17
(1,331)	1:A:18:LEU:HD22	1:A:92:VAL:HA	2	0.17
(1,331)	1:A:18:LEU:HD23	1:A:92:VAL:HA	2	0.17
(1,294)	1:A:17:LEU:HA	1:A:21:LYS:HD2	9	0.17
(1,294)	1:A:17:LEU:HA	1:A:21:LYS:HD3	9	0.17
(1,280)	1:A:16:ASP:HB3	1:A:18:LEU:H	2	0.17
(1,273)	1:A:16:ASP:HA	1:A:19:HIS:H	6	0.17
(1,273)	1:A:16:ASP:HA	1:A:19:HIS:H	9	0.17
(1,266)	1:A:15:TYR:HB2	1:A:123:LEU:HD11	3	0.17
(1,266)	1:A:15:TYR:HB2	1:A:123:LEU:HD12	3	0.17
(1,266)	1:A:15:TYR:HB2	1:A:123:LEU:HD13	3	0.17
(1,266)	1:A:15:TYR:HB2	1:A:123:LEU:HD21	3	0.17
(1,266)	1:A:15:TYR:HB2	1:A:123:LEU:HD22	3	0.17
(1,266)	1:A:15:TYR:HB2	1:A:123:LEU:HD23	3	0.17
(1,266)	1:A:15:TYR:HB3	1:A:123:LEU:HD11	3	0.17
(1,266)	1:A:15:TYR:HB3	1:A:123:LEU:HD12	3	0.17
(1,266)	1:A:15:TYR:HB3	1:A:123:LEU:HD13	3	0.17
(1,266)	1:A:15:TYR:HB3	1:A:123:LEU:HD21	3	0.17
(1,266)	1:A:15:TYR:HB3	1:A:123:LEU:HD22	3	0.17
(1,266)	1:A:15:TYR:HB3	1:A:123:LEU:HD23	3	0.17
(1,227)	1:A:13:ASN:HB2	1:A:15:TYR:H	2	0.17

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,217)	1:A:12:LYS:HD2	1:A:15:TYR:HB2	5	0.17
(1,217)	1:A:12:LYS:HD2	1:A:15:TYR:HB3	5	0.17
(1,217)	1:A:12:LYS:HD3	1:A:15:TYR:HB2	5	0.17
(1,217)	1:A:12:LYS:HD3	1:A:15:TYR:HB3	5	0.17
(1,213)	1:A:12:LYS:HG3	1:A:14:ALA:H	4	0.17
(1,211)	1:A:12:LYS:HG3	1:A:121:LEU:HD11	8	0.17
(1,211)	1:A:12:LYS:HG3	1:A:121:LEU:HD12	8	0.17
(1,211)	1:A:12:LYS:HG3	1:A:121:LEU:HD13	8	0.17
(1,1756)	1:A:147:MET:HA	1:A:149:ASN:H	2	0.17
(1,1747)	1:A:146:LEU:HB2	1:A:147:MET:H	4	0.17
(1,1747)	1:A:146:LEU:HB3	1:A:147:MET:H	4	0.17
(1,1727)	1:A:144:SER:HB3	1:A:147:MET:H	9	0.17
(1,1701)	1:A:143:LYS:HA	1:A:145:ASP:H	1	0.17
(1,1659)	1:A:140:LYS:HB2	1:A:143:LYS:H	7	0.17
(1,1659)	1:A:140:LYS:HB3	1:A:143:LYS:H	7	0.17
(1,1635)	1:A:139:GLU:HG2	1:A:142:VAL:H	7	0.17
(1,1635)	1:A:139:GLU:HG3	1:A:142:VAL:H	7	0.17
(1,1612)	1:A:137:LEU:HD11	1:A:139:GLU:HG2	9	0.17
(1,1612)	1:A:137:LEU:HD11	1:A:139:GLU:HG3	9	0.17
(1,1612)	1:A:137:LEU:HD12	1:A:139:GLU:HG2	9	0.17
(1,1612)	1:A:137:LEU:HD12	1:A:139:GLU:HG3	9	0.17
(1,1612)	1:A:137:LEU:HD13	1:A:139:GLU:HG2	9	0.17
(1,1612)	1:A:137:LEU:HD13	1:A:139:GLU:HG3	9	0.17
(1,1612)	1:A:137:LEU:HD21	1:A:139:GLU:HG2	9	0.17
(1,1612)	1:A:137:LEU:HD21	1:A:139:GLU:HG3	9	0.17
(1,1612)	1:A:137:LEU:HD22	1:A:139:GLU:HG2	9	0.17
(1,1612)	1:A:137:LEU:HD22	1:A:139:GLU:HG3	9	0.17
(1,1612)	1:A:137:LEU:HD23	1:A:139:GLU:HG2	9	0.17
(1,1612)	1:A:137:LEU:HD23	1:A:139:GLU:HG3	9	0.17
(1,1612)	1:A:137:LEU:HD11	1:A:139:GLU:HG2	10	0.17
(1,1612)	1:A:137:LEU:HD11	1:A:139:GLU:HG3	10	0.17
(1,1612)	1:A:137:LEU:HD12	1:A:139:GLU:HG2	10	0.17
(1,1612)	1:A:137:LEU:HD12	1:A:139:GLU:HG3	10	0.17
(1,1612)	1:A:137:LEU:HD13	1:A:139:GLU:HG2	10	0.17
(1,1612)	1:A:137:LEU:HD13	1:A:139:GLU:HG3	10	0.17
(1,1612)	1:A:137:LEU:HD21	1:A:139:GLU:HG2	10	0.17
(1,1612)	1:A:137:LEU:HD21	1:A:139:GLU:HG3	10	0.17
(1,1612)	1:A:137:LEU:HD22	1:A:139:GLU:HG2	10	0.17
(1,1612)	1:A:137:LEU:HD22	1:A:139:GLU:HG3	10	0.17
(1,1612)	1:A:137:LEU:HD23	1:A:139:GLU:HG2	10	0.17
(1,1612)	1:A:137:LEU:HD23	1:A:139:GLU:HG3	10	0.17
(1,1585)	1:A:135:SER:HA	1:A:136:ASP:HA	3	0.17

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,1469)	1:A:120:SER:HB2	1:A:122:GLY:H	10	0.17
(1,1469)	1:A:120:SER:HB3	1:A:122:GLY:H	10	0.17
(1,1444)	1:A:118:LYS:HG2	1:A:119:ALA:H	2	0.17
(1,1444)	1:A:118:LYS:HG2	1:A:119:ALA:H	4	0.17
(1,1414)	1:A:116:ALA:HB1	1:A:120:SER:H	8	0.17
(1,1414)	1:A:116:ALA:HB2	1:A:120:SER:H	8	0.17
(1,1414)	1:A:116:ALA:HB3	1:A:120:SER:H	8	0.17
(1,1405)	1:A:116:ALA:H	1:A:117:LEU:H	3	0.17
(1,1366)	1:A:113:SER:HB3	1:A:116:ALA:H	3	0.17
(1,1362)	1:A:113:SER:HA	1:A:117:LEU:HD11	8	0.17
(1,1362)	1:A:113:SER:HA	1:A:117:LEU:HD12	8	0.17
(1,1362)	1:A:113:SER:HA	1:A:117:LEU:HD13	8	0.17
(1,1362)	1:A:113:SER:HA	1:A:117:LEU:HD21	8	0.17
(1,1362)	1:A:113:SER:HA	1:A:117:LEU:HD22	8	0.17
(1,1362)	1:A:113:SER:HA	1:A:117:LEU:HD23	8	0.17
(1,1358)	1:A:113:SER:H	1:A:115:ARG:H	5	0.17
(1,1298)	1:A:108:MET:HB2	1:A:110:TYR:H	2	0.17
(1,1298)	1:A:108:MET:HB2	1:A:110:TYR:H	6	0.17
(1,1245)	1:A:104:VAL:HG11	1:A:108:MET:HG2	4	0.17
(1,1245)	1:A:104:VAL:HG11	1:A:108:MET:HG3	4	0.17
(1,1245)	1:A:104:VAL:HG12	1:A:108:MET:HG2	4	0.17
(1,1245)	1:A:104:VAL:HG12	1:A:108:MET:HG3	4	0.17
(1,1245)	1:A:104:VAL:HG13	1:A:108:MET:HG2	4	0.17
(1,1245)	1:A:104:VAL:HG13	1:A:108:MET:HG3	4	0.17
(1,1245)	1:A:104:VAL:HG21	1:A:108:MET:HG2	4	0.17
(1,1245)	1:A:104:VAL:HG21	1:A:108:MET:HG3	4	0.17
(1,1245)	1:A:104:VAL:HG22	1:A:108:MET:HG2	4	0.17
(1,1245)	1:A:104:VAL:HG22	1:A:108:MET:HG3	4	0.17
(1,1245)	1:A:104:VAL:HG23	1:A:108:MET:HG2	4	0.17
(1,1245)	1:A:104:VAL:HG23	1:A:108:MET:HG3	4	0.17
(1,1224)	1:A:104:VAL:HB	1:A:106:ARG:H	3	0.17
(1,121)	1:A:8:ASP:HB2	1:A:10:SER:H	6	0.17
(1,107)	1:A:7:VAL:HG11	1:A:38:ILE:H	3	0.17
(1,107)	1:A:7:VAL:HG12	1:A:38:ILE:H	3	0.17
(1,107)	1:A:7:VAL:HG13	1:A:38:ILE:H	3	0.17
(1,107)	1:A:7:VAL:HG21	1:A:38:ILE:H	3	0.17
(1,107)	1:A:7:VAL:HG22	1:A:38:ILE:H	3	0.17
(1,107)	1:A:7:VAL:HG23	1:A:38:ILE:H	3	0.17
(1,1052)	1:A:89:LEU:HD21	1:A:90:ASN:H	10	0.17
(1,1052)	1:A:89:LEU:HD22	1:A:90:ASN:H	10	0.17
(1,1052)	1:A:89:LEU:HD23	1:A:90:ASN:H	10	0.17
(1,1033)	1:A:88:THR:H	1:A:88:THR:HB	8	0.17

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,1030)	1:A:87:SER:H	1:A:88:THR:H	9	0.17
(3,59)	1:A:143:LYS:O	1:A:147:MET:H	5	0.16
(3,19)	1:A:29:PHE:O	1:A:69:TYR:H	4	0.16
(1,985)	1:A:80:ARG:H	1:A:80:ARG:HG2	2	0.16
(1,985)	1:A:80:ARG:H	1:A:80:ARG:HG3	2	0.16
(1,913)	1:A:76:VAL:HB	1:A:147:MET:HG2	6	0.16
(1,913)	1:A:76:VAL:HB	1:A:147:MET:HG3	6	0.16
(1,909)	1:A:76:VAL:H	1:A:89:LEU:H	8	0.16
(1,905)	1:A:76:VAL:H	1:A:77:THR:H	2	0.16
(1,90)	1:A:7:VAL:HG21	1:A:117:LEU:HA	1	0.16
(1,90)	1:A:7:VAL:HG22	1:A:117:LEU:HA	1	0.16
(1,90)	1:A:7:VAL:HG23	1:A:117:LEU:HA	1	0.16
(1,87)	1:A:7:VAL:HG11	1:A:38:ILE:HG21	8	0.16
(1,87)	1:A:7:VAL:HG11	1:A:38:ILE:HG22	8	0.16
(1,87)	1:A:7:VAL:HG11	1:A:38:ILE:HG23	8	0.16
(1,87)	1:A:7:VAL:HG12	1:A:38:ILE:HG21	8	0.16
(1,87)	1:A:7:VAL:HG12	1:A:38:ILE:HG22	8	0.16
(1,87)	1:A:7:VAL:HG12	1:A:38:ILE:HG23	8	0.16
(1,87)	1:A:7:VAL:HG13	1:A:38:ILE:HG21	8	0.16
(1,87)	1:A:7:VAL:HG13	1:A:38:ILE:HG22	8	0.16
(1,87)	1:A:7:VAL:HG13	1:A:38:ILE:HG23	8	0.16
(1,833)	1:A:71:ALA:HB1	1:A:93:ILE:H	10	0.16
(1,833)	1:A:71:ALA:HB2	1:A:93:ILE:H	10	0.16
(1,833)	1:A:71:ALA:HB3	1:A:93:ILE:H	10	0.16
(1,83)	1:A:7:VAL:HG11	1:A:120:SER:HA	7	0.16
(1,83)	1:A:7:VAL:HG12	1:A:120:SER:HA	7	0.16
(1,83)	1:A:7:VAL:HG13	1:A:120:SER:HA	7	0.16
(1,708)	1:A:55:GLU:HB2	1:A:57:MET:H	3	0.16
(1,708)	1:A:55:GLU:HB2	1:A:57:MET:H	7	0.16
(1,689)	1:A:54:VAL:HG11	1:A:57:MET:H	2	0.16
(1,689)	1:A:54:VAL:HG12	1:A:57:MET:H	2	0.16
(1,689)	1:A:54:VAL:HG13	1:A:57:MET:H	2	0.16
(1,689)	1:A:54:VAL:HG21	1:A:57:MET:H	2	0.16
(1,689)	1:A:54:VAL:HG22	1:A:57:MET:H	2	0.16
(1,689)	1:A:54:VAL:HG23	1:A:57:MET:H	2	0.16
(1,683)	1:A:54:VAL:HG21	1:A:58:LYS:H	7	0.16
(1,683)	1:A:54:VAL:HG22	1:A:58:LYS:H	7	0.16
(1,683)	1:A:54:VAL:HG23	1:A:58:LYS:H	7	0.16
(1,675)	1:A:54:VAL:HB	1:A:56:GLU:H	9	0.16
(1,628)	1:A:51:ALA:HA	1:A:54:VAL:H	9	0.16
(1,615)	1:A:50:TYR:HA	1:A:51:ALA:H	7	0.16
(1,610)	1:A:49:PRO:HG2	1:A:51:ALA:HB1	7	0.16

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,610)	1:A:49:PRO:HG2	1:A:51:ALA:HB2	7	0.16
(1,610)	1:A:49:PRO:HG2	1:A:51:ALA:HB3	7	0.16
(1,610)	1:A:49:PRO:HG3	1:A:51:ALA:HB1	7	0.16
(1,610)	1:A:49:PRO:HG3	1:A:51:ALA:HB2	7	0.16
(1,610)	1:A:49:PRO:HG3	1:A:51:ALA:HB3	7	0.16
(1,590)	1:A:45:GLU:HB2	1:A:48:ALA:HA	10	0.16
(1,577)	1:A:42:LYS:HB2	1:A:53:PHE:HA	8	0.16
(1,577)	1:A:42:LYS:HB3	1:A:53:PHE:HA	8	0.16
(1,511)	1:A:31:ILE:HG21	1:A:109:LEU:HG	5	0.16
(1,511)	1:A:31:ILE:HG22	1:A:109:LEU:HG	5	0.16
(1,511)	1:A:31:ILE:HG23	1:A:109:LEU:HG	5	0.16
(1,485)	1:A:30:LYS:HG2	1:A:41:GLU:HB2	3	0.16
(1,485)	1:A:30:LYS:HG2	1:A:41:GLU:HB3	3	0.16
(1,485)	1:A:30:LYS:HG3	1:A:41:GLU:HB2	3	0.16
(1,485)	1:A:30:LYS:HG3	1:A:41:GLU:HB3	3	0.16
(1,479)	1:A:30:LYS:HB2	1:A:39:VAL:HG11	3	0.16
(1,479)	1:A:30:LYS:HB2	1:A:39:VAL:HG12	3	0.16
(1,479)	1:A:30:LYS:HB2	1:A:39:VAL:HG13	3	0.16
(1,479)	1:A:30:LYS:HB2	1:A:39:VAL:HG21	3	0.16
(1,479)	1:A:30:LYS:HB2	1:A:39:VAL:HG22	3	0.16
(1,479)	1:A:30:LYS:HB2	1:A:39:VAL:HG23	3	0.16
(1,479)	1:A:30:LYS:HB3	1:A:39:VAL:HG11	3	0.16
(1,479)	1:A:30:LYS:HB3	1:A:39:VAL:HG12	3	0.16
(1,479)	1:A:30:LYS:HB3	1:A:39:VAL:HG13	3	0.16
(1,479)	1:A:30:LYS:HB3	1:A:39:VAL:HG21	3	0.16
(1,479)	1:A:30:LYS:HB3	1:A:39:VAL:HG22	3	0.16
(1,479)	1:A:30:LYS:HB3	1:A:39:VAL:HG23	3	0.16
(1,391)	1:A:27:ILE:H	1:A:28:ILE:H	6	0.16
(1,366)	1:A:25:SER:H	1:A:73:ASP:H	3	0.16
(1,334)	1:A:19:HIS:H	1:A:21:LYS:H	3	0.16
(1,327)	1:A:18:LEU:HD21	1:A:73:ASP:HA	9	0.16
(1,327)	1:A:18:LEU:HD22	1:A:73:ASP:HA	9	0.16
(1,327)	1:A:18:LEU:HD23	1:A:73:ASP:HA	9	0.16
(1,302)	1:A:17:LEU:HD21	1:A:19:HIS:H	2	0.16
(1,302)	1:A:17:LEU:HD22	1:A:19:HIS:H	2	0.16
(1,302)	1:A:17:LEU:HD23	1:A:19:HIS:H	2	0.16
(1,296)	1:A:17:LEU:HA	1:A:23:GLN:HB2	2	0.16
(1,296)	1:A:17:LEU:HA	1:A:23:GLN:HB3	2	0.16
(1,256)	1:A:15:TYR:HB2	1:A:121:LEU:HG	7	0.16
(1,216)	1:A:12:LYS:HB2	1:A:40:VAL:HG11	6	0.16
(1,216)	1:A:12:LYS:HB2	1:A:40:VAL:HG12	6	0.16
(1,216)	1:A:12:LYS:HB2	1:A:40:VAL:HG13	6	0.16

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,216)	1:A:12:LYS:HB2	1:A:40:VAL:HG21	6	0.16
(1,216)	1:A:12:LYS:HB2	1:A:40:VAL:HG22	6	0.16
(1,216)	1:A:12:LYS:HB2	1:A:40:VAL:HG23	6	0.16
(1,216)	1:A:12:LYS:HB3	1:A:40:VAL:HG11	6	0.16
(1,216)	1:A:12:LYS:HB3	1:A:40:VAL:HG12	6	0.16
(1,216)	1:A:12:LYS:HB3	1:A:40:VAL:HG13	6	0.16
(1,216)	1:A:12:LYS:HB3	1:A:40:VAL:HG21	6	0.16
(1,216)	1:A:12:LYS:HB3	1:A:40:VAL:HG22	6	0.16
(1,216)	1:A:12:LYS:HB3	1:A:40:VAL:HG23	6	0.16
(1,213)	1:A:12:LYS:HG3	1:A:14:ALA:H	1	0.16
(1,213)	1:A:12:LYS:HG3	1:A:14:ALA:H	5	0.16
(1,213)	1:A:12:LYS:HG3	1:A:14:ALA:H	10	0.16
(1,1803)	1:A:151:ARG:HG2	1:A:152:ILE:H	2	0.16
(1,1803)	1:A:151:ARG:HG3	1:A:152:ILE:H	2	0.16
(1,1772)	1:A:149:ASN:HB2	1:A:152:ILE:HG21	3	0.16
(1,1772)	1:A:149:ASN:HB2	1:A:152:ILE:HG22	3	0.16
(1,1772)	1:A:149:ASN:HB2	1:A:152:ILE:HG23	3	0.16
(1,1764)	1:A:148:SER:HB2	1:A:149:ASN:H	8	0.16
(1,1729)	1:A:145:ASP:H	1:A:146:LEU:H	3	0.16
(1,1723)	1:A:144:SER:HB2	1:A:146:LEU:H	2	0.16
(1,1665)	1:A:141:SER:HA	1:A:144:SER:H	5	0.16
(1,1665)	1:A:141:SER:HA	1:A:144:SER:H	10	0.16
(1,1657)	1:A:140:LYS:HB2	1:A:141:SER:H	7	0.16
(1,1657)	1:A:140:LYS:HB3	1:A:141:SER:H	7	0.16
(1,1657)	1:A:140:LYS:HB2	1:A:141:SER:H	8	0.16
(1,1657)	1:A:140:LYS:HB3	1:A:141:SER:H	8	0.16
(1,1633)	1:A:139:GLU:HG2	1:A:140:LYS:HG2	8	0.16
(1,1633)	1:A:139:GLU:HG2	1:A:140:LYS:HG3	8	0.16
(1,1633)	1:A:139:GLU:HG3	1:A:140:LYS:HG2	8	0.16
(1,1633)	1:A:139:GLU:HG3	1:A:140:LYS:HG3	8	0.16
(1,1628)	1:A:139:GLU:HB2	1:A:140:LYS:H	8	0.16
(1,1627)	1:A:139:GLU:HA	1:A:143:LYS:HE2	10	0.16
(1,1627)	1:A:139:GLU:HA	1:A:143:LYS:HE3	10	0.16
(1,162)	1:A:10:SER:HB2	1:A:13:ASN:H	6	0.16
(1,162)	1:A:10:SER:HB3	1:A:13:ASN:H	6	0.16
(1,161)	1:A:10:SER:HB2	1:A:12:LYS:H	2	0.16
(1,161)	1:A:10:SER:HB3	1:A:12:LYS:H	2	0.16
(1,156)	1:A:10:SER:HB2	1:A:13:ASN:H	1	0.16
(1,1549)	1:A:131:ALA:H	1:A:136:ASP:HB2	3	0.16
(1,1549)	1:A:131:ALA:H	1:A:136:ASP:HB3	3	0.16
(1,1536)	1:A:128:GLN:HB2	1:A:129:VAL:H	1	0.16
(1,1536)	1:A:128:GLN:HB3	1:A:129:VAL:H	1	0.16

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,1536)	1:A:128:GLN:HB2	1:A:129:VAL:H	2	0.16
(1,1536)	1:A:128:GLN:HB3	1:A:129:VAL:H	2	0.16
(1,1433)	1:A:117:LEU:HD11	1:A:120:SER:H	9	0.16
(1,1433)	1:A:117:LEU:HD12	1:A:120:SER:H	9	0.16
(1,1433)	1:A:117:LEU:HD13	1:A:120:SER:H	9	0.16
(1,1433)	1:A:117:LEU:HD21	1:A:120:SER:H	9	0.16
(1,1433)	1:A:117:LEU:HD22	1:A:120:SER:H	9	0.16
(1,1433)	1:A:117:LEU:HD23	1:A:120:SER:H	9	0.16
(1,1358)	1:A:113:SER:H	1:A:115:ARG:H	6	0.16
(1,1294)	1:A:108:MET:HA	1:A:111:ALA:H	8	0.16
(1,1288)	1:A:107:ARG:HG2	1:A:109:LEU:H	4	0.16
(1,1288)	1:A:107:ARG:HG3	1:A:109:LEU:H	4	0.16
(1,124)	1:A:8:ASP:HB2	1:A:39:VAL:HB	7	0.16
(1,121)	1:A:8:ASP:HB2	1:A:10:SER:H	9	0.16
(1,1204)	1:A:102:ALA:HB1	1:A:103:PRO:HG2	6	0.16
(1,1204)	1:A:102:ALA:HB1	1:A:103:PRO:HG3	6	0.16
(1,1204)	1:A:102:ALA:HB2	1:A:103:PRO:HG2	6	0.16
(1,1204)	1:A:102:ALA:HB2	1:A:103:PRO:HG3	6	0.16
(1,1204)	1:A:102:ALA:HB3	1:A:103:PRO:HG2	6	0.16
(1,1204)	1:A:102:ALA:HB3	1:A:103:PRO:HG3	6	0.16
(1,1180)	1:A:99:PRO:HB2	1:A:132:SER:HB2	9	0.16
(1,1180)	1:A:99:PRO:HB2	1:A:132:SER:HB3	9	0.16
(1,1174)	1:A:99:PRO:HA	1:A:102:ALA:H	3	0.16
(1,1147)	1:A:95:VAL:HG11	1:A:97:TYR:HB2	1	0.16
(1,1147)	1:A:95:VAL:HG11	1:A:97:TYR:HB3	1	0.16
(1,1147)	1:A:95:VAL:HG12	1:A:97:TYR:HB2	1	0.16
(1,1147)	1:A:95:VAL:HG12	1:A:97:TYR:HB3	1	0.16
(1,1147)	1:A:95:VAL:HG13	1:A:97:TYR:HB2	1	0.16
(1,1147)	1:A:95:VAL:HG13	1:A:97:TYR:HB3	1	0.16
(1,1147)	1:A:95:VAL:HG21	1:A:97:TYR:HB2	1	0.16
(1,1147)	1:A:95:VAL:HG21	1:A:97:TYR:HB3	1	0.16
(1,1147)	1:A:95:VAL:HG22	1:A:97:TYR:HB2	1	0.16
(1,1147)	1:A:95:VAL:HG22	1:A:97:TYR:HB3	1	0.16
(1,1147)	1:A:95:VAL:HG23	1:A:97:TYR:HB2	1	0.16
(1,1147)	1:A:95:VAL:HG23	1:A:97:TYR:HB3	1	0.16
(1,1114)	1:A:94:PHE:H	1:A:129:VAL:H	5	0.16
(1,111)	1:A:7:VAL:HG11	1:A:9:PRO:HA	1	0.16
(1,111)	1:A:7:VAL:HG12	1:A:9:PRO:HA	1	0.16
(1,111)	1:A:7:VAL:HG13	1:A:9:PRO:HA	1	0.16
(1,111)	1:A:7:VAL:HG21	1:A:9:PRO:HA	1	0.16
(1,111)	1:A:7:VAL:HG22	1:A:9:PRO:HA	1	0.16
(1,111)	1:A:7:VAL:HG23	1:A:9:PRO:HA	1	0.16

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,1092)	1:A:93:ILE:HG12	1:A:127:PHE:H	7	0.16
(1,105)	1:A:7:VAL:HG11	1:A:37:ALA:HA	9	0.16
(1,105)	1:A:7:VAL:HG12	1:A:37:ALA:HA	9	0.16
(1,105)	1:A:7:VAL:HG13	1:A:37:ALA:HA	9	0.16
(1,105)	1:A:7:VAL:HG21	1:A:37:ALA:HA	9	0.16
(1,105)	1:A:7:VAL:HG22	1:A:37:ALA:HA	9	0.16
(1,105)	1:A:7:VAL:HG23	1:A:37:ALA:HA	9	0.16
(1,1038)	1:A:88:THR:HG21	1:A:89:LEU:H	7	0.16
(1,1038)	1:A:88:THR:HG22	1:A:89:LEU:H	7	0.16
(1,1038)	1:A:88:THR:HG23	1:A:89:LEU:H	7	0.16
(1,1028)	1:A:86:THR:HG21	1:A:87:SER:H	2	0.16
(1,1028)	1:A:86:THR:HG22	1:A:87:SER:H	2	0.16
(1,1028)	1:A:86:THR:HG23	1:A:87:SER:H	2	0.16
(1,1024)	1:A:86:THR:H	1:A:86:THR:HB	1	0.16
(1,1021)	1:A:85:GLY:H	1:A:86:THR:H	2	0.16
(1,1014)	1:A:84:GLU:H	1:A:84:GLU:HB2	7	0.16
(1,1014)	1:A:84:GLU:H	1:A:84:GLU:HB3	7	0.16
(3,38)	1:A:74:VAL:N	1:A:91:LYS:O	9	0.15
(2,35)	1:A:118:LYS:HE3	1:A:128:GLN:HA	8	0.15
(2,16)	1:A:27:ILE:HG21	1:A:43:VAL:H	5	0.15
(2,16)	1:A:27:ILE:HG22	1:A:43:VAL:H	5	0.15
(2,16)	1:A:27:ILE:HG23	1:A:43:VAL:H	5	0.15
(2,16)	1:A:27:ILE:HG21	1:A:43:VAL:H	8	0.15
(2,16)	1:A:27:ILE:HG22	1:A:43:VAL:H	8	0.15
(2,16)	1:A:27:ILE:HG23	1:A:43:VAL:H	8	0.15
(1,978)	1:A:79:GLN:HG2	1:A:85:GLY:H	10	0.15
(1,963)	1:A:79:GLN:H	1:A:79:GLN:HA	5	0.15
(1,963)	1:A:79:GLN:H	1:A:79:GLN:HA	9	0.15
(1,944)	1:A:78:VAL:H	1:A:79:GLN:H	2	0.15
(1,91)	1:A:7:VAL:HG21	1:A:120:SER:HA	8	0.15
(1,91)	1:A:7:VAL:HG22	1:A:120:SER:HA	8	0.15
(1,91)	1:A:7:VAL:HG23	1:A:120:SER:HA	8	0.15
(1,874)	1:A:75:GLU:HA	1:A:88:THR:HG21	9	0.15
(1,874)	1:A:75:GLU:HA	1:A:88:THR:HG22	9	0.15
(1,874)	1:A:75:GLU:HA	1:A:88:THR:HG23	9	0.15
(1,751)	1:A:58:LYS:HB2	1:A:60:LEU:H	7	0.15
(1,742)	1:A:58:LYS:H	1:A:58:LYS:HE2	7	0.15
(1,742)	1:A:58:LYS:H	1:A:58:LYS:HE3	7	0.15
(1,733)	1:A:57:MET:HA	1:A:61:VAL:H	1	0.15
(1,724)	1:A:56:GLU:HG2	1:A:58:LYS:H	1	0.15
(1,723)	1:A:56:GLU:HG2	1:A:57:MET:H	4	0.15
(1,709)	1:A:55:GLU:HB2	1:A:58:LYS:H	10	0.15

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,655)	1:A:53:PHE:HA	1:A:56:GLU:H	7	0.15
(1,64)	1:A:7:VAL:HA	1:A:117:LEU:HA	2	0.15
(1,636)	1:A:51:ALA:HB1	1:A:54:VAL:H	1	0.15
(1,636)	1:A:51:ALA:HB2	1:A:54:VAL:H	1	0.15
(1,636)	1:A:51:ALA:HB3	1:A:54:VAL:H	1	0.15
(1,615)	1:A:50:TYR:HA	1:A:51:ALA:H	1	0.15
(1,6)	1:A:1:MET:HA	1:A:2:ALA:H	5	0.15
(1,599)	1:A:49:PRO:HA	1:A:52:GLU:H	4	0.15
(1,509)	1:A:31:ILE:HG21	1:A:109:LEU:H	4	0.15
(1,509)	1:A:31:ILE:HG22	1:A:109:LEU:H	4	0.15
(1,509)	1:A:31:ILE:HG23	1:A:109:LEU:H	4	0.15
(1,494)	1:A:31:ILE:HG12	1:A:38:ILE:HA	5	0.15
(1,440)	1:A:28:ILE:HB	1:A:70:ALA:HB1	3	0.15
(1,440)	1:A:28:ILE:HB	1:A:70:ALA:HB2	3	0.15
(1,440)	1:A:28:ILE:HB	1:A:70:ALA:HB3	3	0.15
(1,404)	1:A:27:ILE:HB	1:A:71:ALA:HB1	8	0.15
(1,404)	1:A:27:ILE:HB	1:A:71:ALA:HB2	8	0.15
(1,404)	1:A:27:ILE:HB	1:A:71:ALA:HB3	8	0.15
(1,351)	1:A:21:LYS:HE2	1:A:22:HIS:H	7	0.15
(1,351)	1:A:21:LYS:HE3	1:A:22:HIS:H	7	0.15
(1,325)	1:A:18:LEU:HD21	1:A:72:VAL:H	4	0.15
(1,325)	1:A:18:LEU:HD22	1:A:72:VAL:H	4	0.15
(1,325)	1:A:18:LEU:HD23	1:A:72:VAL:H	4	0.15
(1,297)	1:A:17:LEU:HB2	1:A:18:LEU:H	9	0.15
(1,296)	1:A:17:LEU:HA	1:A:23:GLN:HB2	4	0.15
(1,296)	1:A:17:LEU:HA	1:A:23:GLN:HB3	4	0.15
(1,283)	1:A:16:ASP:HB2	1:A:18:LEU:H	1	0.15
(1,283)	1:A:16:ASP:HB3	1:A:18:LEU:H	1	0.15
(1,283)	1:A:16:ASP:HB2	1:A:18:LEU:H	8	0.15
(1,283)	1:A:16:ASP:HB3	1:A:18:LEU:H	8	0.15
(1,277)	1:A:16:ASP:HB2	1:A:18:LEU:H	7	0.15
(1,234)	1:A:14:ALA:H	1:A:43:VAL:HG11	10	0.15
(1,234)	1:A:14:ALA:H	1:A:43:VAL:HG12	10	0.15
(1,234)	1:A:14:ALA:H	1:A:43:VAL:HG13	10	0.15
(1,234)	1:A:14:ALA:H	1:A:43:VAL:HG21	10	0.15
(1,234)	1:A:14:ALA:H	1:A:43:VAL:HG22	10	0.15
(1,234)	1:A:14:ALA:H	1:A:43:VAL:HG23	10	0.15
(1,1794)	1:A:151:ARG:H	1:A:151:ARG:HA	4	0.15
(1,1794)	1:A:151:ARG:H	1:A:151:ARG:HA	10	0.15
(1,1764)	1:A:148:SER:HB2	1:A:149:ASN:H	6	0.15
(1,1762)	1:A:148:SER:H	1:A:150:GLN:H	3	0.15
(1,1659)	1:A:140:LYS:HB2	1:A:143:LYS:H	10	0.15

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,1659)	1:A:140:LYS:HB3	1:A:143:LYS:H	10	0.15
(1,1645)	1:A:140:LYS:HA	1:A:142:VAL:H	6	0.15
(1,1555)	1:A:132:SER:H	1:A:136:ASP:HA	6	0.15
(1,153)	1:A:10:SER:HA	1:A:40:VAL:HG11	1	0.15
(1,153)	1:A:10:SER:HA	1:A:40:VAL:HG12	1	0.15
(1,153)	1:A:10:SER:HA	1:A:40:VAL:HG13	1	0.15
(1,153)	1:A:10:SER:HA	1:A:40:VAL:HG21	1	0.15
(1,153)	1:A:10:SER:HA	1:A:40:VAL:HG22	1	0.15
(1,153)	1:A:10:SER:HA	1:A:40:VAL:HG23	1	0.15
(1,1488)	1:A:121:LEU:HD21	1:A:122:GLY:H	1	0.15
(1,1488)	1:A:121:LEU:HD22	1:A:122:GLY:H	1	0.15
(1,1488)	1:A:121:LEU:HD23	1:A:122:GLY:H	1	0.15
(1,1421)	1:A:117:LEU:HA	1:A:120:SER:H	10	0.15
(1,1419)	1:A:117:LEU:H	1:A:119:ALA:H	6	0.15
(1,1394)	1:A:115:ARG:HA	1:A:117:LEU:H	9	0.15
(1,1296)	1:A:108:MET:HA	1:A:112:SER:H	10	0.15
(1,1293)	1:A:108:MET:HA	1:A:110:TYR:H	4	0.15
(1,1293)	1:A:108:MET:HA	1:A:110:TYR:H	7	0.15
(1,129)	1:A:8:ASP:HB3	1:A:39:VAL:HB	9	0.15
(1,1245)	1:A:104:VAL:HG11	1:A:108:MET:HG2	3	0.15
(1,1245)	1:A:104:VAL:HG11	1:A:108:MET:HG3	3	0.15
(1,1245)	1:A:104:VAL:HG12	1:A:108:MET:HG2	3	0.15
(1,1245)	1:A:104:VAL:HG12	1:A:108:MET:HG3	3	0.15
(1,1245)	1:A:104:VAL:HG13	1:A:108:MET:HG2	3	0.15
(1,1245)	1:A:104:VAL:HG13	1:A:108:MET:HG3	3	0.15
(1,1245)	1:A:104:VAL:HG21	1:A:108:MET:HG2	3	0.15
(1,1245)	1:A:104:VAL:HG21	1:A:108:MET:HG3	3	0.15
(1,1245)	1:A:104:VAL:HG22	1:A:108:MET:HG2	3	0.15
(1,1245)	1:A:104:VAL:HG22	1:A:108:MET:HG3	3	0.15
(1,1245)	1:A:104:VAL:HG23	1:A:108:MET:HG2	3	0.15
(1,1245)	1:A:104:VAL:HG23	1:A:108:MET:HG3	3	0.15
(1,1228)	1:A:104:VAL:HG11	1:A:107:ARG:H	4	0.15
(1,1228)	1:A:104:VAL:HG12	1:A:107:ARG:H	4	0.15
(1,1228)	1:A:104:VAL:HG13	1:A:107:ARG:H	4	0.15
(1,118)	1:A:8:ASP:H	1:A:39:VAL:HG11	8	0.15
(1,118)	1:A:8:ASP:H	1:A:39:VAL:HG12	8	0.15
(1,118)	1:A:8:ASP:H	1:A:39:VAL:HG13	8	0.15
(1,118)	1:A:8:ASP:H	1:A:39:VAL:HG21	8	0.15
(1,118)	1:A:8:ASP:H	1:A:39:VAL:HG22	8	0.15
(1,118)	1:A:8:ASP:H	1:A:39:VAL:HG23	8	0.15
(1,1167)	1:A:97:TYR:HB2	1:A:131:ALA:HB1	6	0.15
(1,1167)	1:A:97:TYR:HB2	1:A:131:ALA:HB2	6	0.15

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,1167)	1:A:97:TYR:HB2	1:A:131:ALA:HB3	6	0.15
(1,116)	1:A:8:ASP:H	1:A:39:VAL:HA	8	0.15
(1,1145)	1:A:95:VAL:HG11	1:A:131:ALA:HA	3	0.15
(1,1145)	1:A:95:VAL:HG12	1:A:131:ALA:HA	3	0.15
(1,1145)	1:A:95:VAL:HG13	1:A:131:ALA:HA	3	0.15
(1,1145)	1:A:95:VAL:HG21	1:A:131:ALA:HA	3	0.15
(1,1145)	1:A:95:VAL:HG22	1:A:131:ALA:HA	3	0.15
(1,1145)	1:A:95:VAL:HG23	1:A:131:ALA:HA	3	0.15
(1,1107)	1:A:93:ILE:HG21	1:A:146:LEU:HA	8	0.15
(1,1107)	1:A:93:ILE:HG22	1:A:146:LEU:HA	8	0.15
(1,1107)	1:A:93:ILE:HG23	1:A:146:LEU:HA	8	0.15
(1,108)	1:A:7:VAL:HG11	1:A:38:ILE:HB	1	0.15
(1,108)	1:A:7:VAL:HG12	1:A:38:ILE:HB	1	0.15
(1,108)	1:A:7:VAL:HG13	1:A:38:ILE:HB	1	0.15
(1,108)	1:A:7:VAL:HG21	1:A:38:ILE:HB	1	0.15
(1,108)	1:A:7:VAL:HG22	1:A:38:ILE:HB	1	0.15
(1,108)	1:A:7:VAL:HG23	1:A:38:ILE:HB	1	0.15
(1,1014)	1:A:84:GLU:H	1:A:84:GLU:HB2	8	0.15
(1,1014)	1:A:84:GLU:H	1:A:84:GLU:HB3	8	0.15
(1,1001)	1:A:81:GLN:HB2	1:A:89:LEU:HD11	7	0.15
(1,1001)	1:A:81:GLN:HB2	1:A:89:LEU:HD12	7	0.15
(1,1001)	1:A:81:GLN:HB2	1:A:89:LEU:HD13	7	0.15
(1,1001)	1:A:81:GLN:HB2	1:A:89:LEU:HD21	7	0.15
(1,1001)	1:A:81:GLN:HB2	1:A:89:LEU:HD22	7	0.15
(1,1001)	1:A:81:GLN:HB2	1:A:89:LEU:HD23	7	0.15
(1,1001)	1:A:81:GLN:HB3	1:A:89:LEU:HD11	7	0.15
(1,1001)	1:A:81:GLN:HB3	1:A:89:LEU:HD12	7	0.15
(1,1001)	1:A:81:GLN:HB3	1:A:89:LEU:HD13	7	0.15
(1,1001)	1:A:81:GLN:HB3	1:A:89:LEU:HD21	7	0.15
(1,1001)	1:A:81:GLN:HB3	1:A:89:LEU:HD22	7	0.15
(1,1001)	1:A:81:GLN:HB3	1:A:89:LEU:HD23	7	0.15
(3,4)	1:A:8:ASP:N	1:A:38:ILE:O	9	0.14
(3,15)	1:A:27:ILE:O	1:A:71:ALA:H	6	0.14
(2,31)	1:A:97:TYR:HB2	1:A:131:ALA:HA	5	0.14
(2,31)	1:A:97:TYR:HB3	1:A:131:ALA:HA	5	0.14
(2,27)	1:A:78:VAL:HB	1:A:87:SER:HA	6	0.14
(2,16)	1:A:27:ILE:HG21	1:A:43:VAL:H	2	0.14
(2,16)	1:A:27:ILE:HG22	1:A:43:VAL:H	2	0.14
(2,16)	1:A:27:ILE:HG23	1:A:43:VAL:H	2	0.14
(2,11)	1:A:18:LEU:HD11	1:A:71:ALA:HA	7	0.14
(2,11)	1:A:18:LEU:HD12	1:A:71:ALA:HA	7	0.14
(2,11)	1:A:18:LEU:HD13	1:A:71:ALA:HA	7	0.14

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(2,11)	1:A:18:LEU:HD11	1:A:71:ALA:HA	8	0.14
(2,11)	1:A:18:LEU:HD12	1:A:71:ALA:HA	8	0.14
(2,11)	1:A:18:LEU:HD13	1:A:71:ALA:HA	8	0.14
(1,986)	1:A:80:ARG:H	1:A:81:GLN:H	5	0.14
(1,985)	1:A:80:ARG:H	1:A:80:ARG:HG2	10	0.14
(1,985)	1:A:80:ARG:H	1:A:80:ARG:HG3	10	0.14
(1,906)	1:A:76:VAL:H	1:A:88:THR:HA	6	0.14
(1,905)	1:A:76:VAL:H	1:A:77:THR:H	6	0.14
(1,883)	1:A:75:GLU:HB3	1:A:76:VAL:H	3	0.14
(1,877)	1:A:75:GLU:HA	1:A:90:ASN:HB2	7	0.14
(1,877)	1:A:75:GLU:HA	1:A:90:ASN:HB3	7	0.14
(1,875)	1:A:75:GLU:HA	1:A:89:LEU:H	4	0.14
(1,83)	1:A:7:VAL:HG11	1:A:120:SER:HA	4	0.14
(1,83)	1:A:7:VAL:HG12	1:A:120:SER:HA	4	0.14
(1,83)	1:A:7:VAL:HG13	1:A:120:SER:HA	4	0.14
(1,83)	1:A:7:VAL:HG11	1:A:120:SER:HA	8	0.14
(1,83)	1:A:7:VAL:HG12	1:A:120:SER:HA	8	0.14
(1,83)	1:A:7:VAL:HG13	1:A:120:SER:HA	8	0.14
(1,820)	1:A:69:TYR:HA	1:A:96:GLN:HG2	2	0.14
(1,820)	1:A:69:TYR:HA	1:A:96:GLN:HG3	2	0.14
(1,742)	1:A:58:LYS:H	1:A:58:LYS:HE2	3	0.14
(1,742)	1:A:58:LYS:H	1:A:58:LYS:HE3	3	0.14
(1,683)	1:A:54:VAL:HG21	1:A:58:LYS:H	3	0.14
(1,683)	1:A:54:VAL:HG22	1:A:58:LYS:H	3	0.14
(1,683)	1:A:54:VAL:HG23	1:A:58:LYS:H	3	0.14
(1,63)	1:A:7:VAL:H	1:A:8:ASP:H	7	0.14
(1,615)	1:A:50:TYR:HA	1:A:51:ALA:H	9	0.14
(1,57)	1:A:6:LYS:HB2	1:A:37:ALA:HA	7	0.14
(1,57)	1:A:6:LYS:HB3	1:A:37:ALA:HA	7	0.14
(1,57)	1:A:6:LYS:HB2	1:A:37:ALA:HA	8	0.14
(1,57)	1:A:6:LYS:HB3	1:A:37:ALA:HA	8	0.14
(1,533)	1:A:35:ASP:H	1:A:37:ALA:HB1	9	0.14
(1,533)	1:A:35:ASP:H	1:A:37:ALA:HB2	9	0.14
(1,533)	1:A:35:ASP:H	1:A:37:ALA:HB3	9	0.14
(1,499)	1:A:31:ILE:HG13	1:A:38:ILE:HB	10	0.14
(1,496)	1:A:31:ILE:HG13	1:A:109:LEU:HD11	1	0.14
(1,496)	1:A:31:ILE:HG13	1:A:109:LEU:HD12	1	0.14
(1,496)	1:A:31:ILE:HG13	1:A:109:LEU:HD13	1	0.14
(1,496)	1:A:31:ILE:HG13	1:A:109:LEU:HD21	1	0.14
(1,496)	1:A:31:ILE:HG13	1:A:109:LEU:HD22	1	0.14
(1,496)	1:A:31:ILE:HG13	1:A:109:LEU:HD23	1	0.14
(1,479)	1:A:30:LYS:HB2	1:A:39:VAL:HG11	1	0.14

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,479)	1:A:30:LYS:HB2	1:A:39:VAL:HG12	1	0.14
(1,479)	1:A:30:LYS:HB2	1:A:39:VAL:HG13	1	0.14
(1,479)	1:A:30:LYS:HB2	1:A:39:VAL:HG21	1	0.14
(1,479)	1:A:30:LYS:HB2	1:A:39:VAL:HG22	1	0.14
(1,479)	1:A:30:LYS:HB2	1:A:39:VAL:HG23	1	0.14
(1,479)	1:A:30:LYS:HB3	1:A:39:VAL:HG11	1	0.14
(1,479)	1:A:30:LYS:HB3	1:A:39:VAL:HG12	1	0.14
(1,479)	1:A:30:LYS:HB3	1:A:39:VAL:HG13	1	0.14
(1,479)	1:A:30:LYS:HB3	1:A:39:VAL:HG21	1	0.14
(1,479)	1:A:30:LYS:HB3	1:A:39:VAL:HG22	1	0.14
(1,479)	1:A:30:LYS:HB3	1:A:39:VAL:HG23	1	0.14
(1,437)	1:A:28:ILE:HB	1:A:42:LYS:HA	10	0.14
(1,429)	1:A:28:ILE:H	1:A:42:LYS:HG2	9	0.14
(1,429)	1:A:28:ILE:H	1:A:42:LYS:HG3	9	0.14
(1,426)	1:A:28:ILE:H	1:A:42:LYS:HA	5	0.14
(1,327)	1:A:18:LEU:HD21	1:A:73:ASP:HA	5	0.14
(1,327)	1:A:18:LEU:HD22	1:A:73:ASP:HA	5	0.14
(1,327)	1:A:18:LEU:HD23	1:A:73:ASP:HA	5	0.14
(1,294)	1:A:17:LEU:HA	1:A:21:LYS:HD2	7	0.14
(1,294)	1:A:17:LEU:HA	1:A:21:LYS:HD3	7	0.14
(1,281)	1:A:16:ASP:HB3	1:A:19:HIS:H	8	0.14
(1,256)	1:A:15:TYR:HB2	1:A:121:LEU:HG	4	0.14
(1,255)	1:A:15:TYR:HA	1:A:19:HIS:H	2	0.14
(1,227)	1:A:13:ASN:HB2	1:A:15:TYR:H	6	0.14
(1,210)	1:A:12:LYS:HG2	1:A:13:ASN:H	6	0.14
(1,1794)	1:A:151:ARG:H	1:A:151:ARG:HA	3	0.14
(1,1794)	1:A:151:ARG:H	1:A:151:ARG:HA	5	0.14
(1,1788)	1:A:150:GLN:HB2	1:A:152:ILE:H	8	0.14
(1,1782)	1:A:150:GLN:H	1:A:150:GLN:HA	2	0.14
(1,1782)	1:A:150:GLN:H	1:A:150:GLN:HA	3	0.14
(1,178)	1:A:11:CYS:HB2	1:A:13:ASN:H	10	0.14
(1,1779)	1:A:149:ASN:HB2	1:A:152:ILE:H	2	0.14
(1,1779)	1:A:149:ASN:HB3	1:A:152:ILE:H	2	0.14
(1,1747)	1:A:146:LEU:HB2	1:A:147:MET:H	2	0.14
(1,1747)	1:A:146:LEU:HB3	1:A:147:MET:H	2	0.14
(1,1747)	1:A:146:LEU:HB2	1:A:147:MET:H	9	0.14
(1,1747)	1:A:146:LEU:HB3	1:A:147:MET:H	9	0.14
(1,1745)	1:A:146:LEU:HG	1:A:147:MET:H	8	0.14
(1,1717)	1:A:144:SER:H	1:A:145:ASP:H	9	0.14
(1,1655)	1:A:140:LYS:HE3	1:A:142:VAL:H	3	0.14
(1,1652)	1:A:140:LYS:HE2	1:A:141:SER:H	9	0.14
(1,1627)	1:A:139:GLU:HA	1:A:143:LYS:HE2	9	0.14

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,1627)	1:A:139:GLU:HA	1:A:143:LYS:HE3	9	0.14
(1,16)	1:A:3:SER:H	1:A:4:GLY:H	2	0.14
(1,159)	1:A:10:SER:HB3	1:A:13:ASN:H	4	0.14
(1,156)	1:A:10:SER:HB2	1:A:13:ASN:H	2	0.14
(1,1555)	1:A:132:SER:H	1:A:136:ASP:HA	10	0.14
(1,1514)	1:A:124:GLU:HB2	1:A:126:LEU:H	10	0.14
(1,1514)	1:A:124:GLU:HB3	1:A:126:LEU:H	10	0.14
(1,147)	1:A:10:SER:H	1:A:13:ASN:H	8	0.14
(1,1453)	1:A:119:ALA:HA	1:A:122:GLY:H	3	0.14
(1,1410)	1:A:116:ALA:HA	1:A:120:SER:H	8	0.14
(1,1322)	1:A:109:LEU:HD21	1:A:113:SER:H	8	0.14
(1,1322)	1:A:109:LEU:HD22	1:A:113:SER:H	8	0.14
(1,1322)	1:A:109:LEU:HD23	1:A:113:SER:H	8	0.14
(1,1299)	1:A:108:MET:HB2	1:A:112:SER:H	7	0.14
(1,1298)	1:A:108:MET:HB2	1:A:110:TYR:H	10	0.14
(1,1273)	1:A:106:ARG:HB2	1:A:108:MET:H	8	0.14
(1,1273)	1:A:106:ARG:HB3	1:A:108:MET:H	8	0.14
(1,127)	1:A:8:ASP:HB3	1:A:37:ALA:HB1	5	0.14
(1,127)	1:A:8:ASP:HB3	1:A:37:ALA:HB2	5	0.14
(1,127)	1:A:8:ASP:HB3	1:A:37:ALA:HB3	5	0.14
(1,1233)	1:A:104:VAL:HG21	1:A:106:ARG:H	7	0.14
(1,1233)	1:A:104:VAL:HG22	1:A:106:ARG:H	7	0.14
(1,1233)	1:A:104:VAL:HG23	1:A:106:ARG:H	7	0.14
(1,1178)	1:A:99:PRO:HB2	1:A:102:ALA:HA	10	0.14
(1,1171)	1:A:97:TYR:HB2	1:A:131:ALA:HB1	6	0.14
(1,1171)	1:A:97:TYR:HB2	1:A:131:ALA:HB2	6	0.14
(1,1171)	1:A:97:TYR:HB2	1:A:131:ALA:HB3	6	0.14
(1,1171)	1:A:97:TYR:HB3	1:A:131:ALA:HB1	6	0.14
(1,1171)	1:A:97:TYR:HB3	1:A:131:ALA:HB2	6	0.14
(1,1171)	1:A:97:TYR:HB3	1:A:131:ALA:HB3	6	0.14
(1,1145)	1:A:95:VAL:HG11	1:A:131:ALA:HA	4	0.14
(1,1145)	1:A:95:VAL:HG12	1:A:131:ALA:HA	4	0.14
(1,1145)	1:A:95:VAL:HG13	1:A:131:ALA:HA	4	0.14
(1,1145)	1:A:95:VAL:HG21	1:A:131:ALA:HA	4	0.14
(1,1145)	1:A:95:VAL:HG22	1:A:131:ALA:HA	4	0.14
(1,1145)	1:A:95:VAL:HG23	1:A:131:ALA:HA	4	0.14
(1,1135)	1:A:95:VAL:HG11	1:A:131:ALA:HA	7	0.14
(1,1135)	1:A:95:VAL:HG12	1:A:131:ALA:HA	7	0.14
(1,1135)	1:A:95:VAL:HG13	1:A:131:ALA:HA	7	0.14
(1,112)	1:A:8:ASP:H	1:A:11:CYS:HB2	10	0.14
(1,112)	1:A:8:ASP:H	1:A:11:CYS:HB3	10	0.14
(1,1114)	1:A:94:PHE:H	1:A:129:VAL:H	8	0.14

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,1113)	1:A:94:PHE:H	1:A:128:GLN:HB2	7	0.14
(1,1113)	1:A:94:PHE:H	1:A:128:GLN:HB3	7	0.14
(1,1094)	1:A:93:ILE:HG13	1:A:127:PHE:H	3	0.14
(1,1037)	1:A:88:THR:HB	1:A:89:LEU:H	10	0.14
(1,1033)	1:A:88:THR:H	1:A:88:THR:HB	2	0.14
(1,1024)	1:A:86:THR:H	1:A:86:THR:HB	3	0.14
(1,1024)	1:A:86:THR:H	1:A:86:THR:HB	4	0.14
(1,1024)	1:A:86:THR:H	1:A:86:THR:HB	10	0.14
(1,1014)	1:A:84:GLU:H	1:A:84:GLU:HB2	3	0.14
(1,1014)	1:A:84:GLU:H	1:A:84:GLU:HB3	3	0.14
(3,4)	1:A:8:ASP:N	1:A:38:ILE:O	7	0.13
(3,27)	1:A:68:ARG:O	1:A:97:TYR:H	7	0.13
(2,39)	1:A:135:SER:HA	1:A:140:LYS:HE3	6	0.13
(2,13)	1:A:21:LYS:HD2	1:A:22:HIS:H	4	0.13
(1,963)	1:A:79:GLN:H	1:A:79:GLN:HA	4	0.13
(1,940)	1:A:77:THR:HG21	1:A:87:SER:H	8	0.13
(1,940)	1:A:77:THR:HG22	1:A:87:SER:H	8	0.13
(1,940)	1:A:77:THR:HG23	1:A:87:SER:H	8	0.13
(1,875)	1:A:75:GLU:HA	1:A:89:LEU:H	3	0.13
(1,814)	1:A:68:ARG:H	1:A:69:TYR:H	2	0.13
(1,753)	1:A:58:LYS:HB3	1:A:60:LEU:H	10	0.13
(1,724)	1:A:56:GLU:HG2	1:A:58:LYS:H	2	0.13
(1,689)	1:A:54:VAL:HG11	1:A:57:MET:H	9	0.13
(1,689)	1:A:54:VAL:HG12	1:A:57:MET:H	9	0.13
(1,689)	1:A:54:VAL:HG13	1:A:57:MET:H	9	0.13
(1,689)	1:A:54:VAL:HG21	1:A:57:MET:H	9	0.13
(1,689)	1:A:54:VAL:HG22	1:A:57:MET:H	9	0.13
(1,689)	1:A:54:VAL:HG23	1:A:57:MET:H	9	0.13
(1,682)	1:A:54:VAL:HG21	1:A:57:MET:H	9	0.13
(1,682)	1:A:54:VAL:HG22	1:A:57:MET:H	9	0.13
(1,682)	1:A:54:VAL:HG23	1:A:57:MET:H	9	0.13
(1,676)	1:A:54:VAL:HB	1:A:57:MET:H	2	0.13
(1,655)	1:A:53:PHE:HA	1:A:56:GLU:H	4	0.13
(1,636)	1:A:51:ALA:HB1	1:A:54:VAL:H	7	0.13
(1,636)	1:A:51:ALA:HB2	1:A:54:VAL:H	7	0.13
(1,636)	1:A:51:ALA:HB3	1:A:54:VAL:H	7	0.13
(1,63)	1:A:7:VAL:H	1:A:8:ASP:H	8	0.13
(1,615)	1:A:50:TYR:HA	1:A:51:ALA:H	2	0.13
(1,531)	1:A:34:ASN:H	1:A:36:THR:HG21	6	0.13
(1,531)	1:A:34:ASN:H	1:A:36:THR:HG22	6	0.13
(1,531)	1:A:34:ASN:H	1:A:36:THR:HG23	6	0.13
(1,480)	1:A:30:LYS:HB2	1:A:41:GLU:HA	5	0.13

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,480)	1:A:30:LYS:HB3	1:A:41:GLU:HA	5	0.13
(1,464)	1:A:29:PHE:HB2	1:A:41:GLU:H	10	0.13
(1,449)	1:A:28:ILE:HD11	1:A:42:LYS:HD2	10	0.13
(1,449)	1:A:28:ILE:HD12	1:A:42:LYS:HD2	10	0.13
(1,449)	1:A:28:ILE:HD13	1:A:42:LYS:HD2	10	0.13
(1,449)	1:A:28:ILE:HD11	1:A:42:LYS:HD3	10	0.13
(1,449)	1:A:28:ILE:HD12	1:A:42:LYS:HD3	10	0.13
(1,449)	1:A:28:ILE:HD13	1:A:42:LYS:HD3	10	0.13
(1,439)	1:A:28:ILE:HB	1:A:42:LYS:HD2	6	0.13
(1,439)	1:A:28:ILE:HB	1:A:42:LYS:HD3	6	0.13
(1,404)	1:A:27:ILE:HB	1:A:71:ALA:HB1	7	0.13
(1,404)	1:A:27:ILE:HB	1:A:71:ALA:HB2	7	0.13
(1,404)	1:A:27:ILE:HB	1:A:71:ALA:HB3	7	0.13
(1,402)	1:A:27:ILE:HB	1:A:43:VAL:HA	8	0.13
(1,400)	1:A:27:ILE:HA	1:A:71:ALA:HB1	5	0.13
(1,400)	1:A:27:ILE:HA	1:A:71:ALA:HB2	5	0.13
(1,400)	1:A:27:ILE:HA	1:A:71:ALA:HB3	5	0.13
(1,350)	1:A:21:LYS:HD3	1:A:22:HIS:H	4	0.13
(1,277)	1:A:16:ASP:HB2	1:A:18:LEU:H	8	0.13
(1,255)	1:A:15:TYR:HA	1:A:19:HIS:H	7	0.13
(1,224)	1:A:13:ASN:HA	1:A:16:ASP:H	2	0.13
(1,219)	1:A:12:LYS:HG2	1:A:121:LEU:HD11	2	0.13
(1,219)	1:A:12:LYS:HG2	1:A:121:LEU:HD12	2	0.13
(1,219)	1:A:12:LYS:HG2	1:A:121:LEU:HD13	2	0.13
(1,219)	1:A:12:LYS:HG2	1:A:121:LEU:HD21	2	0.13
(1,219)	1:A:12:LYS:HG2	1:A:121:LEU:HD22	2	0.13
(1,219)	1:A:12:LYS:HG2	1:A:121:LEU:HD23	2	0.13
(1,219)	1:A:12:LYS:HG3	1:A:121:LEU:HD11	2	0.13
(1,219)	1:A:12:LYS:HG3	1:A:121:LEU:HD12	2	0.13
(1,219)	1:A:12:LYS:HG3	1:A:121:LEU:HD13	2	0.13
(1,219)	1:A:12:LYS:HG3	1:A:121:LEU:HD21	2	0.13
(1,219)	1:A:12:LYS:HG3	1:A:121:LEU:HD22	2	0.13
(1,219)	1:A:12:LYS:HG3	1:A:121:LEU:HD23	2	0.13
(1,215)	1:A:12:LYS:HB2	1:A:121:LEU:HD11	2	0.13
(1,215)	1:A:12:LYS:HB2	1:A:121:LEU:HD12	2	0.13
(1,215)	1:A:12:LYS:HB2	1:A:121:LEU:HD13	2	0.13
(1,215)	1:A:12:LYS:HB2	1:A:121:LEU:HD21	2	0.13
(1,215)	1:A:12:LYS:HB2	1:A:121:LEU:HD22	2	0.13
(1,215)	1:A:12:LYS:HB2	1:A:121:LEU:HD23	2	0.13
(1,215)	1:A:12:LYS:HB3	1:A:121:LEU:HD11	2	0.13
(1,215)	1:A:12:LYS:HB3	1:A:121:LEU:HD12	2	0.13
(1,215)	1:A:12:LYS:HB3	1:A:121:LEU:HD13	2	0.13

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,215)	1:A:12:LYS:HB3	1:A:121:LEU:HD21	2	0.13
(1,215)	1:A:12:LYS:HB3	1:A:121:LEU:HD22	2	0.13
(1,215)	1:A:12:LYS:HB3	1:A:121:LEU:HD23	2	0.13
(1,209)	1:A:12:LYS:HG2	1:A:121:LEU:HD11	4	0.13
(1,209)	1:A:12:LYS:HG2	1:A:121:LEU:HD12	4	0.13
(1,209)	1:A:12:LYS:HG2	1:A:121:LEU:HD13	4	0.13
(1,1757)	1:A:147:MET:HA	1:A:150:GLN:H	8	0.13
(1,1756)	1:A:147:MET:HA	1:A:149:ASN:H	9	0.13
(1,1747)	1:A:146:LEU:HB2	1:A:147:MET:H	10	0.13
(1,1747)	1:A:146:LEU:HB3	1:A:147:MET:H	10	0.13
(1,1703)	1:A:143:LYS:HA	1:A:146:LEU:HA	1	0.13
(1,1660)	1:A:140:LYS:HG2	1:A:142:VAL:H	3	0.13
(1,1660)	1:A:140:LYS:HG3	1:A:142:VAL:H	3	0.13
(1,1660)	1:A:140:LYS:HG2	1:A:142:VAL:H	5	0.13
(1,1660)	1:A:140:LYS:HG3	1:A:142:VAL:H	5	0.13
(1,1645)	1:A:140:LYS:HA	1:A:142:VAL:H	5	0.13
(1,1637)	1:A:139:GLU:HG2	1:A:143:LYS:H	7	0.13
(1,1637)	1:A:139:GLU:HG3	1:A:143:LYS:H	7	0.13
(1,1612)	1:A:137:LEU:HD11	1:A:139:GLU:HG2	3	0.13
(1,1612)	1:A:137:LEU:HD11	1:A:139:GLU:HG3	3	0.13
(1,1612)	1:A:137:LEU:HD12	1:A:139:GLU:HG2	3	0.13
(1,1612)	1:A:137:LEU:HD12	1:A:139:GLU:HG3	3	0.13
(1,1612)	1:A:137:LEU:HD13	1:A:139:GLU:HG2	3	0.13
(1,1612)	1:A:137:LEU:HD13	1:A:139:GLU:HG3	3	0.13
(1,1612)	1:A:137:LEU:HD21	1:A:139:GLU:HG2	3	0.13
(1,1612)	1:A:137:LEU:HD21	1:A:139:GLU:HG3	3	0.13
(1,1612)	1:A:137:LEU:HD22	1:A:139:GLU:HG2	3	0.13
(1,1612)	1:A:137:LEU:HD22	1:A:139:GLU:HG3	3	0.13
(1,1612)	1:A:137:LEU:HD23	1:A:139:GLU:HG2	3	0.13
(1,1612)	1:A:137:LEU:HD23	1:A:139:GLU:HG3	3	0.13
(1,1593)	1:A:135:SER:HB2	1:A:140:LYS:HD2	3	0.13
(1,1593)	1:A:135:SER:HB2	1:A:140:LYS:HD3	3	0.13
(1,1593)	1:A:135:SER:HB3	1:A:140:LYS:HD2	3	0.13
(1,1593)	1:A:135:SER:HB3	1:A:140:LYS:HD3	3	0.13
(1,1587)	1:A:135:SER:HA	1:A:138:ASP:H	7	0.13
(1,1585)	1:A:135:SER:HA	1:A:136:ASP:HA	9	0.13
(1,1536)	1:A:128:GLN:HB2	1:A:129:VAL:H	3	0.13
(1,1536)	1:A:128:GLN:HB3	1:A:129:VAL:H	3	0.13
(1,1536)	1:A:128:GLN:HB2	1:A:129:VAL:H	6	0.13
(1,1536)	1:A:128:GLN:HB3	1:A:129:VAL:H	6	0.13
(1,153)	1:A:10:SER:HA	1:A:40:VAL:HG11	6	0.13
(1,153)	1:A:10:SER:HA	1:A:40:VAL:HG12	6	0.13

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,153)	1:A:10:SER:HA	1:A:40:VAL:HG13	6	0.13
(1,153)	1:A:10:SER:HA	1:A:40:VAL:HG21	6	0.13
(1,153)	1:A:10:SER:HA	1:A:40:VAL:HG22	6	0.13
(1,153)	1:A:10:SER:HA	1:A:40:VAL:HG23	6	0.13
(1,1514)	1:A:124:GLU:HB2	1:A:126:LEU:H	2	0.13
(1,1514)	1:A:124:GLU:HB3	1:A:126:LEU:H	2	0.13
(1,1475)	1:A:121:LEU:HA	1:A:122:GLY:H	10	0.13
(1,1464)	1:A:120:SER:HB2	1:A:122:GLY:H	6	0.13
(1,1429)	1:A:117:LEU:HB3	1:A:119:ALA:H	8	0.13
(1,1358)	1:A:113:SER:H	1:A:115:ARG:H	1	0.13
(1,1358)	1:A:113:SER:H	1:A:115:ARG:H	3	0.13
(1,1329)	1:A:110:TYR:H	1:A:112:SER:H	5	0.13
(1,1273)	1:A:106:ARG:HB2	1:A:108:MET:H	2	0.13
(1,1273)	1:A:106:ARG:HB3	1:A:108:MET:H	2	0.13
(1,1233)	1:A:104:VAL:HG21	1:A:106:ARG:H	2	0.13
(1,1233)	1:A:104:VAL:HG22	1:A:106:ARG:H	2	0.13
(1,1233)	1:A:104:VAL:HG23	1:A:106:ARG:H	2	0.13
(1,1224)	1:A:104:VAL:HB	1:A:106:ARG:H	9	0.13
(1,1203)	1:A:102:ALA:HB1	1:A:103:PRO:HA	4	0.13
(1,1203)	1:A:102:ALA:HB2	1:A:103:PRO:HA	4	0.13
(1,1203)	1:A:102:ALA:HB3	1:A:103:PRO:HA	4	0.13
(1,1186)	1:A:99:PRO:HG2	1:A:132:SER:HA	1	0.13
(1,115)	1:A:8:ASP:H	1:A:38:ILE:H	5	0.13
(1,1147)	1:A:95:VAL:HG11	1:A:97:TYR:HB2	7	0.13
(1,1147)	1:A:95:VAL:HG11	1:A:97:TYR:HB3	7	0.13
(1,1147)	1:A:95:VAL:HG12	1:A:97:TYR:HB2	7	0.13
(1,1147)	1:A:95:VAL:HG12	1:A:97:TYR:HB3	7	0.13
(1,1147)	1:A:95:VAL:HG13	1:A:97:TYR:HB2	7	0.13
(1,1147)	1:A:95:VAL:HG13	1:A:97:TYR:HB3	7	0.13
(1,1147)	1:A:95:VAL:HG21	1:A:97:TYR:HB2	7	0.13
(1,1147)	1:A:95:VAL:HG21	1:A:97:TYR:HB3	7	0.13
(1,1147)	1:A:95:VAL:HG22	1:A:97:TYR:HB2	7	0.13
(1,1147)	1:A:95:VAL:HG22	1:A:97:TYR:HB3	7	0.13
(1,1147)	1:A:95:VAL:HG23	1:A:97:TYR:HB2	7	0.13
(1,1147)	1:A:95:VAL:HG23	1:A:97:TYR:HB3	7	0.13
(1,1145)	1:A:95:VAL:HG11	1:A:131:ALA:HA	2	0.13
(1,1145)	1:A:95:VAL:HG12	1:A:131:ALA:HA	2	0.13
(1,1145)	1:A:95:VAL:HG13	1:A:131:ALA:HA	2	0.13
(1,1145)	1:A:95:VAL:HG21	1:A:131:ALA:HA	2	0.13
(1,1145)	1:A:95:VAL:HG22	1:A:131:ALA:HA	2	0.13
(1,1145)	1:A:95:VAL:HG23	1:A:131:ALA:HA	2	0.13
(1,1131)	1:A:95:VAL:HB	1:A:129:VAL:HG11	7	0.13

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,1131)	1:A:95:VAL:HB	1:A:129:VAL:HG12	7	0.13
(1,1131)	1:A:95:VAL:HB	1:A:129:VAL:HG13	7	0.13
(1,1131)	1:A:95:VAL:HB	1:A:129:VAL:HG21	7	0.13
(1,1131)	1:A:95:VAL:HB	1:A:129:VAL:HG22	7	0.13
(1,1131)	1:A:95:VAL:HB	1:A:129:VAL:HG23	7	0.13
(1,1094)	1:A:93:ILE:HG13	1:A:127:PHE:H	8	0.13
(3,8)	1:A:13:ASN:O	1:A:17:LEU:N	9	0.12
(2,34)	1:A:114:VAL:HA	1:A:117:LEU:HA	7	0.12
(1,993)	1:A:80:ARG:HG2	1:A:81:GLN:H	4	0.12
(1,993)	1:A:80:ARG:HG3	1:A:81:GLN:H	4	0.12
(1,947)	1:A:78:VAL:H	1:A:87:SER:H	7	0.12
(1,930)	1:A:77:THR:HA	1:A:78:VAL:HB	10	0.12
(1,905)	1:A:76:VAL:H	1:A:77:THR:H	8	0.12
(1,89)	1:A:7:VAL:HG21	1:A:116:ALA:HB1	10	0.12
(1,89)	1:A:7:VAL:HG21	1:A:116:ALA:HB2	10	0.12
(1,89)	1:A:7:VAL:HG21	1:A:116:ALA:HB3	10	0.12
(1,89)	1:A:7:VAL:HG22	1:A:116:ALA:HB1	10	0.12
(1,89)	1:A:7:VAL:HG22	1:A:116:ALA:HB2	10	0.12
(1,89)	1:A:7:VAL:HG22	1:A:116:ALA:HB3	10	0.12
(1,89)	1:A:7:VAL:HG23	1:A:116:ALA:HB1	10	0.12
(1,89)	1:A:7:VAL:HG23	1:A:116:ALA:HB2	10	0.12
(1,89)	1:A:7:VAL:HG23	1:A:116:ALA:HB3	10	0.12
(1,887)	1:A:75:GLU:HB3	1:A:89:LEU:H	7	0.12
(1,822)	1:A:70:ALA:H	1:A:94:PHE:HA	6	0.12
(1,784)	1:A:61:VAL:HG11	1:A:66:GLU:HG2	3	0.12
(1,784)	1:A:61:VAL:HG12	1:A:66:GLU:HG2	3	0.12
(1,784)	1:A:61:VAL:HG13	1:A:66:GLU:HG2	3	0.12
(1,784)	1:A:61:VAL:HG11	1:A:66:GLU:HG3	3	0.12
(1,784)	1:A:61:VAL:HG12	1:A:66:GLU:HG3	3	0.12
(1,784)	1:A:61:VAL:HG13	1:A:66:GLU:HG3	3	0.12
(1,725)	1:A:56:GLU:HG3	1:A:57:MET:H	7	0.12
(1,72)	1:A:7:VAL:HB	1:A:117:LEU:HA	8	0.12
(1,701)	1:A:55:GLU:HA	1:A:58:LYS:HG2	6	0.12
(1,701)	1:A:55:GLU:HA	1:A:58:LYS:HG3	6	0.12
(1,690)	1:A:54:VAL:HG11	1:A:57:MET:HB2	3	0.12
(1,690)	1:A:54:VAL:HG11	1:A:57:MET:HB3	3	0.12
(1,690)	1:A:54:VAL:HG12	1:A:57:MET:HB2	3	0.12
(1,690)	1:A:54:VAL:HG12	1:A:57:MET:HB3	3	0.12
(1,690)	1:A:54:VAL:HG13	1:A:57:MET:HB2	3	0.12
(1,690)	1:A:54:VAL:HG13	1:A:57:MET:HB3	3	0.12
(1,690)	1:A:54:VAL:HG21	1:A:57:MET:HB2	3	0.12
(1,690)	1:A:54:VAL:HG21	1:A:57:MET:HB3	3	0.12

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,690)	1:A:54:VAL:HG22	1:A:57:MET:HB2	3	0.12
(1,690)	1:A:54:VAL:HG22	1:A:57:MET:HB3	3	0.12
(1,690)	1:A:54:VAL:HG23	1:A:57:MET:HB2	3	0.12
(1,690)	1:A:54:VAL:HG23	1:A:57:MET:HB3	3	0.12
(1,676)	1:A:54:VAL:HB	1:A:57:MET:H	5	0.12
(1,657)	1:A:53:PHE:HA	1:A:57:MET:H	7	0.12
(1,65)	1:A:7:VAL:HA	1:A:37:ALA:HA	4	0.12
(1,646)	1:A:52:GLU:HA	1:A:56:GLU:H	6	0.12
(1,636)	1:A:51:ALA:HB1	1:A:54:VAL:H	10	0.12
(1,636)	1:A:51:ALA:HB2	1:A:54:VAL:H	10	0.12
(1,636)	1:A:51:ALA:HB3	1:A:54:VAL:H	10	0.12
(1,528)	1:A:33:LYS:HG3	1:A:36:THR:HB	8	0.12
(1,519)	1:A:32:ASP:HB3	1:A:37:ALA:HB1	10	0.12
(1,519)	1:A:32:ASP:HB3	1:A:37:ALA:HB2	10	0.12
(1,519)	1:A:32:ASP:HB3	1:A:37:ALA:HB3	10	0.12
(1,519)	1:A:32:ASP:HB2	1:A:37:ALA:HB1	10	0.12
(1,519)	1:A:32:ASP:HB2	1:A:37:ALA:HB2	10	0.12
(1,519)	1:A:32:ASP:HB2	1:A:37:ALA:HB3	10	0.12
(1,519)	1:A:32:ASP:HB3	1:A:37:ALA:HB1	10	0.12
(1,519)	1:A:32:ASP:HB3	1:A:37:ALA:HB2	10	0.12
(1,519)	1:A:32:ASP:HB3	1:A:37:ALA:HB3	10	0.12
(1,466)	1:A:29:PHE:HB3	1:A:41:GLU:H	10	0.12
(1,402)	1:A:27:ILE:HB	1:A:43:VAL:HA	1	0.12
(1,402)	1:A:27:ILE:HB	1:A:43:VAL:HA	9	0.12
(1,400)	1:A:27:ILE:HA	1:A:71:ALA:HB1	2	0.12
(1,400)	1:A:27:ILE:HA	1:A:71:ALA:HB2	2	0.12
(1,400)	1:A:27:ILE:HA	1:A:71:ALA:HB3	2	0.12
(1,398)	1:A:27:ILE:HA	1:A:43:VAL:HB	3	0.12
(1,382)	1:A:26:TYR:HB3	1:A:72:VAL:HA	10	0.12
(1,366)	1:A:25:SER:H	1:A:73:ASP:H	10	0.12
(1,323)	1:A:18:LEU:HD21	1:A:71:ALA:HA	4	0.12
(1,323)	1:A:18:LEU:HD22	1:A:71:ALA:HA	4	0.12
(1,323)	1:A:18:LEU:HD23	1:A:71:ALA:HA	4	0.12
(1,291)	1:A:17:LEU:HA	1:A:20:ASN:H	9	0.12
(1,277)	1:A:16:ASP:HB2	1:A:18:LEU:H	4	0.12
(1,277)	1:A:16:ASP:HB2	1:A:18:LEU:H	6	0.12
(1,272)	1:A:16:ASP:HA	1:A:18:LEU:H	4	0.12
(1,26)	1:A:5:VAL:HA	1:A:116:ALA:HB1	6	0.12
(1,26)	1:A:5:VAL:HA	1:A:116:ALA:HB2	6	0.12
(1,26)	1:A:5:VAL:HA	1:A:116:ALA:HB3	6	0.12
(1,25)	1:A:5:VAL:H	1:A:6:LYS:H	2	0.12
(1,210)	1:A:12:LYS:HG2	1:A:13:ASN:H	2	0.12

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,184)	1:A:11:CYS:HB2	1:A:13:ASN:H	3	0.12
(1,184)	1:A:11:CYS:HB3	1:A:13:ASN:H	3	0.12
(1,1794)	1:A:151:ARG:H	1:A:151:ARG:HA	6	0.12
(1,1782)	1:A:150:GLN:H	1:A:150:GLN:HA	7	0.12
(1,1775)	1:A:149:ASN:HB3	1:A:152:ILE:HG21	2	0.12
(1,1775)	1:A:149:ASN:HB3	1:A:152:ILE:HG22	2	0.12
(1,1775)	1:A:149:ASN:HB3	1:A:152:ILE:HG23	2	0.12
(1,1757)	1:A:147:MET:HA	1:A:150:GLN:H	3	0.12
(1,1740)	1:A:146:LEU:H	1:A:148:SER:H	9	0.12
(1,1736)	1:A:146:LEU:H	1:A:146:LEU:HG	1	0.12
(1,1717)	1:A:144:SER:H	1:A:145:ASP:H	3	0.12
(1,1712)	1:A:143:LYS:HB3	1:A:147:MET:H	3	0.12
(1,1706)	1:A:143:LYS:HA	1:A:147:MET:H	7	0.12
(1,1665)	1:A:141:SER:HA	1:A:144:SER:H	9	0.12
(1,1646)	1:A:140:LYS:HA	1:A:143:LYS:H	2	0.12
(1,161)	1:A:10:SER:HB2	1:A:12:LYS:H	4	0.12
(1,161)	1:A:10:SER:HB3	1:A:12:LYS:H	4	0.12
(1,156)	1:A:10:SER:HB2	1:A:13:ASN:H	5	0.12
(1,1547)	1:A:130:GLN:HG2	1:A:131:ALA:H	3	0.12
(1,1547)	1:A:130:GLN:HG3	1:A:131:ALA:H	3	0.12
(1,1536)	1:A:128:GLN:HB2	1:A:129:VAL:H	8	0.12
(1,1536)	1:A:128:GLN:HB3	1:A:129:VAL:H	8	0.12
(1,1514)	1:A:124:GLU:HB2	1:A:126:LEU:H	1	0.12
(1,1514)	1:A:124:GLU:HB3	1:A:126:LEU:H	1	0.12
(1,1469)	1:A:120:SER:HB2	1:A:122:GLY:H	9	0.12
(1,1469)	1:A:120:SER:HB3	1:A:122:GLY:H	9	0.12
(1,1466)	1:A:120:SER:HB3	1:A:122:GLY:H	3	0.12
(1,1447)	1:A:118:LYS:HG3	1:A:128:GLN:HB2	3	0.12
(1,1447)	1:A:118:LYS:HG3	1:A:128:GLN:HB3	3	0.12
(1,1435)	1:A:118:LYS:H	1:A:118:LYS:HD2	4	0.12
(1,1435)	1:A:118:LYS:H	1:A:118:LYS:HD3	4	0.12
(1,1429)	1:A:117:LEU:HB3	1:A:119:ALA:H	7	0.12
(1,1426)	1:A:117:LEU:HB2	1:A:119:ALA:H	4	0.12
(1,1420)	1:A:117:LEU:HA	1:A:119:ALA:H	10	0.12
(1,1385)	1:A:114:VAL:HG11	1:A:116:ALA:H	9	0.12
(1,1385)	1:A:114:VAL:HG12	1:A:116:ALA:H	9	0.12
(1,1385)	1:A:114:VAL:HG13	1:A:116:ALA:H	9	0.12
(1,1385)	1:A:114:VAL:HG21	1:A:116:ALA:H	9	0.12
(1,1385)	1:A:114:VAL:HG22	1:A:116:ALA:H	9	0.12
(1,1385)	1:A:114:VAL:HG23	1:A:116:ALA:H	9	0.12
(1,1382)	1:A:114:VAL:HG21	1:A:116:ALA:H	4	0.12
(1,1382)	1:A:114:VAL:HG22	1:A:116:ALA:H	4	0.12

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,1382)	1:A:114:VAL:HG23	1:A:116:ALA:H	4	0.12
(1,1323)	1:A:109:LEU:HD11	1:A:111:ALA:H	2	0.12
(1,1323)	1:A:109:LEU:HD12	1:A:111:ALA:H	2	0.12
(1,1323)	1:A:109:LEU:HD13	1:A:111:ALA:H	2	0.12
(1,1323)	1:A:109:LEU:HD21	1:A:111:ALA:H	2	0.12
(1,1323)	1:A:109:LEU:HD22	1:A:111:ALA:H	2	0.12
(1,1323)	1:A:109:LEU:HD23	1:A:111:ALA:H	2	0.12
(1,1298)	1:A:108:MET:HB2	1:A:110:TYR:H	7	0.12
(1,1293)	1:A:108:MET:HA	1:A:110:TYR:H	10	0.12
(1,1239)	1:A:104:VAL:HG11	1:A:107:ARG:H	5	0.12
(1,1239)	1:A:104:VAL:HG12	1:A:107:ARG:H	5	0.12
(1,1239)	1:A:104:VAL:HG13	1:A:107:ARG:H	5	0.12
(1,1239)	1:A:104:VAL:HG21	1:A:107:ARG:H	5	0.12
(1,1239)	1:A:104:VAL:HG22	1:A:107:ARG:H	5	0.12
(1,1239)	1:A:104:VAL:HG23	1:A:107:ARG:H	5	0.12
(1,1218)	1:A:104:VAL:HA	1:A:106:ARG:H	2	0.12
(1,121)	1:A:8:ASP:HB2	1:A:10:SER:H	5	0.12
(1,1208)	1:A:103:PRO:HA	1:A:107:ARG:H	6	0.12
(1,1203)	1:A:102:ALA:HB1	1:A:103:PRO:HA	7	0.12
(1,1203)	1:A:102:ALA:HB2	1:A:103:PRO:HA	7	0.12
(1,1203)	1:A:102:ALA:HB3	1:A:103:PRO:HA	7	0.12
(1,107)	1:A:7:VAL:HG11	1:A:38:ILE:H	7	0.12
(1,107)	1:A:7:VAL:HG12	1:A:38:ILE:H	7	0.12
(1,107)	1:A:7:VAL:HG13	1:A:38:ILE:H	7	0.12
(1,107)	1:A:7:VAL:HG21	1:A:38:ILE:H	7	0.12
(1,107)	1:A:7:VAL:HG22	1:A:38:ILE:H	7	0.12
(1,107)	1:A:7:VAL:HG23	1:A:38:ILE:H	7	0.12
(1,1065)	1:A:91:LYS:HE3	1:A:150:GLN:H	1	0.12
(1,1037)	1:A:88:THR:HB	1:A:89:LEU:H	3	0.12
(1,1035)	1:A:88:THR:H	1:A:89:LEU:H	8	0.12
(1,1030)	1:A:87:SER:H	1:A:88:THR:H	1	0.12
(1,1014)	1:A:84:GLU:H	1:A:84:GLU:HB2	1	0.12
(1,1014)	1:A:84:GLU:H	1:A:84:GLU:HB3	1	0.12
(3,4)	1:A:8:ASP:N	1:A:38:ILE:O	2	0.11
(1,905)	1:A:76:VAL:H	1:A:77:THR:H	7	0.11
(1,902)	1:A:75:GLU:HG2	1:A:90:ASN:HB2	1	0.11
(1,902)	1:A:75:GLU:HG2	1:A:90:ASN:HB3	1	0.11
(1,902)	1:A:75:GLU:HG3	1:A:90:ASN:HB2	1	0.11
(1,902)	1:A:75:GLU:HG3	1:A:90:ASN:HB3	1	0.11
(1,902)	1:A:75:GLU:HG2	1:A:90:ASN:HB2	6	0.11
(1,902)	1:A:75:GLU:HG2	1:A:90:ASN:HB3	6	0.11
(1,902)	1:A:75:GLU:HG3	1:A:90:ASN:HB2	6	0.11

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,902)	1:A:75:GLU:HG3	1:A:90:ASN:HB3	6	0.11
(1,879)	1:A:75:GLU:HB2	1:A:88:THR:HA	1	0.11
(1,833)	1:A:71:ALA:HB1	1:A:93:ILE:H	1	0.11
(1,833)	1:A:71:ALA:HB2	1:A:93:ILE:H	1	0.11
(1,833)	1:A:71:ALA:HB3	1:A:93:ILE:H	1	0.11
(1,800)	1:A:64:GLY:H	1:A:65:LYS:H	8	0.11
(1,755)	1:A:58:LYS:HD2	1:A:60:LEU:H	2	0.11
(1,683)	1:A:54:VAL:HG21	1:A:58:LYS:H	1	0.11
(1,683)	1:A:54:VAL:HG22	1:A:58:LYS:H	1	0.11
(1,683)	1:A:54:VAL:HG23	1:A:58:LYS:H	1	0.11
(1,615)	1:A:50:TYR:HA	1:A:51:ALA:H	10	0.11
(1,594)	1:A:45:GLU:HG2	1:A:48:ALA:HB1	5	0.11
(1,594)	1:A:45:GLU:HG2	1:A:48:ALA:HB2	5	0.11
(1,594)	1:A:45:GLU:HG2	1:A:48:ALA:HB3	5	0.11
(1,594)	1:A:45:GLU:HG3	1:A:48:ALA:HB1	5	0.11
(1,594)	1:A:45:GLU:HG3	1:A:48:ALA:HB2	5	0.11
(1,594)	1:A:45:GLU:HG3	1:A:48:ALA:HB3	5	0.11
(1,594)	1:A:45:GLU:HG2	1:A:48:ALA:HB1	5	0.11
(1,594)	1:A:45:GLU:HG2	1:A:48:ALA:HB2	5	0.11
(1,594)	1:A:45:GLU:HG2	1:A:48:ALA:HB3	5	0.11
(1,594)	1:A:45:GLU:HG3	1:A:48:ALA:HB1	5	0.11
(1,594)	1:A:45:GLU:HG3	1:A:48:ALA:HB2	5	0.11
(1,594)	1:A:45:GLU:HG3	1:A:48:ALA:HB3	5	0.11
(1,519)	1:A:32:ASP:HB3	1:A:37:ALA:HB1	3	0.11
(1,519)	1:A:32:ASP:HB3	1:A:37:ALA:HB2	3	0.11
(1,519)	1:A:32:ASP:HB3	1:A:37:ALA:HB3	3	0.11
(1,519)	1:A:32:ASP:HB2	1:A:37:ALA:HB1	3	0.11
(1,519)	1:A:32:ASP:HB2	1:A:37:ALA:HB2	3	0.11
(1,519)	1:A:32:ASP:HB2	1:A:37:ALA:HB3	3	0.11
(1,519)	1:A:32:ASP:HB3	1:A:37:ALA:HB1	3	0.11
(1,519)	1:A:32:ASP:HB3	1:A:37:ALA:HB2	3	0.11
(1,519)	1:A:32:ASP:HB3	1:A:37:ALA:HB3	3	0.11
(1,51)	1:A:6:LYS:HA	1:A:37:ALA:HA	5	0.11
(1,492)	1:A:31:ILE:HG12	1:A:109:LEU:HD11	4	0.11
(1,492)	1:A:31:ILE:HG12	1:A:109:LEU:HD12	4	0.11
(1,492)	1:A:31:ILE:HG12	1:A:109:LEU:HD13	4	0.11
(1,492)	1:A:31:ILE:HG12	1:A:109:LEU:HD21	4	0.11
(1,492)	1:A:31:ILE:HG12	1:A:109:LEU:HD22	4	0.11
(1,492)	1:A:31:ILE:HG12	1:A:109:LEU:HD23	4	0.11
(1,490)	1:A:31:ILE:HB	1:A:109:LEU:HD11	5	0.11
(1,490)	1:A:31:ILE:HB	1:A:109:LEU:HD12	5	0.11
(1,490)	1:A:31:ILE:HB	1:A:109:LEU:HD13	5	0.11

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,490)	1:A:31:ILE:HB	1:A:109:LEU:HD21	5	0.11
(1,490)	1:A:31:ILE:HB	1:A:109:LEU:HD22	5	0.11
(1,490)	1:A:31:ILE:HB	1:A:109:LEU:HD23	5	0.11
(1,426)	1:A:28:ILE:H	1:A:42:LYS:HA	3	0.11
(1,404)	1:A:27:ILE:HB	1:A:71:ALA:HB1	9	0.11
(1,404)	1:A:27:ILE:HB	1:A:71:ALA:HB2	9	0.11
(1,404)	1:A:27:ILE:HB	1:A:71:ALA:HB3	9	0.11
(1,292)	1:A:17:LEU:HA	1:A:21:LYS:H	7	0.11
(1,283)	1:A:16:ASP:HB2	1:A:18:LEU:H	4	0.11
(1,283)	1:A:16:ASP:HB3	1:A:18:LEU:H	4	0.11
(1,283)	1:A:16:ASP:HB2	1:A:18:LEU:H	6	0.11
(1,283)	1:A:16:ASP:HB3	1:A:18:LEU:H	6	0.11
(1,278)	1:A:16:ASP:HB2	1:A:19:HIS:H	9	0.11
(1,272)	1:A:16:ASP:HA	1:A:18:LEU:H	1	0.11
(1,259)	1:A:15:TYR:HB2	1:A:27:ILE:HD11	4	0.11
(1,259)	1:A:15:TYR:HB2	1:A:27:ILE:HD12	4	0.11
(1,259)	1:A:15:TYR:HB2	1:A:27:ILE:HD13	4	0.11
(1,1782)	1:A:150:GLN:H	1:A:150:GLN:HA	1	0.11
(1,1765)	1:A:148:SER:HB2	1:A:150:GLN:H	8	0.11
(1,1764)	1:A:148:SER:HB2	1:A:149:ASN:H	2	0.11
(1,1764)	1:A:148:SER:HB2	1:A:149:ASN:H	10	0.11
(1,1740)	1:A:146:LEU:H	1:A:148:SER:H	1	0.11
(1,1736)	1:A:146:LEU:H	1:A:146:LEU:HG	8	0.11
(1,1729)	1:A:145:ASP:H	1:A:146:LEU:H	9	0.11
(1,1729)	1:A:145:ASP:H	1:A:146:LEU:H	10	0.11
(1,1721)	1:A:144:SER:HA	1:A:148:SER:H	6	0.11
(1,1657)	1:A:140:LYS:HB2	1:A:141:SER:H	3	0.11
(1,1657)	1:A:140:LYS:HB3	1:A:141:SER:H	3	0.11
(1,1657)	1:A:140:LYS:HB2	1:A:141:SER:H	5	0.11
(1,1657)	1:A:140:LYS:HB3	1:A:141:SER:H	5	0.11
(1,1550)	1:A:131:ALA:HA	1:A:136:ASP:HA	5	0.11
(1,1444)	1:A:118:LYS:HG2	1:A:119:ALA:H	1	0.11
(1,1402)	1:A:115:ARG:HB2	1:A:118:LYS:H	8	0.11
(1,1402)	1:A:115:ARG:HB3	1:A:118:LYS:H	8	0.11
(1,1385)	1:A:114:VAL:HG11	1:A:116:ALA:H	7	0.11
(1,1385)	1:A:114:VAL:HG12	1:A:116:ALA:H	7	0.11
(1,1385)	1:A:114:VAL:HG13	1:A:116:ALA:H	7	0.11
(1,1385)	1:A:114:VAL:HG21	1:A:116:ALA:H	7	0.11
(1,1385)	1:A:114:VAL:HG22	1:A:116:ALA:H	7	0.11
(1,1385)	1:A:114:VAL:HG23	1:A:116:ALA:H	7	0.11
(1,1366)	1:A:113:SER:HB3	1:A:116:ALA:H	2	0.11
(1,1333)	1:A:110:TYR:HA	1:A:114:VAL:H	9	0.11

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,1330)	1:A:110:TYR:HA	1:A:111:ALA:H	2	0.11
(1,1305)	1:A:108:MET:HG2	1:A:112:SER:H	4	0.11
(1,1305)	1:A:108:MET:HG3	1:A:112:SER:H	4	0.11
(1,1296)	1:A:108:MET:HA	1:A:112:SER:H	7	0.11
(1,1292)	1:A:108:MET:HA	1:A:109:LEU:HD11	6	0.11
(1,1292)	1:A:108:MET:HA	1:A:109:LEU:HD12	6	0.11
(1,1292)	1:A:108:MET:HA	1:A:109:LEU:HD13	6	0.11
(1,1292)	1:A:108:MET:HA	1:A:109:LEU:HD21	6	0.11
(1,1292)	1:A:108:MET:HA	1:A:109:LEU:HD22	6	0.11
(1,1292)	1:A:108:MET:HA	1:A:109:LEU:HD23	6	0.11
(1,1288)	1:A:107:ARG:HG2	1:A:109:LEU:H	6	0.11
(1,1288)	1:A:107:ARG:HG3	1:A:109:LEU:H	6	0.11
(1,128)	1:A:8:ASP:HB3	1:A:39:VAL:HA	3	0.11
(1,1273)	1:A:106:ARG:HB2	1:A:108:MET:H	1	0.11
(1,1273)	1:A:106:ARG:HB3	1:A:108:MET:H	1	0.11
(1,1244)	1:A:104:VAL:HG11	1:A:108:MET:HB2	10	0.11
(1,1244)	1:A:104:VAL:HG11	1:A:108:MET:HB3	10	0.11
(1,1244)	1:A:104:VAL:HG12	1:A:108:MET:HB2	10	0.11
(1,1244)	1:A:104:VAL:HG12	1:A:108:MET:HB3	10	0.11
(1,1244)	1:A:104:VAL:HG13	1:A:108:MET:HB2	10	0.11
(1,1244)	1:A:104:VAL:HG13	1:A:108:MET:HB3	10	0.11
(1,1244)	1:A:104:VAL:HG21	1:A:108:MET:HB2	10	0.11
(1,1244)	1:A:104:VAL:HG21	1:A:108:MET:HB3	10	0.11
(1,1244)	1:A:104:VAL:HG22	1:A:108:MET:HB2	10	0.11
(1,1244)	1:A:104:VAL:HG22	1:A:108:MET:HB3	10	0.11
(1,1244)	1:A:104:VAL:HG23	1:A:108:MET:HB2	10	0.11
(1,1244)	1:A:104:VAL:HG23	1:A:108:MET:HB3	10	0.11
(1,1234)	1:A:104:VAL:HG21	1:A:107:ARG:H	6	0.11
(1,1234)	1:A:104:VAL:HG22	1:A:107:ARG:H	6	0.11
(1,1234)	1:A:104:VAL:HG23	1:A:107:ARG:H	6	0.11
(1,1220)	1:A:104:VAL:HA	1:A:107:ARG:HB2	3	0.11
(1,1220)	1:A:104:VAL:HA	1:A:107:ARG:HB3	3	0.11
(1,1178)	1:A:99:PRO:HB2	1:A:102:ALA:HA	1	0.11
(1,1160)	1:A:96:GLN:HB2	1:A:130:GLN:HA	1	0.11
(1,1160)	1:A:96:GLN:HB3	1:A:130:GLN:HA	1	0.11
(1,1114)	1:A:94:PHE:H	1:A:129:VAL:H	10	0.11
(1,111)	1:A:7:VAL:HG11	1:A:9:PRO:HA	5	0.11
(1,111)	1:A:7:VAL:HG12	1:A:9:PRO:HA	5	0.11
(1,111)	1:A:7:VAL:HG13	1:A:9:PRO:HA	5	0.11
(1,111)	1:A:7:VAL:HG21	1:A:9:PRO:HA	5	0.11
(1,111)	1:A:7:VAL:HG22	1:A:9:PRO:HA	5	0.11
(1,111)	1:A:7:VAL:HG23	1:A:9:PRO:HA	5	0.11

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,1092)	1:A:93:ILE:HG12	1:A:127:PHE:H	10	0.11
(1,105)	1:A:7:VAL:HG11	1:A:37:ALA:HA	2	0.11
(1,105)	1:A:7:VAL:HG12	1:A:37:ALA:HA	2	0.11
(1,105)	1:A:7:VAL:HG13	1:A:37:ALA:HA	2	0.11
(1,105)	1:A:7:VAL:HG21	1:A:37:ALA:HA	2	0.11
(1,105)	1:A:7:VAL:HG22	1:A:37:ALA:HA	2	0.11
(1,105)	1:A:7:VAL:HG23	1:A:37:ALA:HA	2	0.11

10 Dihedral-angle violation analysis [\(i\)](#)

Dihedral angle analysis failed due to data error in the dihedral angle restraints, possibly missing target value